

Table 3

1/1077

>Sequence 1

AGGTACATGACTGTGTGTGTATGTGTGTGTGTATAATTCTTTGTTGTT
TTGGTAAAATCAGAGGAGTGGGTTATAAGTGCTAATTCCTTGGGAAATT
AATGAACTAGGGCAAGTATAGCATCCCATGCATAAAATTAGCACAGGGAC
ATCAGAATTGTATGGGTCTTCTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTGAGAT
GGAGTCTCGCTCTGTTGCCAGGTTTGAGTGCAGTGGCGCAATCTCAGCTC
AGTGCAACCTCCGCCTCCCAGGTTTAACCGATTCCCCTGCCTTAGCCTTT
CGAGTAGCTGGGACTACAGGTGCACGCCACCACTCCCAGCTAAATTTTTG
TATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCGCCTGTATGGGTCTTTTCTTGGAATGG
GGGTACACCCCCATTTTTGTTATGCAAGAAAAGCATTGGAATAAAT
GTAACAT

>Sequence 2

GGGCGAGGCAATCGACTCTGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGCGGC
CGCCGGGCATGTTACAGGCACGTGTACCATGCCTGGATAATTCTTNGA
TTTTTTGGTAGAGATGGGGTTTACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTCATT
AAACTCCGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTCCTGGG
ATTATAGGCGTGAGCCACCACATGCGGCAACCCACAGTTTTAACAGATT
GTTTATACTTTGATTGGTTTTGCAGATGATATGCATACTAAGGCTTTAA
AAAATTATCTAAATGTTTAATAATTTTTGTTTTGTGATTGGGAATTAT
TACTTCTGGGAGTCATGATCCTAAAGAAACAGTAAATTGGCTGTTTAGA
GTGGGAAAAAAAAACTTCAGGTAACCTTTGTTACTTAAATCCTGTCTCTTA
ATTCATAGGTAAAGACCTTAATTTTGCCTCTCTCGGTTTATGACAGTACC
TTCG

>Sequence 3

AGGTACACGACATCTCGGGAGATACTTCAGGGGATTACCGGAAGATTCT
GCTGAAGATCTGTGGTGGCAATGACTGAACAGTGACTGGTGACTCACTTC
TGCCACCTGCCGGCAACACCAGTGCCAGGAAAGGGCCAAAAGAATGTCT
GTTTCTAACAAATCCACAAATAGCCCCGAGATTCACCGTCCTAGAGCTTA
GGCCTGTCTTCCACCCCTCCTGACCCGTATAGTGTGCCACAGGACCTGGG
TCGGTCTAGAACTCTCTCAGGATGCCTTTTCTACCCCATCCCTCACAGCC
TCTTGCTGCTAAAATAGGATGTTTTTCATTTTTTTCCAAANNNAANAANA
AAAAAANAAGGGTACCCTGGCCCG

>Sequence 4

AGGTACCATATAGATCAAAAGCTTTGTAACCACGGGAAAAAATAAACTCT
TCCATTCCCTTAAAGAATAGAATAGTTTGCCCTCTCATGGGAATTGGGCT
GTATGTATATTGGTCTTCCCTCCTTAGAATTTTAGAGATACAAGAGTTTCT
ACCTAGAACTTTTTAATGGACACAATTTTACCAACCTTTCAAGATGCC
TGATGTAGAGCCTATTGGGGAAAAGAACTTTCAAAAACCTCAGGAATGTT
TTGCTAGAGAGCCTTACCTGCTTAGATATTATCCTTGGAATCCTTATATG
TTTGCTCTACAATGTAATGTTTAGAATGGTTCCCCTAGCTTTTTAAGCT
TTTAAACCCATTTCAAAAGATTTCTGCCCCCAATATCCCCAACAGTCC
AAAAACTTGAAATCTGCCGTTGGTTGGGGAAAGCCCAGCAGGGGCCTTTT
GGGAAAAGGAACCCATGGGCTTGGGGTTTAAAAAAGGGGTGGGCTTGGA
AAGCCCCCTTCCGGGGAAAAAATTTTTTCTCCAGGTTTTTTTTTTT
TTATAAGGGG

>Sequence 5

CCGGTCTGGTACCTCAACATATTTGCCTTGATAGCTTAACTTAGCTTTTC
TAATATACCTTAATAGAGTTAAGTTATGTAATACTCAATTCTGATTTGGA
AAAGTCTAACTTTTCTTTTAGCTCTGGTTAGGATGAGTGTAAGGTGGGAT
GAGTGGGGTTTTGTTTCTGCATGTGTCCACACTAATTTTAAACACACATC
TGAACAATAGCTTTTCATTATCTAAGTTGAATATCTTAGATACTGAATAT
TACTAAAATTTACTAACAATATTAATACTAAATAATACCATCTTATACTT
ATGCAAAATGTTACATTTGCAGAGCTCCTTCTCACACGTTTGACCATTAC
AACTTTCTAAGACAGGCTGGACAAGGAAAACCTGGCTCTGGCTTTCAGAGG
AGAAGAGGTGTCTAAGTAACCTGCGGCTTTTCTGCTGAGCAGCTGTACCT

>Sequence 6

Table 3

2/1077

AGGTA CTGTAACTTCTCCCCCTCCTGGATCTTTGTTTACTAAATCAGC
CCTAACCCCTTTCTCTTCAGTCTCTTTCTCTTGACTTTCCCTAGATCTTG
CCCCTAGACCATCACTCAGCTGGTTCCTCTTCATTGCCTCCATCTTAGTT
CAAATGTTTCTTCTTTGGACAGTTTGGAGTTTGGCTCCCCCTCTTCCCTG
CCATTCTATAGTAGGTTTTTTTTTCTTAAAATAGTGCATATCATCTGGG
TGCGGGGGCTCATGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGGGGTG
TATCACGAGGTTAGGAGATAAAGACCATCCTGGCCAACATGGTAAAACCC
TGTCTCTACTAAAAATCCAAAAAATTACCGGGGAACCTTCCCGGGCGGC
CGCTTTAGAACGGGGGTCCCCCGGCTCGGGAATTTTATAAGGTTTTTT
ACCCCGCCCCCGGGGGGGGCCCCGCC

>Sequence 7

CCGGGCAGGTACAGTCGTTTGAGCTCCATGGAAAACAGTGGGGAAATGTT
TCAGTGGCATTACTGTGAGTATTTCTTGAGTTTGGCAAGTCCACTACAG
CATGCTCATTGGTGGTCGAGGGCAGGAGAAAGGGGAGGTCTTGGTGCATT
GCTCTCAAGGGAGGGCTTTTGTCTTAGTGCCTTCCCAAGACCTCATGG
ACGTTTGACTGTTTCATCATGTGGAGCTTCATCTTATGCAAGCTGAAGA
AACAGTATGCCGGTTTCATTGCTGCAAGATAATTGACCCCTTGTGACTTC
ATCCAGAAGGTAGCAGCAACATGTGCTCTTAGTGAAAGATC

>Sequence 8

AAAAATCTGGATCAGTTGGAGCACCCGTGCGTGATATATCTGTGTTTACG
TGATTGAGTGGACATGATCACTCTGGATACCACAATGAATGAAATTTAA
TGGACTAATCCAATGAATGAAATATAAAATGAAAATAAAATGAGAAATGT
AAGATACAGGAAAAGAATACTTATTTTGAATCACAGTGTGGTGGTATT
GGCTGATAAAACCTATCTAATAGTATCAATAGGTTCTTTCACATTCTCCA
AGGGTCATAGCTGTACATTAAGTGAAGCTAAATTGAAAATTATGGTAGAC
TCCAGATTTAGAAATTGCACTATCTCACTTATCATATAAATAACTAAACCA
TATTCTAACATATAATTTTATTTAATCATTTATATTACAAATAATATAG
AAATATTCAGAACAAAAGTGGCATGTTATACACAAATCTAACCTGTATTG
CACAATTTATACAATATATGCAATTCTACTCTACAATTTACTTTTTCTTT
CTTTTACCATTTACCATTCTGG

>Sequence 9

AGGTA CTTTTTTTCTTTTCTTTTCTTTTCTTTTGTATACAGAGTCTTAGT
CACCCAGACTAGAGGTCAAGTGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTCTGC
CTCCTGGGCTCAAGAGACCAAGCCACCTCCGCCTCCAAGTAGCTGGGACT
ACAGGCGTGCGCCACCATGCCCGGCTACTTCTTGATTTTTTTGTAGAGAC
GGATCGTCACCATATTTCTTAGGCTGGCCTTTAACTTCTGAGCTCAAGAG
ATGCACTCCCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGGCCAGGCC
TATTTTCAATTTTCAAGTATTGCATATCATTGTGAATAACATTGTAAATC
CTTTTTATATTAAGTAACAGGTAGTTAATCCATTTCTAATGAATAATTTT
AAGGTTTTAATCCTTCCAAGTGACCTGCCCG

>Sequence 10

AGGTA CTAGTCAGTATGCTGTAGTATTAATCAGTAGGTCAAGTTCAGTGA
AGTAAAGGAGAATTGAATTCTTGAAGTTCACATTTAGGCAAAAATTTGGC
GTTTTAGGAGGTGAGTATAAGACATGATCTTTATAGAAAACGCTGATGAT
AAAAACAGCGCTCTCTGTTAGGTGCCTTTATGCTTGACTCCATTGTCTATC
TTTTCTTAAGAACTAAGCTCAGGACTGGGTGCAATGGCTCATGTCTGTA
ATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCTATAGGATCAGTTGAGCTCAGGAG
TTCAAGATCAGCCTGGGCAACATAGCTAGACCTCGTCTCTACTAAAAAAC
AAACAAACAAAAACAAAAAAAACCCCCAAAAAACCAACAAACCAGCT
TGGCTGGGTGGGTGCGTGCCTTGTGGTCCCAGCTGCTCAAGAAGCTGAAG
CGGGAGGATAGCTTGAGCCAGGGAGATCA

>Sequence 11

CCGGGCAGGACGCGGGGGGCTCTCAAAAAATGGTGGCCATTATTATTATT
TGCTCATGGACCAGTATTTCAATGATGGAAATACTTTAGTGCCTCTAAAA
ATCAGCTCTAGTGTTAACACACTTAAGGAAACCCAGTCAGGTCACCTCTG
ACTCTGTAAAGCATTATAAAGAAAATAATGAACTCATAAGTGAGTTCTTG

Table 3

3/1077

TGAGTCATT CAGGTTTTAAGAAGCCACTGCTTTGATTTTGAAAACAGACA
AAAAAATCTCAGAATCTACTTGGACTAGGGTTCATTTATTCTGCCTGTTT
CAAGTCAGAGCAAATACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCCTGAGTTT
GAGCCGATCCTATTTGGCACTGCAAACAGGGAGAAAGTGGATGTTTGAGGA
CAGATGGGAGGTGCAAAGTGGAGACAAGTATTGGGCCACCTTCCACTAT
GAGACTAGCAGGGCC

>Sequence 12

GAGGAGAGATGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTCGCACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAGAAGTTAGAAAAGTTCCCTCCTGTTTCCTGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAAATAGATTTTATAATTATGATACAACTTGATATCTTGAGATAAA
TGTTTAACTTTGAAAAGTTAAACATGGTATTTTTTAACTTTATCATTTTG
TGTTTCAATTTGCACATCTCTATACCTCCAATTTTGAAAAGAATTTCTTCC
AAAGTTATCTTTATGTTATCTTTACTC

>Sequence 13

CCGGGCAGGTACTCATCGCCGTTCTTTTTTAAAAATGTAGACAAATTATAT
TTTTCCCTCAACTTTTTTCTCCAGAGGTGTTTATTTCTTTAACTTTC
CTCCTTTGGAACCCCGTTCTCTTATTTCTTAACTGATCTAGATTGCT
CATTCAAACCAGGGCTGAAAATCAATCAGAAAAAGCAGTTCTGTTTCCCT
TGAAGAAAAGGCTTACTTTTTTAACTATGCAAAGGTGAAAGGGGAATAT
TTGCAGTCCATTCGTGGTAAATCAATTATAAAAAATAGCTAGTATTTATTG
AGCAACTACTCTGTCTAGTTACTTGTCTACATTTATAGAACTTAAAGTT
CTACAAAATAGAATTTAAATAGAAGTTGGTTGGGGTGTCTGGCTCACC
ATTGTAATCCCAGCACTTTTGAGAGCCAAGGCCGCGGATCACAAGGTC
AGGAGGTTTGAGACCAGCCTGAC

>Sequence 14

AGGTACATGTCTGTTGGTATACTTTTTAAGTATCTGTTTGCAATTTCTAG
AAGTGGAAGTTCTATTCAAAGGGCTGTATACCTAATTTTGACGTATAATG
CTTAAATATCCTTCAAAAAGGTTGCATCCAGTTACTTTCTAACTACCATC
ACCTAAGCAGACCTGTTTCCCTCATGCTCTACCAATACCAGTATTAAG
CTTTTATAGTAAAATAAAGTTACCTTTAAACACCACCTCAATTGCCAAA
CGCAGCTCAAATGTCCAGTGCTTTTTTCCCTCATGCTGTTCAACCAAT
CCAACAGAGCCCTGGCTAGGTGACCCATGGGGAAAAGCATGCTTTTCACA
GGGATTGCTCTACTGTTTCTTTCCTCTTTAACACAAACACGTGCAT
GTGCTCAAGGATTCACGAACAAAACCTTACTAAGATATGAAGCACCTTTT
ATCAACTATCTNCAAGAGAAGGCTAATCAT

>Sequence 15

AGGTACAGATTAGGATCAAACACAGAACATGTTTCAGATCATACATTTATA
TCTGGTGTGAGAATCCATCTGCAGATATGGCTGTTAGCTCCCTGGAGGTG
AACTTGAAAGGAAAAACATGTAAATTACATCATGCTAATTGAATAGGAGA
AAACACAGTGGCAGAGCCTTTCTTGATACTTAGCCCTAAGTAAAATTCAA
AAACAGACGTTGCTTCAGGAGCTGCTGAGGTCGTTTCAGGGCTATTAGAAT
GGTGCCTCCGCCACACTTAATCCATTCTGCCGAATTCAAGAATATTTATT
TCCCTGAAATGAACTACAAGTTGCCCTAGAGGAAAACCTGGAGAACTAG
AGCTGCTCACTGTGCAGATGCCATCCTGATGACCCACAGAGATGTTTACAT
CAGTGAAACCTCTGGGAATAGTGAGCCCCCTGGCTAGTTTCAAAGGACT
TGGGGAAGAGGGTAGAGCTAAATCCTGTGTTCTCAACACAGGAAATAATA
TAACCCCCATTGGGATGAAAATTCATTCTTGGGTGGTGACAAAATCTTAG
ACGTTATAATGGTTTGTGGTCTCTAAGGGGCCACAGCATTAAAATCTCAT
GGTGGGTGGAGTTGGGCTATTAATTTCTCAGAATGCTCACGGGGCATGTG
ATAATGAAAAAGAGACTGAGAAACGCTGATCTAAATGCCAGNGACATCCT
TGGGTTATTCGTATACCTCATGCTTTAGATTGCTTTTGGGTGAGGTGCC
TGGCCCTAGAACTCTGG

Table 3

4/1077

>Sequence 16

GGGCGAATAAGAGCTACGTACTGANGGCGCAANNNGGAGCTCCACCGGGGG
GGGGCGAGGTACCCAGCCTTTTTTCTATTTTGTCTTGTCTTGTATTATTT
TACATTTTATAGCTTTTTCATGTTTCTGAAACCACTTACCACATTTAGGCC
AAAAGGCGAAATAATAAAAAATAAAACCAACCTCACCTAAAAAAAAGTTT
AAGGATTAAGTATTTCCATATACCAGTGTGTAACAGATTTGAACAATATA
TTTGATTTTATGCTCTCCAGTTGCTAAAGTGAGGAAAAGAAACAGAACCA
TATTGTTTTTATGTGCTGACACCCCGAACCATGTTTCATGTAACTTGGGC
CAAAACCCAACCTGTTTCCGGAACCTAAGCTTTGAACAAAAAATTTATT
CGGGGGGCCTTTTTTTTAAAAAAAACCTTTGGAAAAAACACCCCTTTTTT
TTAAAAAAAATCCCCGGCCCCCAATTTGGAGGGGAGAATAAAATTTCTTG
GGGGGGCAAAAAAATTTAA

>Sequence 17

CGGACATGGCTTATCGACTTCGGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCG
GCCCCGCCGGCCGTCCAATTTGGATTTTTTCATAATAGGTGATAACAGA
CTAAAGGCAGGTTGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTGGGTGATAGA
TGGTGAGTGGTCTGTAGTGTGGTTATTCCATATAGACTTTTGCCAAAGC
TCATGGAAGTGTGTTGTTTAAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACT
TCACTAGTGAAATCTTTAAAACTATGCTGGTGGCTTCCTGTCATCTTCT
GAATAAACCCCTGATTCTTCTTTTCAAGGTAAACAAGAAGCTTCTGGTGTG
CCTTCCACCTTTCCCATACCTCCCTCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCAC
TTCAAATTGCCATCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGC
TCTTGCTCTGGGTCTAAAGTCTGCAGCGCACTCACCCACCCATCCTCCC
TTCTGCA

>Sequence 18

AGGTACTGCGATCCTGCAACAACAGGAGAATGTCTGAAGGACAGTCCCAC
ACACTGGAAAGCTGGGCTATGGGTGGAGATGCACAGAGATTCGGGTGCTG
ATGAAGAGAGGGCACAGAAACAGTGAGGACGATTACACATGCATGCACA
CTTACGCTCCCCCTTCATTTGAGGGTTTACACACACCTACCTCACAGGTC
TTTGCTAGGAACTGTGGGGGTGCAAAGAAGAGCCTGCCCTAAAAGGAATC
AATAATCTATTTGTGGACACGGTCTATCGAGCGGCCCGCCGGGCAGGTAC
TATGCCTAGCTAATTTTTTTTATTTTTTGTAGCGATGCATTCTCACTATG
TTGCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGGCCTAAAGTGATCCTCCCGTCTTT
ACCTTCAAAGGGTTGGGATTACAGGCCTGAACCACTGCACCCAGTCCCAT
TTTACTTAAATATCAAATTCATCTTCAGTGTT

>Sequence 19

ATGTAATATTTGAAAATCATTAGGTTTGGGCATATATGGATGAACAAAAC
AAGTCCCCTGCCCTCTTAGATATTATAGATCATTGAGGGAAGAAACAAAG
TAAATGGCACTTTTACAGTAAGGATCGATGAAGGAAAAGAAGAGCGTGG
ATGAGAAGATGGCAAGGGAACCAAAATTAGAACATGGAATTTGGGGGATG
CTGCCAGGGAAGCTTAGCTACGTGGAAGTAGCTAATGGTGAAGCTCATTC
TGTAAGAAAACCATATGTGAAAGCACAGATAATGAGGGGGAACAAGACTT
GGCCTCCAAGTAAGAAATAATACTGGAAAATAATTACCAAGAATACATAG
ATGAGGGATGGAGTTAGAGAGGTAGGCAAGGACCAAAACATTTATAGCAC
GGGACCTTAGAGGGTCTTTGTTAAGAACCTGTCTT

>Sequence 20

CCGGGCAGGTACCCTGGAAGCAACATCTACATCTTTTTTCAGCAATCTAGA
TGCTGGGGACACAAGGTCCACCTTCCAGGAATATGGCCATGACACCAGAA
ATCACAAACATGATGAGAATGGAATGACTGGGGAAGAAGTGCCAGATGCT
TCACTTGTAATGAAGACCCAGCCTCTGGGGATGCAGATACCACCTCCCT
GAAGAAGCTGAATATCTGCAGATAAGTGGAGTTCACCAATGATGAGGAGC
GGGATGGAGAAAGGAGGTAGGGAGAGTCATCCAAGGAACATGAGCAACAT
GTTAAAAGAATTGAACCAGAGTCCGGTGAATATCAGCACTGGGACCAGTT
AGCAGAGGAAN

>Sequence 21

AGGACCCAGCCTTTTTTCTATTTTGTCTTGTCTTGTATATTTTACATTT

Table 3

5/1077

TTTTGCTTTTCATGTTTCTGAAACCACTTACCACATTTAGGCCAAAAGGC
AAAATAATAAAAAATAAAACCAACCTCACCTAAAAAAAAGTTAGATTAAG
TATTTCATATACCAAGTGTGAACAGATTTGAACAATATATTTGATTTTA
TGCTCTCCAGTTGCTAAAGTGAGGAAAAGAAACAGAATTATATTGTTTTT
ATGTGCTGACAGCCGGAAGCATGTAAACATCTGCAGAAACCAACGTTTC
CTGGAACCTAAGCTTGAGCAGAAATCTATCACGTGGACCTTTGTTTAAAGA
ACCTTGTGAAAAACCAACAGTTATGTAAAAGATCCAGGAGCGCAGTTCATG
TGGATTAGATTCTCTAGGAGGCAGAGAGTCTAAGGAGATCAAAGAAAACA
ACGACTTGGAAGTGCATGTGCTGAGCGCTGGAGCCAACTAGCAGAAAG
GAGTTTTAGAGGCACTGAATCCAGGTCTCTGGTTTTTGGGGACTGTAATA
AAAGAAAGAGTTGAGGCCTGGTGCAGTGGCTCATACCTTGGTCCCATTA
CTTTGGGAGGCTTANNGCTGAAGATGGTTTGAGGCTTGAAGTTCAAAACA
GCCTGGGCACAAAACAAGACCCTTTTCTAAAAAAAATAAAAAAATGAAG
TGATGGGTGGCCTGAATCCTAACTACTCAGAAGCTTAGGCATAGGGTCAG
GAGCAAAGCCGATTAAAGTTTCAAGAACTTTGCGGTCC

>Sequence 22

CCGGGCAGGTACTACCTTATTGAATTCTTACAACCTATTATTGTTCCATAT
TACAAAGGAGGAAACCAAGTCTGGAGTGGTCAAGTAACTTGCCCAAGCC
CATATAGCTGGTAAATGCTGGTGTATAATAACCAACCCAAGCCTACTGG
CTCTTGACCACTTTGTTTCTACTGTGTCCATTATCATGAAACCCAGGTTT
CTTCCAGCTCTCCTTTAGAGTAGCCCCGGACAAAAAAGAATGGTTTC
TTGAAAATAGAGAAACCTACGTTCTTTCTTTCTATTACGGGGGGG
GGCCCCCAGAAAAACCTTTTTTGATTGGCCTTTTTTGGGGATAGAAAA
ACGGGGAAATTTAATCTCCCCCGGAAAAGGATGTAATCCCCATAAATAT
CTCTTGGGGGGGGAACCCCCCCCCAAAGGGGGCCCCCTTTTGTGTA
ATTCTTGGGGATGGCCCCCAATATGAAATTATGTCCTTGGGCTTTTTT
TGTGTAAATGCTTTAAACCTGGGTTTATACCATTGCCCAATTTAGAAG
TTACT

>Sequence 23

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATATTACTTTATTGAACAA
GTATTTGCTGAATGCCTACTGTGTGCCAGATGCAATGCTAAGCACTAGGT
GAACAGACACTGGTCCCCACCCTCCAAACAAGTAAGCATACATTTATCAC
TGCAACTTGTAATTATTTGAGGGAAAGTAAATCAAGGTGCTATGAGAGAC
AAAAAGAGCTTATGTTAGTTAGACTTACTGAAGAGGAAAGGCAACTTTGA
AAAGGGACACAACCCAAGTAGAGAACAGGTGGCCAGGTGTGGTGGCTCAC
GCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAG

>Sequence 24

CCGGGCAGGTACTCTCGAATGCTGTTTACACAGTGTTTTATACTTGCAAA
GGACTTTACGGAATGTTATGGCAGTCTTAGAGAAAGGTGGAGAAGTCCTG
ACAGGGGTGTAGGTGTATGTTTAGAACTGCATGACTACCTGTATAGTGT
TGTCTTTGGATTATGAATATAGTAAGCATTTCATGTTTCATAGATTCT
ACATATTTGGTCTTGTTTACCTTCACAACCTCAAAGTGAACCTGCTATGG
GAGCACTATCTCCATGCATAGGCAAACCTGTCCAAAGTCACTCAGCATC
CTCGATCCATGGAATTATAAATGTGATGGTTATCCAGTTCAGTCCCCA
CTGGCTATATGAATCCCTGACAGTGCCTCCTTTAGCTTCACCTCAAAGC
TTTCCTGCCATGAGGAAAGCTTTTAGACAGCATCAGTCTTTTAAAAACAA
CTTTT

>Sequence 25

AGGTACGGGGCAGTCCTGCACAGTCTCACTCTGACAACCCAAGTTGGAAA
TGCTGCAAAACCAAGGCCAGGACAGTGTGTGGATTATCACCAGAGACC
TCAGCCTGCAAGGGCCTTCAGGTCACACAGGCCTGTGCACAGCATCCTCT
GGAGTCAGCCTCTGCATGGACATAAGGAGCACTCAAATACTTGCTCGTG
GCAGCCTTGACTGCTGTGAATCCAACACACCACATAACAGCTGCCTCCAC
CTTGCCCTTCCACAGGGGAGTCCGAGTATTGGGGAGGTACAGCCTCTTC
AGGCTCAACATCCGTCTCTTCCCAACTCCACACACACCCAGGGGGTTGT
AGCAAGTGTGCCACCTGCATCCTTCGTGGAGTGAGCGTGCAAAGGGCAA

Table 3

6/1077

AAGGGGTGGTCTGGTCAGTGGAAAATGCCACGGGCCTTTTCTTCTTTCT
TCTGGATAACAGCCCG

>Sequence 26

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAGTTTGCTCTTG
TTGCCTAGGCTGGAGTGCAATGGCGAATCCCGGCTCACGGCAACCTCCGC
CTTCCAGGTTCAAGCAATTCTCCTGTTTCAGCCTCCCAAGTAACTGGGAC
TACAGCAAGTGAAATTACTTTACTTTTAAAGAGAAAAATATCTATTAGTA
GCAAGACAGTTTATTGGGGATTGAGCTTATTATTGAAATTAACAAGTAT
GTAATGCTCACATGATACTCTCAAATGAACCTAAAATTGAATGGAGGCAG
ACAAGTTCAAAATAGTTGAGAAAATGATCGTACCT

>Sequence 27

CCGGGCAGGTACTTAAGTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTGGAGACAGG
TCTCGCTGCACTCCAGCTTGGACGACAGAGTGAGACCCCGTCTCAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAACTAAAAAACTGAGCAATGGCTGACTAGGACCTTTATA
AGACAAATTAGGCCTCAGAAGTTTTCTGGGGGCCGAGCTTGCTTCTCT
CCCATCCTCCATGTCTGTGACTTCCACTAGAGGCCAATTCAGAATGTCTG
GGGGTGGGGCTCATTTAAAAAGTATTCCAGGCCGGGTGCGGTGTCTCAT
GCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAGGTGGGCAGATCACTTGAGG
TCAGGAGTTCGAGACCAGCCATGGCCAACATGGGAAAATCCCTTTTCACA
AAAAAAAT

>Sequence 28

AGGTACCAGCTCTGGCTGTTGCCCCCATGCTTATATTCAAACCTTTTTGC
TAACTACAAAAGCCCTTGGTTATCTAGACCTATCTATGGCTTCGACCGA
ACTCATTTGTTTTCTCACTTTTCTCCAGTAAGATGATATATTGCTATCTTT
GCAACACTTTTCTTTTCAGTCCACAAACATGTGTTTCTGAATGGTGGAGT
GAATTAGCAAGTAATTTACATTCCATTTTCTCAGAAGGAGATGGAGCTA
GGAAAAATAACAAAACCTCATCTAATAAAGATGACGCTACTCTTCCAGAG
GGGCAAAGAGGCAACCTGGATGGCAAATGTAGGGTGTTTTTATTGCCTC
TCAGCTACATTATAAATCTCAGCTAACAAAATAAGTGCCCTTTCATCAAT
ATGGGGTTGGACTGTGGCTCAAAAAAAAAGCCTG

>Sequence 29

AGGTACGCGGGATTTTTTTGATTGTTGTTTGGCAAGAAATATTAATAGTA
ACTTTTGTGTGTTTGATTATTTTCGGGGCCGAGCAGCATCTGTCCAGCA
CCTTTGGGATTTGGTGGTTATTGATTTAAGCACAGGGCTTCTAAGATCAG
AACTTGGTTCTTTCTCCACAAGTGCTCTGTTCTGGAAATGTGCTAATGA
CACACATTGAATTATGTCAGAGGTTTGTGGCCTTAAGTTGTCGAGGGAGG
TGTTTTTCATTTGGCGAGAATCTGTAATTTGTGGAACAATAGGATTAAGTT
CTAAAGGAAATAGGCCCGATGAATCTGCATAGATGGCTAGCTTCGCAAAG
TAAAGCACATAGCCCGTGAACCTGGGGGCAAACTACACGTTTTGGATAATG
TGAGCCTAAAAAGAAAAACCCTAAAACCTTTTAAATAAATTTCTAAAAACC
AAAACCTTTAGTATATGGAATTG

>Sequence 30

CCGGGCAGGTACAGAATACCTGGACAAAGACAAAGGTCAGCCTCTAGAAT
TTGCCAGAAATGGGCCAGCAAAGTGACGATCTTAATAACTGAGTGATAC
TGCGAGGAAGATTTCTCCAAAGACTAACTATGGTGTGTTGAAATACGCCTG
TAAATTATTTGACACTCATCCCTTCAAAAGGTGGGGACTAATTTCTGTCC
CTTTGAGTGTAGACTACCCTTAATGACTTGATTCTAACAAATAAATTGTG
ACAGAAATCATGGTTTATGATTTTCAGGGACTACATCCTAAAAAGCATGTC
TTACTCTCTCTTCAATCACTCACTGTAGGGGAAGCTAGATGCCATGTCAT
GAGGACACTCAGGCAGTCCTATGGGGACATATCGATGGCAAAGAGCTGGG
TCTTATTGACAATAGCCAGCATTAGCTTTTCAACCACATGAGTGAGCCAC
CCTTGAAGCAGTACCT

>Sequence 31

GGCGACTGAGCTACTCGAATATCGGGCGAATNGTAGCTCCACCGCGCTGG
CGGCCGCGCGGCGAGTTACTATTAATTTATTGAGAGGTAATTTATGCAC
CGGCAGGAAGTTCAAGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCT

Table 3

7/1077

ATCTCCTCTCACCTCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGTCTCTCT
CTTTTATAAAGTGCTTCCAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATC
CTTCCTAAAGAGAGGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATA
AACTTTCCTTATTAAGATTCTTCATTCATCATAATCATCTCCTTTTTCC
TCACTGCTCATTCAATTTATGGAGATAGCACCCATATCATAGCTACTTGGT
CAAAATCATGGTGATACTCCCCACTTAGGAGAGGAAGATGACTAGGTTATA
GCTCTTGCCCTTAGGAAATTA AAAACCCTGTGGTGTAATCTACATTACAC
AGTGGAAATATGGCATATATCATGAAAAAATCCTATGCAGTTTCT

>Sequence 32

AGGTACATCTGAATTACATAGATGTGCTAAGATGGTATGTGTCCGGTGTGT
ATTCTTTGGTTGCAAGCACCAGGCATGAGTTTGGTGAATTTAATCAAGA
GAGTAATTCGTTACAAGAACTTGGGGTTTCTGTGCAACCCAAGAAAAGTC
TGAAAATAACCAAAATTTAGAAAATGTAAGGAATCAGGGGGTTTCAAGACT
CTAGATAGCAAGAAGTGGA AAAATCCTGTCTCCAGGGAACCTCCTCAGGGG
AGAATCAGCTCCAGCTGGTTTATATCCAAGTGCCATTCTCCCAACCTCC
AGGAGTGAGAGTTTCTTTAGTATGTCTTGGATCCTATGCCCACTTTGTGA
CCAGGGCAAGAGGGCACCTTGATTGACAGCCCCACCCAGACCACATGCAA
AAGGAGGGGTGGCTTCCTTGGGAATTAAGGTGATACTGCACACAGAAGA
AAATGGATGCTGAGTGAGCCCAGACAA

>Sequence 33

AGGTACACAACTCTCATTTTTGTCTCTCATATCGATCCCCAAAGAGGCTG
GTATCTATATTCCCATTGGCCAGATGAAGAAGCTGCGGGCCAGCAAGCAT
GTTACGGCTGGAATAATTAGCTCAGCAATCACTGTTTCGAAGAATTGCAT
CAAGGGCACTTTTGTATCATGTATATTGAAGGCTACCTTCTTTTGAAAAG
GTGGGGACCAGTATGAAGGCAACCAAGCCCTCTATGCTGGAGTTTACAA
TTTGTTCCAAACACATAGAAATTTATAAATCCCCAAAAGCGGTTGGGCCC
CCTAAATCCCCCTGATTTGATCACTACACATTTCTATGAATGTAACAAAA
TATCACCATGTTTCCCATAAAGGTGTAAAAAAATTGTGGATCAAGAAAAA
AATTTAACTTAAAAAGACCTTTATGCAAGTGAAGGCTGAAATTTTGTAT
GCTCCTGAAAGGGGGGAAACATGAGAAAGGACCTTGGGACAAAAGGCTAA
AAAATGGTGGAAC

>Sequence 34

GGGCACCGACTCACTCGAATCGGAGACNGTAGCGGCAAACCCCGGCGGCC
GAGGNACAGAGTAAGCAGGCGGGGTGAAACCAAGGGATCGAACCCGGG
ACCAAAANGACAGGAGGGAGAGGGCGGAGGAGGACGGGGGAGGGCCTGC
AAAAACACAGGAAAAAAGGAGCCCGGAAGGCACCGGAGGGAAAAACCGTA
AAGGGAAGGAGAGGGAAGAGTCAGCACAGGAAAAGGGACCGGGGCAGACA
GAAAAGGGGCCCGCAGGGAACAACAAGCGGGCAGCGCCCCGGGAAAAGAA
ATAAAGACCAACAGGGGGGGGGAAGGGAAAAGCCAAAAGCCACCGGGAGA
GAAGAAAAAGGAAAACCCCAAAAAACGGCAAAGGGGGGGGGAAGGAGAAA
AGGCAAAAAGGGAGGGGGGCGGGGGCACAAAAAAGAAAGGGCCCGAGAG
GGGGA AAAAGGAAAGGGCCGAAAGGAAAAAGGGAAGGAGGGGCGGGCCAA
GAAAATCAAAAAACAACCGGGGGGAAAACCGGCAAGGGGAGGGAAAAA

>Sequence 35

CCGGGCAGGTACCTCCTAGCCATCCAATTATAGAGGCTTTCCTAGGATA
CTGCTTGCCCTTGCAAGGAATGAGATCTACACAGCCATACACCTTAAGA
GTCCAGTATTGATGTCGGTGTTTTCATCATTCTCAAAGCCATTTCTGGA
CCATTCTTCTCTAGCCCCCTATAAAAAATGCTTGTTACCTGAGCTCAA
TCAACACTATCACCTTTTACCAACTATTTCTCAACTGTCTACCTCTTCAG
TCACTTTTCCCTCCTTCATTAAGACTTTACACCCATATCAGTCCTCCTCA
CCACCTCAAAGTTTGCCATTTAACAGCTTGATCTTTCTCTTGTGACCTC
TTATCACCAGCAGGTCTTTTCCTTTTATCCTTGGTTAGGGAATTTTCCTG
CCAAATAGGG

>Sequence 36

AGGTACTCCTTTACATTCTTAAAAATCATTAAGGACCCCAAGAATGTTT
GTTTACAAGGGTACTTACATTGATAATTACCACATTTGAAATGAAACT

Table 3

8/1077

GAGAACTTAGTATTAATTCATTTAAAAGTAAGAAAACAATTACTTATCT
ACATAAATGAAAAAGCTATTTTCCAAAACAAAAAATGAAAATTTAGTAAG
ATGAATAGCCTTGCTTTATGTTTATACATCTCTTAATGTTTGGCTTAATA
GAAAACTGGTGGATCTTAACATTGCCTTTGGATTTAATTCTGGTGGAAAT
GGGGTGGTCCTAACTGGAAGGGTATGAAGAAAAAGGGGCATTTACCACCG
ACACCGTTTGGGAAAAAGGAAGGACTTAAATGGGTTTTTTTCAAATAACT
GGGGACATTTTTTTTTTGGTTCTTCCCCCAAACCTTAACAAGGGGGGGGT
TTTTTAAAGGGGTAACTTTTACCATAACCTAAGGCCATTCTAAGGGACT
TTN

>Sequence 37

AGGTACAGTCTAACTCTAGAAGACAGGGCTGGGGGCTGCGGAAGTGGGAC
TCTGTTCCCTACTACACTGGTCAGGCTGGCAATGGCGCCTTATGCTACAT
GTTGGTTCTCTGCAGTATGTGACTAATCAGGTCCTACAGCAAACCCAGNN
GGAAATCGGTTTAACTTCCCCATNGGGACANNCCCCAAGAATCANNTCTGA
ATGAGGTTANNACTAATATCCANNAGGAGCAGACCATAANNTTGTCTC
CAATTCCTCCACCTTTAGTGTGGCAACCACTNCAAATACTCACACATACT
GTCNNCAGCAGCANNAGGAAGTAACCCACACNNAGGCAGGNNAGTGGTTTC
CAACCTCCCAAGAAACAGTCTTNNTTGTGTGAGAAATCACACAGNNNAC
GTTCTCAAGCNNCTGCCACTTTGTGCTTTCTGAGNGNNTGTCTGNNGTGA
AGCCCCACTTCCAGAATCCNNNCACTGNNCTCCANATNNGCTTCCTTAAT
GNNCGCTCAGNNNAAAGTCTCAAACNNAGGCATTNTCTGCNCTCAAACAA
TNNCTGAANNNNCCCCAAAATGGAAGAGNNGAGNAATAGNGANATGNNGCAC
NCTNANNAAGTTTCTTCAAGAACTTTTCCNCAANAGAAAAGCATGNNGA
CTTNTCTGACTTTACANNCAGGATCTAGNNTTGAAGAAGAACCTGGTGAN
ACATTTTCCAGCATCCAAAGAAATCCTAANNACCTTGTTAACTTGTTAAA
GAAAAGAAAATTTTTGAAAAGAATGAGGTCTTTTATATTTCTAGCAANNC
AAAATACAAGCTGCTTCCCATGAGTTGGACAATTCCAAAAAGCCCTTGA
GTGNTCTATCCCAGAGCCTTACACCTTAGGGGTAAGTTAAGAGTTCTAGG
GAAGATTACTCACTTGGCTCCAGTTGTGAAATACTCAAGAAGGGAGATTG
ATATACAGCCCN

>Sequence 38

TTATGGTGGTCGCTAGCATTCTCATTTTCAAGACCACTCTGTTCTTTCT
TAGACCATGTTTCTCATCTTAAGCAGTCATGCCCCGAGCTGGAGACAGGAA
ACCAGACAGCAGTCTGCCCTGATAAGGGACAGCATTGTCTGAAGGCGGGG
AATAGCCCTGCTTTTACCCCAACTCAGCTCTCTTTGCTTGAAATTTAGT
AGTCATAGAAGAGGCACAATGCTGTTGACAGTTTCTGAACCAAACTAGG
ATTCATTTCTTCCAAAGCAAAAAAATAGTGTCTT

>Sequence 39

CCGGGCAGGTACATACATTCTATGACAGACTCTAAAAGTTCTCTTCATGA
CAGGCATCATTTGTAAACATTAGACAATTGTATGATCATGCATATTTTACA
TGTTTAATGCAGTATCTGTTATGGCAAGTAGCAGGAGTATTGTATTTGT
TTGAAATGTCATATTTATTGTTGTTGAGGACGACAACATGTTAGATATTT
TTAAGAGAGATACGTTTTGAAATATGCACGATTGAATTTTTTCGTGTATA
TGATTTGTTTTTCTGCTCAGTCACCGAGTTAATGGCCACATGGACATAA
AGATCAGCTTGATGTAAGAGGGTTATTGAAGGTTTTCTATTAAAAATGTTT
TTTTTATAACGTGTCTGCTTTTAAAGTTGAATTGCTTGCAAAATAAGGCTT
TTTTTTAAAAAAGATTTAAATAAAAAAATTTGGATATCTTCATATTAGG
GGATTTTCCATTGAATTATTTATT

>Sequence 40

GGGGGTGGTAGGAGCACTACGCTGCATATTGCACTTTTAAAAGGTAGGTG
ACCACTTGACACAATGAAACACAGTAGTTTGTGAATTAGGGCTCTTGACA
GTAACCTGATTGGTATTGCCTTGTCACAAGACTACACATGTGCCTTGCCTA
GACACCAAACTAATTAGAGTAGTCTATTGTCCCATGGAAACCTGAAGAC
TTCAAGAATTACTTATTGTCCTATATGTTACTTTTTTGAGGGGAGTAGGA
GATTTAGGGAGGAAAATGTTACTATGCTGGGGGGGCACATTGTTTTATCAT
TCACTCAGAACAGATTACTAGGAGAATATGACTTAACTCTTAAGTGGAAT

Table 3

9/1077

GTTAGATGAGACAATACCACTAGCCAATTTCTGAAGGCAAAACAACTTT
TTACAACAGTAATAATGGTAATAATAATTACTAGCATACCTGAATGCCTA
CCGGAAAGCTTATTCTACTAAGCAATTGCCTGCATTATCTTTTTTTACTG
GCTTAGAAATTCTGGCAG

>Sequence 41

CCGGGCAGGTACTATTACAGGATTTTTTGAGATTTATAATAGGGATAGCA
CTTAGCCTATTCTGGGTAGTCTTAAGAAAGCATATAGAAACACAGTGAA
ACACTTTTGAGTCAAGATTTTCAGCATCATGGGTTTCTACGTAGTGTGATT
CTCAGTGGTGTCTTATTTTAAAAAGGATACGGCTGGGTGCAGTGGCTCAT
GCTTGTGATACCAACACATTGGAAGGCTGAGGTGGGAGGATTGCTTGAGC
CTAGGAGTTTGAGGGAGCTATGATCCTGCCATTGCATTCCAGCCTGGTCA
ACAGAGTGAGATCCTGTCTCTATTTGGAAGAAA

>Sequence 42

CCGGGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGA
GACTTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACC
ACTGGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTC
TTGATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCG
GATTCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCC
CTGGGATGTCCCTGGACAAGAGACAAAGAGAAGGCCTTAAGATCTACTGG
GGGAGGTGCGAAGAGCAACCTTTTTTGTCCCGCTGGGACCCATGGTCCA
ATGGAGGTTCCCTATGCTACTTTTACTGGGCATCCTATGAATACACCCAG
GAGAAATCCTTGAAATTGCAAGGTGTCTGGGTTTCATGTCTAAGCTTGTT
CACTATCCAGAATC

>Sequence 43

ACGCACACAAAAGAAAAAAACCTGCTTCTCTGTGTTTCATGCATGACGCA
CACACAGGACTGGTCTAACAAGTCCTGATCTCTCAGGCCAGGCCGCCTCC
TTCTCCTCCCCCATTATCCATGTGCCTCTCCAAGGCCCTCCACTGGGACA
GATCACACTGAGTTTTCTCTAATCCTGAGAAGAGACTGAGTTACTTACCT
GGATCCCTGTGCAACCTTGCCAAAGACACCTCACCTAGCCCTAAAAGGAG
AAAGCAGGGCTTTAGGGAGAGGCCGATAAGGAAACAAAGATAAGAGGGAG
GGGCAGAAAAACAGAGGAAGGTGTTAGACTAAAGGAAGGGGAGAGGCCAA
ATGCCTTTCTCCTTCTTACAAGAGGAGAGAGATCAGGTACCTGCTCG

>Sequence 44

CCGGGCAGGTACTATCACCTGGCTATAAGTTCTGAGTTTAAATCTTAGGT
GCAGAACTTCTAGCTCTATGGCCTTGGGCAGATTGCCTAAGTTTCTAGTGA
ATCTCAGTTTCTCTTGCCAATGCAGACAGACCAGCTACACCTAACCTGG
CGTGAAGTTTAAATTACATGGGATGACAAGAAAGCATTTAGCACCCGCTC
TACACACAGCTACAAATAACCAAGCACTGATTATTATGGTCCAACAAAGT
GGGAGAAAAAAGAACAAAATATGGTTTTTAAGAGAAATCTACCAAACGC
TTCAGTAATCTGAGGAAATNTTAGCTTGAGTTTGACAGAAATCTCAAGAA
TGCTCAGAGTCGTGGCCTCTTTCTTTAGAGGGTTCCTTGACTCCTGCAAT
GTGAGCCTCACCATCATGTACCT

>Sequence 45

AGGTACACACAGGCATTACACCCCCAATACACACTTCCTCCTTCTATCT
CCCTGTCTGATTTCCACTCATCCATTCTCAGTCCTGTTGTCTGAGGCC
ACATGCAACTGGATTTGTCAAGCCCCCTTTTACAACTTGTGTACAGT
CCATTACCAAATTGCATATAGTTATATATTCCACTAATTAGGCTTCTAAA
ATATCATTAACATGTCTCTTGATCATTAGCATAACGTATGAGGCGACGTC
GTTAGGCACGACTCGAGTTTGTAAACGTGGTAATGAAAGGCACAAGGCAG
GCTCTGCAGGAACCAAGAAGCACAGAGAAGTGGGGAATATCCAAGCACCA
AGATGCTAGCCACAAAGGCATAGACAGAGACACAGAGAGACAAAGGCAAG
CACAGAGAGGAGATGCAAGGCACGAGGAAAAGGCA

>Sequence 46

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA

Table 3

10/1077

CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATGACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGCTACTAGAAAAGACATAAGGGTAGATTTTACATCTTTATTGT
ATCCTAGATATAACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTTCTGTCAACAT
AGCATAAAGAATGGGGATTTACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 47

AGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAAGAGTAA
ATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAATTCTTGA
AAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCTAGATCT
TGAGTTAGCGAGAGAATATTCTGTCAGGTGATTCACTGACCTTGCCTATA
ACTTGA AACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCTTTGAAGTC
CAGGGCAAAAAGACANAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGCATCCTGAT
TGCTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATTGACTCTTT
CCACAGTGAAGAACTTGAGGTTGGGAGCTTTGGCCTCATCTCTAATAGGG
TTCATGCTGATCTTTCTGATCTCTACAGGAGGGAAGGAAGGGTCTTTTCT
GCTCCCTTCTCTGGG

>Sequence 48

CCGGGCAGGTACTTAGGGTAAGCATTAAACAATATTATTCAAATGTTATA
TAGAGTTCAACTGTATACAATAGAGCATTTATTAAGTGTGTCCAAAGCG
CTTATAAATAAAGCATCTTCGAGGCAGGCGGCTCACTTGAGGTTAGGAGG
AAAGCAGACTGGCCAACATGGTGAAACCCGTCTCTACTGAAAATACAAA
AAAATTAGCCAGGCGTCATGGCGCACCCGTAGTCCCAGCTACTGGGGAGG
CTGAGACACGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGGGGAGGTTGCAGTGAGCC
AAGATTGCACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGGGACTCTGTCT
CAAAAAAGAAAAGAAAAGAGAAATAACGCATTTTATGTAGGAAGTTT
GGAGAAATAAAAAATGAAGCAATTGGCCAGGCACGGTGGCTCACACCTG
TAATCTAGCACTTTTGGGAGGCCAGCCGGTTGGAAT

>Sequence 49

CGGCGATCCTGACGCATACNNGGCGTTTTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG
CCGCCCCGGGCAGGTACAAAATGGTCCCTCTGAGAATTTTGTTCCTCTTTGT
CATTGCAAAGAGATGCATTCTAGCTGGATGTTTTCACTTATACTCCCAA
TTCTAAGACTCTTGTTTCTCCTCCAGTGTTTCACACAGATGGTTAGTGAA
AAAGTCCCTTTCTTCCCCCGACCAAATAAACTTGATTTTCTGTCTGGTC
CTATTCGGTTCAGCTTAGCAAGTAACAGGGCAAATTTTTTCTTCTTTG
GGACTTGAAGTATGGTGTTTTATAATTCACTGAGTGATTACAGAGTGCCC
AGAACTTTATGTAAATTATTTTGTCTCATAACTCATCTGTGTAGTAG
ATATTAGTGTTCCCATACATAGATGAGGAAATAGAAGCTCAGCAACAAA
AAGTAATTCATAGCTGGTAACAGAATTTGAACCTATGTTTTCTGGCTTTA
AATCTACAATCTTTTCACTACTCAAGGTGCTAAGG

>Sequence 50

AGGTACATAGTATCCATTTATATTATTTCTCTATGTTTCCCATCTTTATA
CCAGACTACATTTCTAGAAAATCCTGGACCTCTTTACCACTCAGCAATG
ATTCTCCAAACATCGTATATAATATAGGACACAGTCCCAAGCTATGAAAT
CTGCTTACCCTTTCTGGCGTTTTAAAGAATTCAGAGAGCTCCGTAAATAT
CTTCTTTCAAGTATTCATGTTCTACGAAGTGCAGTAAGACAATCTACCCA
GGAACCCACAATATAAGCCTCCCTAAGTTTTTCTCCCTCTTTTAATTTTT
AAAATAGGATTTTTTACTATTATTATCGTAGAGACGGAGTCTCACTATCT
TGCCGCGTGGTCTCAAACCTGAGCTCAAGTAATCCTCCTACCTTGGTC
TCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTATGTACCTGCCCG

>Sequence 51

AGGTACCTGGGATTACAGGTGCATGCCACCACACCTGGCTAATTTTTGTA
TTTTTAGTAGAGACAGGGTTTACCATTGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAAC
CCTGACCTCAGGTGATCCACCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTA
CAGGCGTAAGCCACCGTGCCTGGTTTTGTCTGCCATTTTTAATGTTCACT
CTGAGAATCAGAGGGCGCATCCAGGATGAAGTGACTCTGGGACATGCT
GACCGCAGCTACCCTCCCTGACTTACCCTTACATAGATCAGGCCATGGG

Table 3

11/1077

CTCTCCCCTACTTTTCACTCAGCCTTCAAACCACCAGCTCCACCAGCTTCC
TCATCAAACCTTGCTTTCTCCAGGCACATCCCTGAGCAGAATTCACCTTAAA
AGTTACTGATGGAAGAAAAACAGAGCAAATCAAGGCACCTGTAAGTTAT
GCCAAGGCACCTGTAAGTTATGAAA

>Sequence 52

CCGGGCAGGTACGCGGGGCAAAGCTGGCCTTCCTCATGAAGCTCTGAGAG
GGATCTGGCTATCTCACAGGAAGTGTGTGACATCCAACCGTGACCTTACA
AGCTTGTTTCTTATCAAGTTTTAAAGCTCCCCATCCATCATAGGACTTTC
AGTAACTTCCTGTTTCTGGATAGAGGGACCAGTAGTTCTCATCTGCAGAG
GGGAGAAAATGGACATGACTTCCATTCAATAACTGATCAGCTCATTACAGG
CCCTTGTTACCTCTTACTTCCCCAGTTGCTTTATTACCTGGCAGAAATCC
TGTGCATTTTTAGATACTCAATAGGATAGTATTTTCCCAGGAAATCTTTT
CT

>Sequence 53

GGGGTATGCATCAANTTCGAATTGCAGGCGACTNNGAGCTCCACCGTTGT
GGCGGCCCGCCGGCAGGTACTTCTTTTTTTTAACTGGGAAATTATCAGA
GTATATACTTTTTCTTATGAAATTAATGTAAGTTACGGGTGTTATAAGTT
CATAATCATGCAATATAAAAAATGGCTCACTGAGTAAATAATTATCAAGTG
TCAGGCAGAGCAGGCCCTAGCAATACAACAATGAAAGATGCAGTTCTTGA
TCTCTGCATAAAGGAGACAGATAATTACTTATAATCAGTGTTATTATAAA
GACATAGTCAAAGTGCTAAGAATATGATAGAGAAGAGCAGATTTGATTTT
GTGTGGTCAGGTTGTCAAGGAGGGCTCCTCAGAGTAGTCATTTGTGTAAG
CTGAACCTTAGTAGGATCTAGTGTTAAGCATTTGCGTTAGAGAGAATACT
GACTGGCTAGACCAGGGGACAAACATGAGCATAATCCCAGAGGTGTGGAA
GAAGTGGTATATTTCAACAATTCAGAGTGATCCAGTGAGGACAGAAAGTA
GGGTGGGGTAGGATGTTCTGTGGGGTCTAAATACCGTGTAGAAACATGGA
TTNTATTCTGTGGCCACAATAAAGATGGGGTTGAAGCCATTACTGGAATA
ATGGTNGAAAACCTGGTTTTTCCATTAAACAGGTTACCATTTTTTTTATACA
TTTTAAGGGCAAGACCTTGGCCCTTTAAGACTAGGGAATCCCCGGGCTTG
AGGAATTCGAAATAAAACTTATGAATCCGGCAACCTAAGGGGGGGCCGGG
ACCCAATTTTGTTCCCTTAAGGGGGGTAATGGCCCTTGGCGAAAAAAT

>Sequence 54

CCGGGCAGGTACTTTCAAAGTGAAACCTCCTCTCCTCCACCCAGCTTGCC
ATCATCTCACACTGCTTAAGCTCCTGCTGCCTTTCATGTCTGCACATTGA
CTCCACCAACCTCATCTGGCCTTGTTAGTTAATCTACATGTCTCCTGGAG
GAGAACCTCCAAAGGGAAGGATCTCTAACTTAGACATTCCACTATCTTTG
TTGTACCTCACACAGTGGGTTTTATGCTCAAATATTGGTTGAATGAATAA
AAGTAGTCAAATTGCATATAAATGCACACAGGAGACATTTATCCCCTCTC
TGACCCTGATGAGTTTTCATTTCTTCAGATAAATGTGTGATAGT

>Sequence 55

AGGTACTCATACAATAAGACCCTATACAAGCATTTAAGTAACGATGCAAT
ACAATATTTACCAAACCTGACGACATGTCCATGTTATATTGCTAAGCTACA
AAAAAAGTCATATAACACATACTCTAAGATTCCCTTTTTTAAATAATAT
AAACATGCCCATATACAAAAGAATAGGAAGATAAATATATCACTGCATGG
TATTATAGATTACTATTTTCTTCTTTTCAATTTATGTATATCGTCTCCATT
TTCACAGTGAATATATACCTATTAGTAAGAGAAAAATCCAATGAATATCTT
TTTTCTTTTTTTTTGAGATGGAATCTCACTGGCTGCCAGGCTGGAGTGC
AGTAGCGTTGATCTCAGCTCACTGCAGCCTCCACCTCCCAAGTTCACGCG
ATTCTCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTTGGATAACGGTGCCTGCCACC
ATGAGCA

>Sequence 56

AGGTACTCGGGGGGAGATCGTCAGAAAGTCTTGAATTGGCTGTTGTCCTA
CAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGAACTCA
TATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTATTCTG
AATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATTACACCTGAGTATAAACCCCCAC
GGGTCCCTCCCTGTTTAAAAATGGGCCATAAAAAAATTTTTGTCCAATTT

Table 3

.12/1077

TTTTTTTAAAAAGGTTTTGGGGGGGGGGGGGGGGTTTTTTTTTGTTTTGC
CAAAAATTTCCCCCCCCCTTTTGGACACCCCCCCCCCTTTTTTTTTTTTGG
AAAAAGCCCCCAAATTGGGGGGGTTTAAAAAAAATTTTTTTTTTTTTTTT
TTAAAAAAATTTGTGGGGGGGGCCTCTCCCCCCCCCTCGCCTCGGTTATTT
TTTTTTATCCAAACACAACCCTTAAAAAG

>Sequence 57

CCGGGCAGGTTCTCACTTTTGGGTCCTCTCAAAATTATTGTCAGATAAAG
ATTTTTCCGGGCCATGGATATAATAAATAACCCACTCTTACCGATAAAGG
GAAGTTAGTGTGTAAAGGAACAAATGGTGATTCAGTTTGGGAGACTTT
GGAGGTATTCATTCTCCACTAAGCTATATCCCAATACCATCATTATCTGG
GTCAGCCTCCGATTCAGCCTCATCCTGTGCTTCAGCAGTGGGGTAAACA
AATGTTACTTGTAGCTGCTTCTTCATGACCTTCATAGACTATGCATTAA
TTTGAAGCCCTGCCCCCAAAAATAGTGCTTGGGGGGGAAATGAGTTAGTG
ATTTTGTGAAGATAAATGGGAGTTGAGGAAAACACTTAAGTTTGCTTTTTT
GAGCTCTAGCTTTATTTTAATTGTTAGTCTTAGGATTTTAATTGTCTTCA
CTGGTTTTTCTAACTTGAAGGGAATCAGATGGGCAAAGGGGAAACTT

>Sequence 58

AGGTACCATTAAGGAAAAGAGATTTAAATGCAATGTGCCTACATTCTATC
TAGAGGGCCCATTTCTCAGTTCTGACTTCAACAACAGGACTAGGTTTACT
GGCATTTCATGTCCAGTGAAAGGAAGGCGGTTAGGAGGAGTCGCAATAACT
TTCTCTTCTGTTAAGAGCTCCCGTAGCACTCAGCCACTCCTGGTGGTGTA
TCCTTGTGTTGGGTAAGCTACCCATATGCCAAATGCTTTCTAGTAGAGGT
CCAGACACATAACAGGATTGAGGTCAGAGTCATTACAGACATTCGAAGAT
ATGAATAAAAAACAAATCCTCTCAAATACGCAGAAGATAGGGTAGGGTT
TCCATTATC

>Sequence 59

GGGGGTACTTGGAGCACCACGCTCCAAGCCGGCATTAAATGCTTAGAAA
TGTATGGGTAAATGCTTTCATACATGATCTTGTTTAATACTTATGATG
ATCCTATGATGTAAAAATGTTATCTCCCTTTCCATGATGGGAAAACAGAA
ATGTCAAGAGATTAAGTAACAACTGGTAAATGATAGCACTGGGATTTGA
CCCCAGACTCTGTGGTCCTAACCATTTTTTTTAGGGTGGTCCCGGGTCTG
GGTTGTTTGGACAGCCCTGGTTGTGTCTGTTGTCTCAAAGTGATTGTTA
ATAGTAATAATAGAACCTGTTTCAATCTTAAACTGTCACAATTTGTAT
GATAAGTTATATGATCACTTTAGTGATTCTGCCCGAAGATGAGAAATGG
TGAGTCATTCAATGGACATTTATAATCAGAATGCTTTGGGAAAGGCCCTT
GGCTATGTGTTTAGCCAGCCCTGGTAGCAGAATCCCAGATGGTGATTG
ATCTGCAGACAGTGACT

>Sequence 60

AGGTACTTCCTCTGGATGGGTGATAAAGTTGAGCTTTGTAGATGGGGAAG
CAGGGAGCAAGGAGAACAGGAAGAGGCTGAATTCTATATTGACTTTGGAA
ATGCTATTAGTTCCCTGGCCTGGGACAAACAATCTGTTCCCTTCTTCCAC
CAGCAAAGGGTGTCTGGAGCAGGAAGAAGAGAAAAGTGGAGGCTGGGG
ACCTACCTTGTAGTAGTCATAGAGCAGGCCGAGGGCAGCAGCACTGTCCT
CATCACCATTAATGCTCATCATGGCCTTGGTGGCTGCTGTCAGGGGATTC
TCCAAGTATGACTTCCAGGCTTCATCCTCACTGGTGATAGGCTCTTCGGGT
ATTGAATGGAGGGTCACTGGGCATGGGCACTAAGGCCACTAGTCTTTTAT
TACTGTAAAAACAAGAGAAATGTGAGGTTCAATTTTTCAGAGAGAGCAAAT
TTTTACCCCTAATAATATACATATTACATGACTACAAACAN

>Sequence 61

AGGTACAAAAATTAGCTGGGCATAGTGGCACATGCCTGTAGTCCCAGCTA
CTCGGGAGGCTGATGAACAAGAATCACTTGAACCTGGGAGGAGGAGGTTG
CAGTGAGCTGAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGAGCGACAGAGCAAG
ACTGTCTCAAAAAATAAAAAAGAAAAAATAATAAAAAAGGAAAAACAAAG
CCTTTAGAAAAACAAAGCCTTTGAAAAAGGATGTAAAATTGAATATATAG
ATACAATTATTTTAAAAAGTTTTATAGAAAAATATCCTGGATTGGTTGA
TGTTGTTTAAATATATTTTAAATCATTTTTGTATAATGGCATGTATAATAT

Table 3

13/1077

GTTATAAGGAAAGTAAAAAAAAAAAAAGGTCTTAGCAGAACAGGCAGAAA
AATGCCAAACTCAGTGCTTTTAATTATTTTGAATGGGGGAAAAT

>Sequence 62

CCGGGCAGGTACTCAAGCACAAAAGTGAGCACAGTGTTGAGCGATTCTGA
CACTGACTGCATGACAACCACAGACTCTGTATCCAAACACTCGCAGACAA
GAAGCTAATTGCAGTGATGAAAGGCACTCCACTAAAAGCATGAGTAATCG
CTGCAGTGATGCACAGATAACCCCTCTCTCCTTTACTACCAGGGTGCTGCG
GCATTTATCTCAAACCTGTCTCTACCCAATCTGACAACCTTTTGTCTCTC
TGACCAATGGAAAATGGAAATGATTTTTCACTACTGTTCCCGCAGCAGTG
AAGGGTCTCTTCTGAGTGTGGAGATTTAGTTCAACAGTTGAGTATAAAAC
AAATGCAAAAGCTGACATTTGACATCCATGGCAGAAATAAAAGGCTAATT
AATGAGATCTGTTGGAGTCCCTTCTCC

>Sequence 63

CCGGCAGGTACATACTGAGTCTTAATAATGTTTATTGAATTAATAGATA
ACCCAAAGTATCATTTTAAAGTCCAATTAGTATTTCTTGAGAGGGTGGT
TATTTTCGTTAACTTCCAGTCCCTTCTAAGACTNTTAAAATTGTTTAGTCAC
AGTTCAAATTGAAATTTATTATTTCTNCCTCTTCCCATTACTCTCTTTAC
CACTTAGAGATGACCCGTGCATACCTCTCCCTGATGGCTCCTTCATATG
TTTTAAAGGACCCATCCTGGCTGGGTGTGGTGACTCACACCTGTAATTCC
AGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATCACTTGAGGTCAGGAATTTGA
GACGAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTCCTAAAAATACAAAA
ATTAGCCATGCGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTAATTGGGAAGC
TGAGGTGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTCAGCTGG
GATTGCACCACTGCTCTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTCTGTCTCG
GANAAAAAAAAANAAAAANAAAAAAGTTCCT

>Sequence 64

CCGGGCAGGTACTCTTACTTGGCATGCAGACATGTCTGACTCCAGAGTTG
CTGCTTGGAGAATAGGAGAAAACAGTCCCTTGAAGATTAACTTGATAAT
TTGAGTCATGTCTCATCTTTGAACTAAATGCTTAGGTTTCTGGGGTCAAA
AAGAAGTGAAGACAGGGAAATGATTACTTTTCCAGATTTTGGGCTTCAAG
TCATGAACCTCTGTAAGACCCTTGCCCTGTTTCTGTTACTAGAACAACAT
CATACTCTTAGCTCTTCTTCCCTCATTTCTTCAAGAGAAGAATGGATCATA
CATTCTAAAAAATCCACCTGGTAGAGGTGCCGAGCACATCACAGCCATC
ATTAACAAAAAATAAAAGGATAACAGCCCTTGGACCAGCAGAAATGAGCA
GCTGGCATTGTGAAGAAGCTTCTATTATAGCAGAGGCTCAGCATTTTTCAG
AGGGGAATTACATTCAAATCTTGATGGGCCTGATATTATTAAGATGCA
ATTTGGATTATAGTACCATTTTGAATTCTCTGTCAATTTTAAATATTACA
GTATTCGGTCCGTAGCTATAGGACATTCATAATTAACAAATTAGATAACC
ATTCTCGTTGTCTAAGTTGCTCTCTATAATGTGTATGAAAATAGTGCAAT
CATAATATCAAATATAGTTTTTCATGTGTGATTAGATATATTTAAAGGTTA
CACTATTATTTATCCATTGACTAAAGAATGATATATCTTATGTATAATAA
CCATTGTTTCATGAATTGTACGTTTCGCTTAATTTAAATAACAATCATTTA
ATAACGATGTATAACGTTTGTAATATCAACTGTTGGAAATACTATTTTG
ATTAATATATATGCGAAAATCACTTGACC

>Sequence 65

AGGTACGCGGGGAGATGGAGGCTTGCAGGACCTGGTGGTTGGGGAGGGC
CAGTGACCAGGTGTTTAGAAGCAGCACCTCCTGTGATTGGGGCTGAGGGT
GAACTCTGCTTCAAGCAGAGGTGGTTTGTCTGTTGGTCTTCCATGATGAC
ACCAGGTCAAGAGCCTCCAGATGCTCAGAGTCTTGCAGGCTCAGAACAAG
AATTGTCAACTTGCCAAGATGAATCTGTCTCTCGGGGGAGGACCCACACA
GAACAAACGTTTGAAGCAGAAGTTTGCTTGGTAAACATGGAATCGGAACA
TGGGAATTGGGCCACTGGGATATTCAATTGCGTCAGACCATTGTAGCTGA
TACTCCTGGACAGAGGGGCTTTGCCAACTGGACAGAATATTAAGTGTTT
GCTTACCGAGCTCCTGCTCTGTGTGGGAAGGGTA

>Sequence 66

AGGTACTGGTCTATAATTAGAAAACTGTTTTAAATTAGATGTTCCCAT

Table 3

14/1077

ATTTATTTAAACAGCTTTTTGCTGAGAAAGCTTAGTGGATTAATGAGGCA
GAGGGTGTTTTGAATCCAATAAATAGTTCCACAGGCTGGGTGTGGTGG
CTTATGCCTGTAATCCAGCACTTTCGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCATG
AGGTCAATAAATTGAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCT
ACTAAAAACACAAAAATTAGCTGGGCAGTGGTGGCGCACACCTGTAGTCC
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATAGGCGTGAACCCGGGAGGCA
GAGCTTGCACTGACCGCGAGATCATGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCCCCA
CAGTGCAAGACTCCATCCCAGAGAAGAAGAGAAACGGAGGTGCCTGCCCC
GGCGGCCGCTTAAACTAGG

>Sequence 67

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCATCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA
CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATCACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGCTACTAGAAAAGACATAAGGGTAGATTTTACATCTTTATTGT
ATCCTAGATATACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTTCTGTCAACAT
AGCATAAAGAATGTGGATTTACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 68

CCGGGCAGGTACTGGATTAAACCCAAAGTATAAAATAAATATGTCCATAG
TGATATAAATAAATAGAAATGACAACTCTTCCTTTTAGAATTCCAGTTA^
TAAATGCAGAAGGAATACAGAGAAGAGACCATCTCTGCTAGAACACTACC
ATAAGAATTGCGGCAGATGCATTCTAAATGGATGCAAAAAGTAGAGGGAG
AAGTTTAAGGAGAAACAGGATATTTACATGGTCTCAAAGTATCTCTCCCC
ACTTAAAAATAATTAATTAATAAGAGAAAAACAGTCACTTTATAATGAAG
AAATCTGGCAGATACCACCCTGACAATGTGATTGAGGTTAACATGACCAG
TGACACGAAAAATAGCCAGAGGGGAACGTAAGGTCAGAGTGCTCACTCAA
AACTCTGCCTCCTTTATACTCACAGCGTCGTTAAAAAAGAAAAACAAACC
AAAACATTCCCCAAAATCTG

>Sequence 69

AGGTACGCGGGATACTCATTTGGGTATATACCCAGTAATGGGATGGAGAC
TTTTCAATACAAGTTCTTTTCCATTGGGAGCATTTGGGTGCCAATGGCAG
GGCATTACAGGGAGGGGAGCGAACTCTTCGTGGGGCAGTCCTCTGTGTCTC
AGGCTGCTGAAACATCTAAATTCCTTCTCTGTTATAATTGGGCACCAGCC
TGCCACTTTTTCTTTTCGCTGTAACCTCCAGCAACCAAAGTTAAAGCCCC
TGCCCTCCAGCGGAGGGAATTACAATGTCAGGAATACGATAGAAGTAAA
AAAAAAAAAAAAAAN

>Sequence 70

GAGGAGAGACGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTCGCACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAGAACTTAGAAAAGTTCCCTCCTGTTTCCTGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAAATAGATTTTATAATTATGATACAACCTGATATCTTGAGATAAA
TGTTTAACCTTTGAAAAGTTAAACATGGGTATTTTTTAACTTTATCATTTT
GGGGTCATTTTGCACATCTCTATACCTCCAATTGTGAAAGAAATTCTCC
CAAAGTATTCTTATG

>Sequence 71

AGGTACTTGGGTCTGGAAAAGTTTGGTTTTCAAGGGGTCCCTATTAGAAT
GCAAATATTTGGGAACCCAGGTGTTCTTCAGCTGATTTTCTTGATTAACA
CATTTGTGTGAGAGGATGTCTGAGCAGTGAGGCAGTGTGAGTCAGATCCC
TCAGGTCCTGATGGTTTTACTTGATTGTTCCCTGGGAAATCTAAATTTAC
CTTCTCTTATCTATTTCAAGGAAAGTAATTTATTAAATGTAACTGAATG
TAATTCATTTGAAAAGATTTGCAAGATTTAATATAGTGAAATCCACATAT
CAGAAAAATAATTTATCAAGCCATTTTCCCAATTTTTCTGTAGAAAN

Table 3

15/1077

>Sequence 72

CCGGGCAGGTACAAAAGCTTGTCCAAACAAGGAACTTGGCAAATTTTTC
AGAAGAAAAAACTTAAAAATAATAAAGAGATACTGCTATTAGGGTGAGGT
TTGGCATGCAAAGTTTCAACACTGAGCAAGTTTATGGCCAAGCTATATG
TCCTTAAAAATAGGGCTTTATAAATGGAAGCACTGGCACAACTTCACTA
TAGTATTGCAAACAGTAACGCTATTTTATATAACCTAGACAAGAACGTCT
TTTTAAATCAAAAAGCTGGTCTATTTTAATATGTTGGGCTCAAAAATTT
TTAACAAAAATAATTGGAACCACTATTTTGTAAAAATATCAAAGGTGAA
AAGTCCTGGAACAG

>Sequence 73

AGGTACAGTCTTGTTGCTTGTTGCTTCTTTGTTTGTGGTTTGCATCCAG
CTGTGCAAATTGCTGTTCCCTTTGAGTGTACACCACTTAATTTTCATGAG
ACAGTTGTCTTCAGGAAAGTCTGTTCCCATGCCCCACCCTCCAGGAACC
CAGCTAACACCCAGAGCTTAGCTGTCAAGACAGATTTCTAATTTTACCC
TTCGATGGCAGAACTTTAATGTTGTGCTCCCTAGAAATCCTTCAGCCCTAG
AAAATGTGGAAAGTGGGCCAGGGGCAGTGGCTCACTCCTGTGATCCTGGC
ACTTTGGGAGGCCAAGGTGGGAGAATCACTTGAGCCCAGGAGTTTGAGAC
CATCCTATGGAGGACTTAGCAAGACCCTGTTGCTACAAAGATAAAAAATAA
AGATCAGCTGGGCATGGGGCGGGGCACCTATAGTCCTAGCTCTTTGGGAG
ATGGAA

>Sequence 74

AGGTACAAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCAGGCGCCTGTAGTCCCAGCT
ACTCAGGAGAGTGAGGAAGGAGAATGGCGTGAACCTGGGAAGCAGAGCTT
GCAATGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACCTCCAGCCTGGGTGACAGAGCAA
GACTCTGTCTCAAAACATAATAATAATAAAGGTATTAGTGTAAGTCTG
CTGTGTGGAGAATGAATTAGGATGGCTGAAAGAGTGAACACTGATTTACC
AAATAGGAAGTTCTCACAGTAGTTGAAACACAAGTTATGGTGGCTAGGAC
TGGGAGGGGACTATGAAGATAAAAAAAGCGGTCTATTTTGAAATAGAAA

>Sequence 75

AGGGTGGATCTTTAAAGTGTTCTTATCTACACAAAAAATTTTCAGACTCCC
AGGAGAGAGAATCAGGTTGGCTTAAGTAGGTTCAAATATCTACACCTATA
GGTTGGATAATGGGTCTGGAACTAGAGCTATTGTAACCTACCATTACAGT
GGTCTAGATAGGAGATGATGGTAATTTGGATTATAGTTGCAGTGGAGACA
GAGAAAAGTGGATGAATATGTTAATGGGCAGAAAGCCATCGGGATTTATAG
AATAAAGTGATTGTGAAGATAGAAGGAAAAAGGAAAGAGAATCATGAATG
ATGCCTAGATTTGGGGCTCAAATAACTGGTGGAAAGGTGGAGCCATTTACT
GAGATTGGA AAAAATATGTAGGGGGGATTTTGT TTTGGGGTGGGGGAAAAA
CGGAAAATTTTTTT

>Sequence 76

CCGGGCAGGTACTACAGGAGCATGCCAGAGTGCCCAACTAATTTTTCAAA
TTTTTTGTAGACACAGAGTCTTGTTTGTGCCCAGGCTGGTCTTGAACC
CCTGGCTTTCAAGCAATCCTTCCTCCTAATACTCCCAAAGTGCTGAGATT
ACAGGTGTGAACCATGGCACCCAACCCCAATTAGTTGTCTTAAATGTATA
TCAGAACATGCTTCTCCTCTACTTAAAAGTAGTAAAAATAGGCCAGACACA
GAAAGAAATATACTGCATAAAATCTTACTTACATGTGAAATATTTTTTAA
AAGTTTGCATATATAAAAAACAGAATAAGAAAAGGGGGTCACCAAGAGTGA
GGAAGGGAGGAAGAGATTCAGGTCAAAGGGGTTGAAAGACACATTTATGG
GGGATGAATAAATTTAGACAACCTAATGGATAGCATAAGAACTGGGGGTTG
TAATAAAGTACCCCGGGGAAAGCACC

>Sequence 77

CCGGGCAGGTACTGACTGTCTCAAATTCTTTTATAGCTGTCCCTCATGTC
ACCTAGCTGCTGAGAGCTTTGTGATCCTAACAGGTGATGACTCAGACCGA
CACTGCATTGGTAGGAATTCACAAATAGGTGCCTCAATGTGCCTAGATT
GAAATATCAGCCTTTCCAGACTGACCTGATGGGTTGACTTCAGGTGTGG
TGTAACACCTACATTTTAATGTAAACATTTCAAGTGAATCAATGAGAAC
TATCATTCTGCTTTAATCACCATGAGTTCTGAAATAACAAAGGATTTGTC

Table 3

16/1077

TGACATTCATTCTAAGAAATTCATTCTTACCTGACTAAGAAACTTTTTTA
ACCTGGCACAATAATAAGAAATGACCTGTAAGTACCT

>Sequence 78

CCGGGCAGGTACCTTCCAGCTGTGACAACCAAAAGTGTTCCCAGACATAG
CCAGGTGTCCTCTGAAGGGCAGAATTGTCCCCAGTTGAGAACCACTGCAT
TAACTCATAGGATTAGCAGGATACATTAAATAACTGTGTGAAAATACAAG
ACATCATGGTTGTCTTCTCCTTCTCTGGCATTCCAGTCTTCTCTGATTG
TCTATACTTACGTAGAAGCAGAAAGAAGAAACAGCATATTCTATCCACAT
CCCTATGTGGTCCAGCAAGTGACTTGTTACGTCCATGCTTTCACATCATG
CGATTCCAGGTAAGTTTGTCTTTTCTAATGGGCTTGATATTTACTGTGTG
TGAAGAGCCA

>Sequence 79

GGGTTGTATCGGTTACCCACGCGTCCGGATTTTATGGTTTTAAATATCA
ATAAATATTCCAATTGTTAAATAGTGCTAAAGTGTTGGTAATCTGAAAAAT
GCTGACCATAAATATTAATAATGTTTATAAGAGAAATGGACTTCTAAAACC
CACACACAATACACACAATACAAAACCTCACACTCATACCAAGAAACAAAT
AAATTATTTCTATAGTAATATTGTTCTTTTCAATGTACAGAAAATTTTCC
AAGAAATTAATAAATACAAAATGTTAGGTCTGTAGACCAATTACACAAGTA
CATAAGTCTGTAGATCAATTACACAAGTATATTCAAATCTAAATATAGTT
ATAATATGCTAATATATTAATATCAATGAAAATATTATTCTAATATTTGT
GAAACTATCAGACAAAAACAGCAAAGTAAATACAGTATTTTGTTTTAATT
TATTGCCATTGCTTTATGCAAAACATTTTTTAAGAAAGGTAGAGGCTGGT
TATGAAATTGGGAAGAATAT

>Sequence 80

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACTGTGGAGATTTTACAAGTAGGAACTTAA
GATGCATCCCCCTGGAGGTCTTGCCAGCAGCGAGTGACTTCATTTAATTCA
ATAGATAGTCATGTTAAAGTATTGGCACTTTCCAATGGTTGTTAACAAGA
GGTAGTGGAAGTGCCTTAACCTTTCTAATCAGAAAGCATTATCCTGTTG
AGTCAAGGTCCTCATAGGAAATAGATGGCACACCGAAATTAGGATGAGTG
TGATACAGCAGACCATCAAGGGACATTGCAGTAACCCATATGTACCT

>Sequence 81

CCGGGCAGGTACCCCAAACCTAAAATAAATGTTGGAATTAATAAATAAACT
CATATTAAAGTTTTAAAAAGGGCTTTGTATTAGGTAATTTTACCTAAAC
GTAGGCTAATGTGTTCTGAGCATGTTTAAATGAGACTAGCCGGGCCAGG
TGTGATAGCTCACATCTGTGATCCCAGTGCTTTGGGAGGCCGAGGCGGGC
AGATTGCTTGAGCTTAGGAGTTGAAAACCAGCCTGGACAACATAACGAGA
CCCTGTCTCTACAAAAATGAGCTGGGTGTGGCAGTGTGCTCCTGTAGTCC
CAGCCATTTGTAGGGCTGAGGTGGGAGGATTGCTTGGGCCTGGGAGCTGG
AGGTTGCAGTGAACCAAGATTGCACCACTGCACTTCAGCCTGGGTGACAA
AGTGAGGCCCTGTCTTCAATATTTTACTTTGTCAAAAAAAGTTCCTTGGC
CGCTCTTAAATTG

>Sequence 82

GCCCCATCACCAATTATCAATTACTATAAGGCGAGTACGCAGCTCCACCG
TGGTGGCGGCCCGCCGGGCAGGTACATGATAAGATGGGAGGATATGGGGT
GTGTATGCATGTTGGGAGAGCATCTGAATTTGGGGAGACATCTGTTGAA
GCCTGTATAGAAGGATTAACATCAAAAACATTGGCCATTGACTCTGGAAC
AAGGGGGAAAATCAAACCATCTCACCAAAACACTGTGACAGTGTTTGAAG
AATATGTGAACCAAACATTTGACTATATCTTCATCACAAGCCCTCTCTCT
TTTATAGAATTGCCTACTCCTAATATTGAAGAACACAATTGTATTCATCT
TATGGATCTTCAGGGGAATTATCCAGTATCAGGTTTTTAAAAGCTGGCTC
CTGTGACACACCTAAAAAATTCCACTCCCTAGTGATATGAAATAATAAAT
GAATGAGTGAAATGAATGAAAACAGATGAAACTGAATGAGAGAAATCAAA
TAAT

>Sequence 83

CCGGGCAGGTACATCTTTTCAATTTTTTCAACGTTGAATCCTGTCAGTGT
ATTTTCTACCCAAAAAATTAATGTAAAAACTTCATCTGCATTTACACCT

Table 3

17/1077

ACATCAATAGTAGTGTGTGTCACCCACGAGCAGCTGCTTGGAACTGCCC
TCTCTGAGAGGTTACAAATTGGTCTGTGCCACCTCACACACAACCGGGAT
GTCAGCATGGAGGACAGAGCTGGAAGGAACCTCAAAGGTCAGCAGCAGGA
TGATTTCTAAGCCTGGCTGAGAAACATAATCACCTGAGGGAGCTCACTAA
AAACACAGGTTCTTGGACTCCGACCCAGACCTACTGAAGCAGAACTTCCA
GGTGGAGCCCAGGAATCAGTGGTTTTTTTCAGCTATCCAAGTTAG

>Sequence 84

AGGTACAGGAAATATCAATATTGGGAGAGCCAAAGGACTTTCTAAGA
CTAGACACCACATATCCTACAGGAACAGGTGACAAAAGTAAGAGAAGAGG
GTAATGCACTGTTTGTATTTAATATGGGAAGTAAAAACAGATGAGGCTCC
TATTGAGGATATGAATCTCACACAGCACATGAGGGAGAACTGTTCAAAA
AGTAAATTAATTCTCCATATTCTCCAACCTTACCCATATCCCTTTCCCA
ACGCGTTTCCCCTTGACTCATCGTAAAGCAGTGTGAACGTAATAGAAAAT
AACATTCTCTTCTTCTTCCCCATCACAGTGTGAGTACCTGCCCCG

>Sequence 85

AGGTACATTTTTGTCTTCCAGGTGTAACCTCAACATGTTGTTACTTTTGA
TCCCTCAGTTTTTAATTCAGTGTCTAAAGCCTGAGAAATGCCAGTGGCCTG
ACAGCAGCAGACATTGCACAAACCCAGGGTTTCCAAGAGTGTGCCCAGTT
TCTCTTGAACCTCCAGAATTGTCATCTGAACCATTTCTATAACAATGGCA
TCTTAAATGGGGGTCATCAGAATGTATTTCTTAATCATATTAGTGTGGGA
ACAAATCGAAAGAGATGCTTGGAGGACTCAGAAGACTTTGGAGTAAAGAA
AGCTAGAACTGAAGCTCAAAGCTTGGATTCTGCCGTGCCACTCACGAATG
GCGACACAGAAGACGATGCTGACAAAATGCACGTTGATAGGGAGTTTGCT
GTTGTAACAGGAAGACTTGCAGGACATATCAGAAGCCTCTGTCAGAGGTT
TACAGGAGATATGAAAAACAGTAGT

>Sequence 86

CCGGGCAGGTACTTTAGGGGTCTTAGGTGGGAGGATTGCTTGAGGACAGG
AGTCAGAGACCAGCCTGGTCAACATAGCGGAAGACCCTGTCTCTACAAAA
AATTTAAAAATTAGCCAAGCATAGTGGTATACGCCCGTAGTCCTAGCTAC
TCAGGAGGCTGATGCAGAAAGATCTCTTGAGCCCAGGAGGTGGAGGATGC
AGTGAGCTATAATTGTGCCACTGTATTCCAGCCTGGATAACAGAGCAAGA
CCCTATCTCTTAAAAAAGAGTTCTTAGGACTATTTTACCCGAAAACTG
AAAACACACAAATCTTTGAAATGAAATGCCTATGCTACCTACTCCTAGAT
TTGCCAGATTTCAATTTAAAGTTTAAAAAGTGCTATCCTTTTTCAATAGC
AGGTAATAAAATTGAGTTTATAGAATTATACATACTTTTCCCATTCAGA
G

>Sequence 87

AGGTACTTTAAGTATAGCTATCTGGAATGCTTGGGACCAGGTGTGTTTTA
AAAATTACAGTTTCAGATTGTAGAAAGGTAATATGCAGCATATACCACAT
AGATTGTGATATCTCCACTGGGATCAGATGCAGCATCCGGTGATCAAATA
ATATTAACATTTCTGCAGTGAAACATGAGTATTCACACTAAGAATAAGAT
GAGGACCATTAAAGGCCTTACACCAGTCAGGTGCAGTTTGGCTGCCCTGG
GAGTTTAGGACTGTCTGAATACTGCCAAGCGAGTTTATCATAATCAAGT
GAATTATGATTAAACTTGATTTTCGAGCTTTTTGGATTTTGCAGATGCAGG
CGTTGTAGGAATAGCACTGTCTGTTGGGCGGCTGTCAGTTTTGCGCCCC
TTAACTTAAAGGGTCAACCTACTTGGAACGTGAACAGTTTGGATTATAAT
TCTCTTTTACTA

>Sequence 88

GGAGCTCGCGAACGACTATTTTGGCGATTGACCTCCACCGCGNGGCGGC
CGAGGNACAAAGGCTGGGGAGGTTGCTTAATGCGCAACACCAAGGAAGNG
ATATGAAATAAATAGGGNTGGTATCCACCAACGGATAGAAATTTTTACAA
CTATGTGTGGGGAGAGACAGTGCAAACAGAAGAAACAGAATGAGCTAAAA
CACGAAGCATGTTCCAGCATTTTTGTCTTTTGTGTTGAAGTATAGGGTAT
GGGAAGAAGTAAGACTGGAGAGACTAATGCCATTCTTGTGAGTCCTAAA
AGCAGACTTAGGACTTAATTCAATAAGCAATAGGAAGCCATTACATCTTT
TGAAGTGAATGTGGCATAGTTACGGACGTGCTTTAGGAAGGCTGCTT

Table 3

18/1077

>Sequence 89

CCGGGCAGGTACCTGGAGCCACCAGGACTCCCTCTGAGCCCACAAAGGAG
TGTCTTCTCACCACCCCGATTATACTGGTCTAGTTATGCTTTGGAGTTAA
AGCCAGGCTGCTATTGCAGGGCTGCTGCAATCCTTGCAAGCACAGTTGTT
CTTTGCTTGCGCTTGCTCTCGCTCTCGCTCTCACTCTCACTCTTGCTCGC
TCTCTTTCTCTCTCTCTGACTTCAGTTTAACTTTTTAACTTCAGTAATA
AGTGTTCTCATAAATAGATGGTCTTCCTGGTTGTAGGTACCT

>Sequence 90

CCGGGCAGGTACCACTTCCTGACTTAAGTCAGAGATGACCAGCATTCTGA
GTTAGGACATAATCACTCAGGGTCCTGACCCACTGGTGAATGGATTGAGA
GAGGTAGTGTGGCTGCACTTGCAATCAGGAGCAAACCTGACATGACTCTAA
GCTCAGCTGCTTTTCTCCTTCTTCTCAGAAAAGCTCAGCTGCAGCCAGGT
GCAGGGGCTCATAGCTATAATCCCGGCACTTTGGGAGGCCAAGGTGGGAG
AATCGCTGGAGCTCGGGAGTTCAAGACCAACCTGGGCAACATAGTGAGAC
CCTGTCTCTATTTATTAACATATTAATAAACAAAACANAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGTACCT

>Sequence 91

AGGTACATTAAGCAAACTCTTTTAGTTTCATTTTCCAAAGATCTATTTG
ATTTTAATCAAACAGCCCCAAAAACCATAACGTAAACATGAACCAGAATC
AGCGTTTATACTCTTAAAACTAGGGAAGCTTTGCCTTAAGAATGGCTA
GATTCACAGGCTCAAGGAAATTTTCAGGACACCGTATCTCTCACCTCTCA
CCTGTTTTTCACTTAGTTGGCCCTGTTTATTCTCAGGTAAAATGAATGCC
AACAACATGCTTGACCCCAACTCCAAGTTTGTAAACAAAGAAGGGA

>Sequence 92

TGTATTTCTGTAAAGCATAAAATATTGTTTTTAAGTTAGTTTTTCATATCA
TGTTACTTAATTCATCATTTCAGATTAAATCAGTATCTAGTAAATTGAT
CTGCCTACCTAGCGATTGGTTTCCATCACTAATGATAAAAAGTTTTGATGC
TTCTCCCTTTNTCAAGGTGCTACATACTATAATCCTTAGAACATCTTAAG
AAATAAAAAGGCAAGGCTGGGCACAGTGGCTCACACCTGTAATCTCAGCA
CCTTGGGAGGCCAAGGTGGGCGGATCACGAGATCGAGACCATCCTGGCCA
ACACAATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCCAGGCATG
GTGC

>Sequence 93

TGGGAGTATGAGCTATTAGTACTCCAGGGCGAATTTGAGCTCCACCGCCG
TGGCGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAGTTCTGGGATACATG
TGCAGAACGTGCAGGTTTATTACATAGGTATACATGTGTGGGAAGGGGAG
GCAAAACCATGTAGAGTTGTGCAGGCAATTGTCAGGGCTTTAGCTTTGAC
TCTGAGTGAGATGGAAAGCTACTGGTAAGTTCTGAACAGAGGAGTGGCGT
GATTTTTTTTTTATTATCTTTTTCAGTTCTGGGATACATGTGCAGAACGTG
CAGGTTTATTACATAGGTATACATGTGCCATGGGGGTTTGCTGAGAATGA
TGGTTTTTCAGTTTTATCCACGTCCCTGCAAAGTTCTTTGTTTTTTTATAA
GAGCAGTAATTTCCATTATCCCGCGTACCTGCCCGGGCGGTCCGCTTTA
GAATTTAGGGGATTCCCCCGGTTGTTAGAAATTGGTTTCCAACCTT

>Sequence 94

AGGTACATCAGACAAGGTTCTCTAGTGTCAAGTGTAATAAAATAATTTTA
AAGACTGAAGATCCCTAGCAATGAGCAAACCTGAAGCTACAAGAGATTATG
TGACTTAATGTTACATGATAAATTAATTAATTTAACCAATATCTATTGAG
TTACCATTAATATTTATTACAGTCCTTGCTTTATAATCCACAGATCTTTC
TACTTTACTACTCAGCCCTACATAGCTGATAAAGCAATGGGTGGGGATAC
TCAGAATCCCTCATGTTGCAGCCATTAATTTACTGTTGCTTGTCTCCAAA
CCTACTCTTCTATTTACTATTGTCTGTGATGCTGGGGCTAGGACTGATCA
GATCACATCTCTTCTTTGCCAGTGAATTCTGTGAGGTTTCTGCCAAGATG
AAGTACTGGAAAGAGCCATCAAGGTCCGAAGAAGAGAA

>Sequence 95

AGGTACATGCCATGAAGGACATATACAAGGTAATGGAACCAACCAATAAA
AAGTAGTCTTACTATCCTTTTGTGTTTGGGCATACAAAAGCAGATTAAAGGA

Table 3

19/1077

TAATCGTCTTGTTCAATTTATTTATCTATATACTTATTTATATTCTGTCTC
TAGGACTGAAAAAGCCAAAAGATCAGGGACCTAGTTTTGTTTCTTGCTCT
TTCTCAAGCATGAGGACACTGCCTGGCACATAGAGGGCTCACAGTAAATA
TTTCCTCAATACATTTGTTGATTAAGTGAAGGTGATAGAACTGACAGGG
ACCTTGAACAAGATTAGAGTATTTTATCTGTATCTATATTGCATTTGTTT
TTGAAATTCTATCCTTATTTGAGCTAATAACAATTTTAAACAGAAGACATTT
TTTATGTGGAGAAGCTATAGGAAATAAAACCTCATAATGTTGTAACATCAT
GAGAGCTAGGATACATGTTTGAACAAATATTCTTGGTTTGTCTTTATTTTC
TAGATATGACATTTGCTTTCTTTTTTACAATTCACCTAAAGGCTGCTTAT
TTTTAAATGTGTATTTAAACTTCAAAGTTGCGAGACTATCTTTTAGAAT
AATTAGCTATAAAGAATCAAGGACTTTCAGTGATCTAATTTCAACGGTCT
TTTTTTTCTTCAAAATTTAAGAGTTGGCTGGGCTGCTGAAACACAGTTTA
ATTTTAAAAATAGCCAAGTATATCCGATAACCTTATCTGAATTTGAAGAG
ATAAAAGGTTATATTGGCATATGGTACGCTTGAAGCTTAACATTTATTTCG
AAAAAGGTAAGGGATGAATCCCTAAAAAAT

>Sequence 96

AGGTACATCATGTAGAGAGGCAGACTCGTCGCTGACAAAAGGGCTGACCC
CTGGAAAACCAGCACAGAGCCAGCTCTTCTGTCTGAATCCACTCTCTCCA
AAACATAACATAAGTCATGGAAAGAAATGAGTCTCAAGAAATGAGACTCT
TACCGTGATGAGAGGGGGACATTGAAAAGCTACTTTAGTGATTAGGGAGA
GAAGTCCCTTTTGCATCCCAAATCAAGCAGAGGACTGGTAGTCCAAATA
TAATTTTGAATAACCTGAGTCACCTGGGCCTTGAGGAATCCTGGCCTCT
TAGTCCACATTTGCAGAAATATCAGGAGGTCAATCAGGAAGCTGTTTAGG
CATCTCAACACAGGGTCAAAAAGCTCCTAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 97

AGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTTAGCAGAGACAG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTAGGTGAT
CCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGCCACTGC
GCCCCGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGATTTCACT
GACTAACAACTAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTATATGATACATTTGCA
TTTTAGAAAACCTGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAAATGGAA
GGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACT

>Sequence 98

AGGTACAGTTTTTTCAGTTTAGTTCTCTTAGACTTAAATTGTCCAACATCT
GGAGAGCAGAGAGAGGCACTCACACATTTATACACATTCCTTTTGAGTGG
ATTGAAGGGAAGGTGGGCAGCCATTGCTTTGGGGGTCATCTTCCAGACAG
CTGCCTGCTAGGGAGCCCTTTGCATTCGCGGATGCTGCTGCTGTTCAATTG
TCTGGCCATGGGAGTAACAATTTTGGACATCATTGATGATGTCTGGAATT
CTTTGGTGTCTAAGTGCATGGTAGTTTTTTTTTTCTTTGTGTTAGGCTGGT
TTCAAAAATGGACTGTCACCATATTTTGTGCTAGCACTTAACAGTGAGC
TTTTAAGAGCCCTCTATGTCTTGAATTTTGGGCTCCATAGCCCACTTGTC
CCAAAGTGAGTCATTTCTTTGAAAGAAAAATAAAAGGAGGAGGATTTTGC
TTTGGTTTCTATTTCTGTTTTTCATCTTGCTGCTTCAGCTTTTGCTGTAAC
AAAGGTTTATGTAAAGCACTCACAAAAATGCCCTATGGTCTTGACAACA
TTTAATAGGCTCCTATAAGACCTAGTAATTATATGTGTGCCAGTCTCAG
AGTTTTTTAAAGACCTGTTTCCCTTGCTTATTACTTTTAAAGAAATATTCT
CTAGTTATCTTGCCAAAAAAAATGACTGTGTGCATTTTAGAATTCAAAT
TATATCCCCAATTGACGTGTTTACACCCTGACTTTGTTATAGAAGCCCTC
GTTTCTTGAGATCGAAAATGCCTTCACATGACTTATCATAGAGCGGTTGT
CCCATGCACCGCAACAGATATGATCGTTGCCGTGCTGCCTTC

>Sequence 99

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCT

Table 3

20/1077

TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCCTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTA

>Sequence 100

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTATTAAGGAAATTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACGTGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTCTGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGGAGGAACAGCAGATAGATATTGGCCAAGATGACGGGCGAG
CGGAGAGTCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCT

>Sequence 101

AGGTACTAAAGCCCATTCTTGCTGAAAATCTAGGATGACAAACAACCTCAC
AGGGCAAAACCCATGTGGTTAGGTGGGTGTTTGTGTTTGATGCGAAGCCTC
CAGTTTTGTTCCTGTCTAGGCCTGTCCCACAGTCATCTGACATTCTGCA
AAAACCTGTCTTTATTTTGGATGGACACACAAGCAATGGAATTGGCACTG
AAATTTTCAGCTTATGGTGCAGGGTATGTTAGGATACAATTTCCCCCTGAA
GTAAATACTGAAACACTGACATGTGGGTTTGTGTTTACTTTTTACTTCTA
AAAATTTGCAAACGGGCACGGCGGCTCATGCCTGTAATCCCCTAGTTTG
GGAGGCCAGGCC

>Sequence 102

CCGGCCAGGTCCATCACCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAC
ACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCA
CCAACCTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGTTCTCC
TCCAATTTGGACCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCT
GAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCC
ATGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGC
ACCCAACACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCA
GGACAAAGCCCAGCCAGGCCCCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATA
TTGAGGATGCGCTCAACCAACTTTTCCGAAACACCCACATCAAAAAGTAT
TTTTCG

>Sequence 103

CCGGGCAGGTACGCGGGGACAGTAGTAAGCCTCATTACTCAGTTGTGAGG
GGGAAGGTAGACTCTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAAG
CCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAGC
AGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAG
TGTCACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGTCAACCGGAAAGGAAGTTGG
ATGATGGCAGCCTTTACAGATACAAGTAAAGAAGGTAATTGGCCCAATTT
GTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTAATCCAAACCGCCTGTCTCTGGAAATA
AGAAAAGCTCTGGAGGGTCTCCAAAGTTACCAGAGGAAGGCCTGAATTTT
ATGGGTGATTGATAAATATTTCCAAGCTTATGAAGAAAAAATATCATT
GTCTTTCCATGGTAGAAAAAG

>Sequence 104

CCGGGCAGGTACTATATGGACACCAACATGGAGCAGAAAATGAGGGCAGC
AGTGTCCAATCTCATTCCAGGTGAGAAGTTGCACAGTGTCCAATAGGTGC
ATACATCTCCTTAGTAAGTAGTTGTGATTAAACAATGAAATAGAAATGAAA
AATATATTTTTTTATTTATGTGATTATATTTTTCAAGCAGCTAATAAGT
TGGTAGGACATAATATTTAATTCGTTGGGGACCTAATTATTTATAAATTG
AATGGTTAGATATTTCTTTTGGCCTAAGCCACCATGAAAAAATCACTGAG
GCGCTAAGGGAAACATGAACTAAGAAGCCCTTCTGAGTCTCTGTTTTCTC
AACTGTAAGATGAAGAAACCTGCTCCACCTTCTCTTGGCATTGTTGAAC
GGCAGTTGAGATACTGCGCAGAAATGGACCTTATTGATGGCCTACCCAACA
TCCATTCTCTACTCCCTTTAT

Table 3

21/1077

>Sequence 105

AGGTACTCCCTTTCCCTGACTCAGCCTTTTATTGATGAAGGCAGGGATGG
GATGGGGAGAGCTCACCTGGCAAAGACTCCACACAGGTGTGCAGCACACC
CTGATGGGGCCAGAAAATGTCACTGTGAGCCCTAGGGGTGAAAGACACAG
TGATGGGCTGCTGGGCAACTACCAAGTGTAGAGATCCTGAGTGCCCAGAG
AGTTACCAACCACTTCCCTTCCCTGTGCAGATCAGTGGAGGCAGATACAT
ACACAAAATGGGAAGGGGAAAGAAAACGGCTTTTAGATCTCCCCACCATA
GAGACTATAAGATTATTCCAGAATGGCCACAATTTTTTCACTGCCCCTC
TGGGCCCCAACAGTGTTACATACACTACCGTCATTCTTAATAAAGGGTACTT
AATTCATTTTATGAAGAGGACATTTAGGCTCAACTTGGC

>Sequence 106

AGTAGACCCTATATGACACACTATCNGGCGAATTGGATTGCCACCGCGGT
CGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACGTTCTTGGGGAATGGCTGCAGGGACCCCT
GGCTATTACATTTGCATGTTTCTCCTTGTGTTGTCAGTAGCGAACTGTAGG
GAGATTCCCTCATATAGGCTTGCGGGCAAAGATGATCTTGTTATAGTTTT
CAGTTGGACAGTCTCTGGAATCCGCCTGTAAGTGTGTGGGTTCTGGGATC
ATGGTAGGAGCCATGGCCAATACCGAATAAGCGCCCCACATTGATAACGT
GGATTCTGACAGCGTGTCCCTGAACACAGCTNTGCCAGAAGACTTGAAG
ACTTCCTCCTTTTCGGCTGAATGACGCTGGAAGGTTTATTCTGCCTTGAT
GCCCAGGGTCTTTCTCGAGGGCACGCATGCATTCCAGTTCTCTAGTTTT
GCTTTTCTCAATGAGTCTTTTCACTGTCTGAGAGGTATAGGTGACATAGG
CCCGGCCAGGGTCATGTTTTTTAAGTAGCTTTCGGGGAAGTCAGTGTTT
TCTGTGAAGTCTTCTTTCTTCAATCCTCTTGCATCCATCTTCTTTTT
AATATTTACTGAATTTTTTAACATCACAAAGTTCAAAAATCCCTGATGAAA
CTTCCTTCAAGGGATGGCCCGGGCAGCGGTTACGCCTTGTTATCCCAAC
GCTTTTGAAAGGCGGAAAACGGAGGATTCTTTTAGCCCCAGAATTTTAAA
CCATCTTGGCAATTTGGGAAGCACGCTTATTTTTGGTAATTGGAATCCCA
AAATCAGGTGTTTATAGGCGTGTTTTCTTTTAGGCTCTTTTTTT

>Sequence 107

CCGGGCAGGTACCATGGATGGAAGTGGGGCTTTGGCAAAGGCCCTAGCAT
ATAGGCCTGGCACTGTGGACTCGGTGTTGTCTAGCAGAGAGGCCTTGAGG
AAGTGGCCCAGCAGTGTGCTTGCCTTCAAGATATCTATCACCCAAAAGA
CTTCGAGATAGACAAGCTTTGTTCCCTGCCAAAGTGACAAATGTCAGCTT
GCTGGAAGTGTGAAACGAAGTGAGAGTGGTGGGAAGATTATGACCCCTG
AAAGCTTATCATATCCAAGTTGTCTGAAACACGACAGTGAGATGAAGCCC
CAAACATCTCCAGCTTGCCAGGA

>Sequence 108

AGGTACGTATGTTGAAAGAGGTAATAAATGTATGAAAATATAAAGCATT
CAGAAGACAATTGTCCATAAAAAAGAACCAAGTGGGTATCCTGGAAATTC
AAAATACAATGTCTGAAGTTGAGAATTAGATTTGTTACAAACCAGATGGC
ACACGTCAGAAATCTGAATGAGAAAACCTCAGAAGCAAGTTAACAGAAAAT
ATCCAAACTGAATCACAGAAGAAGACTAAAAGAGAGCATGGGAGTTATGT
GAGACACAGACAAAAGTTCCAACATCGATGAAATTGGAATCCTGGAAGAA
GAGAGAGGGGAAGGGCAAGAGAAATATTTAAAGAAAAAAGTAATTGAGAA
TTTTCCAGATCTGATGAGAACTTTAAATCACTGAATCAAAAAGTTCACT
AAGCCCCAACAGGTGGACACAAGTGCACACACAAACATACACACAAAACC
CATCCAAGTACCTGCCCG

>Sequence 109

AGGTACCTGGAAAGATGAACAGGATTGCAGCAGATAGAGACAGGTAGAAG
GAGAGAGATTCCAAGTGGAAGGATAAAGGAGAGGGAAGAGAAGCAAAGAG
CGCAACTTCCAAGAAGATTTTCTGGTTTCTGGCACTGGCCATAGATAGCT
CGTGCAGAATCAAGCAAAGAGGTTTATGCTGAGATATTAATGGAATGACA
TTTTGAGAGTCTTGAGAATGGGCACAAAAGTGGGATGTGAATTTCAGTTT
GGGCGAAGACACTGAGGATGATGTAGATTAGATGAATCTCTCCGTTATGA
TCCCGCTATATCCTACTAAGTATAACCCTGGAAAGATCTTGAGATGCTTC
CCAGCCTTGTTACAGATCCCCTGGGCCAGAACACTTCTTATGAAAAACAG

Table 3

22/1077

TCTGCTTCCTATTTTGTGCGGCCCTCGATTGTTTTTTGATATCAATTAATT
ATTGCGTTTTTTTTCTTAGTAATAGGGGGAAATATTTTTGAGGATTACT
ATTCGTTTTATTAT

>Sequence 110

AGGTACTCCAAGGCTCTAGCAAGAAATGAATTTAGGGACCTCTGCCTTTG
ATATGTGCTTCTTCACACCCACCCTCTCTAAAGGAAAAACACACAGACC
ACTGAAAAGAACTCTTAAAAAGATTCTGAAAAGTAGCAGTGAAGAAAG
TTTCAACTAGTGCTTCTCATATTCTCTAACTGTAGAATCCCTTTCCTGAG
CATATCAGGCCCCCAACCAATTTCAGGGGCTCTGAAATTTCTAAATT
GGTTTCCAAAATAAAATTATCAAAATATTTACAGAAAAACCCAGATTTC
TGTCTTCTCTTGCAAAAATGTGGATGTGCAGGCAGCTGTGGGCTTGTATC
TCC

>Sequence 111

AGGTACCTAGTCACTTCTAAAGCAGAAGGGAGCATTTGGCTGGGAAACCT
AAGAATGGAATTCATAGGTTTTTCTGGTCATTGTGTCTGCTAGCTCAC
AGGGAAACACACTGTATAGGTGACCATGAGAATGGCCTTCAGACTAACCA
TCAGTAGGTATTTCTAATTGTAAGTACTGATGGGAGAGTTCCAGTTGAAC
ATCGCAGAAAGAAACCTCACTTGACATGCACATCTTTCAAGTATCAAAA
CACCTGTTGAGATCCCTATTGAAAGGGAGACAGGATGACTACTCATTTTG
TGTCTGCAGGTGTTTCCACATGTCTCCAAGGCTCACCAATTAATCCAT
TTTGTCAAAATCCTCAGAGGAAGTATGAGGTAGAGGAATGAGCTTGCAAT
TGGCAGCCTGAACAACCTCTATTCTCTAAGCTGGACTCTGGGTCTTGGCTT

>Sequence 112

GCGAGGTACCTAAATCAAATAAAGGAAACATCAACCAGACACAAATCCAG
GAACAAGTGCAAATGCCTCACTTGTCTGTTCAAAATGCTAATATAAGAA
AGACAAAGCAAGAAGCAAAGAATCGTTCAAAATAAAGGACGTGGGCCAG
GCGTGGTGACTCATGCCCGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGC
CGGATCACGAGGTGAGGAGATCAAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAAAC
CCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCGGGCG
CCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGACAGGAGAATGGCGTGAACC
TGGGAGGCCGAGCTTGCAAGTGAAGTGAAGTGCACCACTGCACTCCAGCC
TGGGTGACAGAATGAGACTCCGTCTCAAAAAAAT

>Sequence 113

TGCCCCGCCCTCTCTCCAGTTTCCAGTTGGAATCCAAGGGAAGTAAGTTTA
AGATAAAGTTACGATTTTGAATCTTTGGATTGAGAAGAATTTGTCACCT
TTAACACCTAGAGTTGAACGTTTACATCCTGGAGAGCCTTAACATTAAGCC
CTAGCCAGCCTCCAGCAAGTGGACATTGGTCAGGTTTGGCAGGATTTCGTC
CCCTGAAGTGGACTGAGAGCCACACCCTGGCCTGTCACCATAACCATCCC
CTATCCTTAGTGAAGCAAACTCCTTTGTTCCCTTCTCCTTCTCCTAGTG
ACAGGAAATATTGGTGATCCTAAAGAATGAAAATAGCTTGTCACCTCGTG
GCCTCAGGCCTCTTGACTTAGGCGGTTCTGTTTATCAAGTGACATCTCC
CGAGGCTCCTGAAGTGGCAGATGAAGGAGACTAGTTAACCTGCCTGAGG
GAAAGC

>Sequence 114

CCGGGCAGGTACATGTGTGCTTTTTTGCATGTGTATTACATGCCAAGGGC
TTTATATATGTTATGTCTGATCCTTCTGACACCACCAGAAATATTA
ATTGTCCCCATTTTATAAATAAGCAAACTGATGCCCAAAAGATTCATTCA
AGCAAGGCTGTGCAACTAGTAAATGGCAGGACCAACTTTGGCCTGATGTT
CTTTTACCACGACACGCTACCTCTTTCAGATGTCCAAGATGGAGCCACA
TAGCTTGGTTATGGGGTTCCATTAGTCTGCCCTCTTATCTTATTTAGCA
CCTACCCTGTGGCCATGAACCATTGATTCATAATTTTCTGTAN

>Sequence 115

GGTGGTCAANTTCANACTGCAGGCGTCTCGNAGCTCCACCGTGCTGAAGG
CCGCCGACTGAAGCGGNTNGGAATTTTCTGATGAACAGGACACATATTCG
TGGCTGGGATGAAACGAGGNGCAGATGTGAATAGACCATATCAGAAAGA
ACCTTGAGGCAAGGCCAAGGAACCTTGAGCTTCATGCTCTAAGCAGTCCCC

Table 3

23/1077

ACTGAGGGCTTGCACCCTCCAGAGTGATGGGGCAAGATTATAGCTGGCAT
GCTCAGAACCGTGCATGAGCGAATGAACCTCTGAATGCACATACATATGA
GCATGCACATTAGCAGGAGAAAAAGGTGCAGGACCACAGCTGAAAGTAAC
GGNGAAGCACAGAGGAATTTAAGCAGGAGGGTGCCATTGTTAGCTTTGTG
TTTAAAAAGCCCTTTCTAGTTATAGTATGGAACATGGGCTGGGTAAGGCA
GGGAGATTGGGAAAAGGCAGGAAGTGGAATGGGAGACAGGAGAAAAAGT
TTAGGAAGTGGTGATAGTCAAGGCAAGAGGTGATGAGGCCTGAACCAGGA
AAGAGATAGAGGAGTAAGAGGGAGAGATGGATATTTTGGGGACTAAAGCT
ACTATTGCTTGGGGGGTCAACTGTTGTGGGGGTGAAAGGAAGGAGGTGGC
CGGGTGAACATATGGTGTCTGGATTGAACACCTAGGCAGACGTTGGGGCTA
TTACAAGAAGAGTTTTGGTTAAAGCAATGTAACCTTGAAAACTTGGAGG
AATACCGTTACTTCCTTCAAAATACCTGCCCCGGGCCGGTCTAAAATA
GGGAA

>Sequence 116

GGGGCGTAATCGAGCCATTGATGTATCCGGGCGAATTTAGCTGCAACGCC
GTGGCGGCCGCTTATTCAATTTCTAACAGGGATTTACACATTCTTANGCT
ATCTTGACAGAACATGGGAAAAGGCAGTAATAGACTTGTATATCTAGGAT
ACAATAAAGATGTAAAATCTACCCTTATGTCTTTTCTAGTAGCTCATATA
TTCCGCATTTGAAATGTGGTGATGATATAGTCACTTATTCAAAAAACACA
GGAGTGCCTACTGTGTGCTTGGTATGATGCCTGGTGCAGAAGTTGCAAAG
TGTATATTCA^TGGAGACAGCCAAGCCAAGCAGGGCTGGGACACAAATGTG
TCCTGAATTGCTGTGAGGTCCCAAGGATGAAATGCCTACCTGTTCTTTGC
AGAATCAGGAAGGCTTTGCAGAAGAGGTGGTCTCAGAGCTTGGAGTACCT

>Sequence 117

CCGGGCAGGTACTATGAATGTTCTAAGGCCCTTCCAAACCTGTAAATTCT
ATGATTCAATGAATTACAGAATATATTCAAAGAATTATAGAACAGAACAT
ATATTCCACGTTTCATGTGCTCTACCAGAACACATTTATTTGCTCTATTCA
ATTCAACAAATATTTAGGTCCGGCATGGTAGCTCACGCCTGTAATCCAG
CATTTTGGGAGGCTGAGGCGGGTGGCTCACTTGAGGTGAGGAGTTCTAGA
CCAGCCTGGGCAACATGGCAAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAAAT
CAGTTGGGCATGGTGGCACGCACCTGTAATCCCAGCTACTCTGGAAGCTG
AGGCAAGAGAATGGCTTGAACCTGGGAGGCACAAAGTTGGCAGGAGCCAA
AAATGGACCCTGCACTTCACATGTGGTGACAGAATTG

>Sequence 118

AGGTACCTGGTGTTGATTAGCCTGTGTGAGAAAGATAAGGAGAGCTGGTA
ATTATAATTGAGCATGTGCCATATGCCAGGCGTTATGTTAACTGCTTTAC
ATGCATTACCTCTTTAATCCTTATAATCCTCATAGTGCTATTATTATGAA
TATTTAACAGCTGAGGAAACATAGGCCTACAAAGGTTAAGTAGCTTGCTT
AAAATCATTCAAAAGTGATGTGGTCAGAATTAATTTCTAAGCCTGTCAGT
TCTCAGAGCACATGTTATATAAACTCTCTCTGTTATACTGTCTGCAAGAT
AGGCAGCTTTTAATATTTGAAGGCTGTCAATAAAGATTATATGAGAGTAG
TTCCAG

>Sequence 119

AGGTACATGAACCTGAATGGAAATAAAAAGGTTAAAAGCAAGTAAGTGGT
GCTAACAAACAACAAAAAGGAACAATCTGAAGAAGTGGAACGTGATGAA
CAAACCCAGCCCCCTGAGCCTCGGGGACAGCACAGATGCGTGTGTATTG
CAGCACAGAGGGGCAGGGACTAAGGACAGAAGATGCATTTGAAGACATGG
TCTAAAACCTTCCCAATTTGGTGAAAGACAAATTTATAGATTCAAGATGC
CAAAGTGCAATAAATGCAAAGAAAAATCACACCGAGGCACCTACGTGCAAA
CTGCTAAAAACCAAATCTTTAGATTGTTAAAAAAGAAAAAAT
AAATTAAGAGAGTCAACCCATAATTCTAGATATCCAGCAAAATACCC
TTCAAGAATAAAGGCAAAATATAAATCTTAGAGAAA

>Sequence 120

CCGGGCAGGTACTGTTCAATTTTCTGAATATTTGAAAAATTTTAA
CATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGT
GCAGTCAGTGTGGAGAACAGAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAGAGATT

Table 3

24/1077

CAGCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGCAGAACTTAACAGATTGGG
CCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAATG
CACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGGA
AGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGGC
AACCAACAGAAAAGGAAGGGACAGACTGGGCTGGGAATCATGAAGAGCTG
GGTGTTGGTTGGAGACACAACCCTTGTTCAAGTTTGAGTGGAAGGGACA
CTCCATGTGGAGACAGTGGGGACACCAGAGT

>Sequence 121

AGGTACGCGGGGATTTTTTGAAAACAAAGCGATATTATTTGACATCCTT
AAAATAGTTAGCATTTGCCTTCTATGTATTTGTGAATGAGATCTCAAAT
ATAATACTTTTCATAAGAAAGGTGCGAGAAATAATATATGTCAGCATTTT
AAGAAGGGGTATGATTTCGTTTTCTATAATGCTAATCAAGTAAATGAGAG
TCTCAGTGAAGTGGCACATAATAAAAATCTTAAAATTTTTCATATCCTTT
TATCACAGTAAGACAAATGTTTGTGAAGAAGGAAAGAACTAAGAAAGTA
TTTGAGGTCCTAAGTGAGCCCAAGGCACAAGGCAAATGCAAAAAATCCTC
AAGTCTTTGTATCTTCGATCACCCCCATTATGTTGCAGTAATTAAGGGTG
AAACAAAAAGAAGGTCATGTTTAAGTGAACCTAAAATCTGTTAACGGCC
GCTCTTAAACG

>Sequence 122

CCGGGCAGGTACAGACAGGGAAGGACTTGCTGTTGGCCATCTTTGGAGAT
TGCTGACCCTGGTTTGCAGATTCTTCTTAGGAAGTGTGATCTTTGTGGTT
GGGGAGTCATATGATCTGATTCTTTAACCTGCTGAACCTTGAGAAGCTAA
GAGCAGCAAAGAAGGGGCCAGAAGTAGAGAAAGAAAGAAAATTAGAGAGG
CACAGAGGAAAGGATAAAAGGGGAATGAAGTCAGAGAAGTGGAGTCTCAG
GAACCATGGATATGCAACTTTGTTTACAACGAACCTTCTGCTGCCTTTCT
AATCTTCAAATTAATAATTTATTTTGGCCACCTTATTCCCAAGGGGCATAG
CAGATCTGGTTCCTGACCAGTTCACCTTATTGGACCAATAAATCTCATGT
GTCACATGATCCACTGACTGTTTCTCTTGTGACTTTGTCCTGGTCTTGGT
CATTTTCCTAATGAGAT

>Sequence 123

TGACCTAAGTGTATATTTATCCAAACATCTAATTTATTCCAGCTTTAGAT
CTTCTCGCATCTGAGTTATTAATAACACATTTAATTTACAATACCTACT
AGTATTTATCAAAAATTTACTGAAATTATTCATGGTATTTGGGGGAAAC
ACTATCTAAAAAGGACCCATGATTGATTATTTGTTTATTTATTTATTTAG
TGCACCTTGATTTTGCAGATGAGTCTGGAAGTGTTAGTTGCAAAGATATGC
ATTTACTTCTCTGGCTACAAAAAAGAATAAGAATTGCACAAAGCATAGCAT
TGTGAAAAAGAAGAGGCGATGACCCCTACACCGACCAAGTCCCGTGCTC
CACTGCCCAGTGCCTATGTCCCACTGTCGCTGCCACCCTGCCCCGAGA
GAAAAGCTGAAGGGGATGCTAAAGGAGATAAACCAAGGTTTAGTAAGGAC
TGCATAGT

>Sequence 124

CCGGGCAGGTACTCCAACCCAAGCAACAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAC
AAAACAAAACAAAACAAAACAAAAAATGAGGTAGGCATGTTTTATTCC
CATCTTACAGATGAGGAGACTGAGGCAATAATAATTCAATGGCTTATCTA
AAGTCACAAAGCTAGTAAGGAGCAAATCCAGTTCTGTCTGCTTCCAACCC
ACCTTGTCACCACTTGCTTCTTTATTGGAGAAGGGGCAGATATTTACTCTG
CAGTCCAGGGAGCATGGAGAGTCAAGTAGAGAATCAAAGTCAGCAAAGCT
GAACACCACTGAGAGACTGAGAGGAATGACAGATGACAAGAGACAGGGTT
GGGAATTAGTCCATTAGGAGCCAGCCCTTAACAGCACTGTGGAGCTGGGT
TGGGAGAGGGTGAGGAGCCAGGCCAGGAAGAGCAGAGGAACAGCAAGTGA
AGGAAAACATGACATCACAAACCCCTG

>Sequence 125

CCGGGCAGGTACATCACCCCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAC
ACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCA
CCAACCTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGTTCTCC
TCCAATTTGGACCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCT

Table 3

25/1077

GAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCC
ATGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGC
ACCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCA
GGACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATA
TTGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAGCAGCATCAAGAGTTAT
TTTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAAGGTCTGTCCCCAACAAGCACCA
CACCGGGGTGGACTTCCTGTGTAACCTCTCGCCACTGGCTCGGAGAGTAG
ACCGAGTTGCCATCTATGAGGAATTTCTTGCGATGACCCCGGAATGGTAC
CTCGGGCG

>Sequence 126

AGGTACCTGGATTTGAAAACATTACCTGAGAGAAAGGTGAATTATTGGGG
TTCAGGTCAATTCTGGGCAGGATCTCATCAGAGTCAGAATGTGGTCACAA
AGTCCTTCATAGTGGACAGAGGAAAAGTGAATGTGGTTGATGAGATGA
GGGGAAGAAAAGAAATAGTGACATGAAAGAAAATCTTTCCTAAATAACA
ACTTTATATAAAGCTAGCTTTGTGCCTCAGAAGGGAGAATTTCTGTCTG
CTTCCCTTCTGCCAGCTGCCAGCATTACACAGTTGGTATTGATGGTTAG
GTTTCTGTGGGCTAATCTGGGATTGTAATTGCCATTTATAATTCCAATTC
CAGAGGGAAAN

>Sequence 127

CCGGGCAGGTACGCGGGGTCTTGAAGGAATCCCTTATTTGCACGTCTCCC
GTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGTCAGAGGACCATTCT
TAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCAC
TGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAAAGAGAAAGGAGCCCT
GTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTTTTTGCCCCTGAATGTGGTCGAT
GCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAATCATCAATGCGTTGAAACAAACTTGG
CATGT

>Sequence 128

GCACGATGGGTAATACGACTACAGGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGG
CGGCCGAGGTACGCGTTTAACTATACATTTCCACTTTTTGTAAAATCCC
ATAATTTTTCTATAGGGAACAACAGATCTGTCATATACTAGCTTATGCTT
TTCTTATTCTAAGTGGATTTTACAGTTTAGAAAATTTCCAAGTAATCTTGA
CACATCATTATTACCCAAACAATTACTTCCAAGTCATTGTTTAAATAGAT
GAAACCCATTACAACAGAGGTCTCAGACCTTCTTGCCCTCAGGGGCCAGAG
AGATGACATAACTGAAATAGCTCAGCTTTAGCCAGCAATTGCTTAATGGA
AATGTGGGATCTTTGTTGCTAGCTCTGATTTAAAAAAGACAGAAAGAAAG
AAAGCCAGGTAGGGCATGGTGGCTCATGCCTGTATTCCCAGCACTTTGGA
AACACTTTTGGAAGGCCAAGGCGGGCAGATCACCTGTGGTCAGGAGTTCCG
AGACCAAG

>Sequence 129

CCGGGCAGGTACAGCCACTATTGTGCGTCCTTTCAAGGGACATCAGGGCA
GCAGCACAGCTTACCCTGGGGTCCCCCTGGGCACCCAGCATAAGCAGTG
ATGTGCTAGACAGCCACCAAAACCAAGTATAACTACAAAACCTTGTTC
AAAGGGTTCTGGGGGAGATTCAAGGGGAAAAGTTACATATTCTTAAAATT
TTGATCACTGGTGGATGCACTCAAAATCCTGCTCCTCTCTGGGAGCGATT
TTCATGCTGTTCTGAAAGCTCAGAAAGAATAGGAAAATTTTATGTTTCAG
TGATAGATGGGCTAGACAATGGGAAACCTGCACTGAACCAGACACAAAGG
ACCTAGCAGAGGTGACGCCTGCCAGGGCTGTGCACCTGTGTTTCTTAAC
ATCTGCTGGGACCCATTAGTAAGTTTCTATGAAAATGAATTAGACTGTG
TGCTTTTGGTCTTGCGGGTCAA

>Sequence 130

AGGTACCACATGATCATTCAAACACTCAAGCTTGTCTGTTGAAGAGGA
GAGTCAGAAAAAGTAGAGCCTAAAAAGTCCCCAAACCAGTTAAGTCACAC
TGAGGCCAGAAGTGTATATAGTATACACACTCCAGGGACAAGAAATTCC

Table 3

26/1077

GAGGGCTCAAACAGAAGACTCCTCAGAGTGGCTCAGCATGGTCTGTGATA
AACAGACAGAAACACTATGAGGAAGTGCTCTTCACACTACACTCAGAGGT
TTCCCTCCCACTTACACATGATTGTTGCCATCTCAGACTTTTCATAGTA
AGTTTTTTTGTTCGTTTTGTTTTGTTTTGAGACGGATTCTCACTCTGT
CCCCAGCTGGAGTGCAGTGGCGGTGATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATA
GCCGGAAGT

>Sequence 131

AGGTACATATACTTGAGGCATGAATTTAAAGGAAAAGTCAGCCCATGGTT
TGGTGCAATTCATTTTCTACTGTAAATAACCAAGTTCTTTTTTTTCTT
TATCATCTTCGACAGGGTCATCAGACCTTTTTTTTTTTCAGAACCTGAAG
TGGGACATGGGGAGTGAACCTCGATCTTGCTCTTTTGCAAATTCACGACT
AAAGTATGACCTAAAAGTTTCAGTTGATGGAGTCTTGTCATGCCTTTAT
AGCTGCTTTTCATNTAGGGAATGTGGCAAAAGCTGTATGTTTTCAGTCGC
CCCTTATCTGACAGGACCCGCACAGACTGAGCCCCGAAGTACCTGCCCG

>Sequence 132

GCCAGGATTCAAACCAGGGAGTCTGCTCCAGCACTCCGGCTCTTAACCTC
AACCGTCTGCCTCTCCACAAACACCAGGATCAACCACCTAGACCAAAAAA
ACAGTCTCACAACCATCAAACATTGCACTTGGTGGCTCAGGACCTTAGC
TTCGTCTTAAAGGTCCCTGTTATGCTTTTTCTGAGTCCCCAGTGTGGAG
TGGTCTTCGTGTTTGTGAGTGCAGGGGTGAGGGTTGTGTCTTTTCTTCT
TGCCCCCTTCCAAGAGGTGACATGTATC

>Sequence 133

CCGGGCAGGTACAGGTGGTAACTGCAGGGGTGATTA AAAATGTCTAAGCTG
TCTAAAAGCAGGAAAAGCAAATAGATTTTCATCTCTTATGTTAACACCAAT
GAGAAAGTAGTGAGTATGAGTTGAGTATGATTCTTCTGTGGGCTGGAAGG
AAAGAGCTTGCTGGGGGTCTCTGCTTCTTGCTCAGGAAGAATGGCCTCAA
CTTCACCTAGCTATCCCTGTTTGAAAATAAGTTCTTTCCTCTGTAGATGT
TTTCCTTGTTAATTTCTGTGCATGCCTTTAGGACCTCTGCCATTTCTTTC
CTGTCCGCTTTTCACTTTTTTCTTACTGTTGAAGAACCTATCTCTGCCAG
ACTTCTTTATTTCCAATTGGTTGATTTCTACTGCCTTGCTCCATTTGA

>Sequence 134

CCGGGCAGGTACCTATAGCACAAGCTGATGATAGCTGGCAACTGAACATT
TGGCTTCAATGTCAGAGTAATAGAGTGTGGCAAACTGCAGAGCTCATGCT
CCGCCTAAAAGGGGCAGCTGCTGCTCAGCTCCTGCCAATTACCACCATGC
CGAAATTTGGGCTAGGGGTGCTTCACTCCTCTGTTTTTACCCAGAAG
CTAGGGAAATCTGGGTTTTTTATGTGGAAATTGGTCCTAATTTTTTTTAAA
ATGTTAAGCATTTCCCACTTCTTGAAAAAAAAAAGGCAAAAATCACCCGGT
GTTGGGCCCTAAAATAAAAACTATTTTGCTTGGCCCCAAAATGCAAAGCC
TTGATTTTGGCTCCTTGTTTTTCAACCCCCCTTGGCACCAAGAAATTTT
GGTCCATTATCTTCTACTTTGGTGGTGACCCTTCGGCCCCGCTTCTAGA
AACTAGTTGGAATCCC

>Sequence 135

GGGGCCATTGAGACTGCCATGGTAGACTTGTGTTGGTATCGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCACTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAAGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCCACTGA
AGTTACTTATGCTACTTTTACTGAGCATCCTATGAAATACACCAGTGAGA
AATTCCTTGAAATTTGCAAGTTGTCTGGGTTTCATGTCTAAGCTTGTCN

>Sequence 136

CCGGGCAGTTACACTGATTTATTCTCAGGAGCAATTTAACTCTCAGTTCA
TATTTGGGAGAAAGAGATTCCATAATATGCCAAACCAAAAAATGAAGTTAT
TGTTTAAATGTGATCATGTCCATAATTTATCTCCCTGGGATCCCTTATGG
TTGGTTTCTATCTGCACCTGACCAAGTGTTCTATCATAGGATTCAAGGG

Table 3

27/1077

ATTTATGGGCTGGGCACAGGGGGTTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGG
AAGGCCGAGGCAGGCAGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCAATACCAGACTG
ACCAACATGGAGAAACCCCTCTCCACTAAAAGTATAAAATTAGCTTGGC
ATGGTGGCGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAAATCTGCT
CTTTAATTCTAGAAGTAACATCAATAATTTTTTTAGATAAGTAGATGAAC
AGATTTATATTCATCTCAATTTT

>Sequence 137

AGGTACCGCATGCTGGATATGGACAGCAGCCTTAGTTTCAGAAACATACTC
CAAGCAAATCATAGAGAATGTCACCTCCTTTAAGCTTCCATTTCTTTATA
AGAAAAAAAAAACATTTTGTAGGGTTACATAAGAAGGCAATAAAATAATA
AAGAGAAAGCATAGAGCCTGGCATATACTACATGTTCAATATGGGACAGA
ATGTAAGCAGGAGCAATAACAAAAGTGGTAGAAATTTGGATAAGTCAAAG
AATAAGATGTGGAACTCGGGAAAGGGAGCGATTAATTCTGACCTAGGCT
GCACCTAGCCATTTTGGAGAAAGTGATACAAATAGAATTTTC

>Sequence 138

CCGGGCAGGTACCATGGATGGAAGTGGGGCTTTGGCAAAGGCCCTAGCAT
TTATGCCTGGCACTGTGGACTCGGTGTTGTCTAGCAGAGAGGCCCTGAGG
AAGTGGCCCAGCAGTGTGCTTGCCTTCCAAGATATCTATACCCAAAAG
ACTTCGAGATAGACAAGCTTTGTCCCTGCCAAAGTGACAAATGTCAGCT
TGCTGGAAAAGTTTGAACGAAGTGAGAGTGGTGGGAAGATTATGACCCCT
GAAAGCTTATCATATCCAAGTTGTCTGAAACACGACAGTGAGATGAAGCC
CCAAACATCTCCAGCTTGCCAGGA

>Sequence 139

CCGGGCAGGCACTTCTTCCAAGGCAGTGGTCATTAGGGCAATGTGGTATT
GACACAGGGAGAGACAAATAGGCCAATGGGACAGGATTGAGCATTGGGAA
ACAGCCACACAAATATGGAAGCTTGCTGTGTATCAGAGGTGGCCTGCAC
ATCCTGGGAAGAGCATGGACTTTTCAATCAAATGTTTCAGGAGCAGTTGGA
TACCCACACTGGAAAAACATTAAGTTGGACCCTTAATTACCTCACATCAT
ATACCAAAAATTCATTCTTGTCATTCTAGGGGATTGAAGACCTAACTATG
AAAAGCATAACTATAAAGGTCACATGACTGAATATAGAAGAATATCTTAN

>Sequence 140

AGGTACAGTAGTTGGATGTCGAGGTTTGATTAGATTCTGGGGTTGGTTTG
TTTGTTTTGGTGGATTGTTTTTGAGTCGACTTTACAGAGGGTTGTTTATC
CACCAGAAGGCACATGTGCTTGCCTGTGTCTTTTTTGTATTGTTTTGAG
ACAGAGCCTCGCTCTGTCTCCAGGCTGGAATGTAGTGGCACAATCTTGG
CTCACTCAACCTCCACCTCCAGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTTAGCC
CTCCAAGGTGCTTGGATTACCGGGTGTGGGCCCACCATGCCAAGTTAATT
TTTGGATTTCAGAAAAAAGGGGGGTTTTTGCCCTGTTGCCAGCCTGGT
TTTAAAATTCCACCCCTAGGTGGACCCCTTGCTTGGGTCCCAAAAGGG
TTTGAAATTACGGGGGGGACCCCTTTTTTTTGGCAAATTTTAAAGGATT
TTTGGAATTTTTTTCTTTTAAAGGAAACAA

>Sequence 141

AGGTACCTCTGTAAAATGACCTTACACAGAATAAAAAGTCTAGGCCTTATG
AGTTTATGTGAGGTA AAAAGTTAATGTGATGCTGAGAAGTTATGTTAAAA
GTATACTTTTATGTAAGATTTTGTCTCCCTCCATGTTTACATAGCATTT
CCTTACTATCCCATTTGGTTTATGAGAAAAATCTCCCTAAATTGAAGAT
TCTTCACATCTTCCATTGGTCTCTTTTTTTGGAGAACAGGATCTCACTC
TGCCCCCGGTTGGAGAGCAATGGTGCAATCATGGCTCACCTTTTATTGA
TTAGCACTTGGAGAATGGTTTTAAGAAAAGCCTGGCTTTTGGAGTGAAGC
AGCTTTAATTGGTATTTAGTATTAAGTATAGTAGAGAAGCAACTTTTAT
GGTTTCCAGACCTCTTTTACTTCTTAAATATTTGAGGTACCTGCCCCGG
CGNCGCTCTAAACTAGGTGGA

>Sequence 142

AGGTACTTTTCCACTTTGTCTTCTTCTGCCACACACCCTATCCTTTCA
GGCTGTGTTGGGATGGACAAAAGCAGTTCTGGAGTCCTAAGGAGAAGATG
AGTGGGATATGTTTCTGTGACCTGCAGTCATTTTAAAGTTTAGCTGTTGC

Table 3

28/1077

TAGCTGACTCCATGTAAGAATACCTTCCAGGAATTTGATGGCTGTGCACT
CCGGCAGTGCAGCTGGCATGGTTATAGGGTGCTTGGCCGAAGGTTTGCAT
TACCATTTTAACCCATTCTTCCACACATTTTGCCCACTGGAAGACTGT
GGGGTTATGGGCCAGAAACCCAAATTTGGCTTTTTTGCAAGGTTTTTAAAA
ATAAATCTTCTTTGTGACTCACATGTGAAAGAAACATGAGAGGGTTTTAC
AAATTTTCAGTATTTGGGAAATTTTCATTTCTTCCCCCTAGTTTGGAACCT
GAAATTTTTTTTTTA

>Sequence 143

AGGTACATTCTACAACTTTTCTTTAAGCTTCTAATTAAGAAGAAAAA
AATTAGGTGAAATGCTCATAAATCAAGGGCACTGTGACCCAGTAAATCAG
CAGGCATTAGCATGACATAATAGAAAGTGCCCACTCTGCATAAGTCCT
AGCTCCATAATGAACAGCTATTTGTTCTTGGACAACCTTCTTCTCTTAGG
CTCAATGTCTTCTTCTACCCCCGTGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGG
GTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNNTTTTTNTTTTTTAAAC
CCCNNGGGGGTTTTTAACAACCCCCCAATTTTTTTTGAACATTCCCAGGT
TTGCGCATTTTTTCAAAAACCCCAAGATCCCCTAAATTTGGCTATAAT
TTTATTAAGGCGGGGAAAAAACCTTTATTAATTTTTTACCCTCCCAA
AAATACCCCTTTTCCACCCTTTTAAATTTTTTTTTAAAAAAAAGCCAAT
TTTTTTGGGGCATTGGGGGAACATGGCCCATAAAAACCAATTATTTTTT
TCACATGGCCCTTAACTGACTACAAGGGGCCCTTTTTTTGGGGGGGAAT
AAAGTCCAAACGCCAAGGTGTTCAAAGGGGAGCCCAAGGGCCTACCCTCC
CTAAAAAAAACCCCTCAAAAAATCTATTAATTTTTAGGGGGCCCAACAA
CGCTTTCCAAAGAGTGTTTTTTTTTCCCCATCATTTTAAAAAAAAGTTT
GCACATATGTGTGTGATAAAATAAAAAACACTTTTAAACCAAACGGGGGT
CTCACCCGGG

>Sequence 144

AGGTACTACCCTCCTTGGGGGTCATTTATGAATGTGGGCAGGGATGAACG
ATTGGGTGTTACAATCCTGGGGAGCACTGCAGGGACTCTGTGAGGGCCCC
AGAGATGCTTAAATGCTTTAAGTGGGGCAGTCCTACACAATGAAAAATT
GGGCCACCAAGTGCCCAAATCACCACACCAGAGGAACACGTGATAACCC
ACCCCTCTCCTTGGACAATGGGGAAACCAAGGCCTTGGCTGGTTAGCAGC
AGGGTCAATTCTAAACCTAGGCTTCTTTGCCCCCAAGTTCAGCAGTTATT
CTGTGATAACATACAGAAAAACAATAAAGCTGGGTATCATGTTACAC
ACTTAGCTTATTCAAGAAACAAAACCTTCTGCTTAAATCCAGTTGCCTTT
TTTTCTGACTCATTTTTCTTCTTCTGGCACTAGAACAGATTACCACCCA
GCCAAATCAGGGCACAGGCCCTGACCTTCACACACCTNCCTCTCAAATAC
CACATGGGACCATTTGTTAGCCTGAATACAGGACCACTGCAATTAGAAGA
GGCTTTAGTGGAAGACATGGCCAAAAGCANATGTCAACTGTTAGAGAA
CCCTGNCATCCCAAATTAATATTCGTGACAGCTATTTGCAAGTGGCCTCA
AAAATCATGTCCTGTATTCGCAAATAGCTTAATTCAATGGGGCACAAAAG
TAAACACATGGACTCTCAGGCTGGATGGCTACATTGGGTCTTTTAGGATC
AGTATTTACCTCACCCAGCTCCCTGTCTTTACTTTTCA

>Sequence 145

AGGTACTCAGAAATGCAAGAACAAAGTAAAAGCCACCATGAGTCACAAAC
ATATATTCTTTACTCTCATCATCTTTGCCACAGAACTTTTGCACTTGATC
TTACTTTTGTCTTTCTGATAATTTGTGTTTTTCTTTCTTAAATGGCTC
TAAGTTAACTCTTATTAGAAAGTTTCAAACCCCTTCTCTCATCATCATG
CCCCAAAAATTTGTCAAAAAAAGTTTCAGAGATATTATATTGAGTTATTT
AGGCCAAAGGCAATAAATGGCTCTTACAATAAGACTTTGAAAATAATGTA
ATACTCTACAATAGGCATGGTGTATCATGCATAATAACCCCTACCCCTTTA
GAGGGCTTGGGCAGAAAGATCCTTGAGGTCAAACATTTGAGATCAGCCAG
AGCAACATAGGGTACCATAATTTGCCCCGTAATAAATTTTTATATTGG
TTCTTTCCCGGGGGGGCCTTTTTAAATT

>Sequence 146

CCGGTCAGGTACCACCATCCCCAGCACATATTTTAAAGTTATTCAGACGC
ACCTCAGAACTAGGGTAAGTGCAGTTTAGGATCTCAACTATGAAAACCAAG

Table 3

29/1077

AGGCAACTGGCACACTTTCATTATTAAGTGAATGAACCATTTACCAACC
AGCTAATTGCTTTCTCC

>Sequence 147

AGGTACGCGGGATAGTTGCTCAGCATTCTTACTGCATGAAATAATCTTT
GTTGTTTTTGCCAACTCTTTAAATTCCTTGAAAATGTGTATTCTTACTA
AACAACTTTTCTCCTGAGTCTTTGGCATCAGTTAGAAGTTAAAAAGCAC
TGCAAGTTTTTTGTAATCCTGAAGAGGAGGAAAAGATGCCAAACCAGAGT
TTATTCAAGATAATAAGTGGTATTTTTGAGAGATTTATTCTCTCTCTCT
GAAGCCTGTTTCTACTTTAGTTTCACCTCCATTTTCTGCTTCTTTGATA
GGCAGTGAGATGATTTTTAATAGCACATACACTCTGTCCTGTTTATAGGG
TGCTATCATTTAATGAGAAGAAAGTCAAATAGGACAAAACCGCAAATCTT
TGAAACAAAAGTGAAGGCCCTAATGGGGGCTGGGCATAAGGGCTCATGC
CTTTAATCCCAGCACCTG

>Sequence 148

AGGTACACTTAGATTGATTTTTTTCTACCAGAAGAAATTTCTATGTAAAA
TGCTTAAACCAGTCATCAATTTGATTTCTGTAGCATTGGATATAGAGT
GTGAGCTTTTAAGGTTTTTAATGTGTTGCCAAATGTTATTTCCCAAAGG
CTTTATCGGTTTCATACCCTGCTGGTGAGCTCTGTCCTGTTTTACTAGCT
TTCAGCATGTGTGCGTGTGTGCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT
GGGTTTTGCTTTGTCTCCAGTCTGGAGTGCAAAGGCGCAATCTCTTTTT
ACTGAAACCTTCGTCTACCCCATTTTGATCAATTGGTCCTGAATAAGGCT
TTTAAAAGGTGTTAATACATTTGTTTACCACAACACCCAGTTAAGTTTTG
AATTTTAAAGGGAAAAGGGGTTTCTTGGTGGCCTTTCTGAACCCTCTGA
CCTAAATTTTCTCCCCCTGGGCTACTAAAGTGCTGGTATCACCTGCACG
CCC

>Sequence 149

AGGTACCTTCAATTCCAGTCACATGGCTCGACCTATCTCTCAAACCTTCTT
AAATGTGTAGCTTTCTTCTTCAATAGTGAGAAGTCTTGCTCCTATTGTCT
TTAATATATTTATATGTTTTCTTATTCTACTTTACAAAACCAATATTTTG
ATACACATGCCATAACCTTCTCAGCTTTAACATTGCTAGTCATCTCTAAT
CATACCCTCAGATTTGACTCTGAATGGTCCTTGTGTCTCTTCAGCCCCA
GTTGTTTCTTTGGCACTGGCCGTCTCCTGACCTCTACTGTCTCCTTGGC
CCTCACCTGAAAGTCCTTCCAGACTCACTTGCCTCTGGCTCTATAAGAC
CCTGGGTATCACCAGGGCCTCTGCTCCCTTCATAGAACCCGTGTCCCTGA
GGCCCTACTGGCTCTAGCTACATTAAGAGAGGGGAAAGGAAAAGAACCCA
TTGTTCC

>Sequence 150

AGGTACTAGGAGAGGTCCTGTGACCTTTCCAGTGCCTCAGAGAGTGAGAA
TGGGAAAGAGGAGTGGATGAAGTAGGGCTTACCCTCCTGTGGGTACCTC
TCTTCCCTGCTGCTTCTGAACCCCACTCAGCCTCCTTCCCTCTTCCCCAG
CAACTATCCCAAAGCTGTTACATCGTGTGGCAAACGTTTACTGAGGCTTT
TAGGGATAATATAAGTCGGTTTCTTTACAACCATTCCTTCACAGCCAGAA
CGCACGTAATTTAAACTGTGTCAATTTTACACACAGTCCCATAATGTCTC
CTTCATGGGGAGCTTCTCATGGCCTTGGTCTCTCCCCAGAGGCTGCCTAT
GGCCATATTTCTGGGGATCCAATTCTCACACACTGGGCCCCCTCATTCTTG
GGCTTCCCACCTTCAGGTACCTCATTCTTGGGCTGCCCCAAACAGTCAAA
TCCTTATTTTCAAGCGG

>Sequence 151

CCGGGCTTGTACAAGTTTTTTTTTCTCATGGAAATGTTGGCATATTAATTG
ATCCACACAATCAAATATATTAGAAATGGTGTTCAAAAAGCCCTCTAAG
GGAAACAGTAGAAATCTTTTTTTCAAACCTTCTGTGAAAGCTTGCTGT
TACCACAAATTATAATAAAAGACCAAACACATACCAGTTATCATCTATA
GACTACCGTCCCTGAGCAAATTACTTGACTCAAACCTGTTAATTTGGATTA
GGACCATTTTTTGTATTTTTTGGAAAAGAATATCCTGTGGGTATTTTCTA
TTAGAGGCAATATAATTAGACGATCTGCTTGTGTTAATGCTTTCTATAAA
ATCCCACATAATGAATAAAAAGGATAGCTTATCCATTTACCTTGGATTA

Table 3

30/1077

TAAAAATCTTGACCAGGTGCGGGGGCTCACACTTGTAATCCCAGCACTTT
GGGAGGCTGAAGCAAGCAGGTCATTTGAGGTCAGGAG

>Sequence 152

AGGTACCATGTCAGGATGACTGTCTACGTAATGGAAGCCCTGTCGCCAGC
TTTTCAGCTTCCTTTCAAATTCCTCCCACTCCTTCTTTTTTACGCAGCA
ACTTGTCTCTTTCCATGGAAATGCTGGGGATTTAAAGAAGGCGGGGACTC
AGCTTTGCTTCCACTGCGCAGCCCCAGATACAGGCTGCAGGAGTCCCAGC
CACCTTCCTCTCATCATGCTTTCTTCCAGGGACAGAGTTATGGCCCCTAG
GAGAGGGTTTTGTTCCACCGGAACAGTCAGTTACTAATGAGCTCATGCTG
CTTTTCCACCCCTGGGGTCCCCAGCCATCCTCCAACCCTGATCTCCTAGG
GCACCTTTATCTGGCAGCTGGAGACTGGGGGGAGTGTGTGGACCCTTCCG
GGCCG

>Sequence 153

AGGTACTTCTCTTTAAATCACTACAGGATGGGATTCCACCCTCATCATG
CCTCTTGTCACAACCCCATGTTGTCCAATCCAATAATTTTTCTGTCTTC
TTACTTGACCTCAGTGACATCTGACAATTGAGCTTCCTTCCTCTTTCTAG
AAACTTCCTCTCTTGCCTTCTAAGACATTATGTTCCCCATTTTTCTCCCA
CCTACTGGCTCACAATCTCAGTTTCCTTCCTCTAGTCCTCCTCTTCTAAT
AAACCTCTTAATATCAAGTTTTTTCAAGGATTCATCCTGTTTCTCTCCCT
TCCCCTAAGTCACAGGTTTGCAAAAAAGACAAAACCAACTCCTAAAGCTT
TGCAAAAAAGACAGAACCAACTCCAACCTCCTAAAGAAGCTTTAGACATTT
CTAGCAGTGGTTTTTGGGGAAAATAGTAATTGCATTAAGTGAGGAAGGGCC
AGAGATGCCAGGTATTCTTCAATGCAAGAGAGTTCCCAACAATGAAGACT
TTTACCATGTCATGATTTTCAAATGTGCCACTAGATAATCACATGGGTAA
GAAACCTACCTAGAAGACCAGGTGTGGTGGCTCACACCTTGAAACCTAGA
AGTTTGGAAGGATGAGGCGGGAGGATTGCTCGAGGTCAGGAGTTCAAGAC
CGGCTTGCCCAACATGGTGAAACAACGTCTTTACTAAAAATTAAAAAAT
TGCCCGACTTGTGGTGCCATGTTGAGTCCTAGCCACTCAGGAAGCTGAAG
CCAGAGATCTTTAAACCTGGAGGCAAAGGTGCATTAACCTAAACGGGCAC
TGGACTCCAGCTGGGCCCCGGAGGAAAAAATATTTATAAAACAGCT

>Sequence 154

AGGTACTTAGCATGAGCTCATTGACGGTGAAATTGGCCATTTATACATAG
GCAAATCTATAAGGAAATTAACAATATTTACATTTCTTCTAATTAATGG
TCTTTTTGTGAACATGCACTGCCTACTAATGTCAGCTTATCTATGATTTG
AATGTATAGCTTTCTAAAGCGTAGCAATTTTTTTGCATATTTATGTGTCC
TAAGAGAGTCCCCCGCTTCATTTTTCCATCTCTCAGCCTCATGAAAGGC
TACCTCTATCTAGAATTTGTGACAGAGGAAGCTGAGTTTTGGGGTTGATG
GAATCTTCCTGGTTACAATCTAGAACTATTAGAGTTTTGCAATGATAGTA
ACAGCAATGACTAACCCTTGCTTGGAATAGTAGCCTTTAATCATTATCCT
CAGTTTCTATCTGGGAAAACCTGAGTGCTATTTTAAGCAGTCTTCTGCTAG
TAGTGGCAAGAATGGAGACATAAATC

>Sequence 155

AGGTACAAATTAGACGGTGACAACATGCAACTACTAATTTCCAGGACGCG
CTGAAACAGATCCAATGTTAAGATAAAAAATAAACTAAAATGATTTTCCTC
TGGTTTGATTTAGGTAGATAATCAAGGCCATAACATGCCGATGTGGAAAA
ATGTCCCAACCATCCCCAGGAATGAAGAAAATAATAGGCAACAAAATTG
TTAAAAAATAAAAAAACCAGCTCTTCTTAGGACATTCTTTGCTTTCT
TTTGGTCTTCCTCTTTCTATTTAAGCCCTGTATTGTTGCCCAATACACCC
TATTTAGGTCTCATTTTCTTATCTATGTCCACATACTGAGCCTTTCAGT
TTCCTTTTTACTTTAAAAAGCTATGTCCAAGTGTCATGCTCTTGATTGAA
GGCAGAAAGACAACATAATAAAAGTAACCACTGCTATTGGGCAACCTCTT

>Sequence 156

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCTGAAAATCCTCTGGGTTGGCAATTGTAAT
CCTGTGGACATTGGTAATACCCGAGGATGCAAAATTTCCCCAAAACAAGC
AGAAAATTTCCATGAATTGCTGCTATAAAGCTGAATTCCTCTCCCCACC
CCAACATTTTATAAAGAGCAAGTGACTTTTACAGCCTCTGGGTATTGCC

Table 3

31/1077

AATAGCGATCTGGAAACAGGCTGCTCTTCGTTTAAATGACTGAACACACG
GTTGGGGATCTGTTCTGAAAGGTGGAGGGTGCCCGCTTGGGAATAGGGAC
ATTATAAATACTGGACAATTGAAGACAATATTTCTGAAGTG

>Sequence 157

CCGGGCAGGTACTCACTTTATTTCTATGATCACCTCACTGTAGTTTTTCAT
ATGATTTCCAGTAGGAACAGTTAGTAGAAGCTGGGTGAAGACAACCTGGG
GATTATTATATCTTAGCCTTTGGGAGGCATTTTCATAGCGTTTTCCATTTA
GAAACATTCTCAGACCCAGAAGTGTAGTAGAACAAAAGTTTCCATCCCC
AAAGTGACTTGTAAGGATAAAAATAATCTTAAACTTTTAATTTTCTCTCA
TTTGTCAAAATCAGTATTTTCTATTTTTAAATGTCTAAGACTAGAATAAT
TTTCTTTGAGTTAAAACACAGGGCCAGGCATGATGCCTCATGCCTGTAAT
CCCAGTGCTTTGGGAGGCTGAGGTGGAAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTT
TGAGACCAGCCTGGGCAAAATAGCAGGACCCCGTCTCTACAAAAAATAT
ATTTTAAAAAGCTAGGCATAATGTTGCACACCTGTAGTCCCAGCTGCTC
AGGAGGCTGAGGGAGGAGGACTGCTTGAGCCAGGAGTTTGAGGCCACAG
AAAGCCATGATTGCACCACTGCACGCCAGCCTGGGCAACAGAGGTAGAAC
CTCTTCTCTCACCAAAAAACAAAACANAACCAACAAACAAACCAACCAACC
AAACACACAAGCAGGTGTATCTCAACATATTTGTTTTTAAGCCTAACTTA
GCTTTTCTAATTTACCTTTATAGAGTTAAGTATTGAATACTCAATCCTGA
TTGGGAAAAGCTAAACTTTTCTTAACTCTGGTAAGAGAATGTAAGTGG

>Sequence 158

CCGGGCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGTGAGGTGATTCACTGACCT
TGCTATAAAGTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAAGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTTCCCAATGG
ATCCTGGTTGGCTTCCTTGTCCAGGAACAGAATAAATTCCTAAGAAAAT
TGACTTTTTTACAGGGAAGAAGCCGAGGGTGGAACCTTTGGCCCTAACTT
CTATAGGGTGATGGTGAACCTTTATCTTTCCGGGAGGGAAAGGGTTTTTC
TGTTCCCTTTCTCGTGACAAGGAAAAA

>Sequence 159

AGGTACTTAGGCCATCTCAATCATCTTCATCCTTTTAACTAAGTTATTCT
AAGACAATGGTAGCCCTGCACTGACCACTAAGAAAGCACACACCTTGAGC
CATCCATCCAATATTATAACCTGGGACTTGGTATCTAGTGATTTCAAAT
CTAGTGATTATCACTGGGCTTTTCATATTTTCCCCCATGCAGCCAATTCAC
TCTATTGAACTAATAATCTGACTCACTGGGTGGAATAGCCACTCAATCTT
AAGCTCTATTCTTGCTGGTGATTGGAACCCTCCTACTCTTGGACAGAATT
TCAAGTTGACCACTGCCTACCTGTAGTGGACTCACAAGTATTATCTGACT
CTCTATCTACTTGTTTTTAAATCTTGTGCTAACAATAGCTGCCCTTGATT
ACAGGTAAACTATAATCTTTGTGCAACTCAATGTCCCCTCCTGCTGAACC
TCTGTAACCAAG

>Sequence 160

AGGTACATTAAAAAATGCACGGTGTGATAACCCACAATCTACTCAAAAC
CAGAGCTTAATTGTAAAAAATTTAAATTCTCTCATTTTTGATTGTCATAA
GCCTAAATGAAGGCATACTAAGCAGTTAGACATATTTAATACTTTCT
CCCAGTTTATTTTCTTAACTAAAGTCAATAAGAAGCCAATGGGTTTTCTT
AATTGAATTTCCCTTTAGTTTGTGTTATGGAGGTGCTTTAAATCTAGACA
CTAGGGCAGGCAAGGAATTTCCCTGACAATTTTATTTTCATAGTTGTGCT
GTGCTGGCCAATATATATTTAAATAGTGGGNNNNNTTTTTTTTTCTTCT
CTTTCATGTTATTTGAACTCCGATCGAAAACAAAAATAACTGCTGGAAAA
TTAAACTTGGAATTTATTTCTCCTGGTTTCCGGCTAATTTTCTTTCATCT
AGNTAGGTTTTAATCAGCTCCCCTGTCTAGGT

>Sequence 161

CCGGGCAGGACGCGGGGGGTATAGATGTTTTAATATAGGGGTTTGCATTC
TAGACATTAAACTGCTGGGCTTGATTCTGTATTTTACTGCTACAGTGT

Table 3

32/1077

AAAAATATTTTGTCTCAGAGAAGGATTAAGGACAGAAATGGTTTGTTC
GTCTTAGAATTTTATTTAGAATTTCACTAGGGTTGAGCATGGGCAATGCT
TGCCTTTTCCTCTAGGAAGCCATAGCTCCTCAGTTGGAATCTGCAAACCT
TTGCTCTGAGGTCTTGGGAGAACTGAGACCTTGGGAATGCATCCCGGAC
TCCAGAGAGCCCTATTCCTCAGGGTCAGGATGTCTCAAGATGAAAAATTA
TCTAAAAATTATGTTTCAACTCTAATATTTATTTAGCTGCATTTTCCACT
CAGGCACAGGCAAAGAAAAGTGCCAGAAATAAAAAGACCAGGGGATTTTT
CACTTCTTTAGATGAAAAGGGCCTGGTGCTTTATTCCAGAAGTGCTCATC
ACTTA

>Sequence 162

AGGTACAATTCAATGGTTTTTAGTATATTCGCAGTTGTGCAAGTCCTTCA
ATTTTTGAGATAAATTAGTAATTGCATAAAGGTTCTCTCTCACTTAAGTT
TTTTATATAAAGAGCAGCAGCATACTTCTACTCACTCAGATGGGGTTGTT
TTTGCAATGGTAAAAGAAAATGGACAGGCCTGTTAGGTTCAAGAACTCTC
CTGCTCTATATGGGTGATCCATGAAGCAGAATAATAACCACAGATCTAAT
AAGTTAACTTTGCCTCTCAAGTTGGAACCTTAAGTTTTGTCCATTACTCT
TATGCTACATTTCCCAAATAAAAAGAAAGGAAAAAGGAAACACAAGGGTAG
GCCTCTCTGCAGCAGGCCCTAAATGAATCCATCCACTTCAAATGTATAC
TGCTATGTATTCAATAAGTAGAATTTAACTGGAAATCCCCGTAGGAAAT
ACTGGAGCAGGTACAAGCAGTAAAAAGGG

>Sequence 163

AGGTACTTTTTTAAAAAGTGAAACAATTTACTTTAAACAGCTTGAAAAA
ATGATACTGAAATACAGATGCAGTCACCAATAAACGTTAGAAACGAAATA
TTTTAAGGATACATTTCTATTTGTGTCTTGATCTTATGACTACAGAA
GAGCTCTAAAGCATTTAGGAAGGAGAAAGAGTCTTTGAATTAGTCATTTA
TTTTAGAGTAGTATTTCCATAATCCCCTGGGGTCTTGTAAGAAAAGTAAA
ATTTTGAGTCCCCTTCTCTGAAATTCTGATTCATTAATTTTGGGGCAGA
ACTAGATAACTGGTATGTTTAAAAAAATTCTCAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 164

AGGTATCTCATACCAGGCTTGCTGCATTTGCTGTTTTTGGTATTTTACAT
TCAGCTGCTGTTAGCCCATGCTCTGGAAAAATTACAAATGAACCAATGCA
GTGGAATTTTCACTTCTGGCCAAGACTGAGTAACAAGGTCTGGATTTACC
CTCCCAGCTGAAACAGTTTGAAACTAGGTTTCCAAGACATTGGGCCTCA
GGCATGGACAGTGATCCTTGCAAGAGGAGAAACAGATGGTGAGCTGTATG
ATTGCCCCAGGATAGAGTTTCCAAGAAGGGAAAACCCAGGTGGAGGCCCG
TGGTCTCTCTGAGCTGGGGAGATGAAGCCGCAAGTCAACGGAGGCTAATG
TGGCTGGAATTGGCAGAGCATAACTCCCAAAAAAGAAAGTTGCCCTGGG
AGCGCTCTGGAGGGTTGTTACATTTCCCCTTGAGTGGG

>Sequence 165

CCGGCCAGGTACTGTTTTAAGATATTGGATGGAGAATAATAAATTCCTTT
TTATTTGCCTACTATGTGCCAAACATTGGATGTTATCTTTTAATCTTAAG
AATAACTGAAATGTATGTGGTGCTAGTTTCATTTACAGGGAAAATAAAA
AAAGACTGTGAGGTTAGGTAAACACACCCAATAGTAGGAGGAGCTCTGGTC
TGACTTCAAAGCCCCATTTATTATCCAGCCAACCTCCTTTTATTTTATGT
TATATATAAATTCTGCGATGAAGACTGCACTCCAGTCTGGGTGACTAAGA
CGGTGTCTCAAAAAACAAAAAAAAGTTTCAGTGCTGACCCCTGTGTGCAA
ACTGTCTTTGACCACAGCACTAGACAGGTAGGTATTCAGTATCCTGTAA
AGCTGTGCCTTTGAAAATTGTAAACCCTGAGAATGTAAGATTTATTTACG
GTTTTTGATCTTTGGTAAAAGGAAAAAGAATAAATATT

>Sequence 166

AGGTACAAACAAGTGAGTGTCAGGATTCAAATAAGGAGGTTTTGCTCCAG
AGGCCTCCTGAATTTAACCCTGTGCTAGAGACACAGGGACATTCAATGG
AGCATTAATGTCCCGAGCTGGTGACAGGTGAGCTGAGGCTATAGATGTG
TTGAGGAGTCAGCATCAGTGGAGGAGGAAAGAGATGCGGATGGAGGGAGA
CTCGGTGTCTTTGAAATAGATAAGAGAGAGAGACAATGTAATGGTTTCCA
CTTGGCACAGAAAGAAATGCCTTACTAATTAGAGGACCAGGGAGACACAA

Table 3

33/1077

GAGGAGCCTAAGAAGAATGGAATGAATTAGAATCATCACTGTGGAGTCTG
CGATAGGGAGTCAACTAAAGTGGAAATAAGTAATTACCAAATAACAATGA
GGGGTCAGCATCGGCAAAGGAATATGTTTG

>Sequence 167

AGGTACATAAAATACCTGAGAAATATATTAAGGACAATTACAGAACTA
ACTGAAGAGATAGAAAATATAAAATCTTATTGAGGGACATAAAAAATAT
CTGAACAAAAAGAAAGGCAGTACTACAATCTTGCCTGAAAGAGTTTAATA
CACTTGGCTGCTAAAGGCTTATGTAAAGTAAAAAAATAAAATAAAAGACT
CAGTATAATAAATACGTAAATGTAATACAATTCAAACCTGTAGCCCCAGTA
GGGTTTTTGGAGGGAGGAGAGGGCTCTAGGTTGGGGGTAGAATTGATAAAA
TTTTCTTAAATCAAGTAGCACAATAAATGCCTGAAAATAGCCAAGAAAG
CTATAGAAAAGAAAGAGTAATGAAGAGGTTCTTGCCTTACTAGCTGGAAA
GCATACTGTAAAGTAATATGGAAACAGTGTGGCACTGGCCCAAGAATAGA
CAGAGATACATGAGGGTTATGAAAGGTAAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAATTGA
CAAATGGATTTGTGGAACATACTAGAAAGCCAGTAAGAGGCCTTTAACA
ATATAGTCATTTGAGGCCTGGCGCGGTGGCTTATGCCTTGAATCCAACA
CTTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAAATATGAGGTCAGGAGTTCGAGAACAA
GTCTGGCCAAACATGTGAAAACCCATTTTTCTTAAAATTCCTAAAAAAA
TTAGCCCGGCTTGTGGCCAATCCCTGAATCCCAGCTTCCTTAGAGGCTT
GGGCAAAAAAATCTTGAACCCCCAGGGCGGGGTGCATGGG

>Sequence 168

AGGTACTAAGAGATTGTATTGATTCTTTTGTGAAAAATATTTAAAAGGC
TACCAAGTGATCTGTATCTGAAAAATCTCTTAAATATCTATTTCCCAGGG
GGTGTTTCCCAGTTGGACTCCTTTGCCTTGAGATAGGTGGAAAGCTATTT
ATGCAAATTTTCATGGCTCTATCTCTAATTTCTATTTCACTCATTGTTTAC
CCATATATCATTTTTAACTATGGAATTTCTCTCCAGAGAAGCAAATTAACA
GATTTTAATATTTTATCAGACAATTCAAGTTGTGGGTACAAATTAGAGA
GGATTAATAATCTTGTCTTTTACAGCCTTTGAAATGTTATTAC

>Sequence 169

TGCAGTGCCTGAACACTTTTAGCCATGGACTCCCGAAGGCGGCGAGACCC
AATAGTTATAAGGCCCTGTGAGTCAAATAATTTATTTATGAAGGCCATAA
GAAGCCAGACAGGTAAACACAGTCTTCCTTGTGATGCTGGTGAACAGCC
ATATACTTACTGATGGATCTCACCTCCCAACTCAGACTCTTATGGTCAGA
GGCATATTTAGTGCTTTCATAGGCTGTGATCTACTAAGGATCACAATTTT
TTTCTATAAGTGTTTCATCATCATAGATTCTGTGTTACACTGCCCAAGGA
TTCATTGTCTCCTAGCTCTTGGAATTTGTTTGACATCACTCAGCTAGCAA
CCCCTTTGGGAATTATTTTGGCAGAAGAGAGTCACCTTTGCCTTATCCAT
GGTCATACTCCCTACCAGGGGCAGACTACGTCCAATGACTGGCTAATAAA
AAAGGCCTGGCTCCTCACCTCAATTCAAGACAACCCTGAAAGGCCCTCCT
ATCTT

>Sequence 170

CCGGGCAGGTACATGAAGAAAATAAAGTGGATGAGGAGCGTATGCAAACA
AGGCAATTGTTTATTTTCTATAAGGCTTTTTTTAGTCATCTAAACTAT
TTAATACTTTATATTCTTAAACATTTATACATACAGATAACACAAATATC
CTATATTTTAAAACCTTAAATTACTTTAAAATGAAAACCTGCTTAGGAC
ATGTCTTTTATGATATGATGGAACGTGTATATAGTAACATTTATTTAAA
CTTCATTATACATTTTGCTTCTCTGTGACCTTGGGCAAGTACTTAAGCT
GACTCAATTTTCCCTTCTATAAAATGGAGATAACTATACCTTTTTTTTTT
TGAGACGGATTCCCCTGCACTCCAGCCTGAGCGAGAGAGCGGGACTCTG
TCCCAGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAATGCGTGGAATGAGCTCTGTGC
AAGGATTTTACCAACTGGTACAATGAAGTTTAGAATGATTTT

>Sequence 171

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGGTCTCATTTACAGAC
ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAAACTCAGATGTCCATCCC
CTCCTTATTCATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACA
CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG

Table 3

34/1077

ACCTCAAAGAAATTTTTTTTTTAAGAGACTGGGTCTTACTCTGTCACCTAG
GGTGGAGTCCAGTGGTAGGATCATAGTTCATTGTAACCTTGAACCTCTTGG
GCTCAGGCAATCCTCTCACCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGC

>Sequence 172
CCGGGCAGGTACACAAACTCCTACTTCCAGAAGAGAATTGTTTAGGTTTT
TCTGGCCTAAATTTTATGCAATGAATAAAAATTTAAATCTCTTCATCCAT
GATCTACTGCAGTTCAGGATCCTTGGCATCAGATGGTAGTGATAAAAACC
GGATATTGGGGTGCTGCCGGTGGAGAAAAATGGAAGAAGCCAGAGGTCAG
CAAGAAGGGGAGGCTAGTAGGAGAAAAGAGAGATTAAAGAGAAAACCTAAGA
AGGTGAAAAAAGAAAAGTTAGAGGGGCAGAGGAAATAAAATGTAGAAGA
GATGAGAAAATATTCAACTGGATAGCAGGAGAAGGGGAAAACCTGTAAGGA
GGGTGGAA

>Sequence 173
AGGTACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACATTTAGGAAAAACTAGG
CTGTTTAAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAACTTC
CCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTGTTTT
TCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAGAATGC
CTTGACACTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTGATCCC
AACCTTTATAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAAATCCGAAAATAAGG
TAGTCTGGAATAAATCTATAAGGAGACATTTTTTAAGAGGAGGACCATAA
AAGGCATTAACACAGAGAACATGGTTCTACCCAAGGCAACTGAGTTTAGT
GCTTTCCTACAATTCTTATTTACACTTAACCT

>Sequence 174
GGCATTCTCTCAGGGATCTCTGTGCATCCTTNGGATTATCCTGGCGAGCG
AGGATATTAAAAGGGGCTGGAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGCCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTC
GCAGATGTGTGGCCTTAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTCTGTATCATCAGGTCTTCCCACCATGCAGATCTTCCTGGTCTCCCT
CGGCTGCAGCCACACAAATCTCCCCTCTGTTTTTCTGATGCCAGCTTCTC
GGCACTTGCTATTTCTCCCGCGTACCT

>Sequence 175
CCGGGCAGGTACTGCCAGGCATGCTCCTGCCTTGGGCAGAGTGTATATGT
GTGAGTGCACCTGCCCTTCCCACAGCCTAGAACGTTCCCTCCTCCAGACAG
CACACATGGCCTGCTCTCTCATTTCTTAAGGTCTTTATTCAAAAGTGAC
TTTCTCAGTGAAGCCCTGTCTGCTACCCTGCGTAAAATTCAGCTCTTC
TTTCTATCTCTCTTCCCAGATTTTTTTTTTCTCCTTCATGTTGTTGGTGT
CTAAGGTTTATCATCTATTTCTGCTAATGGTCAGTAGAATGTAACCTCCAC
GTAAGCAAGGAGTTTTGTCTGTTTTGTTTCATGTCTATGTCCTTAGTGCCT
GGAGCATTCCCTAATATGCAGTAGGTGCTCAATAAATGTCAGTTGGATTA
ATGGCTGAAAGAAAGGTCACCGCTGTAAGGATGGGGTCCGAGAACAAAC
ACAGTTAATTCCTGGTCCC

>Sequence 176
AGGTACATTCAGAATCCATTTGAACTTCTCTCAACATAATTTAAAAATG
TAAGTCAAAGCCAGCTGCAAAAATTTGTAGATTTGGCCCGAGAAAGTGCC
TGGATTTTACAACAGGAAGATACAGATCGACCTTCCATATCAAGTAATCG
GCCCTGGGGGCTGGTATCCCTATTGCTACCCTGCTCCAAACAGAAAGT
CCTTTACCAAGAAGAAAAGCAATAAGTTTGCAATTGAAACAGTCAAAAAC
TTGCTAGAATCTTTAAAGGTAACAGAACAGAAAATTTACAAAAACCAG
TGGGAAGAGAACAAATTAGTACCTGCCCG

>Sequence 177
TCCGGGCAGGTACTTTTTGCATCGGTGGTAGCTTGGTGCTGGGGGTATGT
TATTCCTCTCTGTTCCGCAAGGCGCCCTCTGAGAGAAGAGTGGTCACA
GAATGTTTTCTCTATGCTGAGTAAGCCATCGAAAGAAAAGCACATGTGAC
TTCTTCAGCTCGGTATTAACCGAGACAGGTGTGAATAGAAGCGGATTTAT
TCTTCAGCTCCCATCGAACCTAAGTGTTGATTCGCCTTCAACAGTAGT
TTTTTCTAACCAAAATCTTCAGTGTGTTTGGATGTGTCCCCAGAGTGAGT

Table 3

35/1077

TAATATACTGAGGGTCTTAGCAGCTGTTGATAGATTTGTGGTGTATATGA
GTTTTCTCAGGCATGTGTATTCTCACTGAGTAGAAATTCTCTCTTGACCC
TGGAATAGTTACTTTTATTAGGAATGTGTGATGTTTTCTAGATTGTACCT

>Sequence 178

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGGCGGTAAACCACAGGGACTCAGTCAAAAGC
AGAATCAAAGAAATGCAGAGGAAGTAAAAAGACACAGACATAGGCTGACT
CAGGACCCTAGAGATGAACATGAGATTGACAGGGGCACCAGCCGACATTC
GGAATCTGCTGCCAAGATAAGAACAGCGAGGCTGGGCGCTGTGGCTTACG
CCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGACGTGGGCGGATCACAAGGTCA
GGAGTTCGAGACCAGCCTGACTAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAATTAGCTGGGCATGGTGGTCCGTGCCTCTAATCCCAGCTAC
TA

>Sequence 179

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATAGATGGACTCTCACTC
TCTCACCAGGCTGGAGTGCTGTGGCGAGATCTCAGCTCACTGCAACCTCT
GACTTCTTGGTCCAAGCGATTCTCCTGAATAATACGGTGGGCATTCAAAA
ATGCTGTTGAATAAATCTGTCTGGAACCGAGCAATTCAAGATGACAGA
AGACAAGATGCTTGCTCATCAGCAATACCACTGAGGTCATGTCATGAGT
GAGGAGCCATGTGAGACACAGAAAGCAACCTAGACAGAAGGAATGGGGTG
TGTCTCTAACTCTGGAAGAACTCCAGCTTCTGCTAGATCTAGTACCT

>Sequence 180

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAAGCAAACCCGGCCTCACCTTTTCCTGCCCC
AAGCAGAAGATTCTCGCAGTCCCTGGTTTCTCCCTCCAGAAGACCCCCACC
CAATCCTCTGTAGCTCCTGGTAGTGCCCTGACCCCTGCTGCCACCGTCC
TTCAGAGAGCAACGGAAGAGCTTCCCGGAGGGCGAGGAAAAGAGGGAAAG
TAGCCAGCAATGTGCAACGCAGTGTATAATAAGATGTGGCATCAGACCCA
AGAAGCCCTCGGTGCTTTACTCGATAAAGAGCCTCAGAAGATGATTGAAC
CACAAAGAAATCAGGTTTTTCATCTTTCAAACATTAGCCACCTTCTACGTA
AAGTATGT

>Sequence 181

AGGTACTTGTAAAAAATTGTAATCAGCCTCTTGACAATGTATGTGATTTA
GACAGCAAAACACAAAGGTTAGATCTGGGCTGATAGGAAGGAGACGGCCT
ATTTGCACTCTGGTGGGCAGGGTGGAGGGGTAAGGGAAAGGGTAGCAGAG
ATGAGCCATTTTATAGAGGAGGCTCTGTGAAGCCCCAGGCCTCAAACCTT
GGTGAGTGGGTAGCAGAAATTCATCTCCTGGAGAAATCCTGTAGCCAAGGC
TCGGGAAGGAAGGGCTTCTCGTCCAGAATTCTTT

>Sequence 182

CCGGGCAGGTACACAACCTATTGAGTTTTCAAGAACAGAAAAAAGAGAGAA
AGTGAGAATGAGAGTGGTGTATCTGTCTTTCTTTGGAACTAATCAATC
TTCAAAGGAAAGGAAAGGGACCTCTCTCTTCCAACGAAGGCTGACTGAA
ATGAGCCCCAAGCCCTATTACCCTTGTAAGAATGGACTGAATGGATCCCA
CCTCAGGGAGCTTTGCCGGCCAGAATCAACCTGCTTCTTGAGAGATAAT
GAGGAGGTGCAGCAGTGAAAAAGAGGCAACCATCCTCAAAGCCCATTCTC
TCCTCACCCCAAACACTGATGGCAAAGATAGGGGCCAAGGTCAGGGACCT
GTCAGAAGCCTTCAGTGAAGTGAAGTATTCTGAGGATGGAAGAAAGCC
GGGAGAAATAAATGCTAAATCTTTCACTTCAGAACTTTTCTGAATCAGT
CAAGATGACAGCAGAGAACTAGTATGTCCAAATATAAACATTGTATTTGA
AGTTATTTGCTTATGCTTAGGATCCCGCGTACCT

>Sequence 183

AGGTACTAAGAGATTGTATTGATTCTTTTGTGAAAAATATTTAAAAGGC
TACCAAGTGATCTGTATCTGAAAAATCTCTTAAATATCTATTTCCAGGG
GGTGTTCCTCAGTTGGACTCCTTTGCCTTGAGATAGGTGGAAAGCTATTT
ATGCAAAATTCATGGCTCTATCTCTAATTTCTATTTCACTCATTGTTTAC
CCATATATCATTTTTAACTATGGAATTCTCTCCAGAGAAGCAAATTAACA
GATTTTAAATATTTTATCAGACAATTCAAGTTGTGGGTTACAAATTAGAGA
GGATTAAAAATCTTGTCCTTTCACAGCCTTTGAA

Table 3

36/1077

>Sequence 184

AGGTACAAAAATTCTGTTATGAATGACCTGGGTCATTCTCCCTGCCTGAC
TGACATCCTGGAGTGTGTCAATTGAAAACCTTCACTTTGCTGGCATCTTCC
CAAATTTCTCAGACACCCTCTCTTTGAACCTGGAGCCTCCTGGGGAAGTA
TTAAGAGCCAACCAGCTATGAAAACAATGTGCTCTTCCCTGTGCTAAGTG
CCTCTTCTTAGGCAGTAAAATGCTTCAGTGGTATGAACATATGGCATCAA
CATGGCCTCTGAAAACCATGCTGGGTGTTTAAACAAGCATGGAGGGATGG
GACAGGCTGTGATGAGCTCTGGAGGCTTACAGAACAGGACCTCCCCTCCC
CCAG

>Sequence 185

CCGGTGCAGGTACTCGATGGACACAGAAGGTCACAGGCATAAGCACAAAT
GCCTAGAGCTCCTTTTCAGGTAATTGCCTGAAACAAATGGGCTACCATTT
AGGGCTTCTGTACACAGGAAGTCAGATAACTTAATACTACTGTATGTTT
GCAGCAGGACTAGATCTAGAGATCTAGAGAAGGAGTGGCCCACTGTCCTT
TCCTAGCACTGGGTTGTGGGTAAAGCAGACACACTTAGTTCCCATCCAGCG
TTGATCGCTGTCTCTCTTCTTTGGAAGGCCAGACGTTAATCTGCTCCGT
AGATTGTCATCGTTGGGACACAGTTCTGGGCATGAGGCTTGTAGTAACAA
GCAACATAAACCTGGTCCTGGTCCTCATTGGGCTGAAGGGTCCTTGAGCT
AAAAGACATTGGGGGAGGGTGGGCCTGATACAGTTTCCAGCCCTAGGTT
ATAACCTGGTGG

>Sequence 186

CCGGCAGGTACGCGGGGTTTTTCTAAATTCTTTTATAGATTACATAGCAG
TTTCTTATCCCTCACCATGATTGGATCACCTGGACAGCCATAAAAAATATG
GATGTCTGTTCCCTTATAGGCCAACATGGTGGAACCCTGACTTCTAAAA
ATACAAAAATTGGCTGAGTGTGGTGGTGGGCGCCTGTAGTCCCGGCTCT
GGGGAGGCTGAGACAGGAGAGTCGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGGTTGCA
GTGAGCCGAAATTGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGTGAGAC
TCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTTTTCTGGAAAGCAGTTTC
ACAGCAGAGCAACAAGGCTGAAATTGCCCCAGTCAGCCTTTGCTGGCTGA
CTTCCCTTTTTCCGTTAATAGCACACCACACCCAGTAACCTAAGGCTTGC
GTCCTCAGTTATCTGCACGTAGGGAAGAGTCTGGTCAGTGATAAAAGGTA
GTTGGTCAGTTGCCACGTCTTGACTGGAGGCACGCAATGATTCCAGATTC
CAACCCAATCAATACTGCAAGCTTTATCTTTACAAGGCATAGCTCTGC
TGCTTTCTGTTCCAGAACCTTTGGGGGCATTNTTTTTTGCCATTTAATAC
TCTCTTTTCTGGGCTAAGCTTTCCCTACATTTTAAAAATTTTCATT
GGTTCTGGGCAGCCAATATATGATGGCTTTTCCCTGACAACACCTAATTT
TGGTTGCC

>Sequence 187

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTGAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGCCCTCAATTCAGTGGGGCCACGTTAGTG
CCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTATGGCCACTCA
TCTCTCCGGGATTTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCAT
TTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTCTTCTCTACTTAGAAC
CCTCCCATAAAGCCGAACCAATCTGCCTTTTCACCATCTTCCCATCTTCC
TACTGCCTCCATAGTTATTCTTCGGGATCTAGCTAAGTAAACTCTTAAGT
ATTCTCCCATGTTTTCTTAGCACCTAACATTATCAATCCCCCTCCACCC
CCATTTTCTTCCACATACGGAGGCTCAATAAATAATAGTTAAATGAGGCT
GGGTGTGGTGGCACATGTTTGTAATCCTGGCACTTTGGGAGGCTGAGGCA
GGAGGATCGCTTGAGCCCAGGAATTCAAGACCAGCCTAGGCAATATAGTG
AGACCCATATCTCTACAGGAAAACAAAAAGAAAAACCACAACCAAAAAA
ACAGCTGACCTGGCGTCCAACAACCTCATAAGCCTGATGGTGGAGAATCGC
TTGAGCCCCGGGAGGTAAGCCTTAGTAAGCCATGTAAGCCATGAATCGAA
CCCTTTTCACTGCGTTAATTTTTATTGTTAATGATTTTTATATTGGTATA
ATTGATTAGTATATCTAGTCATTCTTACACTATGTCGACGTGTCTTATAA
TTTCAGAGTCACGATTTAGTCGTTAAGATATACAG

Table 3

37/1077

>Sequence 188

CCGGGCAGGTACAAAAACTTTTCATGGACAGACCATGGATTTTAAGTTCC
TGAGGATAGGGGCCATATATTGTTCACTTTCATTTTCAGCTCTTAGCACA
GAAGTTTGCTGAACTACATTTTAAAAAGAAGATTTTCACTGTTAATGGTA
TCCATAGCTGCCATGACAACAAAAGGATACGTTAACAGCATTTCATTCT
GTGCATGGTTTACAAAATCTATACATTTTATAGCTGTAAATACTCTAGAA
TAATTATCCAGTCCAGTTGCCTCAATTTATCAATGAAAAAAGAGATCAG
GCCAAGCGTAGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGTGCTTTGGGAG

>Sequence 189

AGGTACTTTGGGTTTGTGTTTTAATTACGGAATGATCTTTGTAATATAAC
CAAGAGAAAATTAGACGCTTTTCCTTTACTATTTTCTATTACTACTTTTT
AAAAAGGTATCCTTTTTCTTTTTTCTTTTTGAGACAGTCTTGTTGCC
CAGGCTGAGGCAAGAAGATCGCTTGAGGCAAGGAGTTTAAGACCAACATG
GGCAGACCAATACAGTAAGACTCCGCTCTCTACCAAAAAAAAAAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGCGTGTGCCAGCTACTCAGGAAGATGAAGTGGGAGG
ATTACTTGAGCCTGGGAGGTGAGGCTGAAGTGAGTCATGATCGCGCCAC
TGCACTCCAGCCTGAGCGTTGGAGTGAGACTCTGTCTCANAAACAAAAAA
TTGTTGTATTTGGCAATCATGACTTATTTTTTGTGCATAGGTCTTGCTTC
TCAACCTAANTTTAAGCTTGTGAAGG

>Sequence 190

AGGTACTCTTCTCGTGGTCTGGAATAAATACCCTACCACTTTCCACTAT
CACCTAGTTTACTGAGTCTCACGTATTAGGATTGGGTTTAAATGTAACCT
GTATTGCCTCACCCAGAAAGCCTTTCCAGTCTACCCCTGCTTTGATTATT
TCCCTATCCTCTATGCTGCCTTTGTTCCCTGTGTGTCTCTCCACAACAGC
AATTAGAGCACATATGATTTATTATCTCACATATTGGTCTCAACTTTTCTAG
TCTATGAAGTCTCTGCGCACAGAAAGCTCATGAGCGTTTTCTTCCTTTCTG
TGGATTACCTTTGCAAAGGCCCGAGACCACCAGAGAACCTGCCTTCCTAC
CTCTCTTC

>Sequence 191

CCGGGCTGGTACAGACATAGCAGTGGCAATGACGGAAAAGATGGAGCTAA
GAATGGTGGGGCTGTAGATTAAGAATACACAACTTTAAATAAACGTATT
ATTGGCACTTATAACAAGAAATGGCTCAATAAGCTTCCTAAAGTTGGCTC
CACAGAGATCTGCCATCAAGCTTTTCTTTCTAGCAGAATTTAGGTTTCT
TAAATGGTGACAAGAAATTGTTAATAGGCCGGGCACAGTGGCTATTAACT
ATAATCCCAGCACTTTGGGAGACCGAGGCGGGTGGATCACCTGATGTCAG
GAGTTCAAGAGCAGCCTGCCAACATAGTGAAAGCCCATCTCCACTAAAA
AAATACAAAAATTGGCCAGGCGCAGTGATGCACACCTGGAATCCCAGCTA
CTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCAAGAAGCGGAGGCTGC
AGTGAGCTGAGTCGCGT

>Sequence 192

CCGGGCAGGTACCCAGAGGACCAGATGATTGATGGGTTCTACCACGAGCA
TCTAATAGCGACTGCTGCAGAACTGGTGTGGAAAAGGTTTCTATTTTATA
AAAGAAAGTATCCAGAAGGCTAAAGGCAGTTGTGGAATTTATTTCTTCCC
AGTGCTCTGATTGTCAAAATTTGAATAAAGCTCAGTGAAAGGAGGACAGT
AATTAATGACTTGATAGCCAAACATCGTAATGATGATTTAGTGATATACT
AGACTGGATGAAAGAGAGGTCAGTCTTTTCACTATGGATTCATCATAA
ACAGTATCATTCTTCTCAGGAAGAA

>Sequence 193

CCGGGCAGGTACCTTTGGTTTTCTTAAAGTGAAAGTCAGCTATATCTATC
AACCTTTGTATTTGAATAGTCCCGCTTTACACTCTAAGAAGGGTCATAAA
CAGTAATTTAATATAATTATGACCATGCTAATGTGAATTCTTAGGCTTTA
CTATATTTACAACAGCACAATTTTGATTCAAAATCAGCTCTTCCAAGTGT
AATAACTATCTTCAAAAAGTGGTTTCCAGGCCAGGCACAGTGGCTCACGC
CAGTAATCCCAGCACTTTAGGAGGCCAAGGCAGGAGGATCACTTGAGGCC
ACAAATTCAAAACCACTTGGGCAACAGAGCAAGATTCCAT

>Sequence 194

Table 3

38/1077

AGGTACCTACCCCTCTGTGAGCTTATAGCTTAAAATGAGATATATATGAG
ATAAATGAGAAAGGTTTATACCACAGAATAACATTATGTAAATCAATTTA
ACCAAATAACAACACCAGAGGGAAAGGACTTTTAGCTACCACTCATATTA
TGTCCCAATATAATGTTCCAGTTCATGTTGCAAATAGGGCAGCACCCCTGG
CTATTGTGTGGTAGTCTGTAAGTAGTGAAATAGCTGTGGGGTAAGGCAGT
GAGTCTTTCACCTTAGGGAGGGTGCGAGCCCAGACCCACTTGACCATCTA
TCACAAATCTTGCTGAAGTTCTAAGATCCCTTTCAACTACAAATTTTCAT
GCTTCCATAGAATCATCCCTGACCTCAGGAAAAAATACAAAAATGGAACA
AACAAAACAGAATAGTAAAACCTGAAGTAAGAAAAAAGAAATGAATTTG
ACATTGTACCTGCCCCG

>Sequence 195

TATGCTATATCGGCGAATGGACTTAGCGCGGGCCGCCGGCCGGCAGGTCA
GAGCACTCCATGGTATGACAGGAGTTTGCTGGACCCTCTGCAGCCTCACA
CTGACTACCTCTGCGGTAGCATATTATTTTGAGAACGCCATTTAACCTCT
TAGTCTCATGTTTCCACATCCATGGAATGGGTGACTCTAGAGACCTCTGA
TCTGACTCCATATTCCATGGGTTGTGAGCCCCAACATGATCCCTGCCAAA
GCCTAGATTCCTAGGACACTAGGCAGGTGGAACATTTATAAAAGAAAATT
CTTTTTTCAATTGTTATGGCAGCTCTAATTTCTCCTATGAATCCTTATATCT
TTCCTAGATGGTCATGTAAAACCTGGTTATGGTGGTGTAAACGTTACCCTC
CATCAATCAAGTTGAATTGCAGAAGGCANACTGAGAGGAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAGGTCCT

>Sequence 196

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTCAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGCCCTCAATTCAGTGGGGCCACGTTAGTG
GCCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTCATGGCCACTC
ATCTCTCCGGGATTTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCA
TTTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTTCTTCTCTACTTAGAA
CCCTCCCATAAGCCGAACCCAATCTGCCTTTTACCATCTTCCCATCT

>Sequence 197

CCGGGCAGGTACTTTATTTTCTATGTTTCAGAACCCACAGGGATATTTAC
TATGTAGCTAAAGATGCTTAAGGTGCAGAATAGCTCAGTCACAAATGTCT
CCTTCTCAAGCTCTGAGTGTTCTCTGGGACAAAAAATAAGAGAGAAGAGG
ATCCCATCATGGGTAGAGAGTGAGAGAGATACCCAGCCTGGGAAAATTT
TCTTTGTTTTGGTAGTAATCCTGGAGCTGCAGATGAAGACGATGGTTGAC
AGAATGACTTCCTCGCCACCCCTCCCCACACAGCAACATGTTCTCATGA
CGTCCTGGTGCATCTGGACCCCATTTTGTCTCCAGAAAGGATTGAATGA
GCTATTTCTC

>Sequence 198

GCGGGCAGGTTCACTTCTGTTCTCCTCCTGATAGAGGGGCTTATTCTAAA
CCGTCTCCTGGTCCATCCCCACAATTTCCGTTTTTTTTTTTTTTTGGTT
TGGTTGAATGTTTGCCTGCCTGGGAAGTGCAGCCGTCCCATCTCAAATC
TGCAANATCTTCCTCTAGACTTTGNGGAGAACAGAAAAAGTAGTCTCCTAA
CTTTCAAGAGGTNNTAGAATCCTCAGAAATGTGGCACTTTTCAAGGAAN
NAAGGGTTGTTTAACTNNGAGTGATAAGAAATATCTGGAGNNGAGAGCT
CATCACTTTAGTCGGTGTGTAGTTGCTGTGACTTCCGTCTGTCTGGCAA
TTTCTAATCTNNGTCNNCTGCCTGTGAATTGCAGAAAGTGCTTCCACGGT
GTTCTTCCAGCANCCCCGTGAAAGAAAAGCCTTGTGATTGGGAATTGCAA
GTTTCGTTCTTGTCTTTGCTTATGAANTGGCTTNGTCNNTGTTCTGTGGC
TTTCTAAGGGGCTTCTTTTCTTTTGTCTGGAGTAAAGAAGGTTTCTTTT
TTTTGCTAACTTCACTTTGCTATTTTCTTAAAAAATAAATAAATTAGA
GGGGCATCCCTTTACTTTCTACAAGCCAGAAAATAGAGGAAAAGAGAGCT
TCAGGAAATTGTAAAAATAGAAGAATTTCCCTTAACATTCATAATTTTT
ATTTTAAGAACTTTAAGTCAACCTCTGGGTTCATTTATTTGAACCTGGG
CCGGTTTTTAAATAAGGGGAACCCCCGGCTGGGAGGAATTCGATTTTAA
AGTTAATCATCCCGTCGACTTTAGGGGGGGGCCGGGACCCAATTTT

Table 3

39/1077

>Sequence 199

AGGTACACTAGGACTTGACTGGAAAATTTTACAATTCAAGAAAGCAAGGG
ACTTCTGTTCTCTTACCTCCTAGTCTTTCTGTCTCCTAGGGAAAGAGAA
AAATTACAAAGAAGAAATCTCTCTCTCTCCATTTTAAAGCAAAAATAG
AGTCGGGTGTGGTGGTGCATGCAGATACTCTGGAGGCTGAGGTGGAAGGA
TTGCTTGATCTCAGGAGGTGAGGCTGCAGTGAGCCATGATCGTGCCACT
GCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTTGAATGAATGAGTG
AACGGAATGAATGAATGAGTGAACGGAATGAATGAATGAATCATTCTCTG
CCTTCTGGGTAGTAACCTGGTTTTTAACATGTTGTGTACCTGCCCG

>Sequence 200

AGGTACCATACACAAGGACATAGCACCTTTGATTAGAAGTATGTTCAATA
CATTATTGTGAAC TACATAAAAATAATGATTTTTCATAAGCAAAATTCT
CAGAGTAACCTGCAAAAACATCCACCAGATGAAGTGGGTTGAAAACATTT
AACAGTTCCCTCTCTAATGCAAGTTGCTTCTCAGTATTGGGCAAGTTTTCT
TGTCTTGGTGTTTAAGTAAAAAGGCATCTTTTATTTGTGTTAATTCCTTG
CAACATAGTGAATGTTGTGAGTAGTTATTTTCACTACTGCCAGACAAA
AGGAAAATAAACTTTTTTAGTTAATGCTTTTGTAGTTTTTCAAATTAGAT
CTTTTAGTAGC

>Sequence 201

AGGTACAGCATTCTTGATTGCTGTGTTTGGCTATCCTAGTATAGTTTGT
GTTTAGGCTTATCACAAAATAGTAACATGCAGGGAAAAATCAATGAAC
AACGTGATTCCATGTTATATTGATGCCATTCCCTTATTTACTAATTTTAC
ATGAGCTCAATCACATCGCAGAAACACATCCTTTCACAAAATAAACTGTA
TACTTGGATCTACTTATTTTTTCTATATGAATGTAGCATGTCAGTTCTT
TGTTAATGAACAACTATGTCTTAAATTTTGTATTTAGAAAATGTAATGA
GCAACTTATTCATATCTGTGATACCTTGCCTTCCCAGGGTGGGCTTCAGT
TGCTGCTTTT

>Sequence 202

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATATAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTAGAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGAAGAGCCTTGGGCAGA
GGTGAGACATCTGCAGGAGGGAAGGAAGTGAAGAGAGGGAAGGTGTGCAA
ATGTGGCAAGAGGAGTTTGAATAAAGTCCATCTGATATCCTCTATTTTCT
TTGTAAATCATTCTGAATGAAGTATGAGACAAGGAGATCAAAGCCTTGAA
G

>Sequence 203

AGGTACCACTACACTCCAGCCTGGTCAACAAAGCAAGACCCTGCCTCAAA
AAAAAAAATTTCACTGCAAAGAGAGAAAAAAGAAAGATAAATTGACCCC
CATAATTGTGCTTAATCTGGCCAAAAGTTGAACTGAAATGGGATTATCGT
TCCTGTTCTGGTTACCAAGTATTACATAACAAGCTACCCCAAAACAATTT
TGTAGGTCATGAATTTAAGCAGAACTCAGTTGGAGAATTCTGTTCCATGA
GGCATTGGTGGAGGACACTTGGCATTGATCTGGCACGTAGAGTGGTGTGG
CGGGTCCAAGCTGGTTCCCTCGTATTTCTGG

>Sequence 204

CCGGTCAGGTACTAGGACAAGCACTGGAATTTCAAGATAAAGATGATACG
GTCCGCCCCCTCAACAACTGTATGCTATAATCTGAAAAACAAACAGGCAA
TTCCCATACAGAGTCATACATAAATGACGAGCATAAGACAGCACTTATT
GGAAGACATAGAAGGGATACTAGCCCAGATTTGTGTCAATATTGTAGGCT
TTTGGGTAGAGGCAATTCATAAGGTGATATCTGAAGGGGAAGGAAAACAC
ATGTAGGATAGAGGGAAGAAGTAAATGCAAACAGCTGGAGGTGAAGACGA
TCACTGTGGAGGCTCATGTAGTCTAGGTTGGCTGGATGCTTTATCTAACT
TTTTAACAACTGGAGAATTAAAATTGGAGGCTGGAGGAATTTTAAAGCC
GGCCAAATTGGGCACCCGGGTTTAAAAAATTTTTTAAAAAAAAGTTTT

Table 3

40/1077

AATTTAAGAGTTTGTGGGGGGCCCTTCACTTCTTAGAACCCCGCN

>Sequence 205

CCGGGCAGGTACCTGTCTCTGAGACTGAAGTTGTTTTGTTTTGTTTTTTT
TTGTTTTGTTTTGTTTTTAGAGTCAGGTCTTACTGTCACCCAGGATGGAG
TGCAGTGATGCAATCACAGAAGCTCACTGCAACCTCAAATTCCTGGGCTC
AAGTGATCCTCTCACCTCAGGCTCCCAAGTGGCTATGATCATCAAGAAAT
AAGTCAAAATAAGAGTTCAAGAATACAATGTGTGAACTCAACAGTTCCCC
TTCTAAATATTCATCCAAGAGAAAGAAATATAACCACCCAATGACTTACA
CAACATTGTTTCAGAGCAACTTTCTTTGCAGCAGCTCAAACCAGAAATAAT
TTAAATTGCATTCCACTTGAGAATGGATGGACAAATGGTGGTATATTCAT
ACAACGGGGCAACACTCAGCAATAAAAAGAAAAAATCCAGTGCTTATAAT
AGCATGGATTAATTTTGTAGACAATTTTTTGAAGTATGGGAGTCAAATAT
TAAAAGGTACCT

>Sequence 206

CCGGGCAGGTACTAGGAGAGGTCTGTGACCTTTCAGTGCCTCAGAGAG
TGAGAATGGGAAAGAGGAGTGGATGAAGTAGGGCTTACCCTCCTGTGGGT
CACCTCTCTTCCCTGCTGCTTCTGAACCCCACTCAGCCTCCTTCCCTCTT
CCCCAGCAACTATCCCAAAGCTGTTACATCGTGTGGCAAACGTTTACTGA
GGCTTTTAGGGATAATATAAGTGGTTTCTTTACAACCATTCTTCACAGC
CAGAACGCACGTAATTTAAACTGTGTCATTTTCACACACGTCCCATAT
GTCTCCTTCATGGGGAGCTTCTCATGGCCTTGGTCTCTCCCCAGAGGCTG
CCTATGGCCATATTTCTGGGATCCAATTCTCACACACTGGGCCCCCTCATT
CTTGGGCTTCCACATTCACTTACCTCATTCTTGGGCTGCCACAAACAG
TCAAAATCCTTATTTTCTAAGCTGAAGCAGTTGAGCTCTCTCACTTACTC
TTACAAATCTAGGTTTTGCCTAGAAGTAGTCAAAAAAGCAAGACAGAGAC
ATCTTCATCAACCACAAAGTCTCATCAAAGTATTTTACTCCATCAAAGAG
CCATTCACCTNTN

>Sequence 207

CCGGCAGGTACATTTGTTGGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGA
GTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAAT
TCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAACAGA
AACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAG
AAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTG
AATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAA
CAGAGGCTACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATT
ATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGA
CAGGCACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCAACACT
GTCTGATGGGGAGGTGGCTCAATCTTTCTTGCATAACTGAATGAATGAGT
AAACTATCTATCCATCCATCTATCCATCCATNCCTCCACCCATCCTTCCC
TCCATCCATCCATGGNGTTTGAGCCTTCAAATGTAAAAGGCACAGGCTTA
TCTAGTGAGAAAGACTTTGGATTAGGAGGTAAGAGACAGAATCATACATC
ACAGTCACTTGTTAGCTTTCTGAACTTGCCAACCAAGGGTTTTTTTGGGA
CTAATTTTCTTATCTATGAAAATGGAGAGGTAGTTAGATAACCTCTAAAA
TCAGCTTTAAAATTCTTGATTGAGGCCTAACT

>Sequence 208

CCGGCAGGTACTCATACCAGGCTTGCTGCATTTGCTTGTGTTTGGTATT
TTACATTCAGCTGCTGTTAGCCCATGCTCTGGAAAAATTACAAATGAACC
AATGCAGTGGAATTTTCACTTTTGGCCAAGACTGAGTAACAAGGTCTGGA
TTTACCCTCCCAGCTGAAACAGTTTGAAAAGTGGTTTCCAAGACATTGG
GCCTCAGGCATGGACAGTGATCCTTGCAAGAGGAGAAACAGATGGTGAGC
TGTATGATTGCCCCAGGATAGAGTTTCCAAGAAGGGAAAACCCAGGTGGA
GGCCCGTGGTCTCTCTGAGCTGGGGAGATGGAGCTGCAAGTCAGCGGAGG
CTAATGTGGCTGGAATTGGCAGAGCAGAACTTCCAGAAAAGAAAAGTTGC
GCTGGGAGCCTTTTGAAGGTTGCTCACAGTTCCCCTTGGATGGCCACCT
GAGAACTGAT

>Sequence 209

Table 3

41/1077

CCGGGCAGGTACTTTCTAAAAACAGAGAGGCATTTGAATGGATTGAATTC
ATTATTTCCGTAAGACTCATCTGCTGTCGTAGCAAGTAAAAGAATTTTT
TACAAGACCTCCAGTTCAGATGGAAGACCTCCTGCATCATGGGCAAATG
CTCTTGACCTCGATCATCATGTGGTGGTATGTTTTTTGTCTGAAAATAG
GGAATATCCTTTACCTGGAATATATCATTTATATCCACCGGGAGAGCAAG
ACCAATGTAATCATCTGAACCCCATATGTGGCACTGGACACCATGGACC
GCACTGAGGAAGATCGTTGCAGGGTATTTTGATTAATAGGACTCAATAAA
TCTTCTTTATCTAATGATGCATAACTTAAGGCTTTCATGAACCTGAAAGG
GCCGTTTGTATTTGAAGGTCTTAAGCTTCTGGATTCCCCCACATGCTTT
TT

>Sequence 210

AGGTACTCTGTTGTCTTAAAAAGCATGGTTTAGTGGTGGTAACATTGACC
TAGGTGACAGGCTTCAGTTTAGTTTCTGGCACTGGTCATGAACTTTGAA
CAAGTTAACTCCTCTTAGGACCTTATCTTTATGTAGAGAAAGTTGGAC
TAAATGGCTGTTAAGGTCTTTTCGGGCCTTCAAATGCTGTGTTTCTGTAA
TACCACCCTTGTTAAGCCACAGTCATCTCTTGTCTGGACTCACAGGAGC
TTCCTAACTTGTTTTCATTTTTGTCTTCCCCACATTATTTTCTACCCAG
AATACAAAGAGACCTTTTTTAAAAATGTAAATCAGAC

>Sequence 211

GGAGGGCTATTACTATCTGGCGAACGAATCGCCACCGCAGTGGCGGCCGA
CGTACAAGGGGGCCATGATCCAAACTGATGAGATGATGGCACTGACTTGA
CCACACCGACATCTTTCCTGGTGTCAAACATCCTGAAAGGGGGGCTGGTT
TTTAAAAAGCAAACAGCTGTGGAGGGCAATAAGCTGGCTTTTCCAGCAAT
CAAAAAGAAAAGCAAAAAAAGAAAAAAGCTGAAGGCAGAGGAGTGCC
CAATACACCCAGTCTGCCAGGATAGATTACAGTTACAGCTTCTGTCTGT
GGAACAATTGTGTGCCCCCTTCACTTNTAATAGTCAGCCTAATNGCTGA
TGGATAAATGAAAAATGTTCACTGAGCCAACCTGTCTAGGGTCCTAAAGA
GGAAAAGCAANTCCTAGCCCCCGCAGCTCATGCACCTGTGTGGTTTGCCA
AAAGTTTCTCCACTGTGGCTCACCTGCATATAAAGGGTGTTCAGATTT
TTT

>Sequence 212

AGGTACAGCATTCCTTGATTGCTGTGTTTGGCTATCCTAGTATAGTTTGT
GTTTAGGCTTCATCACAAAATAGTAACATGCAGGGAAAAATCAATGAACC
AACGTGATTCCATGTTATATTGATGCCATTCCCTTATTCATAATTTTAC
ATGAGCTCAATCACATCGCAGAAACACATCCTTTACAAAAATAAACTGTA
TACTTGGATCTACTTATTTTTTTCTATATGAATGTAGCATGTCAGTTCTG
TGTTAATGAACAACTATGTCTTAAATTTTGTATTTTAGAAAAATGTAATGA
GCAACTTATTCATATCTGTGATACCTTGCCTTCCCAGGGTGGGCTTCAGT
TGCTGCTTTN

>Sequence 213

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCTTTAAAGTGAGAGAGGGAGGCAGAAGAGG
AAGTCAGAGCGATGTGCTGTGAAATCTACTACCGTTTGCTGGTTTTGAAA
ATGGAGAAAAAGAGTGAGGAACTGAGAAACATGGATGGCCTTGGAACGT
GGAAAAGGAACCTTCCTATGTCATGAAGACACTCAAGGAACTCTATCGAGA
AATTCATGTATCAAGAACTGAGGCCTACTGCCAATAGCCATATGAGCGA
ATCATCTCAAAAGTGATTTTATAGCCCCTGTAAAGCCTTCACATGACTGC
AACCTTATGAGATATCCTGAGCCAGTACCT

>Sequence 214

AGGTACACTAAGAACATGGTGTAGCAAACCTATGAAATCCCACTGGTTC
TGCACTCCCAGTGACACAGAGGAACATATATGCACACACAAGCATAATT
ACCTGCACTGCCATCCTCCTCTGAGGAGCCATTGAGTGTCAAACAGGTCTG
GCTCACACAGGGCCTCCGAGGAGATCCTGCCATGCCACAGCTGTGAAAAC
CTCCCACTGGATGGAGCAAATTATTTAGTGCAAGCCTGGCAACACTTTGG
AGGACAGCTAGAAACACAGGTTCTCCAGATTCAATCCATGGAGAGAGACA
CAAGAATTGAACGACAAGAACCCTGGAGTAAGAGGGCGGAGAACCAAGGTT
CCAGCACTAGTTCTGCACTCACGAACCTCGGTGCCTNTGGCCATCACTCT

Table 3

42/1077

ACCTCTCANGGCCTCAGCTCTCAAGAGGGGATATAATAAAGGCTGCCCTT
CCACAATCCTGGAGTTACGGCAAGAGCCATGAGGCAAGAGAGAGAAAAAGA
GGTCTGAAAATTTAAAAGGCAGTATAATGTGAGTTACAAGAAGTATTAAAG
ATCAGTTTGGGTGTCACGCTCTGTCTGATGGGAGGCCATTCTTAGATGCC
CAAGACTTGTCTCACGTTGCAGGTTCTTCTGCAATCTAACCAATGCCCC
AATTATGTGGTCTTTTTTCAACACCCATCCCATTGCGTAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAAAAAGTTCTGCCCGGCCCGGTTTAAAAATAGGGATCCCCCG
CTGGCAGAATTCAATCAACTTATTGATCCCTCAACTTCAGGGGGGGCCCCG
TACCAACTTTGGTCCCTTTAAGGGGGTAATGCGCCTTGGGAAAAAGGCAA
ACTTGTTCGGGAAAATGTATCCCTCT

>Sequence 215

ACCTACTGAGTATTTGGAGATATTAGTTTCAATTATCTGTTCTCACATTC
CTTTTGGTCTGCCAGGTTGCAGTGCGAAAGCAAGGACAGACCAGCCCTGC
CATCATAAGCCCTATGAATACCACTGCCAGGTCAGGTCATCTGGCCTGCT
GCAGACCCGACTATTGACCTTGATGTCCTTGTCTTCAAATGTCGACCTA
TCTTTTGTCTTCCAGTTTTCCAGGGGCTCAGATTTTTGACTCTAGATCAT
ATTCTTCTTATGCCTTGGTTTCTGAAACCTGCTAGATGGCATCCTGAATT
ATAATATTCTGCCTTTCTGAGTACTTGTTAGATCTAAGCTGCCAGAGCTC
AATGG

>Sequence 216

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTTCAAGTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCTCG
TTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCCTTAAGAAAGGAAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTCT
TN

>Sequence 217

CCGGCAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCATTTTTTAGTA
GAGACAGGGTTTACCCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTC
TTGATCCGCCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGC
CACCCATCCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCA
TTCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAGTTAAGTTGGGCACTGGGAATT
CCAAAACCAACAAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTAT
GAGAGATAAACAATGAACATGAAATTATAATTACAGTAACAAAGAATGAG
TGTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGA
TACCTAACTAAGCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAAGGGACAGCTG
AGCTGAGTTCAATGGGCCAGTANGGAATAGGGTTGATATAAGTCAAATCA
TTTAGGTGTTTATGACAACTCTTGAAAATAAGTATTTTCATTTTACAGAT
GTGAAGCCTAAGTCTCAAAGAAGTTTCAACCATATTCCAGAGTGGTGGG
GCCCCACAATATCCCAGGGACCTTGCCCCCAAATAAGGACTTTTCCCTT
TACTGGGCGGCTTTTTAAAGATTGAAAATTTTCCTTGTGGAATTTGGTAA
GTACCTGGGCGGTTTAAAGATAGGGATCCCCCGCCTTGAGGAATTCATT
TAAGCTTTTTGTATCCTCACCTTG

>Sequence 218

AATTACGTTCTTCTAATTAGCACTAGATCTCTGCTATATTTTACAGAAA
ATAACAGAGGCTGAAACAGGTAAAGATTATTCTCTCATATGAAGTTATTA
GGCTAGGCAAATCAGGCTAGCACTTTTGGAGGCCAAGGTGGGAGGATCAC
TTGAAGTCAAGAGTTCAAGACCAGCCTGGGAAACATAGTGAGACACTGTC
TCTACCAAATAAAAATTAGCCAGGCATGATGGCACATGCCTGTATTCTTA
GCTACTCAGGAGGCTGAGGCCAGAGGATCCCCTGAACACAGGATTCAAGG
TTACAGTGAGCCATGATTGCACCACTGTACCT

>Sequence 219

AGGGACCTTTTTATGGAATGCTGTTTCAACACCGTAGGTTTCTTTGCATT
CTATTCCTCCAGATCTCTAACCCTTTCTTCTCTATTTTTCATCTAGGTCT

Table 3

43/1077

CTTTAGGTGTATCTTTCATTTTGTTCATCCCTTTCCTGTATCTAATCTGC
TTAATCAATATGTTACACTGTAAATTTTAAATTACCATATATGTATCATT
TACAAATCCCTTTGGTTCCAAACCTACTTGGNCAACTTTGATTCTCTTCA
TCCCACATCATATTTTCTATCTCCTTATTTTAGTCTACACCTGGTAAT
TCTAATATCTGTAATCTCTTTGAGAGTTTAGGTAATTTGCTGTATTTGCT
GACTGTCTCAGGGTAGCTTGTTCACATAGGTCCATTTATATTAGAATG
AAGTCATTAGGACTCTATCTGAGGGGAATCTTTGAGCCTTGGTTTAAGGA
GAGTTCCTCCAGAGAAG

>Sequence 220

CCGGGCAGGTACCTGGACTCCTAAGCCTCAGGGATTTACTGAAATACCAT
TCTATTTTATAATAATCCTTAACCAAGAATTTTAAGGATCTTAAATTTT
CTGTGGTTCTATTGTTATCTGATATATAGATGATCTGCTGCCATATCCTA
AAGAGCAGATGAGGCCGGGTGTAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCAGACGAAGGTGGATCACCTAAGGTCAGGAGTTTGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGC
TGGGTGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTAGGAAGGATGAGGC
AGGAGAATCACTTGAACCAAGAGGCCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATT
GCACCACTGCACTCCATCCTGGCAACAAGAACAAAACCTATTTTAAAAAA
AAAAAAAAGAGCCCTTGGCCGTCTAACT

>Sequence 221

CCGGGCAGGTACTCATAGCAGGTAGCTTCATCAAGGGTAGTTTTCAATGC
ATTTTCTGTTGGGTAAAAAACTTTCCCCTCAAAAATCTGATGACAGGCTT
CTGCTAACAGTGAAGCATTGGACAGAGCTGCCCTCAGAAAACGTTTATTC
TCCCATAACTCAGTATTGTAACAAATACAAAAATCAGGGCAGAGATAAG
AGACGCGCTAAAAAGACAGTGGTTCCTCAAGAGCCCATCTTACACAAACCAG
AAATGAGTAAAAATATCTCTCTCTTGAGATAGGATCAGAGTGTAGATATAT
TTAACTTACATTTTCTCCAGGTTCCGAAATCATCCTCGTGATGGCTGAAG
CTCTCGTTGGGCTGTTCCCTGTCTTTTCACTCACGGTTCTGGGCCTTTT
CTTTCTCTTCCCCTCTTTACTTACACTTAGGTTGCATTTTCACTTTTTT
GGGACACAATTCTGGAGGGGCTCTT

>Sequence 222

CCGGGCAGGTACATATTCACTATGGAAAAGTTGGACAATATGGGTATATA
ATAAGAACAAAATTAATCTTACTACTGAAGGATACCACTATTGTATTT
CTCTGTTTCTATATCTGAATCCAGTTTGAACCATAACAAAATGTAATTTTG
TAAAAAAAATCGTCAAAATGTTGACAATTTTATACAATTTAGCACATA
CACACACAGACACTTTCATTTGGTAATTTCCAACCTGAATTTTAGACAC
AGATAAGAATGTCTTCCCTCCAGAGATCAGGGATAATTTTGATAGAATAT
TCATTTTTTTTAGCACTTGCTCACTTGCCATGTGTTGCTGAACAATCAAG
TTATTTTTAGTTACACTGCACTAAAGGAGTCTGAAGTCTGGACTAGTGAT
GAATTTTGCTGATCTTTCAACACTGAATCCCTCTTGAGGGAAGAG

>Sequence 223

CCGGGCAGGTACTGGAGAAATGCTCAAGGGAACCACTGGCCTCAAATCTC
ACCTGGCTTTGGGGCAGGACTGTTCCCTCCTCACTTCCCAAAGCCTGAGA
AGAGAGATAAAGGTGGTAGACCTTCTTTTTTCTCCAGCCATAAAGAAAAA
TGATACCCAGGGAGGCTCTCATCCCTTCCCTATTGTCTCCCGTTTAAAG
CTGGTGAGGAAGAAATGGATGTAAAAGGCAGACAGGGGTGCCACCAAAAA
AACATAAAGTCTCAGCAAAAATGCAAAAATGGAAACGATGGTTAAAATG
GGGCACTTTTGTGTGGTATTAAGAGCTGATAAAGTGGGCCAATATTCCT
TTCCAAAAGCACTTGAAAAGGTCAGTGGGTCACAATGATGGTTTCTGAA
ATTACCAAAAGGGAACCTGAAAAATTTCCAAGAGTCACAAGGTAAGGTCT
GTCTTTAAAAGTACCTTGGGCCGGTTTTAAAACCTAGTGGGATTCCCCC
CGGCCTGCAAGAAT

>Sequence 224

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAGTAGAGACGGGGTTTCA
CCATGTTGCTCAAGGCTGGTTTTCGAACCTCCTGACCTCAGGTGATTGCCTG
CCTGGGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTGTGAGCCACCACGCCAGG

Table 3

44/1077

CCTAATAACTCCACTTTTAAAGTTTTATGTTGTTTAGATTGTAGTTTACT
CTTTAATTACCAGTGTTTAAAGATTAGTAACAAAAGATGTTAACTACTAAA
ATTCATTCACTCTTTCACAATTTTATTGGTCTTCACAAATAAATGAAAAA
GTACCT

>Sequence 225

GCCTCACACACAGAGCCACCTGCCACCTCTTGACAGCTACGTGCACAGGA
AAGAAGTTTCTTTTAAATGGAGCCCATGTGCTATGAGTCTCTGTTATAGCA
GCTGAGCCAGGAAGTGCAGGCTTCCTTCTGATTCTTGCCCTATTTCTTC
TTCTCTCAGCTCTGAGGCTGAGACCTTAAATCTGAGAGGAGGTAGATTTA
CTAGTCTCTGATTCACTTATTTTTTACTTCTTTATTTGAGACAGAGGTCT
TGCTATATCACCCAGTCTAGTCTTGAACCTCCTGGGTAAAGGCAATCCTCC
CACCGCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACAGGCACGTGCCACTGTGGCC
AGCCTCTGACTCATTTAAACCATGTTTCTCAGCCTCAACACGACTGACAT
TTGGGACAGGGTAACACATTGTGAGATGTTTAGCAGCCTCCTCCCAGATG
CCAGTAGCACTTTCCTGTTTCAGCTATAACAATAAAAAATGTCTCCAGACAT
TGCCAAATGACCCCTGTTGTGGGGCAAACATCACAACT

>Sequence 226

AGGTACACCTCCACGAACCTTCTCCCCGGCCAGAGGGCTCCAGGCAAAGGG
ACTCTCAGATGTGGGCAACGGAGGCTGTTGCGGAACCGGATTATTTAATT
CCAAGCTGGCAGCAATACATCTTTCTTTATGTCCAAAGGGTCCGAAGAAG
ACTTCATCATCTTCATTTGCACTCGAAGAAGACAACGAAAGATCGAAGTC
AAATTTTTTCATCGGCCAAAAGAAGAATGTCTTCCTTCTTAGGGTCATCCA
TGTTACAGTCCCCCTGCCCC

>Sequence 227

AGGTACAAATTCTTAAGCTACAATTAGGGAAATGAGGTAGAAATGCCATT
TATAAGCTTTTTTCCAACATAACTGATTCAAAGGCACTGAGTTCACAGTAA
TGAGCAGGAGTGTGAGGTGGGGTGAGGTGCGGAGCGAGGCACCATTTCTA
AACAGTGACAATACATTATTGAGCACAGCTTGAATTAAGTCCAAAGCTGC
ACATATCCAATTCACTTTTTAAGAAAATAGGAAAGAAACAAAACAATGTA
TAAATAAGCACAAAGGAAACAGCATCATTTAGGGNGTGATTTTTACGAGC
TTCAAGCAATTTCAAAGTGAACCTACACCAAAAGTATTTTCATATGCTTGGA
AAGACAAAGTAATCTGTCCATAGTTCTGTGAAGAGTTTCACAATTAAATT
CAAGTCTATCTGACATCAAATCCACTTTCCTTCAACCAAGAGTCCCACAC
TCTTGAGGGTACAGCCCTTCTTGCCCCG

>Sequence 228

AGGTACCCCTCTTGCTCATAGTCTGGGCCTTCTCTATACCAGAGTTTA
GAATAAAATTATATGATTATTGCCAGATAAGTTTGAGTCTTACGTAAGGG
GAGCTTCTGCAATTCAGGAAATCCTTTTAGCCTTCAAGACAATCAAAAGC
TACACATTCACTTTCTGCTATTGCTTTATGGCTTCCTTCCTGGAGGCAAA
GCTTCTTTTTAGTGGAAGGGGGGGCACACGCCCATATAAAAGGGAAAAAAT
GTTTTATAACATTTTAAACATCTCTTGTGTAAGAAAAAATTTTGGGGTG
TTTTAAACCCCATTTTTTCCCCACACAAATTTTTTCCCCCTTTTTTAA
AAAAAAAAGGGGGCCCCCAAATAAAATTTTTTTTTACGGAAAAACTT
TTTTAAGAGAGCTTTTTTCTCCCCCCCCGGGGGGGAAAAAAAACAAAA
AAAGGGGGGGGTCTTTTTTTTAAATAAAAGAGAGGGA

>Sequence 229

CCGGGCGGTACCCCGAATGCATAAACAATAAATGCATGTGAATCCAAAGA
AATTCAGGATAAAAAAGGTCAGTGGAGGATTCAAAATAGAATGATGTTGA
GTAGAGGGGCGAGGGTTTAAATGGCAGCAACAGGAAACACAGGTATAGAT
GTGAGTTAAGATTAAATTCAATTTAAGAAATTCTCTTGGCTGGGCACGG
TGCTCACGCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGTATC
ACCTGAGTTTGAGACCAGCCTGACCAACACGGAGAAACCCCGTCTCTACT
AAAAATACAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGTGCATGCCTGTAATCCCAGCT
ACTCGGAGGCTGAGGCAGCAGAAATCGCTTGAACCCAGGAGGTGGAGGTTG
CAGTTTAGCCAAGATCACACCAATGCACCTTCAGCCTGGGCAACAAGAGCA
AAACTCCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAGTACCT

Table 3

45/1077

>Sequence 230

CCGGGCAGGTACTGATCTCCCTTAATCCAGAAGTCAGGGAGGAAGTTGGC
TGTGTCATCATAGTTTCTGGGAAGGCAGGAGTTGATGTGGAAACACTTGT
ATTCCCCAGAGTGGAGGTGGTAGCCATTGGAGATGTGGGTTTTTGTGTCA
CTAAGTCAGCCAAAACAGAGGAAGGGGATAGATGTTTATAAATCACAGTC
CCTACATTGACTACAGGTGTGTTGAGGAGGGATGAATTTTCTCTCTATC
TTTGGTGACTTCAGACGTGGCTAATATTTTCAGCTGAGGTGCTGCTCAAAT
TTGGAGGTGAACTGGTTTCAGGTTCTGAGCTTGTGCGCAACATGTCTGTG
GTCTTCACTGGGCCAAGGGTGAGAAGTGCAGTCACAGGATGAGGAGAGGA
GGAGATGCTCTCTGGTAATGTGGAGAAAAAAGAAGTTGAGGTCATGGCAG
GTGAAGACAGTGAGGAAAT

>Sequence 231

AGGTATCGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTTTGGGAAGAAGAGCTAGAC
TGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCA
AGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTTCAGTA
TTTGGGTATGGAACCTTGTCTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTC
AGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATA
AGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACACAAGTA
AGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAG
TTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAACAGAGA
AAAGTAGTTCTGGAAGGAGTCTGAAAGGCATTGCCAGAAGGTTAGGGGGA
AAATT

>Sequence 232

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTTGTCTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGN

>Sequence 233

CCGGGCAGGTACAATGTAAGCTTTTATCATCTTGCATGTGTCCTCTGAGA
GGTTCACATTTTTTGAGGCCTTGTCTCATGGAACTGGGAAATGAGCTTCT
GGAATTCAGACCCAGGATCTGGCTGCATTCCAGAAATAAATATACATGTT
GGGCGTTGAGATAGACAATTAAGAATAGGAGAGTGTGCAAACTTTTGA
GAATGAGAAGGCAGAAAATAGACTCTTTTCTCTCATGCTTTGCTTTGCTT
TTGTTTATTTTTATATTTTACTTTTGAGTATCAGCCAGTGGGTAGCAG
GGCAAAAACAAAGCAGCCATTGATCTAAGTGTAAGGCAGCAGGAGGAAGG
TTAAGAGAATGAGTGTTATTCTTTAGGACTACATTCATAGTTGCATGGGG
GTGCTTTTGGCTTAAAGTCTACAATTAATCAATTGTTGGCACTTCCTTG
AAAG

>Sequence 234

AGGTACTAATATCCCTTAATGGCAGAATGTGATAATCATGGAATTAATTA
TTGCTAAAGTAGTTTTTCAGATAAAAACAATAAAAAGAAAACAAAACAGA
TTAAACTTGACACAATCTGACCAAACACGTGTCAATTTACAATTTCAAGG
TTATTTACAAAATACCTACATTTACACAATAGGCTCCCGGCAGCATTTC
CAGACAAATGTTCTTTTAATTTATCCTGACATGCTATAAATGAATAAAT
ACACTATTTAAAAATTATCATCAGTAAGTTTTCTTTCTCATGGGTCAGA
GAAAAAGAAATGAGCGCGCAAAGAAGATTGAGAGGAAGCGCACGCACACA
GATAACTTTAAGAAGCAGGAGGGGCTGGGGAGGGTTCAACAATCACTGA
ACCTCACACAGTGTGATGCTCTCCAGGGGAAAGTCAACTGCTTATAGCC
ATTTAAAAGTATTTAAGAAAAATGTTTGAGGGAAACCC

>Sequence 235

CCGGTCAGTACATCATGTAGAGAGGCAGACTCGTCTTCGACAAAAGGGCT
GACCCCTGGAAAACCAACACAGAGCCAGCTCTTCTGTCTGAATCCACTCT
CTCCAAAACATAACATAAGTCATGGAAAAGAAATGAGTCTCAAGAAATGA

Table 3

46/1077

GACTCTTACCATGATGAGAGGGGGACATTGAAAAGCTACTTTAGTGATTA
GGGAGAGAAGTCCCCTTTTGCATCCCAAATCAAGCAGAGGACTGGTAGTC
CAAATATAAATTTGGAATAACCTGAGTCACCTGGGCCTTGGAGGATCCTG
GGCCTTTTAATCCAATTTTGCGAAAAATTCAGGGGGGCAAATCCGGAAG
CTTGTAAGGGCTTTTAAAACCCAGGGGAAAAAGCTTCTAGGGCCCCCTTGGC
CGTTTAAAACAAGGGGGCCCCCGGCCGGGGGAATTTTTTTTAACTTT
TTTAAACCCCCACCCCTGGGGGGGGCCCCGGCCCCCATT

>Sequence 236

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTT
GCCCAGCCTGGTCTTGAACCTCCTGACCTCAGGTGTTCTGCCCCGTCTCAGC
CTCCCAAAGTGCAGGGATTACAGCTGTGAGCCACCATCCCTGGCATATTT
TTGTAAATTTATATAAACTGTTTGTTCCTATAAACTAGGATCATGCTGT
ATATATTGNTCTATTTACTGACTTTCCAACCTCATCAAAATGTCTTTGGAG
AGCTCTGTCTGCACCTGCAATCTCTCCAGGGCTTGGCACACTATGGTC
CTTGGGCTGAATTAGGCCACAGCCTGTATTTGTAAATTTTTNTTTTTT
TTTT

>Sequence 237

CCGGGCAGGTACATCAGCAACCTTTGAAAATACAACATGATGAAAATACA
GCATGACCTGGTGCCTAGCCTTATCCTTTTATTGAATATGGAGGGAAAGA
GGGTGGGACTGCAGAGGTTAAGACCAGTCGGCGGTCTATTGGTCTTTTAA
TGTTTCTGGGTCTCAGTTTATTCATATTTAAGCAAGTAAGCCTGTGTAG
ACTTCTCTCAGAGGAAAATCAGCAAGTTGTATAAATGAAAGCAGATTAAG
CATATGAATCCTTTCAGGAGAAAAGTTAGTTGGGGTGTCTGTTGTTTTGT
ATGAATCTGAAC TAGGAAAGTCAGACAACTAGAGAAGGATAAAAAGTGT
CCTTCTGCTTAT

>Sequence 238

AGGTACTTGAAAGGCAAATTTTCAGTGCTTTTGTATGTTGGAGGAGGGCT
TACTGATGCGTGCTAAGACCGATTTCTGATTGAGGGATGAACCTTGGGCT
CATTTTTTTCTTGTGAAGTCTCTTTCTAGAAAATTTTTTGGTTTTGTCT
TTTTAAAAAATACATACTTTTTTGAATGTATCATGTCTTCATTAACAACA
GAAAATCCACATGGTGTCTTACTAACTTGTCTTACGACATTAAAACTTCC
TTTTATTTTTAGCAGCCCAGGTTGAGTTTTTCACAAGAGATTTTTTCT
TAGCTGAGGTATTAGTTGTATAGCAAGGAAGAAATTAAGCCAGATTTTTGG
TGTGTGGAAGACAGTTTTCTATCCACGTCCTTTTTCTGGTTGTCAGAGGT
GGGAGGTATGGTCCAAATAAATCCATTAGGTTACTCCTGCAGCATGCGCA
TTTAGCTTCTCTGCTGANGA

>Sequence 239

AGGTACCTGGATTTGACTGATGTGGTCCCCATCATTTTCTGATAGAGTTC
TTTTTGCTGGGATCCTGGAAGATGATCTTGGTTTATACATGAAGAATCTG
GGGTCCAGTGAAAGTGACTTGGTAAAACCCACAGATCTGTGCCGAAAGCC
TTGGTCAGCTGCCCCCTTGGCCTGATGCTCTTTTCTCTGCATCAGTGCATT
GCTTCACCTCTTCTCAAGGACTCTGATTAACCTGGAAGTGGACATAAACT
GGTGTTATTTATGTGGGATTTTGTTCCTTCTACATCTTAGTTTGGGT
CACTGAATATACTCAGTTTTAATAAGGGGATTTTTCATTTCTGGTCGCAA
CTTCTGAAAATGCGCTTAAGTCTTTGAGAGTATGCTTTAACCTATAATTT
TTTGTTTT

>Sequence 240

TGGCGGCCGCCCCGGGCAGGTACAAAAGCAACTTTGTCACTCTAAAATACT
ATGCAGATGTGTGGAATTATCTCATTTATTACTTCCAATAGCCGAGTGGT
TTGTGTAGATGGGAAGATGGGGAGAGTTGTTTAAATGACCTGCTTCAGAT
CCCACTGCAGATCTGTCTTAGTCCTATGCTCATGAGATTACACTGCAATC
ACCACAAGCTTCTATTCTAAAGGGTCTAATCATTTCTTTCAGATAGGAAA
GGGTGTTGTCCCCAATTCACCACCAGAGGACATCTCTGAGAGTTAGCCGT
GATATTCCTGGGCTTGATAGGACATGGAGCCCATGCTAGCTTTTCATCTA
AATGCTGCTAGCACTACTCACATATTTGCATACAGTTCTTATAGGACAAT
GCAACCTGCGCTTGCTTGCAGAGGAAACCGGTTAAATCTTTCCTAATGT

Table 3

47/1077

TTATTTTGGGTAAAGTTCTCTTTGCAGGG

>Sequence 241

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGAGACGG
GGTTTCACCATGTTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCTTGTGATCC
ACCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGTGATTACAGGTGTGAGCCACCGCG
CCCGGCCTTTACGTTGAATTCCTTAAATTCAGCTTGTGACTTTGCACTTC
AGGATTCTGAGTGTTCTCTGTCTTCTCCTGCATTGTTTTCTTATACCA
TACAGGTTTTTCATTGGCCTTGACTTTTTGTGTTAACTCATTCTTCTTT
GGGTTTATTTTCATTTGTTTCTGCTGAATATTATTTGTTTCAAATAAAA
ATAACATTCCACATTTTAATTGATGTGCGGACTCTTAATCTACTTAAAT
GTGGGCTGAAATCCATGATTCCAGCTAGTCTGGAATAGGTCATTTAACT
GGGATGTTAATTCACCTACATTGTTCCCTTAATGACATGTGGG

>Sequence 242

CCGGGCAGGTACTAGTGGACGAGTGGGAAGTTAAGTTAGAAGAAAAGGGA
AAATAAAAGTACCTAGTAAATGGGCAATTACTAAGCCCTGGAACCTCTAA
TACCATATTGCTAGTGGTAAGATGATGAGCAATGAACTGAAGACCGCCT
CAGAATGGCTTTGTGTCATAAGCTAAGAAGTTTGAGCCTTGTCTGAAAA
TGTTGGGATACCATTAATAATCTTCTTTAGGGGTCTTCTGCTATGGTTTT
CCCTATTTTTATTATCTGATCATTGAAATNTGAAATCCAAATATCTCAT
TTTCTTATATTTAAAGCTACTTCCTTAGGTGTAGTATACATGAATTTTTA
ATGTTTAATAATCATTGGACCAAAATGGTAGAACTATTCTAAGAAAGAG
TAGGGAAGTACATTAAAGCACCTACTGGGAGCCATGACCTGTGTCAAAC
ACGTTTTTTAATTCTCTCAATGATCTATTGAGTGTTCACTCTGTTTTAT
AGATAAAGAAAGTGAGCATCAAGCAGGTAAAGGAATTTGCCCAAGGTTAG
AAGGCTAATAAATATTGGATCGATCCAAGATTTGAGCCCAAGTCTGTCTG
AATCTAAACCCTTTATAGTCTCTAAACTATACTGTCTTTCTGGAAGTTGA
TATGAAACTAAAGTCATATGAATTNTATTTTATAATGGATCAAAAAATTT
TTTAATCAAGTAAGCCCACTGAATAGTACCTTG

>Sequence 243

AGGTACACTAGGAAATGCACGAAGAAAATTATTTGCCAGATACTGCAAA
GATTTTCTAGCTATGTGAGAAATGAAAATGCATTTTGGCATATTTGGTA
AACTGAATGTTATTAAGAGGACAAACCTCATGTAAAAAGGAGATAAGCAG
AACTGATTTGAATATTATTGCAGAGCAAAGTAAATAATCATGATGCATT
CAACCTTTATAAATGTGCAAAAACAGATTAATTTTCCCAATTACAAGCCT
TAATAATATTAATGACTTTAAACACATGAAGTAGGGTAAGAAATAGATA
GCAATGATAATAACAGAGTGTTTATAAGGGATATTAATGAATAAATTGG
GTACACAAAAGAGGGAGGGGATGGAGAAAAAAGGGAAAATGCTGGATTAA
AGTTAAACAGATATCCTGAATACTTGTCTATCCTTAAAGGCTAATATAC
GTTCTGAATCTCTAAAAGA

>Sequence 244

AGGACAGCTCCCATTGTTACCTGATTAAACATGCATGCAGCACTGATCAC
ACTCTTTTATCTGATGTGGATCTGTGGCTGCCACAATGGACACTTCATC
TGATGGGCTAGCCTGGCATCCTATAAATGTGCCAGCTGGCTTAAGATTAC
ACCACCTCTATCAAAATAGTTTTTGAGGCTGGGCACAGTGGCTCAAGTAA
AAGCGGGCGGATCACAAGGTGAGGAGATTGAGACCATCCTGGCTAACACG
GTGAAACCCCGTCTTTACTAAAAATACACAAAATTAGCCAGGCGTGTTG
TGGGCGACTGTAGTCCAGCTACTCAGGAAGCTGAGACAGGAAAATGGTG
TGAACCCAGGAGGTGGAGCTTGCAGTGAACCGAGATTGTGCCACTGCACT
CCAGTCTGGGGGACAGGGCGAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GTACCTGCCCCG

>Sequence 245

CGACACACGTGTAGCTCATTGTAGTACGGGGCGAATTTTAGCTCCACCG
CCGTGGCGGGCCCGCCGGGCTTTTACTTATTCGCATAATGAACTTGGGTT
ATTTTGACAGGATGTCCGAACAAAGGGCCAAATTGAACATTCACAAGTAA
CGCCGTTTAGAAGGTTGTGCTAAACATCAGAAGAGTGAACTCCAGACCA
GAGATGAGACAATTATTTTGGATTCTACTACAAAGCAAGCACATTTCT

Table 3

48/1077

ATGCTACTCAAATATTCCCTTAAACCAGAAGCAATGGTGAAGGGGAAAGG
ACAGATTGAACCCCCCTACGCACCTGCAAGAGATTGGTAAGCAAGATGAG
TGTCTGCTTCCGGATGAATGGGTCGGAATCCTTCAGACACCTGGAGATGT
TGGGAATATACTTGCCCACCATGATGGTGTAGCGAATGTAGAGATCGCAC
ATTACAATGATGACGTTGTTGCGGACAGACACGTTCTTACACACCTCGAG
CTCTCGCACCAGGGCT

>Sequence 246

GGGTGTCCTATGAGGCACATATGTAGACCNCGAGCNCATTTCGCGGGAAC
GGCCGAGGTACTTTGCACATACTTCGGCAAAACGATCCACTCGANNAGAT
GATGCCTGAGGACACAACCTCCAATTTAGTAGTTTCTTGATACCCTCCCAA
AGCACCTAGCACAGGGCTAAGTCTAGAGAATGCTTTTGAAATATCTCTCA
AAGCAGAACTTGTGTGTATATATTGGGGGAAAGAAAATAGGTCTACTTC
TTAAAAAAGCCTTGACCTACTTGAATGCGATGATGTTAGGGTGC
TTCAACTTCCTCAAATGCTTGATATCCGTCTCATTCTGTTCTCTCACTTT
CTTGGAGGCCACCTCTTCCGCCGGAACCTTGCCCAAAAAGACGCTCCTTG
GGCTCCACTACCCAACCACTGGAGATTTGAGAACTTCTCAAATGGGACTT
CCCAAGTATCTAGGCACACAAGCAAGAAATAAGCTTTGAAGAGATC

>Sequence 247

GGGGCTGACGCAATCTGTAGACGGCGAANGATGCTTGCCACGTCCNGGCC
GCCCCGGNCAGGATTTTTTTNNNNGTTTTTAAACACCCATGTGTTATAAC
CCCCNNNNNNNNNNNNNNNNNGGGGTTTTTTTTTTTTTAAAGGCCGAGGAT
TAATTAACCCGGGGAACAAAAAACCAGATTAACCACACCCAGGCCT
AACTTTATAAAGGGATAAAAAAGAAAAAGGAATCTTATAGGACAAAAGG
GTTCAATCAATAAAAAACAAATTCCCAAAACCCGGGAAAAAATTCCAAA
ATTCCCCCCAAATTCAAAGCAAAGGAGGAAAAAGGGGAAGTAAACTTAGC
CCCCCTAAAAATATCTAAACAAAGCTTTGGGAGGGCAAAAAAGGAAAGA
AGTCCAAAACCTCCGCCCAAAAAAGGTTGAAAGGGGGGAAAAAATAATT
TTTTTGGGCCCCCACCCTAAAAAAGGGCCCAGCCCCTCCAAAAA

>Sequence 248

AGGTACTTGCTTAACAGAAGTCTTTAATGTTAGTGAATGAATGTATAAAA
TTATAAACTACGCATTTTCAAAGAGTAGCATGTATTTTGTATCGAATCCA
AGTAAATTTTTTTCATAGCTACCTACCACAACCTGCAAATTATTCAAAATA
AACTTGGATACATATCCTTATGGGGATATGGGAAGCCCATCTATATTCTC
CTACTTGATGTTTTTAAAGATTGAACTTTATTCTGAAACATCAGGCTCT
AAAAAATTCCATCATTAAGATGAATAAATGGGAAATGGTTTATTGTTAC
TTCGTAAGCATAAATGGGAAATGTTGGCTGTTAAAAAAGGCCCCCTTTTT
TTTAGGGGGGGTTTTTTTCTCCCCCTTTGGTTCACCCACCAACCTTGT
GTGTGGAAGGAACCTATTTTTTTTTGAAAAAGGCAACATGTGTTTTTTGT
GGGGGTTTTTATTTCTCCCCCCCCAAAAAAA

>Sequence 249

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAAGAGAGGGGGTC
TCACTTTGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCCT
TCCACCTCAGCCTCCCAAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGCCACCATAC
CCAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAGA
AGACAGGACCCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAAATTCCTCAACTCAAGT
GGGCATTACTATCACCCCTACATTAACATGTTCTCATTAGGAATATGACC
AAGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACACA
TGAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCTA
TGCCCCTTGGGAATAAGGTGGCCAAAATAAATTTTGATTTGAAGATTAGA
AG

>Sequence 250

CCGGGCAGGTACGCGGGGGATTGAAGGAGGGCTGGGAAAGCACAAGACAG
GAAGAGTCTGTGCCAAAAGACCCTGGATAGGAAGAAACACAAGAAAAAAT
TTATCCAAAGTCAAGATTGAGTGGGAGCCAGAGGAACGTTGCATTCAA
TGACAAAGAAATATGAAGCCGATAGGGATAAAGTGAGTAACCCAAGGTAC
AAGACAAGAGAGCTGGTCCAGGACAAGAACTTGGTGCTCATGTCAGGTTC

Table 3

50/1077

AAAGTTTGAGAAGCAATGATATAACTTAACAATTATGCAAAACAAGGTAG
GGTGGCAGTAGGAGATGGAACAGAAGAGAACTATAAGCGTAACTGAGA
GCCAGTTATAAACTTAACTATTAATAAAATTGAACTGTCCTATTATTCTTG
AGAGAAAACTACTGAACTATGAATGGATTCTTATTCTTTTAAAGAGT
TAAATGTTTCGAAAGAGTTTCAAATAGGGACCTAGGACAGGGGAAGCACTA
TTAAATGGTAAATAAGAAATATTAACACTAATT

>Sequence 257

AGGTACCAGGTTTCCCTCTCAGCGGGCCCGTTCCCTGCATCTTTTACA
ACTTAGGTTTATTCACTCCTACTGCAGACAGTCTTTTCCCATACTCTGGA
AGACATGGGTGTAAACCACCATCAACCCTTCCATAGCTCCCACACAGGAA
GGCATGGCCCTCTGCCCCACAAGCTTGTATAGGATATCCTGAGGGAGGAC
CCTCCTAGGCCCTCCTTAAGTCAGTTTTCCCTCTATGTGGGCTGTCACT
CCCACAACACCCACTATGTCTGGGAAATTACCCTGAATCAGTGGTTTTC
ACTAAGACTGATTGGGATGGGAATGCAATTTCCAGCGAAGAGGTGGGTT
TTGTATTGAGAAGAAAAAGGTTTAAATACTATATTCCATTCTACATG
GGC

>Sequence 258

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCGACTAAGATCCCAGAAGTA
TCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTGTGGGAGAAGCAAGCCA
ACTGAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTAGCTCTCCAAACTTGCTG
TCTATGTCACTTGGAAGGAATCTGATTCTTTTCTGCAAGGCACTGACAAT
ACCTTACAACAGAGCTGGGAGATAAAATGCAGAGCTTGTGAAAGTCATCA
GAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAACGGTTCAACTTGATGAT
TTTTCGACTTGATGATGGTGTGAACACGATACACATTCAGTAGAACTGT
ATCGATAAGGGCTGCTTTATTCACCAGAAGTGAAAAACACGATGGTTGTG
TGAGTATTTGAAGTACCTTGCCG

>Sequence 259

AGGTACAATGTCCTATATTTACGAGGACCTTACTACTTTTAAATCGCTGT
CGTTCAAAAACAAAACAATTTTTTTCAGCGTGTTCTTATATGCCATTAC
TGAGCTGGTCCCTGGGGATGCAAAGACACATGGACCTCATTGTTTTCTC
CAGGAATTCATTGGAAAAAGAAACACGGGAGATGCTGCCTAGAATCCTT
GATGCCTCCGAAGTTAGACTGGAGTTGGATTAACCCGGCCTCTCTGTG
GAAATAGGAGATGGCTAGAAGAGTGACATCAATCAGCCACAACCTGCTTCA
GCCTCATAACGTCGGAGCAATGGTATCAGACTTGATGCAGAGACTACCCG
GGCATATGTGGCTTTTTTTTTTAAATGGAGTGAAAAATTCCAAGTCACA
ACCACAACACTGAACTATTAAGATCATTTCATGTTTTGGGTGTATTA
AATGCTCTTTGCACTTTGCTG

>Sequence 260

GGGACTAGCCATCGACTTCGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGGGGCGGC
CGAGGTACGCTTTGGGAGAACGTTTGAAAGCCCTGTTTTGGCTGTTGTCC
TACAATCCTTTGTGGGTTTGAATTGGGCTAGAGACAACCTATGGAGAAT
CATATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTATTC
TGAATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACACCCC
ACTGTTTCCTCACCTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAAGTT
TACATTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTAAAA
TTCCAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCCGAA
TTCAAGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTCACGAGATTTCCTATG
TGGTGAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTGTTA
N

>Sequence 261

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAGCAGGTCATCCACCTTTCCTGTGAAGGGG
TCCTCCCTCAGGGAGGTAGAGAAGATAATGTTAATCCCCTCCTATCCAAG
AAACAGGCTCCCACCAAGTGCCAAGTGACGCTTTCAGTGAGCATGGCTTCC
AGTGGGCATGTGTGCCTAGGAATCAGTAGTCCTATAGCCACAAAACAGTC
AAAGACCTGGAACCCAATGGAACAGGTTCCATGATCCACTGAAATTCTGT
CCGGCTCCTATAGAACAGATTTTGTGGCTCACTAATCACCAGAAACCAG

Table 3

51/1077

CTGTCTTAGGATGGAATAGGAGAAAGGTGCCCTGTGTTGCGAGCTGGGCT
ATTAGACAGTGGTCTGCCCTCTATGCGGTCCAGGCCCAACGAAGAAACCT
TGGAGAAGGCATCAATGGCGTCGAAACAACTTGGGG

>Sequence 262

AGGTACAGTGGCACAATCTCAGCTCACTGCAACATCCACCTCCCAGGTTC
AAGTGATTCTTCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTTCGACTACACACGCAT
GCCACCATGCCCAGCTAAGTTTTATATTTTTTTGTGGAGACAGGGTTTCA
CCATGTTGCCCAGGCTGGTTTCAAACCTCCTGAGCTCAAGTGATCCACCTG
CCTCGGTCTACCAAAGTGCTAGGATGACAGGTGTGAGCCACCATGACTGG
CCTATTTTTTGAGGAACAATTCAGTCTGCTGAGATCTTGCCTGTCTTCC
TTTATTAGAGTCTTTTAAAAGCTCCATTTAGCACAGATATATTTCAATTT
GAATACCTGCACATGGAGATCTCAAAGTATCTCCACTTCTCTTTTTATAT
CTGGTTAACCTGACTTCTAGATTGTTGTTT

>Sequence 263

CCGGGCAGGTACAACCTTCTATAATCTTAGTTATATGGTTTGTGTCTCTCT
AAATTATAAAGGGGAGAGTAATTACAATAGGTAGGTAAACGGCAACAGC
AAGAAGTGGTAGCTACTACAAGCTTGAAAAAGGGAAGGAGGCCAGGCATG
GTGGCTCACGCTTAAAATCCTAAGCTTTAGGAGGCTGAGGCAGGCAGATT
GCTTGAGCCCAGGAGCTCGAGACCAGTCTGGGCAACATGGTGAAACTCCA
TCTCTAAAAAATGCAAAAATTGGCTGGGCCCAGGAGGCTGAGGCAGGGA
CATCGATTGAGTCTGGGAGGTCGAGGCTGCAGTGAGCCATGATCACACCA
GTGAACCCCAAGC

>Sequence 264

CCGGGCAGGTACTAACAAAGAGCCCTATTCTTCATTCTTAATCTTCTGT
AAGAATTTGAGTTTGGAAGTTGCTAAAGCAATGCAGTGAACAGTGTACAG
CCTTCTGACGTGCTCAAGAAAATAAGCCTTGCATATTAAGGGAGAACTTA
TTTCAACTTTTTTATAATCGTATTTAATGAAAACACTATTAAACCTTATA
ATAAATTACAATTTGGGTTTTGAAACACATGCCATCTTGTTTAGTTTATC
TGCTGAAATATAGAAACAAAATCAGCAACAGATAGAACAACATAAATGAT
ACAAATCTAAAGGTGATTAAAGAGTTGTAATAATCAGAAGAGAGTCAGAT
TCAGACACGCACATGCCCCTCCTAAATATCCAGTCTTCTCATCTCTCATT
CTTTCTCAAATGTGCTGACTGTGAGTAAACGGGCAGACAGACTGATTTCT
CTATCAACTCGCCT

>Sequence 265

AGGTACCAAGGGTGGTATGGATTGGCAGAGCCACTCAGGAAACTGTCAAT
GACTTATACTTCTGCGGTCTGGGAACAAGCCAGCTATGTTGCTACTGAAT
TGAGCAGCAATAGGAAATGAACTCGACTCCGAAGTTGCAGTTCTAACCAA
AAGACAAGAAGATCAATATTAGGAGAAGTGGGAAAAATAACAACCAGGGG
ATTGGAGATGAGAGAACGCTGGAAAAAGATTACTATTCTGGAAATCAGTC
TCTTGAAGATGGAATTATGATCTAAGAGGAAGTGAGTACCTGCCCCGGGG
CCGCTCGA

>Sequence 266

AGGTACTCTTTCTCTTTGTCTGGAATAAATTCCTTACCACTTTCCACTAT
CACCTAGTTTACTGAGTCTCACGTATTAGGATTGGGTTTAAATGTAACCT
GTATTGCCTCACCCAGAAAGCCTTTCCAGTCTACCCCTGCTTTGATTATT
TCCCTATCCTCTATGCTGCCTTTGTTCCCTGTGTGTCTCTCCACAACAGC
AATTAGAGCACATATGATTTATTATCTCACATATTGGTCTCAACTTTCAG
TCTATGAAGTCTCTGCGCACAGAAGCTCATGAGCGTTTTCTTCTTTCTG
TGGATTACCTTTGCAAAGGCCCGAGACCACCAGAGAACCTGCCTTCCTAC
CTCTCTTCTCATCTCCACCCATTCCCTGCCTCACATTGATTAAACCA
AACTGATTGACGTTTTTTTTCAGGTGCTACTTGATTGATGCTTTCATGCAT
CCCTGTACCTGC

>Sequence 267

AGGTACTTAGAAATACAATTCTGCAAATTTTATCTTTAGGGAGTTTTATT
TCTTGGGAGGATGATTCAAGAATATAGTCACAGATATTTATTTTGTCTA
CAGAGAAAATAATCATTTAAATGAAAAACTTTTCCACTCAACTGAATATG

Table 3

52/1077

CACTCCACTTAGCACAGTGAGTGGCTGATGAGCACAACACCCGCCACCCC
AGCAGGCTTACACGGCACTTACTATGTGCCAGGCACGGTTCCAAGAAAGG
TCACTAGTTACATTGCCTCACACAATCCTCACAAACAAAGTAGGTAATATT
AACATCCCTCTTTTACAGATGGGAAAACCTGAGACATGAAGAGGTTTAAAA
GCTCACCCAAACTGAAATGCCTAGTAAGTGACAGAACC AAAATACAGATG
CAGGTCAGCCTCGCTACTGTGCTATATGATACTGTCTCTATAATCTACTG
CTGGCTTT

>Sequence 268

CCGGGCAGGTACTAATTTTAAATACCATTTATTCCACAGAGCATACACCAT
ATTATATTACTTACTTGTTTTTAAATGTCTGATACCCTGAAATATATTT
AAATTCCCTCAAAGGGATGCATATTCCTTTGAATATGGGTCCACAGATGAG
TTTCAGAGTGTCTGAAGGACCCCTTGACATTTTACGTAGAGACCTAGAAAC
ACTTCTAGGAACAGGGTCTGTAACTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTGA
GACGGAGTCTCGCTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCCGGGATCTC
GGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAG
CCTCCCAATCGATACTGCTTTTAAATGATGCTTATATTTTAAATTG

>Sequence 269

AGGTACCACCAGCTTTGGTCGGTTTTGCCTCTGCAGTATGGAGGAAGCTA
TTGCCTTTGGATATTTTGAAGATCTTTTTGCCTTTAGAACCCTATCATA
TTCCTATCTCTGCTTTGAGGAATCTCAATGTGGTGCATAATTGGTTATCA
TTCAGTCCTTTTAAATCAATAACAGCCACATACTTTAAAGATTCTATTCT
GAAGGGCACATCTCAATGGCCGTCAAAGCTGTGGTTTACTGTTTTGATGC
CACATGAAGCTAAGTTGTATATCCTTTCTCAGTTCCTTGTCATATTTGGT
CTTTTTTTATATTATCTTTTTCTGGATCACATTTGAACAGAAAATAACTT
TAAAAGTAAAATGGGCTCTAAGGAATTATTGAAAAGGTTAAGAATGTCAG
CCTTTCTGGCCAGGGATCTCTTAAACCTCTGGTGGGTTTGGGATCTAA
GGCCTGTACGGCA

>Sequence 270

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGAGATGGGGT
TTCACCGAACTCCTGAGCTCAGGCAATCCACCCGCCTCGGCCTCCCAAAG
TGCTAGGATTACAGGCATGAGCCACTGTGCCAGGCTTAGGAACTTTTAA
TAACACCCCTGAGAAGTTACTGTAAGACACCCTTAGTCTGTGGAATGCCA
CCCATGAATGGACATGATTTTTCTAGATCAGGACTTCTCTTTTACCCAT
GGGCCACAGGCCACACTTGAAAAAGCTTTGGGAAGGAATTGTTTGAATC
TGAAGCATGAATAGCCTGGAGTAAATAAGGATGTGTCTN

>Sequence 271

AGGTACAAGGAGTAGTCTAAAACAAGTGACTTTACTACTTATTCTTCTGC
ATGTCCTTACCAGCTTCTTACCTTCTCAGGTTGAGCATGAGATCAGCTT
CACAGGGATGGGTCCTTAAGGGTTTTTTTCCATACTAGTTTCAGCCTTAA
CAATGAGTTTTCAACCCTTAAACATGAAAAATAAATAGTGCGAAAGAGGG
GAGGATGGTAGAAATGCTTTAAATTTACCTTTTGTAATTTTACTTTGTT
TATGTTTTAATTGTGCCTTGCTTATCAGGCAAGTCCTACAAACAAAGATC
TCCACGGCTTCTCAGGTCTCCCAAGGAACAGGTTCCCTGTTCCTAAAT
TCTGGGAAGTGGTTTTGCAACATCTACTGTCAAGGTAACATTCTACTGCG
TTATTACACTTTGCTAGCTTTTTTTTCTTTTCCT

>Sequence 272

AGGTACACTGTGAAAACCTGAATTTGGAGCACAGCTAGGTCGGCATCCAGG
GACCTCTTGGCTGGCAGTAATTTCTGGGTACACAAAATTTGTCTTTGCTT
CTCAGCAATCTTCATTTTTCAGGAATTGGATCTTTTCTTCCAGTAGATGTA
TTTCAATTTCTCCATTTAGTTTCATCTTCTTGGATATTTATTTTTTCA
TAAAAAATGCATATTCCTTCTTCCCGCTCTATCAGCTGAACGCCACTATG
GTCAAATTCAGAGGCGGAGGCTAAGTGGGCATTGAGACCACCGTTTACT
AGTCATTGTGGCTCCCTCTGGCTTTGGATGCACGATATACACAACATAGC
ATACTTCCAGAGGATCACAGATAGTCACCAATGGCTTTCTAGTTAAATTA
CATCCACACTTTGGAATTCTCTAGGAAAGCATGGGTTACTGAGCCTCTCA
CTTTGAGGCTGCAATGCGGTTGGG

Table 3

53/1077

>Sequence 273

GGGCGTTGACTGAGTTCCAAAATGAAAACACGGGCGAATNGGAGTGCCA
CCGCGGTGCCGGCCGCCCGGGCAGGTACGTACTTTTAAAATCTGGCAACT
AAATTCTGAAGTATGCTATAAAATTTAAACCAAATCCCCATGAACATATA
AAAAACAGCCCAGCCTGTTTCTTCCCCAAATTTGTCTGTTTATTCCATCG
ACTAATGAAAGTCTCTGTTTCAGACTCCGAGATGCATATCTGTGAATTAG
TGCTCAGTTTCCCAAAACTAAAGTTAACCTTCTTTCCTGCCTCTCACTCT
TCATTTGTCTTGATCCTTCCATAAAACCCCAATCCAGAAGCAATGATT
AGGAAACTGTAGACTCTAGTAAAAGTAATTTCACTAGTGTGAGAGAAAGA
GAAAGGTTACCCAATTAAGAAGTAAGGCTTGGCATCAGAAACAGAAGT
TGTGAACATGACAAATAACA

>Sequence 274

AGGTACTGTTAGTGTCAATTCACCAAAGACAACCATTACTAGAACACTCC
TTAGCTAGCATACCAAACCTTTATAAAAACAGAAATTTCTGAGGCTAAAAG
AAAGCTTTTACTATTTGACAATTGGTAGTTAAAATACCTAGTTCCTATCT
AGCCAAACAATATTTAAGAAGTATTTGAGAATGCACATTCTTTCAACAC
CATCATCACAGATCACAGAAACCATGGTATCTAGGCACCAGAGACTCATA
AAAAGAATGGTAAATCATTGAGAGAGCCTTATTTTGAATAGGAACCGTTC
ATGCCGATGATATCCTGAAATGATTTAGAGTATGTGATAATGCTGGCATG
TAGTTAAGAAGCCTGGAGAGGAGATAAAGGAAAAGTGAGGCCACCAGGG
ATCTGGAATGGCACAGGGAGTTACTGAGGCTGACAGAAATTCTCACACTA
TCTNCTCCAGAAATACTTCAGGAAGGCAG

>Sequence 275

TGCGACGATACGCATACGGGCATATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGGCCG
CCCGGTCAGTTTACAAGGAAGACTGGCTGAAGATGAATCTGAGAACAAG
CAGGCTACAGAGGAAGGAGCAGTGACTAGCCTGGTCCCTGAACGGGTGA
AATGGGAAAGTAGCTCTGGCTCCCCACTGCCAAAAGGCCTCAGTGATCTT
GCTGTTTGGGGTTATTAGAGCACCTTTTACCCTTTTCAACAAAGCCCAAT
TTTACTTAATCTAGTTAGAATTTCTACTCCTTGAAACCAAGAGAGACAAA
GCAAAATCAACTATAATTTAACCATTCTCCTACTTTGAGAGCATGTAGG
TTATTTTTAATTTTTTGATTACCCTATGTGATGCTATAGTGAACATTTCT
GAATACAAATTCTTGGTTGCATTTCTAGGTATTTTCTTAAGATATATATG
TATGTGGAATTAAGAATACAAACATTTAATCCTTGAAAACATTTCCAAA
AGGTTAGGGCAAACATTAATTAC

>Sequence 276

AGGTACAAGTGCTCATGGGTGGCATCAGGAAATAATGAGACCTTTCTCTC
AAGATTTTCTACATATTTAGGTTCTGTACATCAAGGATGCTGATATTTA
AATATAAACCTTTTTAGAATGTATTTGACAGAATTTTCGGGGCATGAGGCA
ATATATCATAGCGCTTAAAGAGCATGGGCTCAGGAACCAGACTGCCAGGG
TTAAAGCAAACCTATGAGTTGTGTGACTCTCTTGGCTTCTGTTTTCTTAC
TTGTGAAGATAGGTGTCTCAAGGTGTGTTTTAAGGAGACCATGGATCGGT
GCTCTTAGGACAGTGTCTGGTGCACAGTGAATGCTCTGTAAGCAGCCACC
GTGGTTCTGGG

>Sequence 277

AGGTACATACTCTCTCTGGAGTTAATTTTTACATTCACTGATTTTTTGGT
GACCCTTTCAACCCCAACAATGTGAGACAGGTGAGAGAGGCCTTGCTTTT
TATAGTGGGCTGGATATAAATAAATAAGGTGAGACTCAGCTTTATTTGTT
TTAATGTAGACCATGGTTTGGATAACCTTCATATGTCAAGCAGAAAATA
TTGTAGACATTTAAAAAATATCCATGGGTATGTTCTTTGTTTCCTTGTGC
AAGCCTTTAAAGGATTACAGGAATAGCAAGTGATGTGGGTAACTCGGGCC
AATAATGGTATTAATAAATGCTGTGAAACACTAATGTGCTAGGAGACAGC
ATCTCCAGGGAGTCAACACCCAGGCCAGATTCCTTCTTTTCTTGTGGTGA
ATTCTTGAAGGGTTGTGAGCAATCTGAGGCCAACGTCTTTTTTTAGGGAA
AGCTTAGATTTTTTCGATTTACCCCAAATGGAGGTTTAAATTATTT

>Sequence 278

CGGAAGTGTATCGACTACNGGGCGAATNGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG

Table 3

54/1077

CCGCCCCGGGCAGTTACTTTTTTTTTTTTTGTTTTTAAGATATAGGGTCTC
ATGGTATTACCCAGGCTGCTACACAGTAGCTATTCACAGGGACAATGCCA
CTACTGATCAGCACGGGAGTTTGAACCTTGCTCCCTTATATTTTATTATAA
ATATTAATAAAATGGGCTCAAACCTGTCCGTCTGTCCCTATGTTTCTCAG
TGGATGCTACCACGCACCTTCTTCCTGGGCTGCTGGCCATGAAGCCACAT
GCATCCACCTGGGCAGTTACTGGTGGCCTGTTTCCCACTGCAGGGACAGA
GAGGCCACAACCTGAGATTGCCCACTGTCACTGAGCTTTAGAATGTTGCCA
GTTATAGACACGCAACAATGCCGGGATGAACTTGTCAGTACCT

>Sequence 279

CCGGGCAGGTACATGGGAGTTTGTTCATATTCTGTCTCCTTTTGAAA
TGTTTGAGATTTTCCAGTGTCTTCTTCTCCAGTGTGCTGAGCTATTGGT
CTGCCCCAAAATCTGATGTTTTCCCTTTGTTCCCATGCAGTGTCCAAGA
GCTGCCAGGGTGGCTTTCGGGTCCGGGAAGTGCGGTGTCTGTCTGATGAC
ATGACTCTAAGTAACCTCTGTGACCCTCAGTTGAAACCAGAAGAGAGAGA
ATCTTGTAACCCCTCAGGACTGTGTCCCTGAAGTTGGTAAGTAGAGATTTC
AATCATGGGGAAAGGTTTTGTGTTTTTAAGCTTGTCAGATTCTCCGGT
GTGACAATAACAAGCCTCTTTTAGGTCTTCTGTGACCTTGACACAGTC
ATGGAGTTCAGAGGGTTGAGGTGCTTTTGGTATTATAAATTCATGGTTT
AAGATGATCATTATAGCGAGGATGGCTGTCTAT

>Sequence 280

CCGGGCAGGTACACTGTATACTCTCTGTTGTCCCCTTTTGATGGTGTGGC
ATACGGGGAGCTACTCTTGCTGCCCAGCATCGTGAGAGTGTATCATTCTG
CATGTCACTAGCTAGGAAGTGAGCAGAATTCAAACCTCAAGTATGGTTTG
AATGTGCATTGCTGTACATTATTGCAAAATCAGAAAATCCTAAGTCAGG
GACTGCCTGTATGTGGGAGGAAAACAATGGAGTGAGTTTGTGAATTGCT
CTGGGCTGATAAAGGGTCCAGAGACCCCGTGTGTAAAGGAGAATTTATATA
CTGCCCCATATAAATAAAGAAAAGGGAAAGGATAGACAGAGCTTTTTCTCT
GTTTGCTGCTGCTTGTTAATTGTCTGCTTTAACTGTCTTCCCAGAAATAA
TTTTTATGTCAGAGTCATATTTTGGTGTTAACATAGTATCCTGTGATAGT
CAGTTTTAAATCAGGAAGTATGAGTTCCTCCTGTCCCTTTGTTCTTTT
TTAAAAATAGTTTGGCTATTCTGGGTCCCTTGTAATTCATATGAAATTT
AAGATTAATTGCCAATTTCTGCAAGAAAAAAGCCATCTGGATTTTGATA
GGGATTGATCTGGACCTTGCCGCTTTAAACTAATGGATTCCCCGGCCG
GCAGAATCCAATTCAAGCTTATCCATACCGTCGCCCTCGAAGGGGGGCC
CGGACCCAACCTTTTGTTCCTTTAGTGAAGGTTAATTGCCCGCTTGCGTA
ATCAAGGGCATAATTGTTCTGCTGTGAAATTGTATTCCT

>Sequence 281

GGGCGTGCCTGTGAGGCACTACTTGCATATCCGGCGGAANATTAGCTGCAA
CGCCCCGGGCGGCCGCCCGGGCAGTTTCTCGGGGATGATCAACCAACACAG
TTGGACCGCTCAGAGCTGTAATGCATCAAACATTGACCACATGCTTCCAT
ATAAACATTAGGAATAAAGGCAAAGCACTAAGTTATTCGAAAGTTTAATT
ATATCAATACTTGCTATTCAAACATTTAAATTTAATTTAATGCAAATAA
TTACACTCAATATAATTTTAAATCTTCAAGAAGCAATCTCCTACTACTTT
TATCCTACATACAAATAAATTATCCAATTATTTTAACTTTGGATTATTCT
CTATAATGAACACTTTGAATAATTTAACTCATGACAGGATTCATACAATT
AACCTTTTAAACATTTGGCTTATAGTTTACATCACATTTGATTACCCTTT
TATTAAATCTCAATAGCACCAAAAACCTGACAATGGGATAAACACTGCCC
AACTAC

>Sequence 282

AGGTACTTTTAAGACAGACCTTACCTGTGACTCTTTTAATTTTTCAGTTC
CATTTGGTAATTCATAAACATCATGTGACCAGTGACCTTTCAGCGCTTTT
GGAAGGATATTGGCCACTTTATCAGCTTTATACACACAAAGTGCCCATTT
TACCGTCGTATCCATTTTGCATTTTGCTGAGGACTTATGTTTTTGGTGG
CACCCTGTCTGCCTTTTACATTCATTTCTTCCCTACCAGCCTTAAACGG
AGACGAATGGGAAAGGGATGAGAGCCTTCTGGGTATCATTTTCTTTAT
GGCTGGAGAAAAAAGAAAGTCTACCACCTTTATCTCCTCTTCTCAAACCTT

Table 3

55/1077

TTGGGAAGTGAGGAGGAACCGTTCTGCCCCAAAGCCAGGTGAGATTTGAG
GCCAGTGTGTTCCCTTTGAGCATTCTCCAGAACCTG

>Sequence 283

CCGGGCAGGTACGCGGGAAGAAAATAAAGAGTTTAGACCCCAAATCCAGC
CCTCATTCCTCAATAATATGGTGTCTGTAAAGTTAAAACAAATTATTTTC
CGGGTCACAGGACAGGTGGCACTAAGTTTTTGGATTGGTGGCAAAAAGGA
TCTGAGCCACTATCTGATGATGAACAGGAACAGAGGGCAGTGCTTTTAAA
ACGTTAATCACAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGAGAGAATTGCCTGAGGG
CTGGATTTTGAGACTAGCCTGGGCAGCATAATAGGGCCCCATCTCTTAAA
AAAAAAAAAAGCCAAGCATGGTAGTGCATTCCTATAGTCCCAGCTACTAG
GGAGAGACTGAAAGTGGGAATATCACTTGAGCCAGGAGATCGAGGGCTACAG
CAAGCTATGACCATGCCGCGGCATTACAGCCTGGGCAACAGAGCAAGACC
CTTGTTTAAACAAAACAAAATCTTTATCTACCTAACTTTAAATTGAAGG
TGGTAAAG

>Sequence 284

GGGGGTTATTGGATCACCACCTCCGTCTTTTTGATCCCAATGGTTTATTC
TTTAAGTGGTGGTCTCTGAACTGGTAAATACCACTGGAGCTATCAAGAAA
GATCAATTTAGTGTTCAAGATGAAAATGCTGGAATTCTTTTTCTAATAATA
ATTTTCATCTAGAACAGATACAAAAGACACTTAACTCTATTAATGTTTACA
ACACAGATGGTTTCTGGCATCCTTCCTCTATTGAAAGTCAGAAGTTGGGT
GTCATTATCTGCCACGTGTAAAGCTTCCTGAAATGAGTGTAGAGTCCTA
AGACACCAAGGGAAGCCCGTGGAGCCCTTACTGGTTAGTTTACTGTTTTC
GGCATGCTGCAGTGTCTGGTAGCTTACATGTGTCTGGTTACACAGACGCA
GAATATCTTACGTTAAAAATCCCTCTTAAAAATGGACAAGTGCCTTAAAAA
GACTCCTGCANATAAATGGGAGGGGGAAAATAATTATTGTAATATGCCAG
GCTAAGCAAAG

>Sequence 285

AGGTACGCGGGATAGTAATCTTTTAAATATATAAGGTATTAGCATTAATA
ATCTAATAGTAAAAATCTGTTGGTTTATTTTTTGCTTAGTCCTTGAAAGTT
GGTGTGGTTTGTCTGAAAAAAAAGAGAAGAAGATTAAAAATTATCTTAA
TGATCATAACTCTGGGTGGCCCTGTTGGGGAGGCTCACCAGGCTGGGGT
CTGGCTCTTGCCAAAGCCCCAGCAGCTCTGTGACCTTGGGTGAAGGTCAC
AGAAAATCCCCTATGAGCTCTGACTTCTTCTCACATGTGATAAAAGGCAA
CTGGTGCTGAAAAATAAAGAATATGCCTGGCTGGATCTTGAAGGGGGAACC
ACATTTTCTGTGCTGGGAACCTTTTAAAAATACCAAAGCCTCTTTCTT
GTTGGGGGCCCAATGGTTAAAAACCCCCCATTAATAAATGGGAAGGGGCC
CCAAAAAAGGATTCCG

>Sequence 286

AGGTACAAAAAAATTTTCAGACCATGCTTTTTCCTATTATAACATTTCA
TAATCTCTTCTTGTGTTTGTCCCTGCACCTCTACCTCCATTAACCAGGTC
TCATCAAGTTGTGACATAAGCCAGGTTTCATCAAGTTGTGACAGGTGACA
GAGGCGTCACATGACAGGGGACCTGATTAGGAAATCCATATCCTCATAGG
ATGCACTTTAACATCTTCTTGAGCTGTCTTGATATTTTGAGACATACGGC
AAAGATTCCATATACTGTTCCAGTGACCAGTGACCTTGAGAACATATTTA
AACTATAGATTTCTGTGCCCCACCCAGAGATCCCAATTCAGTAGCGCTG
AGGTGGGATCTGAACATGAGTAGACTTAGAAAGCCTCTAGCTGATTCTGA
AGCACAGCTAGTTTGGGGAGCACTGACATATTGCCACTGCCCATGAACCG
GGATGTTCTTAAATCG

>Sequence 287

CCGGGCAGGTACTAAGACCCCTGAATGTATATAATTATTTACCAAAACCC
CAAACAAACAAAATCCCAACATTCTGTTAGCGTAGGTGATCCTCTGTAA
ATAATTGTAAGCTTTGGGATTTAACGGAAGTTGACGGTGACTTCTGACCT
TACTACGCTTCCAACACTACTGACTTAGCCAACTCCTCAAGTTTACAGAGG
TGAAAGCCCAAGAAATCTTTATTTCTATACTCCTAATGACTTTAATTTT
CTGCCTTGTTTCTTACAGGATCTTAATAAATATCCATTTGTCTTACCAGA
AGCTTGCATCCTGCGTTGTATGGAAAGAATTCAAAAGATTTCATGAACCTG

Table 3

56/1077

GATGTCATGTAGGAAACCAAAATACATAATATCTGTCCAGTAGGTTTATG
AGATCCTTTGGACCAGAAGCTATACGATTCATTATTTACAAGACATTCCA
CTATCATGGAGCCTGACAGATTACATTGACAAATAAGAATCGATGAATCC
TAATTGGTTCCCATGCTATGCTTTTTAACATGCCCTGAGAGACCCCGATA
TTTCTGTCCTTTACTCATATGATCATACTGTACATTTGTATATCGTTACC
TATCTTTGACTACAAAATACATCACTAATTGATAATATATTCTATCTCTT
ATCTTCATGGATCTTCCCAGTTAATCTCTGATGATATTATCTTTGATAGA
ATATATTGCGAACAAATTAATTGTCGGTATTTCATTTTCTATATACATAT
TTCGCGTTGTAAAATCGTGAATATATGAATTCTGGCATTATTTCTTGAT
ATATAATACTGTAGATATATAATACTTGAAGAACTATTTCTTAGCTAATA
ACTGTGCCTTGACTTCTCTTCGCTGAAATAATTCTGCTATATTAGTA

>Sequence 288

CCGGGCAGGTACCTCTGCAGTCCATAAAGTTAGGCTGGACTGAGGCCTAT
CATTGATGGATTGAAGCTGTCATCCAGCTTCCCCTGGTGCTGGGAAGTGG
GTGTGTCTCCTTACCCCTGTAGGGTTGGGCTGGCCTTCGAGTGGCAGAAA
TGCCAGCTATACTGACCCCGACGCTCACACAGACGACACCATGTCTTCA
AGCCAGTATGACAGGGGTTATTGTCCACGTTTCAGGTGGGAAGACAGAT
GCATGATGAACTGTTATAATAATACCAGCTGCTGATCACAGAGCACTGAC
TAAGTGACAGGAACCATGCCAAGGGCACTACTAGGTCATCCTCTCAAGAA
ATCCTCATCACAAACACCATGAGGTAGGGAATCAATCATCCACATTTACA
GATGAAGCTCCAAGAGGTAAATGACTTGCCCCGC

>Sequence 289

CCGGGCAGGTACCTGCTACTAAATAAAAAACACCAGGAATGGTAGTTTTTG
CTGTTCTTAACCCAAAGGAAGAAAGAGCCCTTCTCTGAATGGTTTTGT
GTTTAGTTAAGAAAATGCCAAGTACCAATGTCCCAGAAACAAATGGGTG
TAGAGCCCTAGCATGCTTCATTTCAACACCTTTCACAAACAGTAGTTTTG
GCACCTTGCTTACCAAGCTGTGAGCTAGGCAACTTTCCCCTTATATTTTG
TGTGCCTCTGAAAACATCTCCAGAATTCAAATGACGATTTTTTGACATAAG
TTATCCCTTCTCCCCTCTGATTGCAAGGGCAGCATCACTCTTTCTGCCA
TGCATAAGTCAACATTTGGAGTCAATAGCCCTCTTGACCT

>Sequence 290

AGGTACAGGTCCAAAAGAAAAGGTCCAAGAACTAAATCCTGACTAACTCA
AATTTTAAAAGTGGGCATAAGAGAAATAACCAGAAAAAGAGAAAGCCAAA
GAGTAGGGGGGAAAAAATCAGGAGACTGGGGGAGTCCTGAAGCCCAGTAAA
GAAAGCGCATGATGGAAAAAGTGTCAAATGTGTCAAAAAAAAAAAAAAAAA
CGCTGCTATTAGGTCAATGAAGGTGAGAAACATAAGCTGACCACTGGATT
TGGCAACATGAGATAACTGGTGAACCTTGAAGAGAGCGTGATGGAAAAAG
TGTCGAATGTGTCAAAAAACGCTGCTATTAGGTCAATGAAGGTGAGAAAT
ATGAGCTGCCCATTGGGATTTGGCAGCATGGAGATAATTGGTGGAACCTG
AAAAACGNAAGGTGACTTGAGTGCATTAAAGGG

>Sequence 291

AGGTACACTAGGAAATGCAGGAAGAAAATTATTTGCCCAGATACTGCAAA
GATTTTCTAGCTATGTGAGAAATGAAAATGCATTTTGGCCATATTGGTA
AACTGAATGTTATTAAGAGGACAAACCTCATGTAAAAAGGAGATAAGCAG
AACTGATTTGAATATTATTGCAGAGCAAAGTAAATAATCATGATGCATT
CAACCTTTATAAATGTGCAAAAAACAGATTAATTTTCCCAATTACAAGCCT
TAATAATATTAATGACTTTAAACACATGAAGTAGGGTAAGAAATAGATA
GCAATGATAATAACAACGANGTGTGTTATAAGGGATATTAATGAATAACTTG
GTTACACAAAAGAGGGAGGGGATGNGAGAAAAAAGGGAAAATGCTGGATT
AAAGTTAAACAGATATCCTGAATACTTGTCATATCCTTAAGGCTATATAC
GTTCTGAATCTCTAAAAGA

>Sequence 292

AGGTACTATAGTCTGAATGTCTGTGTCTCAGAATGGGATTAGTGACCTTA
TAAATGAGGGAGCTTGTTTGTCCCTTCCACTACATGAGGTTACAGCAAAA
AGATGGCTGTCTATGAACCAGCAAGTAGGCCTTTGCCAGACCCCAAAATC
TGCAGACTACCCTGAACCTTGGACCTTTCATTCTGGACCAATTTAAGAAA

Table 3

57/1077

TAAAATACCGGTGGTTATTCAACCACTCAGTTAATGGTATTTTTGGTTAT
AGCAGCCTGAACTAAAACAAAGGTGAGATCTTAGGGCATAGCTACATTTA
AAGTCTTTCCATGCTCAGAATCTCCATCTGCTGGCAGCTAAAGTGGTTCG
CACTTGTAATCCTGGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGNNTGGGTACCTTGA
GTCAAGGAAGTTTGAGACCAGCTTGTTAAATGGCAAACTCTGTCTCTA
CTAAAAAACAAATACCCGGGNGG

>Sequence 293

CCGGGCAGGTACATATATACAATATAGCAAATATATGAATAGCATGCTTG
TAAAGTCCAGGATCCTAAAACAGGCCAATAAGAACTAAAACAAATGAAA
AAGCAGAACACATTTTAAAGGAAAAATCACCCACTCATTGAAGATCTCA
CTTCTACTGCCCCCAGGAAATTCAAATAGTGGCAAGCAATATGTAAGAA
GAAACAGAGACAGAACAAGATCTGAGGCTCCAAGCAAAACAGTCTGCAT
GTCATCTCTTCTCTTATAAAGTAGTAACTAACTTCACATGAACAGATAT
GTAGATGCTGAGTAGCCACAACCTGAGAACTCATCCTTAATCN

>Sequence 294

AGGTACAAAAGAAATGGTATTGTATTGTTTGTTCACAGGATTATTGTGA
ATATACTTAACTCCATGAGAAAAAGTGTGTGAACCTCAAATCACATGTA
TAAGATCAGCCTGACTGGGTGCAGTGGCTCACACCTGTATCCAGCACTCT
GGGAGGCTGAGACAGGAGGATCACTCGAGCCCAGGAGTTCAAGACCCGCC
TGGGCAACACAGTGAAACCCTGTTTCTACCAAAGTTTAAAACTAGCCA
GACATGTGCCTGTAGTCCTAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCTGAAGGATAA
CCTGAGCCCAGGAGTTGGAGGTTACAGTAGCTTATGATTGTGCCACTG

>Sequence 295

AGGTACTTGCTGAAACACAGAGCAAGGAAACGTTATTTCAATAAATCAAT
TTTATGCAGCTTTAAAGTTTAGAACCTTAGAGATGTTGAGCTGGAAAGTA
TACCAACAACCATTTTGTCTTTCATTTACAGAGGGAAAAGTTGAGGACT
GGGGAAGTTAAATGATTAAATCTCAGGTCACAAAGCTATTTTGGTAAAGGA
TCAAATCTCATGTTTTCTTCTGCATAATCCTTTTCTCCTCTTATCCACTG
TCACTAAAACGAGTCAAAAAGTCCATTAGATCTAAAAGAAATAAGACACT
TTAAATCATGTTTAAACAGGAGGAAGCCGGGTGCGGTGGCTCACACTT
GTAATCCCCAC

>Sequence 296

CCGGGCAGGTACTATTTTGTCTATTGGCTAAAATGCCATTATATTTACTT
ATGCGCAACCACTTCATTATTTATAACACCAAGAATAATTCTAAATCCTT
TCTCCCTGAATTTATCCCTCTCTCTCCAAAGACCTGGTCTCATTATA
GACCAACAATCTACAAACATCTGCCCAAATAAGCTACGCCCATAAATCCA
TTTCTCACGAGAGTCCCTGGAAAGTAACAAGGCACCTAAATGACACTGAA
AGATAAAATCCTTATTTTATCCTATCATTATTTTAGAACGTGAGTTATAT
CATTTTTTTACTCTAAATGAACCACCCAAACATTTTTAAGAAAAAAGCAC
TTCATATGTTTATATATCCAACCGGGACAGACATTACAATTTACACTATC
ATTTTGCTGTCACACTGTTTAGAAACATTTTCCATAGAAGATAACCCCTG
AAAACCTTTCTGTATAAATAAATACTAGCAGACCTCTGCACTTCTATTTA
TGTTCAAGTTTACTGAGACTCAGTGCAAAGCTATCTTGCTTTTAAACAAA
GCACTCATAGATAACAAGTACCT

>Sequence 297

AGGTACTGTGAGTGTTTATTGGGCAGTGTTGACAGGAGCTTCAGTCTCAG
AAGAAGGATAGGAAATTGCTCTCAGACTCTGAACCCTAAGATGTGCTGCT
ATGTTACATTTCTGCCCCTAATCCTGATGGTTTCTCCTGCTCAATGAAGA
GCACCTTTACCAAGTAGTCACCTGAGTATTAGGGCTAGAGGAGGTCCGAG
GGTATGACAGCTTCCCATTTTATGAGACGAGATTTGTCTGGAGATAAAAT
GAGCATGTGGTGTGTTGGCAGGGCTGCATGTGTAGGTGGTAGCCATCGCTC
ATGATGTTTCATGGTTCTTGTAATTGGAGTAAGGACCTAAGACACATTGCT
AGATGAATGTTTTCTGTTCTTCTTTGTGGGAGGGAGTGATGTGAGTT
GTGAGATATGGCAAGGGTTTTTTTTTCGAACAGCCTGTAAAGCTTTTATTT
TTTAATCC

>Sequence 298

Table 3

58/1077

AGGTACCCAGGGACCAACAGGGAGGCCCGAGTGGCTTGAGCAAGAGAGTG
ATCAGTGAGTAGGAGAAGGCAGCAGGAGAAGCTAGAGACGACTGAACTTT
ACAGGCCACAAAAGACTAAGGCTTTGGGGGAGGAAGAGGAAGAGAAAAA
AATAAAAAATAAAAAAGATTTTTTAAAAAAAGGTTCTGGCTGTTCTTATTC
TAGAGGATGGGGTAGCCATGAAAGGGCCCTGGGTGCAGGGTGACAGGCC
TGTCTATGTTACCGGGCTGCCAGCAGCAATGGCATGTGGCTTGGACTTT
CAAAAGCATTTTGTGAAAAGGACTGGAACCAGACTTGTACAAAGGTGGTT
TACAGAACACCAGCCCAAAATTAAGTTCAAGTTTTTCAGGTTCAAATCAT
TGGCTTCTTGGCTTAAAAAGGGAGGGTCTGGTGGGTAAAAGCAAACTTG

>Sequence 299

CCGGGCAGGTTCTTCTTTAGGGCTGGTTAATTGGTTCAAATAATTTTTAA
TTTCCTTTCTAGTATCTTCTCAAGTTGGAAAAATATACATACAGTCCTCC
TTCACCTTACTCTGTATTTATATTACCCATAACTAGCAAGAAGTTCTTGT
TCTAGATTTTTTGTGTTGTTTAGTTATAACAGAGTAACATACCATTTAATT
ACAATTTTTAGCCAGAAAAGTCCCCACTATTTTACTAACTTGTTAAAAGA
TATCTATATNAAATTGCCTGGCCTTATATTTTTCAGTAGATTAGACCGTG
CCAATCACAATCCTGGGTGGATTTGTGTA

>Sequence 300

CCGGGCAGGTACAAAGGGAATGGAGAACTTAGGTTGGTTACCTGAGAGAG
AGTTACATCTACTGAACAATTAAGTGCTCCTCATCACGAAAGAAAAGGAA
AGAATGCGGACTGAATCCTGTGCCCTGAAAGTCGAATCAGCATATACCTG
CTGTTTCTATGTACCAAGAGGCTGATTCCAGGTCCAATGCAGAGACGAT
GACCACTAGGGGTCAGACTTTTTACATTACTCCTCTTGAAAGAAGGAACC
CAAGTCTTGGATTTTTTAACTGGGGAAAAACTAGAGAGGTCGTCTATCCT
GCATCTGGCCGGCCCATGTGTAAACAGAATGAAGAGTCAGCATGGGGAAA
GAATCTGAATGCCCCGTTTCTTAGCCTTTTAAGGATACAGTGAAATGGGA
CAGGGTCTGAGTTAGGAAACTCTTTGAAATTATACGGAGATTCAAG

>Sequence 301

CCGGGCAGGTACTGAAGATTTTGCACCATCACTGTTGTTTTTCTCATAAA
TTCTTTATGAGGCTATTAGTCTCTAGGGTGCTCTTCTGAAACCAGAAGGA
AATTTGGCTCACACACACACAAAAAAAGTTGCCATATAAAGGCACTG
CAAAATATAGTGGGAAGTTGGTGGAGGATGGAGTTTCACTGAGAATGGGA
CAGCAACATGATGGAAAGAACATGAACCTGAATTTCAGTTCTACCACTTA
CTAGAAAGATGCCTTTGAACAAGTCTCAATTTCTGAATCTTCATTTGTTG
CTCTGTAAAATGGGGTCATATTATCTCACAAAGTTGTCACAATAATTAA
ATGAGATCTTGTTTTCTAAGTCACCTGACATATATTAAGTGTGAAATCAT
TTTTCTTTCTCATTTTCTTTTTTATAACGCTCTAATAAATAGGAAGGGGA
AGAAGTTCTTTCCAGGATGGTCTCATCAA

>Sequence 302

CCGGGCAGGTACCTCCTAGCCATCCAATTAAGAGGGCTTCCCTAGGATA
CTGCTTGCCCTTGCAGGGAATGGGATCTACACAGCCCATACACCTTAAGA
GTCCAGTATTGATGTTGGTGTTCATCATTCTCAAAGCCATTTCTGGA
CCATTCTTCTCTAGCCCTTATAAAAATGCTTGTTACCTGAGCTCAA
TCAACACTATCACCTTTTACCAACTATTTCTCAACTGTCTACCTCTTCAG
TCACTTTTCCCTCCTTCATTAAGACTTTACACCCATATCAGTCCTCCTCA
CCACCTAAAAGTTTGCCATTTAACAGCTTGATCTTTCTTTTCTTTGCCTC
ATTATCACCCAGCAAGTCCTTTTCAATTTCTAATCTTTGGTTAAAGGAAAA
TTTTCTTGCAAACCTTAGGGTCATTGAAATTGGGACCCAAAAAGGCTTG
TCACTTGTTAACCCCAAGCAATCCCATAGTTTT

>Sequence 303

AGGTACATGCCATGAAGGACATATACAAGGTAATGGAACCAACCAATAAA
AAGTAGTCTTACTATCCTTTTGTGTTTGGGCATACAAAAGCAGATTAAAGGA
TAATCGTCTTGTTCAATTTATTTATCTATATACTTATTTATATTCTGTCTC
TAGGACTGAAAAAGCCAAAAGATCAGGGACCTAGTTTTGTTTCTTGCTCT
TTCTCAAGCATGAGGACACTGCCTGGCACATAGAGGGCTCACAGTAAATA
TTTCCTCAATACATTTGTTGATTAAAGTGAAGGTGATAGAACTGACAGGG

Table 3

59/1077

ACCTTGAACAAGATTAGAGTATTTTATCTGTATCTATATTGCATTTGTTT
TTGAAAT

>Sequence 304

GGGGGTTACTTGGATCACCACGCGTGCAGTAGACTTCACGGTTCATTTTA
TTTGATGATATAGCTAAAAGCACATAAAAAATTCTAAATCAATATCTATA
TTGCATTTAACAGCAGAATACTATTTGAGGAAGATGCCCAAGCATTACACA
AATTCCAGAGGTCTGCAGTATTTTTACCCATTGCACCATATGACTGAGAT
GTATTCCATAGACTTTGTCCCTAAAGTTCTGCCAGGAGCATTACTTGGC
CTTAAATCCTCAGTGGATAAAAGTAGTCTACTTATTGCTAGATGGGAGAGG
CTGATTACCTTCACCTGCCCTTCTTGACATTGATTTGAGTACTCTTTAC
AGTTATCAGTTTACAATTTTTTGACTATCTTAATGCATGGTTATTGGTTA
GAAAAGTGACTCTAAAAATGACATCTGGGTCTCAATCGATAATTTTCATA
TCAAATGGAAGCTCTGGCTCTCCAAAGAATTCTGCTTAGTCTTCACTGGG
CTTTTTGTATCATTAAACG

>Sequence 305

AGGTACCAATGGTTTTATAATCTTACAGCCTTCTTTCTGGGGCTCTTAGA
ACTGACCAGAACTAGGAAGTGAAGGCCAGCCTTTTCTTAAATATACAGCA
TGACAGTATGACCATCCAAGTCTTAAAGGTGTTGTTTATCTATGGTCTA
GGTCAGCTACCGGTTTGGCCTGCATGTTTGACATCACAGATATAACACGC
CACCTGGACTACTTCCTTCTTCAGGGCCTTTTAAGACTCTTCAGAGGAAG
GCCAGCTCCTATTGGCTCTGCAAATCCACTTACAGTGCCAGTGCCCAAG
GCTGTAAGCCCTGGAGCTTGGAGAGAAATTTGGAAGAAAAGCAAGAGAAA
CAGCAACCAAAATGTCTTAGAATGTAGAATGTCTTTGGGTTTGTTCCTC
TTTTCAAACAATGACAACCAACATACAGTTCATTATTTCCGTTTTCTAAA
CAGAGGACCATGTTCCCTACTTGCGGATATGGGGCTAACATAAAA

>Sequence 306

GGCAGGTACAGGTCCCCTAATGGCAGGCACGGTTGTAGTGACCACACTTT
CCAGCTTTGGCTGGGACAGCCTAGCTTTTGCCTATTGTCCTAGGACGGTC
ATTAATACAGCCTCTTTTCACTCTCCTAGTGCGTGGATTTGGACCATCAC
CTATATATACAATATGGTCACTGTTTTTAAAGTGGTAGCAAAGAGAGAGT
CATGAGTGAGAGATGAATCCCACACCAAGGAGGTTGAGAAACAGTTACAT
TTAAGGCCACGTAGCCCTTCTGCCAGTCACTTAAGCTCCTCTCTCCTCCT
AGATAGGTCTACATTTTGTCTTTAAGGGTAGGGGGCAATGATCCAACAGC
CCCTTAGAAAAAAATCGTGTGCCATCGGTGCTTCCAGGCAGGAAAGAAGG
GAGTGCAACTGGAGATGGGCTGGTCACTCAAGGGTAAACTTGTTCGAATT
TAATAACAAGGA

>Sequence 307

CCGGGCAGGTACTGTATTTCAAAGCTGACATTTTTTTTCCCAAAATGTGCA
CCTGTGAACACTGCAAAAAGTGAAGTGCAAATGCACTTGCAAGGTCATGA
AATTTTGAGGTTTGTGCATTGTAAATCCTGGAGCGATTATATATTAGT
CATAATTTCAATGAAAAAGTAACGCCAGCAGCCTTGAGTATTGGCCTGAA
TGTAATGCTAAATGATGTGCGTCCAGGGAAGTGTGCTTTTAAAGCGATG
GCTTTTGTGCTAGCTGCTGTGACTGAAATGAAGTTACAACCTTCAATAC
CTCTGTGCAGAGCAGTATCAGGAATTCTCTGCCCTTTGGCAGAGCTCTGC
CTTTCTCGTCTTTTCAGATGTAAGACAGCCAAATCTCTGACATGAGCC
AGTTTAGAACTGGAACGAATGAGAAATTAGTG

>Sequence 308

AGTACCATTCTTATCTCATAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTGAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGTAAAACAAAGGAAGAATA
ATATTATTCGAAAAAGATGGAGATTCTCCCAACGCAGTTTCATATATTGA
AGGATCTAGATTATGTATTTTTATGTAAGGAAATTATGTTATTTGAATAC
ATGTCTTCCTAAAATGGTTAACGATTAAGAATCTTGAATCAGAGAGACTC
TTGAATGGTAAAGAGAGTTTGATCTACTGACAACCATAGGGGCTCTAGGA
GCGTGTGTGTGACACATGGGAAAAGATCGAAGGATGCTGCTAGTCGAATC
TACTGTTGATCTTGTACTCAATAGAACAAATTTGGGTTAGAGACACAGAGA

Table 3

60/1077

TGGAAGCTCAGCGAGATAGGATATGTGTCTCAGTATGTACGAGACAGTGAT
AGAGTACACCGCCTGATTGCTAATATCTGAGACACTATAGGACAAATTCG
AGATTGAAAGGTACCTGGGCTCAGCCGAGTTTCTTATGGAACCTGAGGGA
TACCTCCGGGCTGACAGGAAATCTGATGATAGAGCTGTAGTGAGGTCTCG
AGTTGACATGGATGGGGAGGCCTCGGAACCCACATTATGTGTCCCTTTAT
AATGAGGGGTAAATTGACTCTCTTGGCAGTAGGAATGGGATGATGACGTG
TTACATGAGGAGAGATGAGATTCGATGATAACATGTGTATACGATGATAT
GTGCGTGGATGACATATGGTGTTAAAATCATGTTAGTGCGTATAGACGAG
AACACACTATGATGAGATATGATATGGCATGATTACATCATATGATGACA
AGACGACATATCATACAACATGATATTGAGAAATGATCAGATATG

>Sequence 309

AGGTATCTAAAGGTCATTTTCATTTTCATTTAAGTCATTTAATTTTT
AAAATCAAGTGGATAAAAAACAAATAAATGTGGCTTTGATAATAATTTTGA
CTTGCCAAATGCCTCTTTTCCATTGACCCCTGGAGCTGTTTCAGTGTTGTG
AGCCCTACCATGTGTTAGGGCCACATCTCTTTTCTCACAAAGGGAAACT
GGCCACGAGGTGGGAGTCATAGGAGCGTTGGCTTATGAATGATGAATAGG
GTAGAGTTGGCCATAGTGATCACAAATCAGATCTGCAATATTCTGCTATT
TATATACTGAACCCAGCATCATATTAAGTGAGAATTTTCATTCATAAGCGC
GCATTTCTCATTACATTCCAAAAATCAGACCATGAAAAAACAGCTTTGG
GAAACATTTGAGAGACTGTTGCTTGAGTACCTGCCCG

>Sequence 310

AGGTACCCTACCACTCAATTTTTTAAAATTCAGATACCAAACAAAGGACA
ATATATCAGCTGTCAAATAGCACATAAAAGTGTGTTTATCATCATTAGTC
ATCAGCAAAATGCAAATTAAAAGCACAAATGAGATACCACTAAACACCCAC
TAGAATGACTAAAATTAAAAACACAAACATGTTCAAGGCTGCAGCGAGCT
TTTGATCACACCACTGCACTCCAACCTAGGAAACAAAGTGAGACCTGTC
TCTTTAAAAAAGATGAACACCAAAATGTAAGATCCAGACCTACCA
AATTCTCACACACTGCTGCTGGGAATGTAAATGGCACAACCACCAGGGG
AAAAGGTTTGGACAGGTCTTAAACACTTAATCCTATGTCTACCCTN

>Sequence 311

CCGGGCAGGTACGCGGGTATCAACATTTGAAAACCTTGGGGAATTACTAAT
ATTACTGTAGCGATAAAATGGAAATTTTGATGATACAGACAATAGTCCAC
AGAGAATTATGACTTAAATTATTCTTTCTACCAACCATTTTAAGTTAGTT
TGCCATCTTATGTTGGTGTCTCTTGGAGGCTTACAAATTATTATTATTGA
GACAGGATCTCCCTCTGTACCCGGGTGGACTGCGATCACGGCTCACTGC
AGCCTTGAGCTCCTGGTCTCAGGTGATCCTCTAGAGTAGCCAGAACCACA
GGCGTGAGCCACAGCGCCTGGCCAGGAAGCTTACAGATTATTAATGAAAC
TTTGTTAAGAACCTTTTACCTTACTGTCAACCAGAAAAGTTATTTTACT
GGTTTGGGAATAAATGGACACTTATGAAAATGAAGCAACCTCTTCAAGTT
ATTTTTTTTACCAAAA

>Sequence 312

AGGTACTTTGATCCTTAGGGAATAAACACTCCTTAGCTGGACAGCAACAC
AAATAACTCTTAAATGAACTGCGTCTGTTACACACACACAGGCACGCATA
GAGTTTCAATGGGGTTTATTGAAATAAAGTGGCCTCTACACTGAAGAATT
GTAAGGACATGATTCTATCCATTTCTGTTTACTTCTCCATTTATTTGTA
TTCATAGGTAAGGTTTACTAGCACATCATTAAGATACTGTAAAACAGCAT
TAAAATCCTACCTTTTAAATTTCTCAGGTAAGCGCCTCTCTTGCTTAGC
AATGCCTCGGTTCTCAGGCCTTGTTTATCTTTCTCTGTAATTGNG

>Sequence 313

CCGGGCAGGTACTGCCAGCAGGAAGTGGTTGGTGCCTTAGTGACCCATAT
CTGCAGTGGGAATGAAGCTGAAGTTGATACTGCCTTAGATGTCCTTCTAG
AGTTGGTAGTGTTAAACCCATCTGCTATGATGATGAATGCTGTCTTTGTA
AAGGGCATTTTAGATTATCTGGATAACATACCCCTCAGCAAATACGAAA
ACTCTTCTATGTTCTCAGCACACTGGCATTAGCAAACAGAATGAAGCCA
GCAGCCACATCCAGGATGACATGCACTTGGTGATAAGAAAGCAGCTCTCT
AGCACCGTATTCAAGTACCT

Table 3

61/1077

>Sequence 314

GCCGGGGTCCAGGGAATTGGTGTAAATATGTAATTACAGTTTTTCATTGGG
CTTTATGGGGTTTATATCTGCGTTCCAGAAATTGTTGTTTCCTTTCTAAA
TCTCTAAACTTTTACCATTACTGGAAAACACCAACAGAGGGCATCAGGAT
TTAATTCTGGGGAGAGAGCATTACTTCTTTAAATCACCATAGCACTGTGT
GCAAGCCACTTTCTCTGAGTGATTCTTCAGCTTAAATGGAGTGATGGC
AAAGAACGTATGTTATTTCCCTCCATGAAACACTACTTCTTAAGAGCTCAA
GTCCAGAACCCTTCATTCTTCCAGACATAAAAAGTCAGCCTGGATGGCTAC
CACCATAATCAGATTTGTCTGCTGATGCAAGGCCCTTCAGTCATTCCAG
AACTGGTAAATGGAGTCACCCTGAGGACAGGCCCTGCTGCTGATTGATGT
CCN

>Sequence 315

AGGTACTGACACTCATTCATGATTGGAAGGATGGAGGGGAATCCTTTCTT
ACTTTTTGAGATGAAACATCTGGCATGCTGAAAGACTGAGGCAGGAACTG
CTAGGAAGGGAACTCTTTAGAGAAGTAATATTTTAGGAAGGCAGTAGCT
TGTGCAAAGCCCAGGATGAAAAGGGGGGAAAGAGAAAAGTGGTGTGGGAGGG
AGAAATGAGAAAAACGGTGGGGGACAGAAAAAATTGCATGTCACTGTCAA
GAGACTGGTGGACTGGAGACTGGCAAGGCAGGGATATTGAAGCATGTCTT
G

>Sequence 316

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAGAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATTTTGTATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGG

>Sequence 317

CCGGGCAGGTACGTGCAGCTGCATCCTTGCCCATTTGACGGTGAGATTATA
TTGGCAACTTTGAAAAACCAAATATTATTGAAATACTGACCCATTTTCCC
TTTACAATAACATCTTTGGCTGGGATAATTTTACCCACCTATAATTCTCG
AAGAAAAATGACTTCAATTATGTCACAAAATTTAAAAAATCTTAGGATTG
GAAGAGACATTAAAGAGCAATTCCGAGCCTAGCACAGTGGCTCATTCTTG
TAATCCCAGCACTTTGAGAGGCCAAGGCAGGCTAATTTGCTTGAGGCTGG
GAGCTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGCAAGACCCTGTCTCTACTAAAA
ACAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 318

AGGTACAGCAAAATGAATGGAGATGTTGGATTTAGAATACAGGTAGGCAA
GGTAATCAGAGACATAGAAAGCATTGGGAAAGCCACTGCTCCCCAAGAAG
TCATATGACCTGTGGGATCTCTAGAGGGGACCTCAAGAGAATGGTGTGTG
TCAGGCACTGCACTAGTGACTTTATGTAGATTGCTTCATTTGTTCTGCC
AACAGCCCACTGAAATAAGTATTAATAATTCTGTGCCCACTGAAGAAACAG
AGAGGGTGTGTTGTGATGCTCGGAAACCAATAATATTGTGTGTAGCTCTCA
ACTCAAGTTCAGGGTATGCTGACACCTTGCCATTTGTCTCCTCAAATGGT
CGTATGTATTTCCAGGTGAAAAAAAAAAGGTTGGGGTTTTCTTGAGGCC
CAATTTTGTGAATGGAATATACA

>Sequence 319

GAAGATCTTGAATCCGCTACTGCATACAAGGCTAATTTGAGCTCCACCGC
CGTGGCGGCCGAGGTACGCTTTACGTGCTTTCCTCTCTAGGTTTAATTCT
TGTGTAATGAGTGGTATGATACCATAGCTTTAAAAGGTATATTTATGCAA
ATGATCTCAAGTTTAAATTTCCAGTTCAGATCTTCTCTCCATATTCCAGG
CTTATAGCTTAACTGCCGTCTTGACTTCTCTACCTGTAAAATTTAACGTT
CAGTGCTACACTCAGGCTGGACATGGAGGCTCGCGCCTGTAATCCCAGCT
ACACTGGAGGCTGAGTCAGGAGAATCACTTGAACGTGGGAGGCAGAGGTT
GCACCGAGTGGAGATCGCACCACTGCCCTTCAGCCTAGGTGACAGAAATGA
GACTCTATCTCACCCCAAACTTGAGGGATAATATATGTACCTGCCCCGG

Table 3

62/1077

C

>Sequence 320

CCGGGCAGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGAT
TAAATCAACAAAATGGTGAGTTCCTGATGATCATAGGTATGTGCCACCTG
GGTCTATTCCAGTAAGGAATGGGAGATTGGCTGCCGGAGGCAAGAACGT
GTTTCATTTACATTTACGCATTTGACCCTGAAAAATGTCACCAGATTTTA
CAAGTTATTTACAATGGTGTCTTGGAATGACTGCAGGCTCGTAAATAACC
AGGAAAGATAAGGCTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGTACCT

>Sequence 321

CCGGGCAGGTACGCGGGAAATAAACTAGGTGTCTAATGTAACCTTAAATA
CAGAGAAGGACATAGAGAACAGAAAGTAAAAATAGCCAAGTAAAGGAAAGC
AAAATAAAGAAATAGAAGTCAATAGGGAAAGTGATAGATACAGAAGTTAG
GCAAAGATAAGCATGTCTACACGTGTGTGTTGTAGGTGTGTGTGTTACGC
ATTTGTCTTCTGCCACAACCTCTTTTCTTAAAACATGGTTTGACCCAAATA
TTCTATAAACTGAAGTTAAATTCCTTTTCTTTTTTTTTTAAAAAAC
CCCATGATCTTTTTTTGGCCAACACCTTAAACGTTGGCGGGGGTGGGAA
TGAAATAAGCTTTTAAAGTGCAGTTAACACCATCAACAGACTAAATGTTGC
CCACTTTTGGTTTTTGGGGGATTCTAATTTTTTTAAAAAAAGAAAAACT
TGCTAATGGCCCATTTGGGGAAATTTTTTAAAG

>Sequence 322

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGCAAAATCTACAT
CGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCCGGCTTGGCCCTTGCCACGAC
TTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTACCAGTTTCTGGTTCATCCGT
GCTTAGTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCAGTAATTTTGTCT
ACTGGCTTTACTCTTACTACCATTGGAAATGACTTATGTTTTTTTTTTTCA
TCAATATGCTGTTGAGATTATTATCAATCACCTATGAAATTAATACAGTG
TTTTGTTATGGTTTGGATAAAATTGATATGCTTTAGTTATATTTAAGGAG
AGGGTCTGAATATGTTTATAATTATATGTTATTATACTTGATCAGGTTAG
CCTGATTTGAGTTGTAATGTTTTGTGTTGTAAGTGTTTTGATTTGACTGG
AATAATTTGATGTATAAGTTCTTATGGTCTAATTGATATTAATGTTTAGT
TATGTACATTTTTTTTGATATGTGTATAACGATAATTTGGGATGTTAGAT
TGAAGATAGTGTTATTAATATATGTATTATCTGTCATTTATTAATACAT
ATTTGATGTACTTAGTATAGTGGTATTTATATATAAAATTGATTTGTATG
GATTTATCAATGAATGATGTATTTTTTTAGATTATTGTATTTAATATGTT
CATTATATTGCAATTTATAACTAATATTGTTTAGTGTAATTGTTTGTAG
TTGGATTATTAACCTT

>Sequence 323

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCATGTGAAAGCTAGACAG
ATCTGATGCTAGCCAAGCATTTTAGCCATCAGTAATGTTCACTTGGC
ACAGAGTTGGTATTTCTAATAAAATTTTAAAATAAAGCTATGCGATATCC
AGTAGAAAATAATATATTCAAATCTACTTTAAAGCATTTACATCAGAAT
ATCACAAACCCATGTAAAAATTACCCATGGTTACACTGACTACTGAAAAT
TAGCATTTCCCCTATGTTTTGTCTCCACTCTAGTTCCCTTACATTAGAT
GTTATTACTCCACACTTTAAACCTCTAGTGCTGGTGAGACTTACAAGTA
AGGAT

>Sequence 324

AGGTACTTGGCTGATGTGCCATGAAGGGAGACTGTTAGTTAGTGCTAGAC
CTTAAGGGCCCTTCCAGTATCAAGGATACATGTCACCTCTTGAAGGGGA
CAAGAAGAAAAGACACAACCCCTGACCCCTGCACTCACAAACACGAAGAC
CACTCCACACTGGGGCACTCAGAAAAAGCATAACAGGGACCTTTAAGACG
AAGCTAAGGTCTGAGCCACCAAGTGCAATGTTTGATGGTTTGTGAGACT
GTTTTTGGTCTAGGTGGTTGATCCTGGTGTGTTGTGGAGAGGCACACGGT
TGAGGTTAAGAGCCGGAGTGCTGGAGCAGACTCCCTGGTTTGAATCCTGG

C

Table 3

63/1077

>Sequence 325

AGGTACAGATCAATCCCTATCAAAATCCAAGATGGCTTTTTTTTTCTTGC
AGAAATTGGCAATTAATCTTAAAATTCATATGGAAATACAAGGGACCCAG
AATAGCCAAACTAATTTTAAAAAAGAACAAGGGACAGGAGGAGAACTCA
TACTTCCTGATTTAAAATTGACTATCACAGGATACTATGTTAACACCAAA
ATATGACTCTGACATAAAAATTATTTCTGGGAAGACAGTTAAAGCAGACA
ATTAACAAGCAGCAGCAAACAGAGAAAAAGCTCTGTCTATCCTTTCCCTT
TTCTTTATTTATATGGGCAGTATATAAATTCTCCTTTACACACCGGGGTC
TCTGGACCCCTATCAGCCCAGAGCAATTCACAAAACCTCACTCCATTGTTT
TCCTCCACATACAGGCAGTCCCTGACTTAGGATTTTCTGATTTTGCATT
AATGTGACAGCAATGCACATTCAAACCATACG

>Sequence 326

AGGTACCCACAGCATTGGCTGTTCTTCATAGGAGACTCAGAGAAGACTTC
ATAGGAGACTCATTATTGTTTACTGGACATCAGGTGCTATATTGTATAGC
ATTCACATTCCACAGGTGAGGAAACAGGCTCAGAGGAATAAGTGGCATGC
CAAGATCATTGAGTATATCGGTAGCAGAATTAGGATTCAGACTTTGTTAG
GCCTAATCCAAAGCCCTGGCTTTTTTTTTTTTGAGATGGAATCTTACTC
TGTACCCGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGCAATCTCT
GCCTCCTGGGTTCAAGTGATTCCCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTGGG
ACTACAGGCATGCACCACCACGCCAGCTAATTTTTGTATTTTATAGAGAA

>Sequence 327

GGCGAGCGAGTAGCAGCTCCACCGCGGTGGCCGCCGCGCCGAGGTACTTC
TGGAGGTGCTTGAAATCTGACTACTCTACTGGAGACTACACAAAAAGGCT
ACAAGGAGGGGGAGGTGCAGGTGCCAGCTGAGCCAGACTCTTAGCCAT
ACCCTCCAAAGCACCACACATCTTCCAGCCCCAGGTGCCACCTGACTACA
ACAAAGCACTTACTCAACGGTCTCGAGGTGTCCTTAAAAAAAAGAAAGAA
AACAAAAACAAAGCATCACACACGTTCCAGCCTCAGCTGCACCTGACTTAA
CAGCTGCATGACAAACCACGAAACCACAAGAAGTATCCAACCTCAGCCTAT
CATCCCACTGAATGAAAAATAAATAAAATGACTGTTTCAAACCTACTAAGT
TTGGGGGGGGGTTATTCCTTGCACTTGATAAATGGAACAAATGGGGAGGG
GCCCTCAAGCCCCCTTTGTTCCCCGGGCGCCCTAAAACAAAGGGAGCCCC

>Sequence 328

AGGTACAAAGGGATATAGAACCTGTAAATAAATCCGTGTGTCTGTGGTCA
ATTGATTTTTTGATAAAATAACTAAAAATACACAGTGAAGAAAGAAAATT
ATTTTCAATAAATGGTGTAGACAAAACCTGACTATCCACATACAGAAGAAT
AAAATTTGACTTTTATTTTGCTCTTTATACAAGCATCAAATCAAAATTAA
AGTTTAAATGATAAACTACTACAAGGAAATATAGAAGGAGACTGTATGAC
ATTGGCCTGAGCTATGATTTTCTGTAGATTATTCCAAAAGGCAACAAAAG
CAAAACACACAAATGAGACTGCATAAAACTTAAACTTTTCCACAGGAAA
AGAAGCAATGATAGAATTAAGAGAACCCACAAATGGGATAATATTTTAA
ACCATACATCAGATAAGGGGCTCATATAATAATATATAAGCAACTCAACC
TACTCAAAAATAAGAAAAAAACTATGCTTA

>Sequence 329

CCGTTACAGGTACTTAGTTTGCTCCCAACAATAAATTCTCTGACAAACCCT
AAGTGTAACCTCAGAAAAAAGCTACACTAACTAAATGCAGATTGAATTAAAC
ATAATCTCCCATAATCAGAAGTTTCCTAAAGACTTTTCATTTTTCTTTGT
TAACATTTATGTCTATAATACCTATTGTCATTACTCCTAAGAAATCCAAC
TTTTAAATATAACAAGCAAGTTTTTTGCAATGAAATTGGCAGAGTAAGAG
TTTTATAACCAAAGGGATCTGTGTTTAAATTATGCACTCTCTGCCACTTT
GTATCTATGTGACTGAAAAAACTCACTCCATTTTTTAAGAGTAAGACAAC
CTCAAAAAAATAGTTATTTGGGATAAAAAGGGAACCTTTGTTGGGATTT
CAAGGGGCCGACCCCTTTTGGGGCTTTGTTTTTTTTTTTTAAAAGGGGC
TTTTTACCCACATTTTTTGAAAAAAAACAACCT

>Sequence 330

CCGGGCAGGTACATGAGTGTATTCCGTTTATTAATGAATATATGTGCACA
GCAGGCCTGAGTTGCTCAAACCCTGCACATGCCAAAGACAGGCCCTTGAC

Table 3

64/1077

CAGCTCCTGAGAGAGAACCTCTAAGCCCTTGGAATATGCCACCTGATAAG
AGTGTATGTTTATGCTGAGGTCTTGGGCCACGCAGTATTGGTTTGGCTTC
TGGGATGGTAAAGGGAGAGTAGCTGGCGTCACTCATGTGGGAGCTGCGTA
CCTAGACGAGAGACCCCATTA AAAAACCTGCACACCAAATCTCGGGTGAG
CATCGGTGGTTCCGAGTACCATC

>Sequence 331

AGGTACATACTATAGACATAAACTTGTTTCGAATAATTTTCAGAATAAGTC
GCACACTCATGTCCCTTATCCCAAATATCTGTATTTCTCTAAAATTA AAA
ATATTTTATTATATAATCAAAATGCAAATGATTCTGATTATATAACAATA
ATTTAACTGATAAAAAATAATTGTAATCTAACCTACTATCTTTATTGCA
GTTTTGTCAACTGATCCCATATGTGTCTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGTC
TTTCTCTGTTGGCCCAGACTGGAGTGCAGTGGTGCGATCTTGGCTCCCCA
CAACCTCCGCTCCCAAGGCTCAAGCGATTCTCTGCCTCAGCCTCCTGAG
TAGCTAAGACTACAGGCACATGGCCCCCTACTGCCCCGCCAATTTTTGTAT
TTTTAGTAAAGACGGAGTTTCACTTTTTTGGCAGGCTTGGTCTTGAACTC
CTGACCTCAAATTATCCACCT

>Sequence 332

CCGGCAGGTACGCGGGGGGCCTCATTCTCCTTGGCTGAAAACAGACCGTT
TTTCATTGTACTGGTGAATTAGAAATTCTATCCAGCCACTCCTGGAGATT
GATTTTCCGTCTGGGGATCTGACCTCTTGCTTCACTAGCAAGGGTCAGAC
TGTTCTGAGAGGAGTCAACGAGCTGGCCCTCAGAAAAGCCTTCTCTTCT
TTTTTGCTCTTTTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTAAC

>Sequence 333

AGGTACTTTTTTTTTTTTGTAGAGACAGGGTCTTGTTTTATTTCCCAAGC
TGGTCTCAAACCTCCTAGCCTCAAGTGATCCTTCTGCCTTGGCCTCCACA
GCACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACACTAGGCTTGGAACAATTCTT
AAGTTCACCTCTGACCTCTCCCTTTCTTATCACTTCATGGGAGTTTAGTTA
GTGCTGTGATCTTTCCACAGAAGGAGCTCATGCAGAAGAATATCATTTCA
ACAAACATCATTTCAAGACTGCCGGACTTCCTAGGTTACAACACCTACTG
ATGGCTCTAACTATTAGCAGGTATAG

>Sequence 334

AGGTACTGGGATCGTTGTTCTCCTTCCACAGCTACAAAATCAGTTGTGTC
CCAACCCAGTAGCTGTAACTTCACTTTTCTCCAATTCTTCCCCACTCAC
ACCAACATTTTTTATCTGGAAGAGTCAACTGTGAATGGGACAAGAGCTTT
TTTTTTTTTTTGATACAGAGTCTCGCTCTGTTGCCAGGCTGGAGCACAA
TGGCGCGATCTCAGCCCACTGAAAGCTCTGCCTCCTGGGTTACCCCAAT
CTCTGCCTCAGCCTCCCGAGTGGCTGGGATTGTAGGCGCCTGCCACCAC
GCCCCGCGAATTTTTGTGTCTTTAGTAGAGATGGGGTTTCGCCATGTTGG
TCAGGCTGGTTTATAGGACCACTGTCATATATGCAGTCCGTCATATACAC
TTGGGCACCAGAGTGAGGAAGAAAGAAAGGAAGAAAGGAAGGAAGGAAG
GAGGGCAAAAGAATAGAAAAGAAAAG

>Sequence 335

AGGTACGCGGGGGGAGAACGTCAGAAAGTCCTGAATTGGCTGTTGTCCTA
CAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGAACTCA
TATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTATTCTGAA
TCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACACCCCACTG
TTCTACCTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAAGTTTACA
TTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTAAAAATTC
CAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCCGAATTCA
AGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTCACGAGATTTCTTAAGTGGT
GAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTGTTAACCA
TGTTTCAGACACCATTTGATGAATTTGATTTGCCGTTACAAATCTTGCCG
TAGACTTGCAATGTGGAGTGCGCCTTGTGCGAACCATGGAACCTTCTCACA
CAGAACTGGGACCTCTTAAAGAACTCAGGATTCCGGCAATAAGTCGTCT
TCAAAAGATGCACAATGGTGACATTGCTCTTTAAAGTTCTTAAATCACGA
GGAATTGAATTAAGTGATGAACATGGAAATTCAATTCTATCTAAGGATTT

Table 3

65/1077

GTGGGTAGGCACAAAAAAACTCTCAGGTGCTTTGAAAAATAGCGTTG
GT

>Sequence 336

AGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTTAATC
AACAAAATGGTGAGTTCCTGATGATCATAGGTATGTGCCACCTGNGTTCT
ATTCCAGTAAGGAATGGGAGATTGGCTGCCGGAGGCAAGAACGTGTTTCA
TTTACATTTACGCATTTGACCCTGAAAAATGTCACCAGATTTTACAAGTT
ATTTACAATGGTGTCTTGGAATGACTGCAGGCTCGTAAATAACCAGGAAA
GATAAGGCTGAAAAAAGAAAAACAGTTGAAGAATCAGTTGCTTGT
TTAAAACTCATTTCACAATGCGTTATTTTCTTACCAAAGAGGCAGGAAG
CTCAATGTCTATAAACTTTAAAGTAAGCATTTCCTTTAAAAATGAAGAC
ACACTCTTAAACCTCTCTGTGAACCAATCTCTCCATAAAAAATTTATGATG
TATTTGAATTAGAGCATGCTAATTTAAGTGTGATGCACAAAGAGCACTGC
AAAGGAAAAAACAAACCTTAATTTTATTTAATCTTAAATAATAACTAATA
ATTGCACAAGAAATAATCAGGATCTTTGAAAATATAAGCCGTCATTTACA
TTGCCATTGGTAGCTTAAATGTGTAGGCCAACAAATCAAAACAAGGAGTCA
AAGTTTTTTTTAAGGATCTGAAATAAAAAAGGCAAATAGCAAACCATGTGC
CCAAACAGCCGGCTTGGATAACTACCTGTTCCAGAAGCTCAATGCTTTGT
AAAAAATATCAATTGGGAATGGTCTTCTACATTAATAAGCTAAAGGAA

>Sequence 337

GAGGAGAGATGGACTGAGTTTTGGCGATAGGTGCGACACCTTACCAACAG
CAGGCGGCGAGGGCTCCCCACGCTGCTCGTTCCAGAGGTGCCTCGTATT
ATTGAGAAGGCGTGCAGTGAATGAAAATGTGTCCACACAGCTCCTGCTCT
GCCTGTGACATTGGGTTGCTGTATATTAGCTGGGATAGTATATTTCAAAT
TGCTTTCTCAATTGCAAAGTATGGTAGAAATAAATATTCGCTTTAATTTA
GTAAGTAGAACTTAGAAAAGTTCCTCCTGTTTCCGATTGCCAAGTCGGG
ATGAGAAATAGATTTTACATAATTATGATACAACTTGATATCTTGAGATAAA
TGTTT

>Sequence 338

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAAAAATGGAGATCCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTGCAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGGGAACCAAGCAGATAGATATTGGCCAAGATGACGGGCAG
CGGAGAATCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCAATGA

>Sequence 339

CCGGGCAGGTACGTTAACATAACAAGGTATGTAAATGAAAATCAATGCACT
TGTCATTTTCAAGCACAATTCCTTATTGCTTACATTCAACATTTTAAATACA
TTTTATTTAAACACTAATAACTTTTTGTTCTTGTCTTGGAAGTCTAATGAT
CTTCTTGGCTCCCTGCCCTACAGCCCTCTAATCTTCACAGCCGTGGCCA
CTTAGCCCCATCTGGAGGTTCAAGGCTTATTCTGCATCTTGGAGCTAATC
TTGTCCCTATGCTGGGGGCATACAAGATATCATAGCCAAGAGCTAAGTGA
TTAGCACTGACGCTTGTGCTGCTTTCATTCTGATCTTGTAAATTTATTT
CTCAGATGTAGGCTATGCTTCTCCAGCAACTTGTAACCAAGGCTTGGCT
TTGTATACCAGTTGCAATATCTATCCAGGCTTTCGGTTTTTCAGTTCTGAC
CAGTTTTTN

>Sequence 340

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACGCCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACCTTGGAGGTGCAGCTGAATTCCTTCTAATTGTGACACAACTCT

Table 3

66/1077

TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGCCTTTATTTTCATATCTGA
>Sequence 341
CCGGGCAGGTACCAACTCTTGTGTCAGGCTCAGTGGCAGCTTCTACGACCTG
ATGGATGGAAAAAATCAAACCTCTGTGACTCTATGGTTGACTGCCACCTC
TGCAACCTTGACTCATCTGCTGAAAAGGCAAGAAGAAGAAAGGGCAGCAA
GCCCTGTTTTAGGGACTACATAAGATGAGGGGAGATAAGGGGGACATAGA
TGAGTTCTTTAGGATTGCGTGTGTTTTGAGTTTTTGTCTTAAGTGAAGA
AATCTATCAATATTAATAGGGTGGGAAAATGGTTTCTTGAATAACTGT
TCAACTGTTGTGTAATAAGGAAAGTTTTAAATGAGTATTACTTATTGTA
ATTAATGCAGAAGGACTTCCCCAGTCNAAAAAAAAAAAAAAAAANAAAAGTT
CCT
>Sequence 342
CCGGGCAGGTACAGAGGGTGCCAGGCACTGTGGTGCACACCTGTAGTCCC
AGCTACTTGGGAGGCTTGAGGCGGGCGGATGCTTGAGGCCAGGAGTTTGA
GGCTGCAGTGTGCTGTGATTGCTCCTGTGAGTAGCCACTGCACTTCAGCC
CTGGCAACATAGCAAGACCCTGACTCTAAATATAAAAAAAGTATAGCGG
GCACAAATGGGGCGAAGCCAGGGTGGGATGCAGAGTCTAGAGGGAGATGA
AGCTGGAGAGGCAGGCAGTGGTCAACATGTGGCCATGGAAAATAGTTTAG
GTTTGATTCTGATGGCACTGGGCTGCCATTAGAGGGTTTTGAAGCAGGTC
AGTGATGTGATACTAAAGTCTTCAACAGATCATTCTGGAGACAGTGC
TAACATGGACTGGTGGGCAAAAGAGTGAGAAGCCGAATCCTTAATTCAGA
AGGAATTGAAATATTGTTTGATTTTCAGGCAGGGCAAATAAGGCTGG
>Sequence 343
AGGTACACATAAACACACACATATGTATGCATACGCACATATATGAGATA
GAAATTTCTCCTTTAAGTGCCACTCTGTAGGACCTAAGATATTTCTGGAT
TTTGTTGTTTATTTTTGTTTTACATCTGTGAGTTGGTATCAACTTACCT
AGCAAAGTAAGGGGAGAGGGCGCATAAAAAAGGCGCCTTTGCACTTTCTGG
AAACTAGCCACCTTTGACTCACCTTCTGCCTCCAGCTCCCAGACTCAGGC
TCTGAGATTAGCAAGGAATAAATCTCCCTGCCTGCAGGCAGGGTCACATT
CACACCCTCCGACACTCAGAATCTGCTCCCTTTACAAAGTCTTAGAAAAC
TGAATCCCCGGACTGTCTTTACAGCCAATTTGGATGTTTACCAACTCA
GGGGAAGAAATCATTCTCCTGTCTAAGCTTAATGCCGTGAACCTT
>Sequence 344
GGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGTCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCCTGGAACCCA
>Sequence 345
AGGTACAAGTTTCAGCCACTGGTGGTTTGCCAAACTGGCTGATTACCCAT
AAACACACAACATGGTTCTGTTTTGCTCCTAGCAATCCTTAAACCATTGC
ATGTCTAACATTCTCAGACTAATTCACAAATCAGAAACATCTGATGCCCA
ACCCATACCAAATGCATTCAGGGCAAAAATTATGCTCCTATAATGTCTG
GCTTCTGTCTTCAAGGCACTTTGCTTACATGACTGAATCCTCACTGTGA
GGTGTAGCTATCCATCATTTTGTAGCAAGAAAGCCAAGATGGATAAATAA
GTGACTTTCCCAAGACAACCTAGAGTGGTTGGCACCATGATGGGATTGGTT
GTCTTATTTTTAGTTGGTCTGCCCCGGGCGGCCGCTCTAG
>Sequence 346
AGGTACATTTTAAAAGTCAGGAAGAAAATAAAATCTGACTCTTGTAGCAT
TTAGCTTTGTATTGGAGTGGCCTTTGCAGGTAATGCCAACTTCCACGACA
TTTAGAAGATTCATAAAGTGCTGGTCAAAATAATGGAAAAAATAGCAGCT
GTCATTTGATCAGAATCTGTGTGCAACCAATTAAGGCCCTGTCATAAC
TATTTAAGCATGTAAGGTGATTTATGATTACCTTTCATAAATTAATGAAT

Table 3

67/1077

TCTACCAATAAGAGCAGGGTGCTACATTGGGTGCTCCTGTTCTCGCAGAG
TTTACAGCTACACATTACATGAGGACTGCTCCAGGTTTGCTGTGTTTAA
TGATTGACAAGGCAGAACTGTGTCTTTTCTCAACTGATTGGCACTATC
TACTTATAACTTATAACTTAGCTTATTTTCACTCCCCCAAGGAGAGT
AGAGTCCAGAATCCCC

>Sequence 347

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACCTTGGGCCTCTTTTAAAACCATGGCTTTA
AGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTAATCTC
TTATGTCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCAAGTGGAAGTCAGCA
GGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGATACCAGTAAAGATGTCA
TCTGGCCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTCATCCAAACCGCCTG
TCTCTGGAATAAAGAAAAGCTCTGAGGGTCTCCAAAGTTACCAGAGGAAG
GCTGAATTTTATGAGTCTAGTCTCAACTCTAACCAAAGTAAAGGAACT
GGAAAGACACACGCTTTTTCAGTCATTAATAGAAAGTTGTCCAGAAACCC
GGCGAGTGAATTTACCCGAGCTGAAGCTTCCTTGTCAACTTGGGAACAC
CAAGGCCCCAGTGAC

>Sequence 348

AGAAGCAAGTCTTTCAGGACATACCTAAAGAAGATAGCATCCATGGTGCA
TGTTTCATGTGCCTCACCAGGCATCACCATACCCACCACAGCTCATGCGT
GCGGATGCCTTTGCTACCCAGGACGGCCATACAAGGAAGCCATTGGCAGT
CCTGTGCACAAACGGCATGTCAAGAAATTAATGATTTCCTCAGGGCCCC
GCAATTACCTTCAGCAAAGCTGAGATTCACAGCCTTCTCTCCGCTCCCTG
AGACTGACTCTGAATTGCTTTTCTGCTGGAGATGAAAACAAGAACAGAAA
CAGTGGAATAATCACATTTTAAAAGTTTACATAACCACTTAATTAT
AATACGCCTGCCCCAAAAGCACTCCTAACGTCCTAACACATGGTAACTTA
TTTGTTTAATTTTATAAGTATTTTCAGGGACATGGTGGGAGGAGAGCAT
CAGGATAAAGAGCTAATGCATGTGAGGCTTAATACCCAGGTGATGGGTG
ATCTGTGCAGCAACCACCATGGCATACTTTACTTGTGTAGCAAACCTGT
ACCTGCCCCG

>Sequence 349

AGGTACTCCAAGCTCTGAGACCACCTCTTCTGCAAAGCCTTCCTGATTCT
GCAAAGAACAGGTAGGCATTTTCATCCTTGGGACCTCACAGCAATTCAGGA
CACATTTGTGTCCCAGCCCTGCTTGGCTTGGCTGTCTCCATGAATATACA
CTTTGCAACTTCTGCACCAGGCATCATACCAAGCACACAGTAGGCACTCC
TGTGTTTTTTGAATAAGTGACTATATCATCACCACATTTCAAATGCGGAA
TATATGAGTACTAGAAAAGACATAAGGGTGAGATTTTACATCTTTATTG
TATCCTAGATATACAAGTCTATTACTGCCTTTTCCCATGTGTCTGTCAAC
ATAGCATAAAGAAGGTGGGATTTAACCTGTTAGAAATTGAATAA

>Sequence 350

AGGTACATGGTGTATGTAAGGAAGGGGTCCAGTTTCAGTCTTCCAGAGCA
GAACTTTCTAACTTGTGTGTGGGTGTTGTGCTCTGGGCAGGTAAACAGAT
CCCTCCAACCTCGAGGAGTCTGGGTGGCTGGAGCTCTGCACTGGTCACCTT
TGGGGTGAGTAGCCTGGCCCCAAAGTGACATACAAACATCATTTTCTGTG
TGTGTCACAGCCTGGAGAAAGGTGAGAAGTCCCAGATGATATCAGTCTAA
GAGTTTTGTACCTGCCCCG

>Sequence 351

TTTGAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGCCGGGCAGGTACTAGAAGTATAAT
TCTATTATCATGATAGTTTATGACTATCTGTATAGTCAGATTAAAGGTAA
CTTTAGAACAAATGGATAGGTTTTTCAAATGCAGAATCAAGGTTGCAATTT
TGTAGCATATAAGCTCTCAAATCTCTAGGGGGAAATGTAGAAAAATAAAA
ACTTACTGAAGTAAGGCAATGTGCATCCTACATTATTATGGCAACAAATC
GATAATGGTATTACAATAAAATCTGGTGTAATCACATTTTCCTTCTTCGT
ATTGCAGTATTAATCTCTGTCTGATGGGAGATGAGATGAATCACAAGATG
TATAATGGAATGCAGAATATTCTGCCTTGT

>Sequence 352

CCGGGCAGGTACCTTGAATTAGAGCCTGAAATGGGGGAATTGCAGCCATA

Table 3

68/1077

AAAGACATTCTCAGACAATTGGAGACTTTCCTGAGTTGTGATAATGGAGT
TATGAATATGTAGGAGAATGTCTACATAGATTTTATGAAGATGCATGTGG
CAACATATCTGCAGCTTATTCCAAAAAAGGTCCAAGAAAAAAGGAAAGG
AAAGAAAATAGGAAAAACTCGGTCGAGCCACCATGCCAAGCCTCACTGTT
TCTAATAACCAAATTGTTCTGTATTTATTGAGTCTCTGTTTCATGCCAG
ACACTCTGCTATAGTCTGAATATGTTATTTCTGTTAATTCTCATAACAGT
TCTGTGAGCAAGAACAATTAATATCACCCCTTTTACAGATTAGGAAACTGA
GGCTTANGATCAACAATGTGCCAGGGTCTTACANCTTGTGAGAGATAGT
GGTAACTTGCAAATCATTCTGT

>Sequence 353

CCGGTCCGGTACGCGGGGATTACGGTGAGTGTAGTAACAGCTACTGGTAA
TATTTTTGCAAATCACGTGAAAGCATTGGAGCAACTGTCTTGAAAAATGC
TCTTTAACTTCAAACCCAGTATGTTTTGGTAGTAGTGGATATTACACA
TATATGCTGCTCTTTTCAGTGTTCTTTTATTGTGCGAAAACATTTTTAAA
ACATTTGATTTATTAATAGGATTTATTTTAAATAGGATTGTTAATAGGAT
TTATTTTCTAGGACATTGTCTTTAAACACTTGGATGATTTTATATGTCT
TAATCTTTAATAATTTGTAGATGTAAAAAACTTCGTGGGCAGAAAGCGA
AGAAATAGGAAGGATTTAGATTTATTTGGCATTAAAGGATTTTGTTTT
ATTATGCCCTTTATTTGGGTATAAACTAAAAATTATTTATCCTTTATGC
GTTG

>Sequence 354

AGGTACGCGGGGCTATGTTGTGTATATCTTGCATCCAAAGCCAGAGGGAA
CCACAATGACTAGTAAAACGGTGGTCTCAATGCCCACTTAGCCTCTGCCT
CTGAATTTGACCATAGTGGCGTTCAGCTGATAGAGCGGGAAGAAGAAATA
TGCATTTTTTATGAAAAAATAAATATCCAAGAGAAGATGAACTAAATGG
AGAAATTGAAATACATCTACTGGAAGAAAAGATCCAATTCCTGAAAAATGA
AGATTGCTGAGAAGCAAAGACAAATTTGTGTGACCCAGAAATTACTGCCA
GCCAAGAGGTCCCTGGATGCCGACTAGGCTGTGCTCCAATGTCAGTTTCA
CAGGTGTACCTGCCCGGGGCGGGCCGCTCGACCCGGGCAGGTACGCGGGA
GGAAAAATGATTGACTATGCCCATCCTGGGGGTTATTTTGGCATGTTACC
TGTA TAG

>Sequence 355

AGGTACTGAGCATGTGGCTTCAACACACCAGTGCCTAAGCTATTAAATGT
TACGGTTGGCATCTCACTGTCTTTTATTTCTGAACAAACACTTAATGAT
GCCCACTCTATGCCAGGAGCAACTCTATTGCCAGAGATGTTTCTGTGGAT
AATCCACAGTGCCAGATGTTAAGGATTCAGGCGAGGGACAGGGGCCAG
ATAAATTTCCAAACGGCCGTGTTTCCCAAAATGGGTAGGAGATCATTTTA
GGTAGTCCATGGATGTATGATGGTTACACCATTATGGTTTTTATATTTTT
GTTAATCTGTTATTTGTGTAATATTCATCTTTGACTCTTAATGTTATCTT
TTTTGATTAGCTAATTATTGCTGAACTAGTTGATATTTTATATTTTATGG
AGTTATTTTTTAAATTTATATTGTGTTTTTATTGATTGTATAATGCTTTT
TTG

>Sequence 356

CCGGGCAGGTACAGATTTAGATGAAGAAGATCAGAATGTTGGGTTTCTAG
GTTTTTATCTTTTTTAGTAGAGTCGGGGTTTCACCATATTGGCCAGGGCGA
ACTTCTAACCTCAAGTGATCCACCCGCTCAGCCTCCCAAAGTGTTAGGA
TCACAGGCATGAGCCACCGTGCCCACTGAGAATTTAATACACTTTATGTA
AGTTAATTTTTTATGATAGTTATCTAGCTTTGCCAGACCAATTTTGTTAG
TAAATTTAAACATTAATAAATTTTGAATCCTCCTAATTCTGTGTCTCTA
ATTTAGTAATTTTAAGTTTTGATCCTTGTTTCATTCTATCATTCTTTTAT
TTAAAAAAATTGCCATTGGCTTTTCTAAAAGTGAATCGTGAATCATGATT
TCATGTGAAATAATTAACCTTTTAAACAGCAAAGATTCCCTTTAGAACCTT
TATTTG

>Sequence 357

AGGTACGCGTGGACAGAGAGAAGGTAAAGAGCAACTTGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAAACAGGAATCCAAAATAATA

Table 3

69/1077

CGTTTGCTGGGAATTATAAAGAATTTTCATTGAGAAAGTAAAAAAGAAAAA
TCTATGCAAAGGAAGTGATTCTGTTGTTAATGCCATCACCTGTCATTCT
GTCTCTTACCATGGCTGGCTTGGCTAGTGGCACCACGAACAGATCCCTAC
AGACCCCAACACCAAGAAAANGTAGGTTTTCTTCTTTCTTTGCAGTTCT
TTGGTATAGATTTGATGTTCTAGGNGTGGGTGGAAGGCCATTTCGTGTGAG
AAAAGATTACACTTAGTATTGGGAATGGGTGAAGGAATGACTTTCCTTT
TTCTTACCCTAATATGGACTTNTTGTTTTAGAGATGCTGTCCTGTACCT
CAGTTTAAGATGAGG

>Sequence 358

AGGTACAACATACTGTGTGTGTGTGTTTCAAGAAGGGACAGCCCAGAT
AAAGGGAGGTTACTGAAGCAGGCTAAGTTTCAGCAAAATGTAACCTTCAC
CTTAGAAACCAGGAACCAGAGTAATTAGATACAATCTTTCCAACACTATG
GGAGAGATTTGATCAATTAAGCCAAGATCAGTTACATTATTTGGTTTAC
CTAAGTAATGGACCCTTAAATGCAATCAATACTTCTCTAGGCTGTGAGTC
TTCAAGACCTGAGATGCATTCAAAAAACACAAATGGATTTTCAAAGGGCC
TCGGGATGTTTCATCACAGGCTGAGGAGGAGATTGCAGAGGGTGGGGGGC
AGAAGGAAACAGACAACAGACCTGAGCTTGCTGTATGAAGTCTTCATTTC
CTTCCCTCACTGATGTGCTGCTTTCATGTTTCAATTTGTAGTTCATGTATG
AATTAAATTTGTTTTACCAAAGAACCTTAATCTAGGGATGAGCAGCCATG
TCACTCAATTCATTTTAAAATTGCAGCATTAAAACTCATTTAATAGGATA
AAGAATACGATTAAGAGTTCTATTTGTGTTTCTGAAAATCCACAAAACCT
ACATTTGGGAGTTACGAAGAAAAAAGCAGAAGTTGCTCTAGAATCTTTTA
CCTTGTCGCCCATGGCCATCCTTTCCCAACATGGATTTAGGGAAGGCAAT
GGCCCAGTTTGCTTGGAACCAGGCCATGACCCATATGCCTGGACCTACT
GGAGCGGCCATATCTGCCTTTAGAACACCCTGGCTAGAGTGGATCATACA
AGTCCGGGTACAGCAACTTTCACCCCCATCTTT

>Sequence 359

AGGTACCCCTTTCAGACTGGCTTCTTTCACTTAGGAATATGCATTTAAGG
TTCCTCCATGTCTTTTCATGTCTTGATAGCTCACTGGATAATATTTCTTT
CTTTTTTCTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTTGAAATGGACTTTGCTCCAGCC
TGGGCAACAGAGTGAGACCCTGTCTCAAAAAAAGAAAAAAGAACTAA
ACGTCTCTGAATCATGGGAGTCAGTTCTACCACTAGCACTGAGTAAACAC
CACAATGGTTATTTACCAACCATGAGCTTCAGTTTATTTGTCTGTGAAAT
GGGATCATTGGTAAGAGAACCCAGACTCCCTTTCCTAGCGATTGTT

>Sequence 360

CCGGCAGGTACTTTTAACTTAGATACATTTACTTTTTATCCACTCAGCT
GAAAAAAGAGGAGAAAAATAAAAGTAGGTCAGGTCAATCTGTTTCCTTTC
CCATTTAATGAATTCATGCCCAGGAGTGAGTGAGAAATGGGAGGACTGAA
TCTGCTGTTCTCCAAGACTAGCTTAGGAGTTTCTGACATCATGGGCATCC
CAGCAAGCCAACGGTCACATTAGTCACCACGTATTTTCATATCACGTGA
TCCCTCTATCAGTGTATCAGCCTTTGCTGTATAATGAACAATCCTAAACA
TCAATGGCTTAAACAAAATCACTATTAGCACATAATTTGGTAGGTTCA
TATTTTGGGCTGGCCGCAGGTAGGTTTTGCAGATTTACCTGGTCTTGTC
ATTTTGCTGCAGTCGGCTGGCATTTTGACCAGGGCTGGAGGACTATCCAT
GTGTGACAGGAAGCTGGTTGGCTGGGGTGCCTAGTTTCTTCTTGGTTCTC
TTCCATGTGGGCTTGGGCTTGGTCAAATGGTCTTGGGTTTCTCTATGCAG
GAAGAGAGGACAGCCCCAATTAACAAGTAGTTTAAACGGTTTGGCTTTTG
GCATGTTCACTGATGTCCTTTTGGCCAAAGGAAGTCACATGGCCAAGTCC
AAAGTCGTATTTAAACGGGTTACCTTAGGGAGTGATTACAGGGAGACATGA
TTTATGGTCCCAAGGTTTACATACCCTTCCATGTGCAGATTAACCTACCCCC
TCCAAGATCCCAAAAGTTTATTTGGTTAAAGTCCATTCTTTTGGAACAT
CTGGATGTACTAACCTTTTACTGAACCTTTTGG

>Sequence 361

CCGGGCAGGTACAGTGGGGTATCCCTGGGGAGGATAGCTTAGATATCAAA
GCTTACGTTTTGCAGGCTTCACAGAACAGATGATATAGTAGAATAGCGGT
TTCCTTCTCATCCACCCCGCCTGGCTTCTGTCCATAAGTGAATAGCAT

Table 3

70/1077

CTGCCTTGATCTTCCTGAAATATTTTGTCTTTAATATAACCTCTAAGTAT
GCTAGCCCCAAGAATGGAACAAGGAATTTTCATTAGGAAAATAACATTT
ATGGGAGCCTTTCTTTTAAGCAGTGTGTATATGTGTGTTTGAGTGTGTGT
GTGTGTGTGCGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAGAAAGAGAGTGG
GAGGGCGTAAACTGCACTCTCATTGTGAAAGAGGGGCTCACACTTTCCAC
AGGGGATTCCCTTTTTTGGGCCAGGGCGCCTATTAGATGGGAAAAGCCTC

>Sequence 362

CCGGGCAGGTACTTCTAGAAATGCCACAGAAATCACCACATTTCGCCCCAA
ATCACCAAATCTCTTAATTCAGATTATACATGTCCAGAATATCCAGTTCT
CCTAGAAACAAAATGACACTTTTATGTTTCCCTAAGTTTGAAATATTTTT
GAAGTATTAAAATAAGCAGAGCCATAGTCCCACACTGTATTTTTCTACTG
AGAATACAACACCAGAAGCTAATCTCATGAAATTAGCCCATGTGAAGAAC
AGGCTGTTAACTACTGTTGTGATGGTAAGTCCAGAAGCCCTGTGCAAAAT
GTGCTCCTGGAACCAGCTGGGCCAGCATCACTTCCTAAATCAGAATCCCT
GCAGGTGGGGCCAGCCAGCTTTGTCTTAAGAAGTCTCCAGGTGATTCT
GATGCGTGCCTGAATTTGAAAACCTGCTTGTCATTTTCAGAAGTCCACAG
AAATAAAAACAAAGC

>Sequence 363

CGTGGGTGAAACGCNTANCTGTAGGCGACTCGGAGCTCCACCTTGGTGGC
GGCCGCCCCGGCAGGACACTGTTGAGCTTTCTTTACATAAAAAGGTAATGT
TTATTTTCCTAATGATTTCTATCCAAAGTGACTTGATGAATAATATGTAA
TTAACTTGAGGAGAGAAAGCAGAAGGAGCCAATTGGTTGGAGAAAACAAT
CTTGATGCCAAAGAGATGGGTAGGTCTAGAGAAGTGCACCTTGAAAATAG
AGATAATAGTTGAGGTTTGTGGATAAAATAAAATCGCTCAAGGAGAGTAAT
ACATTGGAAAGAAGGGAGGTGTAGAGCAGAACCTGTGGATTAGCAGTAAG
GGAGACTGAGAAGTGGTTAGCTGAAGAAGGAACAAGTATACCAAGAAAAA
GTAGGTAGATAAAAATCACAAATTGAAGATGTTTTGGGACCTGATTGTTT
GGCAGAGATTTTCTGTATTATTTTTTTCTACACCATATGTATGTATAATT
AGAAAATTATTTTAAAATCGTATTGGTTTTCGTGTAATTAACAGTCCTATA
TTGTTACCTGGGCAAGTTAAATAGTCCTAATTGTCCCTGAGTTGTTAGAG
AATGTTTGTGAACCACTCAGCACAGACCTTGACAGATAGGTTTTTGT
TTGCTTTTTTGAAATACCCT

>Sequence 364

AGGTACCTTACCACCCCATCCCCAGAGCATTGCATGGGGTGTGTTGGCACA
CAGTAGGTGCTCAATGTAGACGTGTGCACTGTGACATGTTAGAGCCAGAC
AGGATCTCATCCAGCCCGTTCTCTGCACCCCTCCCTCCCCTCTCCAAGTA
GCCCTGCTGTGGGTTCAAGTAAAGAGGGGCTGGGGCGCTGGTCTGATTGT
GTGGGTGATTTGGGGAGATCTCTTCCTCTTCCGGAACCCCAAAAGGTTGG
GACAAACACAGCAACAAGCCAGCTCCCTGAATTTTCAGTGATTCATTTGT
GCGATAAAGGAGTGAATGATAAAGTGAAGGACGATTGTCCCCGCGTACCT
GCCCCGGGCGC

>Sequence 365

AGGTACAGGGACCCACTTTTTTTCTTTTACCTCACTAGTCCTGGCACAG
TGCTTAGCAAACACAAGTAGCTCAATAAATAAATACTTATTGATGGACAT
AAGGAAGAGAACTGGACACTGTGCAAAGCCTGTCTCAGTATGAAAAGCCA
AAACTCCCAGCAGGGCAACTGATCTCAGTCACCTTTCCAGAGTTCTCCCT
GGCCCAAGAGAGCCAATGTGAATCCCAGGACTCCCTGTGTTACAGGAATA
AAGTAGCTCTGGCAAAAACAGGCCTTTGCAGCAAATGCTCTAAGAGATCA
GGGAATAAGCACCATAGGGTTCCATCTAGGAAAAATATTAATTTTCCTTG
AGGAGCAAAGTGCACATGAAGGGCTTCCTGTGCATGGGCCAGCTTGGGGC
GAAATCAGTAACATTCTTAAAACATTCTAAAACACAATTTGTACCTGCC
GGGCGGCCGTTTAGAACTAGTGGGACCC

>Sequence 366

AGGTACCATGGACAATACCATCAGAGTTTCCAAAAGGCTGGTTCTCACTC
TTCTCCTGCCACATGCTTTCCCTCACACCCCTGGTGTGGAATAAATGTTA
AGGAAAGCTAAGACACAATTGGGAGGAGGGGACACAGGCCTTTCCACTCA

Table 3

71/1077

AGCGCAAATCCTTGCAAAATCCCTGGGTGCCACCAAAGAATTTTGCCAAA
AACCTGATTAACGGCAACGGGGCATTAAAAAAAATTGCTACCTTACCA
AGGGAAAAAAGGGGGGGCCAAAAAATGTTTTGGGGGGGAAAAATTGG
CCCATTATACACCGGGATAACCCTGGGGCTGGGAAATTCTATTTATTCCA
CAAACCAATTAAAAAAATTCAAAATTAACCCAAATTTTAAAAGGTCCCC
CCAAAAAATGAAAAATTTTTTTTAAAAACCAAGGGAGGGATTTTATTT
GGGAAAGGATTTTTTTTTTTTAAACCACCAATAAAA

>Sequence 367

AGGTACTTTTAAATTTAATTTTAATAAATTATTCAAGTTATTCATGCCAA
TAGCAAAAAATTCAAATGAAACAAAAAGCAAGTTTAAGAAGTTAAAGTTC
CCTTTATCCTTTACCATTACATCCAGAATTCCCCACACCAGGCAATAAT
CAAAATTTTGGTAGCCACCCTTCTATAGATGGGTAGTATTAAACATCATT
CTATCCTACAAATGATAAACTAAGTATCGGCCAGGCACGGTGGCTCACG
CCTGTAATTCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCAGGTGGATCACCTGAGGT
CGGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGAGAACTCCGTCTCTACTA
AAAATACAAAAAATTAGCCGGATATGGTGCCACATGCCTGTAAGCCCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGTAGGAAGAATCGCTTGAAGTGGGAGCANNAG
GTTGCGGTGAGCCCAGATC

>Sequence 368

CCGGGCAGGTACTACTGACTTACCTGCCATGGGCTTTCTCAAGACAAGTC
CTGCAGGAGAGGCACACTCACTTCTAGCGTCAACTATTGAACCAGCCACT
GCCTTCACTCCTCATCTCTCAGCAGCAGTGGTCACTGGATCCAGTGCTAC
ATCAGAAGCCAGTCTTCTCACTACGAGTGAAAGCAAAGCCATTCTTCTT
CACCACAGACCCCACTACACCCACCTCTGGAGCAAAGTGGGAACTTCA
GCTACTCCTGAGAGCCTTTTGGTAGTCACTGAGACTTCAGACACAACACT
TACCTCAAAGATTTTGGTCACAGATACCNATCTTGTNTTCAACTGTGTC
CAGCCACCTTCTAAATTTCCAAGTACCT

>Sequence 369

CCGGGCAGGTACTTTTTACCTTTAGAAAACTTGTAGGTAAAAACCAACA
GGTGCATTCAAACCAATCACACGCCAACTTTTACCACCCACCACCGTCTT
ACCTTCTGCTGCTGTGTTGGCTCATTATTTTGC GCGGACCCGAAATGAAG
GCTGTCTCGTCCTTTCTGTTAATTGGAGCGCCTGGAGAGCACAGGTGAG
TTGTTAAAAACCCGGTGAATCCTGCATGGATTTGCAAACCAAAGTACATG
GAGAAATCAGTTAAATTCTCAGGTTTCAGGGTTGCAGCTGCCACTGAGAA
GTGTATTTAGGCAGGTTCTGGCAACAGACTTGGTGTGGGCTTGAGTGGG
AA

>Sequence 370

AGGTACCCAGCACAATTCTCACATGTGCTTATTTTGAAATTAACCAATG
CAAAAGTTTTTACCCTGAGGTGTTGCTAATTCATGAACCTATTCTCTGA
CAGTTTTTCCCTCCAATATAACCTATATCTTATTAAATGTCTTTTCTTCT
TCTAGATTGTTTCCAATAGTAGCTTAATTTTAGCTTTGTTTCAGGCTCCAA
ATTAGAAAAACGCTGAGATTAGCCAAATATTGAACACTGTAAGGTATTA
ATCAGTTTAATTCAAGATTATCTCGTCTGTATACCTCTCATTTGGTAATGC
TCACTTTGTGGCTTCATTTCAAATCTGTAATCCCGTCCAAATAAAATTC
CCACCAGGACCTGTTTTCCGGCCCATCCTTAAGGGACCCCTTCAT

>Sequence 371

CCGGGCAGGTACGCGGGGGTAGCTGGGACTACAGGTGCCCGCCGCCATGC
CTGGCTAATTTTTTATATTTTTTAGTAGAGACGGTGTTTACCGTGTTAG
TCAGGATGGTCTCGATCTTCTGACATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCTCC
CAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTCA
GGTGCTGGTTCCATGGCTCTTCTGAGCCGAAAATAAGGAACTCCATAG
ACCTTGCTCACTGGAAGTCTGTTCCCATCTACCCTCCACTCTATCCAGGTA
AGAAACCAACCATCTCAGGAAAGGAACAGGCAGGAGTCAGAGGGGAAGA
TGGGCACTGAAG

>Sequence 372

TTTGGTAGCCCTAGACTACACGGCGAATTGTAGCTCCACCGCCGTGGCGG

Table 3

72/1077

CCGAGGTACGCGGGGTTGTGGGGACCCAGAGAATGGTGTCTCTTTAATAG
TGCGATTGTTGTTGTTGTATGCAGCTCAATCAGAAAAACAGGAATCCTAA
TCAGGAAAGGGCTAGAGGGATGTTTACTCAAGGGGAAATCTAGATGGTTA
CTGTTCTGTATTGATAAGAATGTCACCTGTTAAGTGAAGTCAGCCTTTTA
ATTCAGAATAAGTTCAGAGAAGGAGACACAAAACTCAGATTTAAAAAAT
TTGAATGGTAAGGATGATATTGATTAGGCACCCTAAGAAGTAGATTGCTT
TTCGACTTTGATCCCAGAATAAGCTTGTCATTTTCTTTTGTACCTGCCCC

>Sequence 373

AGGTACTTAGCATGAGCTCATTGACGGTGAAATTGGCCATTTATACATAG
GCAAATCTATAAGGAAATTAACAATATTTTACATTTCTTCTAATTAATGG
TCTTTTTGTGAACATGCACTGCCTACTAATGTCAGCTTATCTATGATTG
AATGTATAGCTTTCTAAAGCGTAGCAATTTTTTTGCATATTTATGTGTCC
TAAGAGAGTCCCCCGCTTCATTTTTCCATCTCTCAGCCTCATGAAAGGC
TACCTCTATCTAGAATTTGTGACAGAGGAAGCTGAGTTTTGTGGTTGATT
GTATCTTCCTGGTTACAATCTAGAACTATCAGAGTTTTGCAATGATAGTA
ACAGCAATGACTAACCCCTTGCTTGGAATAATAGCCTTTAATCATTATCCT
CAGTTTCTATCTGGGAAAACTGAGTGCTATTTTAAAGCAGTCTTCCTGCT
AGTAGTGGCAAGAATGGAGACATAAATCCATCCCTTG

>Sequence 374

AGGTACGTGTCAACATGTGACTTAAGATGGTTAATATATGTGTAGAAACG
ATACGTATTTCTTTTAGGCTGTGCCTTTAAAGGAAATGAGCAAACATTCC
CCTGCCACTTTCCCATTTTTGCTGGCTAGTAAATAATGAAAGAGCTGGAG
CAGATATCTTGGACCCAAATATGGGTGGCAGATGTTGAGGATGATAGAGC
CATCTTACTAATTCTTGCTTGCCAACATCTGGACTGTTATATGAGAGAAA
AATGAAATTTTAGATGCAGTAAGTTGCAAAAGCACTATTATTTATGTAA
CCTCAAGAAGAAAAATATACATACCCAGTTAAACTATGACATAATGCTTG
AATGACATTGATTACAAAACACATTTCCATTTCAGAATTGTTTACAAGTG
AAAATTTTGTATTTTAAAAACAATACATTTCTTGTTTAAAGCCACTGCACCT
GGGATTCATTGTGTTAGTGGTTTATGCTATATTN

>Sequence 375

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTCAGTGAAAGAACATCAGT
GTATCAGCACAGCAAATATTCCAAATGCCAGGCTGGATTCCCTCCAATTA
CCAGGACCTCCAGGCTTCTCCTCCTTCAAGAACTTTCTGACCCTGGATC
CAGTCTAAATGTTGGTTATAAACTCACCTGACATCCACAGGGCCCTTCCA
AAATACTGTCAAGTAAGTGATTCTTAAATTTAGTTCAACAAACACCAGTT
GTTGGACTTGGTTGCATCCAGGATTAGTTTTACAACAATCCCATGAGGT
AGGTGGGGGCTGGCACTTTGCCCATTTTATAGATAAAGATGCCATCTCG
GAGGCTCAAATGGCATGTGCACAGCCAGTTAGGGGCAGACCTGAGACTGC
ATTCAAATCTGATCTGCTTCTACCCATACCGTGGGGGAGACTGGGAGGA
AGGAGGCC

>Sequence 376

TATTCAATTTCTAACAGGTAATCCACATTCTTTATGCTATGTTGACAGA
ACATGGGAAAAGGCAGTAATAGACTTGTATATCTAGGATACAATAAAGAT
GTAAAATCTACCCTTATGTCTTTTCTAGTAGCTCATATATCCGCATTG
AAATGTGGTGATGATATAGTCATTATTCAAAAAACACAGGAGTGCCTAC
TGTGTGCTTGGTATGATGCCTGGTGCAGAAGTTGCAAAGTGTATATTCA
GGAGACAGCCAAGCCAAGCAGGGCTGGGACACAAATGTGTCCTGAATTGC
TGGGAGGTCCCAAGGATGAAATGCCTACCTGTTCTTTGCAGAATCAGGAA
GGCTTTGCAGAAGAGGTGGTCTCAGAGCTTGGAGTACCTCGG

>Sequence 377

GGAGTTAGGTCATTGACTCAGGCCGAATTTGAGCTCCACCGCCGTGGCGG
CCGCCCCGGGCAGGTACTACTGACTTACCTGCCATGGGCCNTTCNTAAGAC
AAGTCCTGCAGGAGAGGCACACTCTTCTAGCGTCAACTATTGAACCAG
CCACTGCCTTCACTCCTCATCTCTCAGCAGCAGTGGTCACTGGATCCAGT
GCTACATCAGAAGCCAGTCTTCTCACTACGAGTGAAAGCAAAGCCATTCA
TTCTTACCACAGGCCCAACTACACCCACCTCTGGAGCAAACCTGGGAAA

Table 3

73/1077

CTTCAGCTACTCCTGAGAGCCTTTTGGTAGTCACTGAGACTTCAGACACA
ACACTTACCTCAAAGATTTTGGTCACAGATACCATCTTGTTTTCAACTGT
GTCCACGCCACCTTCTAAATTTCCAAGTACCT

>Sequence 378

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTTGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTACCTTACAGG
GCTGTAAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GAAGTGTTGCTGATTAGCATTTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAACC
CCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCCTGATGAAGCT
GAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGCAGCTAGAGGCAGG
CACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATCAC
AACCTGGTG

>Sequence 379

CCGGCAGGTACAGACATACAAATATGGCTCCACCACTTATTTCACTCATC
TTTACATATTTCTTGGAGTCTCAGTTTCTTCATTAGTAAAATTAAGATAA
TTCACCTCATTGTTAGCACAAATTAGATGATGCATGTTAAATTTAACACA
GTGCTAGTCACAAAAAAGTCAATAAATGTCAGTTATTTTTATGATAAGAC
AATTCTAAGTTAAACAAACTGGAGGTATAGGTTTGATCAGCAGAAAGAGTA
GAACACACGAGCATATGCAACAAAAAATTAATAGGGTTTAACTTCCAA
AAGATCAAATATATCATTAAATTGGAACAATCAAGACCTAGTAGCTGGGGA
TAGGAAGAAATTAGTTACCTCATTCCAAGTAACTAAGTGATAACTAGTTC
TAAGAAATACAAAGAATTTAAAATGAAATTTTATTTCACTAACTTATTAT
TTCACTAGAATTTAAAATATACTATTTATGGATGTATTCCAGGGGGGGGG
AATACTGAACTTATTCTTATTAATACAGCAAGCGTTAATCACTAGATATT
TATTTAATAAAAAATTAGAATTGTCAATATGGTTAAAAATAATATTAAT
ATAGTCCCTGGGCGG

>Sequence 380

AGGTACCCTGCCCAGAGATTTCTCCAAAATGAGCTCTTGTAATGCAGGC
AAGCTAAAGCCACACAATGAAGCTGAAATTCATTCAGCTTAGCTTCTCCT
GAGAGCCTTCTTTTTGTGGGGGTAAACATTGCCCTTTTGTTCACAGCGAG
GTCTGCGCTAAGACTTGCTACTTAGGGAGTCAAAGCTAATAAAACATACC
GTCTAGAAATACAGACATAACTGGTAGAACTATACAAGAAAAAGAAAGGG
CAGAGGAAGAAGAGGAATGTGATTGTGAAGAGGTATGAAGGGGATTACAA
ATCCCTGCTTCTCAGAGCGTGGTCCATGGACTAGCAGTGTGGACATCACT
TTCAAATCTATTAGAAATGTGAATCTTACACCCAACCCAAGAACCTGCAT
TAAAATTTTCAGCCGGGCGCAGTGGCTCACGTCTGTAATCCTAACACTTT
GGGAGGCTGG

>Sequence 381

AGGTACTTGATTGTCTGAAATTCCTTTTGCATGATTAGATTATAGAGTAA
ATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAAACAAAAGTGAGATGCTAATTCTTGA
AAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCTAGATCT
TGAGTTAGCGAGAGAATATTCTGTGAGGTGATTCACTGACCTTGCCTATA
ACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCTTTGAAGTC
CAGGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGCATCCTGAT
TGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATTGACTCTTT
TCACAGTGAAGAAGCTGAGGTTGGAGCTTTGGCCTCATCTCTATAGGTTT
ATGCTGCATTTCTGATCTCAACAGGCGGGAGAAGGTCTTTCCTGCTCCCC
TTCCTCCTGGCACATGAA

>Sequence 382

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTCTTTTCCTTCTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAC
GGAATCTTGCTCTGTACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCGGT
CACTGTAAGCTCCACCTCCTGGGNCACGCCATTCTCTGCTCAGCCTCTTG
AGTAGCTGGGACTACAGGTGCCACCACCGCCTGGCTACTTTTTTTGTA
TTTTTATTAGAGACGGTGTTTCACTGTGTTGGCCAGGATAGTCTCGATCT
CCTGACCTTGTGATCTGCCCCGCTTGGCCTCGTAGCTCTTTTTTGACCCTC
AGGGACAGTCACTGAATTATGTCTTGGGAGCCCATGCTTCTGAGGCAGGC

Table 3

74/1077

TTAGGGAGCAGGAGAGCATACAGGTGTAGCAGCCTTTCCAGCTGATCCCC
ATGCCCTGCTGCACCTGGAGGGCTGGAGCAAGCTATTCTCATATTGGGGA
AAAGGGCTGATGGGACCTCAGTCATGTGGCAGAGAATCTGAAAGCCAGAA
GCTTGGCAGGTCTGTCTCGGNGTGGGGTGACGGAGAGACATTTCCCTAGA
ATTCAACTGCTTGGAGCAGAAAGACAGAGCATGGGCAAGTGCTGGGTATT
TGAAGCCCGCAGTCCTTAGCATGGCCTAAGGCCGTCTGTTTTATGACAGA
ACCTGAAGAAAGGCCCAAGCATTATGCATCTATGTGTGCCAGTCTACTTG
TGCTAAAGGCACTTTTTAACATTGGAACCCCTTCTGTCTTGACCTTGTG
CGGTTTAAAACTAATGGAATCCCCCGGCTCGAGGAATTTGAATATCAAG
CTTAAG

>Sequence 383

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTACGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAAGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAAGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAATACAGCCTTTCACCCTGACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATA
TATTAATTCAGTGGCATGGATGATATTCTCAAGACTAATTGTTTCCAGTT
TGATAGGAGACAAATTAAGGCTGGAAGGCACTGGAATGCCTGATGATGA
ATTGGACTTTCAAACCTGGGCACTACTGAAACAAATGGATGGCCAGAGAC
ACATGAGATTCAATTGGAGCCAGCTTCATAGCTAAGTGGGATACACAGAAC
CTGGAAATGCATGGAGCATGGAGCTTGAAGTTATCCACATTGGTTACTGA
TGAAGTGACAGGTGATGAATGGGATGATACTATTTTATTTTGAGGCCACA
GGTTCTCCATCCTTAGATGGGGTGACATCAGTTTGATATCATACGATGGG
ATATTATGATGAGATCACATCATGTGGTGATTTGAGGTGATATATGATTA

>Sequence 384

AGGTACGCGGGACAAAAAAGGAATCCTAATGCTACAGAACTGCCACTCCT
ACCACCTCCTCCAAGCCTACCCACCATTGGAGCAGAGACTAGACGTAGAA
AAGCACGACGGAAAGAGCTAGAGATGGAGCAGCAGAATGAGGCTTCAGAG
GAGAATAATGACCAGCAATCACAAGAAGTTCCAGAAAAAGTAACTGTATC
CAGTGATCATGAGGAAGTAGACAATCCAGAAGAAAAACCAGAAGAAGAGA
AAGAAGAGGTTATAGATGACCAGGAGAACCTAGCTCATAGCAGGAGGACC
AGGGAAGATGAAAGGTAGAAGCCATCATGCATGCTTTTGAAAACCTTAGA
GAAAAGAAAGAAGCGGCGGGATCAGCCCTTGGAAGAGAACTCTGATGA
GAGATTACTACAACCACCTAAAAACCTTGTTGGGGAGGGGACAAAAATG
AAACCCCGGAAGTGGAGTAGCAACTCTGG

>Sequence 385

CCGGGCTGGTACTGAAGATTTTGCACCATCATTTTTGTTTTCTCATAAA
TTCTTTATGAGGCTATTAGTCTCTAGGGTGCTCTTCTGAAACCAGAAGGA
AATTTGGCTCACACACACACAAAAAAGTTGCCATATAAAGGCAACTG
CAAAATATAGTGGGAAGTTGGTGGAGGATGGAGTTTCACTGAGAATGGGA
CAGCAACATGATGGAAAGAACATGAACTTGAATTTCACTTCTACCACTTA
CTGAAAAGATGCCTTTGAACAAGTCTCAATTTCTGAATCTTCATTTGTTG
CTCTGTAAAATGGGGTCATATTATCTCACAAAGTTGTACAATAATTAAA
AATGAGATCTTTGTTTCTAAGTGACCTGACATATATTAAGGGGGAAATCA
TTTGGGCTTTCCATTTTCTTTTTTATAACGCTCTCATAAATGTAGGGGAA
AGAATCCT

>Sequence 386

CCGGTCAGGTACTAAGGGATCAAGGGACTTTTTCCAAGGCTGAGCAGGTT
TAAGGAAAACATCTAGGTGAAACATCTAAGGGCTAGCTAGCAATAGGAGA
GCCATTATCACTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTCTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTATTTTANNANNNTGTTTAAAACCAACCTTTTTTAAAA

Table 3

75/1077

GGTATCTTTGCTTTTTAAAAAATTTTTTTTTTAAAATTTTTTTTTTTTTTTT
TTTCGGGGTTTTTTTTTCCCCTGCGCCCAAATACCTTTTTTTTCCCCTGGG
GTGAAAAAATTTTTTTTTTTTTTTTCCCCTCTTTTATTAATTTTTTTTGTT
GCTAATTTTAGGTTNTTTTTTTTTTGGTTGTGGAGATTTTTTCCTCTAAC
AAC

>Sequence 387

CCGGGCAGGTACTTTGTTCTTCTCTCCCCTACAAGAGGGCAGGAACCTGG
TCTTAGTCATTTGTGTATCCAACAGCATCAAGCAGGTATGTAAAGAGTGC
TTGTTGAATAAACTTAATATAAAAAATTTAAGTTAGCTCTACGCAACATT
GATGTAAGAGACAGAAGTGCCATGTCTCTGTTCCAATTAGTTTTATTACT
TAGGCATGAGGGTTCAGGTTCCAAGTTCCCAGGTCCGGTGTAATGTCACT
GCTGAATTTACCTTGGAGAAGGCACCAAAGCTAACCACAGCAGAGACATT
GTCACTCACAGCAGTGTTGTGATTAGCCAATTGTCTTTGGTCGCGTTATG
TATTGCCATCCTTCACACCGCAGATGGTTCTTATCAGCGCGTCATGTCCA
TCCTTATTCACGGTTACCTGTTCTATGGGAATAAGGCTTTGAGAGAAATT
CGGCCATATTAATCTAGAACAGTGTTTCCTAGACAG

>Sequence 388

CCGGGCAGGTCACTAATCTGTATTCTAAGTTTGAAGATTTGATCTTCATG
ATGATGTGAATCTGTGTTTCTAGTCTTGAGAAATGGATTTTAGGCTGGG
TTCTAGAGAGCTGAAGTGATAGTGAGCTGTGCTGGTGGAGGTGAAGATGT
AGAGTGTTCTAGAGGTGACTAGCATTTTAAGCTAAGGATTGTTGGCAAAT
AGAAGATGAAAGAATAGGAAATAATTCCAAGATCTTCAACTCTTCTGCAT
TACAATATGTAACCAAATGATCTTAATTGTCTAGTCAACCAAAGTTTACA
AAAAATAAATTCTGCCATAACTGTGACTCAAATATATGCGAATGCATAAA
ATATGGGTAAGAAAGTGAATTTGAGGCTTGAACACAGGTAATTTAGAGGA
TCTTATAAGAATTGCCAAGACTTGATGGT

>Sequence 389

AGGTACATACTTCAGAGGGCTAGTTTGCAGGAGTCACTATTTTAATCCATG
CACAGTGTTACAGCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACAACAGC
TTTTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTCAGGCT
CCTAGGGTAATATCCTGTCCCTATCACTTTCAATTGTAGGAAGATGGGCA
AATTACATACCCCCATAAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACAGAGATAA
TAATTGTATCTACCTTATGGGTTATTGCAAGCAGCACATACAGTCACCCA
AATAAAGTATATAAGAGTTCTCTTGTAAGTTCCCAGTAAGTGCTCACTCC
TATGATATTTGAATGTTCCCCATTTGAAATTCCTGTGGTATTATGCAATC
ATTCTGTGCCATAGGAACCCGATTAGCATAGGGTCCTGGGATTCTGGC

>Sequence 390

CCGGGCAGGTACGCGGGTGATCTAGGTCCTGGGAATACAGCAGTGATCCC
AACAGACAAAGCCTTGTCCTCACAGAGCTTACCTTCTAGAACGAACAAAG
AAACACATAAACACACAAAAATGTCAGATGGTGGGATGTGCTACGGGGAAA
TAAAGCAAGCATTCCCTACCCTACACTTCCTTGTAAGAGGTAAGAGTGGG
TTGCTAGTTTGTATCAGGTGTTACAGGGAAGGCCTTACTGACATTTGACCT
AAAAGAAAGGTAAGAATGTGACACCTGATGATAAATAGGGAAAGAGTATT
TCAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCAGGGGGCGGAAGTTGCAGTGAGCCA
AGATCACACCGCTGCACTCCAGCCTGGCAACAGAGTGAGACTTCATTTTA
AAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCTTGGGCGCTTTTGAACAGTGGATCCCCC
GGGCTGGAGG

>Sequence 391

CCGGGCAGTTACCAACCAGGTGAGGAAGTCAGCATCCAGCAGGGTTGTTT
AAGCTATTACAGGATCACACAGCAGGTGGCTACACGCCAGGACTGGGTGG
GGCCACAGTGGGTGAACTGTGAGGAAATCCACAAGCACCTCTAGGTGC
TCAGGATCGGCTCCTACAGATTCTAGTCCAATCTCATTATGACCTCATT
TGCTTTTCAGTTTAACAGTGCTTGGTTTGGTTTACTATTTTCCCATGG
AAACATTTTTTAATTATGTCTTATCAGTTATTCTCCATTTATCCCAAAGG
GTCGGTTTTGTGATTTTAAAATTGACACTATGTAGACCTTTATCTTTCAT
CATACGCAAAAATCAACTCACAATGAGTTTAAAGACTTAAACATAAGACCA

Table 3

76/1077

AAAACTATAAACTACTAAAGAAAACCTAGGGAAATCGCTCCTAGATATT
GGTCTAGG

>Sequence 392

AGGTACCGCATGTTGACATAAGATGAAATGCATGAAGAACATTCTGAAAA
AAGTGAAATTTTCTCCAGTGCTTGGCTTTATCGAGAGCTGATCTTGTGAT
TTCTGTCACTCAGGCTGTGGATGCAAGTTAAAAAGCATCATCTGTAACCA
GTCACAGGAGGATTTCTGAGTTGGGCTAGGGGAGAGAGATTTCTG
CTTTGGGTCCCCATAGTTTCTGTAACCTCTGGTTTAGTTTCCTTGTCACTG
GATCCTGCATTCTTGTAGGGCAGCCATTGTATTTTATCTTTCAGCTTTAC
TAAAGTATATGAAAAGCCGGGCATGCTAAAGTGTACCTGCCCGGGCGGC

>Sequence 393

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGTTGTGAGTGTGGAAGGTAGACTCTTCCAG
ACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCT
AAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATC
CCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCC
AAGTGAAGTCAGCAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTACAGATA
CCAGTAAGATGTCATCTGAGCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTTT
TTATCCAAACCGCCCTGTCTCTGGAATAAGAAAAGCTCTGAGGGGTCTC
CAAAGGTTACCATAGGAAGGGCTGAATTTTATTGGGGATTGATAAAAAATT
CCCAAGCTTATGAAGAAAAAATAATCATAAATCTTTTCCATGGGAGAA
AAAAAGAAAAAGCTTGTACCAAAAAAG

>Sequence 394

GGCAAATGGCTACTCGACTACCGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGAGGTACGCGTGGGGAGAACGTTTGAAAGTCCTGAATTTGCTGTTG
TCCTACAATCCTTTGTGGCTTCGAATTGGTCTAGAGACAACCTTATGGAGA
ACTCATATCTTTGGAAGATAACAGTGATGTCACAGGGTTGGCTATGTTTA
TTCTGAATCGCCTACTTTGGAATCCTGATATAGCAGCTGAGTATAGACAC
CCCACTGTTCCCTCACTGTATAGAGATGGTCATGAAGAAGCTTTGTCCAA
GTTTACATTGAAAAAGTTATTGTTGTTGGTCTGTTTTCTTGATTATGCTA
AAATTTCCAGACTCATTGATCATGATCCTTGTCTCTTCTGTAAAGATGCC
GAATTCAAGGCTAGTAAAGAAATCCTTTTGGCTTTTTTACGAGATTTCCT
AAGTGGTGAAGGTGACCTTTCCCGTCACCTTGGCTTATTGGGATTACCTG
TTAACC

>Sequence 395

AGGTACATGGCCAGCTCCTCATGGTGATTGTTGCCGTGAGGAAATGTGAC
CACTTTTGCTAGATCTAGTTTTTTCAAAGATGCCCGCATTTTGAAATGT
AATGTAAATTATCTAATATTAACTCTAGACAATTAAAGTAAAAACCAA
CAACCAACCAAATGAACCTCAACACAGGACGGGTATGCCCGTGGGCCAC
CAGTCTGAGACAGCTAATCTAGAATTGCAGTCAGCCGGAGTGACTTGTAT
TTTACGGTTCTGAGTGTAACACCCACAGTTCCACTTTAGAGTTGAAGAA
ACTGACGTAGGGGGAGTTAATAATTGAGCTAGTCAATGGTAAACATAAGG
TTTCAATTGCCGGTGTGTCTGAATTGTGAAGCCAAGTTTTTTTCCATCT
CACTGCCTTTAGGCAAAGGAGGGAGATAATAATGGAGAGATAAAAGGAGG
AATGGAGGAAAAGAGTTTA

>Sequence 396

AGGTACTTTTGGCAGACATCTTTAATCCATCACATCATGCCTTCCCACTG
ATCAGAGATCTAGCTTCAGGGCATTTCGAGTTACCACTTAAGATGGATAG
AGTGACCCTCCCTTATCTCACTCTTCTCCTTTACAGAAGCAGGATCTGA
GGCCCAGAGAGGGAAGCTATAATAAACTCCCCTAAGTCAGGTCCCTTCTA
AGAGGCAGAGGTAGGTTTAGAACTCAGGCCTCAGAACTTCCAGAAGCCA
AGCCATTTGGGCTGTAGTTGGTGGACAGTCTATCAGCGCTCTGCAGATGT
TTCTTCTCAGTTAGGGAACCTTGAAAATGCAGAAAGAAAGATTCTGTCTC
TAAGACTCTGTGTATGATCCTACTCGGTAATCTGCCTGCTTGGAGAAAAA
ATATTTATCTTCTGGGACGGCTTTACCACAAGGCCTGAATGCTATG

>Sequence 397

GGGGACGTCGACTCAGGCAATTGTGACTACCGGGGGCGGCGAGGACTAA

Table 3

77/1077

TGAAGGTCTCCAATACCTAATTTTCCAATAGGGCTTAGATTTATGAAGTT
GTATATTTTTCTCCTTATAAAAAGCTCTTTTTATAAAGAATATCCATG
TAATACTAAAACGGGGAAATCTCCTAAATAATATATTTTTTAATATTACT
TTTTTAAAAAGCTAGGGTGAGCACCTCACAATCAAAATTTAATGTATTG
TCATATTGAAATGCAGGGTTTTTTGAAGGAAACATGGTAGGTAAACATTT
TAGTTCCCAACTCCTGATCGTTAAAATGCAAAATTGGGCCTGGTGTGGTG
GCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGACCAAGGCGGGTGGATCAC
GAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCTAGATGGTGAAATCCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAATTAGCCCGGCATGGTGGCAGACCC

>Sequence 398

CCGGGCAGGTACTGAGCAATTTTATAGAGTCCTAGTTCTCATGGAAATTAT
TGTTCTGTAAAGAAAATAAATATACCAACTATTACAAAAAATAAGTTATA
ACATTACAGAAGCAATAGAACTTTAAGGGGCAATTAAATTTGTCAAATA
GGTCAGGAAACATATGGCATATAGCATCACAGATTTGAATTTAGCCTTAT
ACCCTAAAATACACATGTATATTACTATGCTATAAACTACACAAGCAAG
ATATAAGTGTGTGTGTTGTGGGGGAGGTGAGGGGGATATATTTTGAAT
TATGTCCTGCTGCCTAACTTATCTCTTATAAGGACATTGTTATCTGTTT
ATAACTTTTCAAAATAAAAATTTTTTTTTATTTTAATATTTAATGGTTTT
AGTTGATTCATTATTTATTCTATATGCGTCTTAC

>Sequence 399

AGGTACTCATATAAGAGTATACTAATAATGATCGCTAGGGCAATAGTGGT
AGAAAAGGAAAGAAAGAATAGATTTAGAGATATTTTCATTGGCATTAAAA
ATTACATAACTGGATGTTTTGAGCTGGAAAAGTGTTTAGAGATCATCTAG
CCCATTACGAAAAACAAAACATTAATGTAGTCTTTCCAGAAAGCTTTTAC
CTCAAACTTAAGTTGCATTTCAACCTCAACCTTTTTCTCTAGCTGAGT
CTAGCATATCCCCCACTGCTCCTGGCCCCACCAGGCTAATACTACTGCCG
TATCAGGGATTTTATTTTATTACCTCTTACTTAAATACTCA

>Sequence 400

ACGTACCCAATACTTCATAAGGCCCTGAGAGTCAAATAATACAATTATGA
AGGCCATAAGAAGCCAGACAGGTAAACACAGTCTTCCTTGTGATGCTGG
TGAACAGCCATATACTTACTGATGGATCTCACCTCCCAACTCAGACTCTT
ATGGGCAGAGGCATATTTAGTGCTTTCATAGGCTGAGATCTACTAAGGAT
CACAATTTTTTCTATAAGTGTTTCATCATCATAGATTCTGTGTTACACT
GCCCCAAGGATTCATTGCTCCTAGCTCTTGGAAATTTGTTTGACATCACTC
AGCTAGCAACCCCTTTGGGAATTATTTTGGCAGAAGAGAGTCACTT

>Sequence 401

TCTAACAGTAGAAGGTTGCCAGGCAGAGCTGTGGTAGCAGTTGTGAAGA
ACGAAGGAGTAGGAGCTTGTGAGTGTTGATTTACAAGTAAGAGACCATT
ATTTAGCACAAAATATAAATTGTATGATTAGCTTAAGAGATTTGCCTGGG
AAAAGTGTATTGAGATGGTTAAGTCATAAAGGAGGAGTTTCATTTTAA
TTTGATTTGATTTTGTAGAGACAGGGTCTTGCTGTGTTGCCAGACTGG
ATCAAATTCCTGGGCTCAAGCAGTCTTCTGCTCAGCCTCTAAAGCCAC
CAAGGCCAGCTTTTTAAAACCTTATTTTATATATAAAAAAAGAGTTTAA
GGATTACAAAGG

>Sequence 402

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCTTGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGAC
TTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGGGCTT
AGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCCCTCT
GCCATAACACTCATT

>Sequence 403

AGGTACTTTCCAATTAGGTTTTACCTGATTGACATGTGTTTCCTAAGAAT
GATATTCAGCCAAGACTTTTGGGAAAATCCATTATTTGATTCCCTGCACA

Table 3

78/1077

GCAAAAGCCCACCTGATACAAACATAAGATGCTTTATGGAATAGATAAAAT
CCAGGTTGGGGGAGAAAGGAGAAAATGGCTTTAAAATATCACTTTGCCAA
CTCAAGATGAGAGTTTTAAGATGAGGGCATCCCTTGTAAGTGTAAAGCACA
TAGGGAAGGCTCAATAAATGCTTACCAGGTGAAATTCTTCTCATGTAAGC
TACGAAAGCATCTCTTAAATATTTTTACAACCTGATTTCTGTTCAAGCTC
ATGCTTGCCAGTGAAGATACACTTTTCTATCTCATGCTAACAACCTTAATT
TTTTATAATTCTGACCACTTTCAAATGAGCCTATTTTGAAGGAAGCCTTT
CAGTGGGTGTC

>Sequence 404

GGCCGATGCATCGAGCTANATACGCAGTACAGGGCGAATTTTAGCTCCAC
CGCCGTGGCGGCCGAGGTACTGATTTGTCTAAATTTTGGATCGCTGTCC
TACATGTCACCTAGCTGCTGAGAGCTTTGTGATCCTAACAGGTGATGACT
CAGACCGACACTGCATTGGTAGGAATTCCACAAATAGGTGCCTCAATGTG
CCTAGATTGAAATATCAGCCTTTCCAGACTGACCCGATGGGTGACTTC
AGGTGTGGCGTAAACACCTACATTTTAATGTAAACATTTCAGTGTAATCA
ATGAGAATATCATTCTGCTTTAATCACCATGAGTTCTGAAATAACAAAG
GATTTGTCTGACATTCATTCTAAGAAATTCATTCTTACCTGACTAAGAAA
CTTTTTTAACCTGGCACATAATAAGAAATGACCTGTAAGTACCTGCCCG

>Sequence 405

AGGTACATGTCTGTGGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATT
GCTTGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATTGCTCCACTGC
CTTCCAACCTGGACGATGGAACGAGACTGCATCTCCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAATCAAACCATGAAATATTTTGGACTCTTATACTAATTCCAA
CACTTTGAAGATCTGGGGGAGAACAACTAGATTGGTGCTTTCCTTGGCTT
AGTATGTTCTGTTTTATAGGGAGAGCAAATTATTGTTCAACAGCACTAT
TAAAATAGCTACAACAGGATGGGCATGGTGGCTCACACCTGTAATCCAAC
ACTTTGGGAAGCTAGGGGNNAGCAGCG

>Sequence 406

CCGGGCAGGTACAAAAAGACTAAGTCAAAAAATTTTCAGCTGTGCACAGTG
GCTCATGCTTGTAAATCCCAGCACTTTGGGTGGCCAAGGGAGGAAGATTGC
CTGAGGCCAGCAGTTCGAGACCAGTATAGGCAACATAGCAAGAGCCCATC
TCTAAAAAAACAAAACCAAACCAAATTAGCCAGGTGTGGCGCTGGCACC
TGTGTTCCAACCTACTTGGGAGACTCATGTGACAGGAAGATCACTTGAGCC
CAGGAGTTAGAAGCTGCAGTGAGCCGTGATCTTGCCACTGCACTCCAGTC
TGGGCAACACGGCAAGATACTGTGTCAAAAAAATTTTTTTTGATAAAAAA
TAAAAGAGTTACATGACATTCAGAGACCATCCAAAAAACCTGTGGGTTCC
CGGCTGGGCTCAGTGGCTCATGCCTGTGGTCCCAGCACTTTGGGAGGCCA
AAGTGGGTGGATCACTTGAGGGCCAGAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACA
TGGTGAAACCCCGTCTCTACTAGAAATACAGAAAATTGGCCAGGCATGGT
GGTGGATGCCTGTAATCGCAGCTACTCAGGAGAGGGCGCTGGAAAATCGC
TTGAACTCATGGTGCGCANGTTGCAAGGAACCCAAAATGCACCATGTGC
TTCAGCCTGGGCAACAAGAGCAAACTTCATTCAAAAAAAAAAAAAAGTAC
TTTGGGCG

>Sequence 407

CCGGGCAGGTACTCTGCATAGATGGCAGATTACAGGATGGATAGGAGAAA
GTGTTTAAACATTCCACCCACATCATCGCGCAATCTGAGGCAGCACCACA
AAATCTGATGCCAGTAGCCCTGGAGTAATATCAGGACACCAGGAAATTTG
AGTTGATTGAGACACTATGGCTCCAGAGTTCTGCTAACAACCACTGAAA
CAAACCTAGTAGGAGAAGACCAGCCTTCAAAAAAATTATTATTTTAATGG
AATATAAAGAATGAACTAGGAATAGAATAGTAAGTATGTGTGAAGGCCAC
ATACTATGAGTAGATATTAATAAAATATGTGTGCATTTATATGGTATAAA
GTCTAGAAATACAACCGATTTTGTAGCTAAAGATATATACATGTAGGTAA
ATTTAAGATTTAAAGATTTTTTTCGCTGTATGTATACATATAAGCTTAGA
TGTATATAATGTCTAAACAGGTATGTATAN

>Sequence 408

CCGGGCAGGTACGCGGGATATGGAACTTCCTACATCACTTTGCTGTGTG

Table 3

79/1077

TGTTTACACAGGTGGATTTTGCTTTACTTGCACTGACAGCACACAGGAGG
GCAGCACACACCCCAACCCACATCAACTGCCATTAAGAAAAGAAATTTTC
AGCCCATAAATTTTCATGTCCAGCAAAAATAGGCATCATAAGTGAAGGAGAA
ATAAGATCCTTTTCAGACAAGCAAATGCTGAGGGAATTCAATATCACCAG
ATCTACCTTACAAGAGCTCCTGAAGGAAGCACTAAATATGGAAAAGAAAAA
ACCTTCACCAGCCACTTCAAAAATGCCAGTGAAGAACGCAGTGAATTGCG
CACTCCAATGATGCTAAAAACCAACCACATACGTTTAAGTCTGCAAATA
ACCAGCTGACAGCATGAAGACAGGATAAAATCCACA

>Sequence 409

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGA
AAAGTCGAAGGATGC

>Sequence 410

CCGGGCAGGTACCAAGTGCTTTACATGAATTATTGGATTTTCATTCATGAA
GTTGATTCTTGCTGATTATATTAAGCACTGTTTCTTTTGGTTTGTTAC
TTATCTAGTATCTGTCTTACTTACTTACAGGAGGGCAAGGAGCATGTCTG
TTTTATTCTCTGCTATATACCAGTGCCTTATACCTCAATCAATGTTTGCT
GAATTAATAAATTAATGAATCTGTGAAAGAAAGGATGAGCCCTCTAGAAA
TGATCTTTGACTCTCTTCTATCAAGTGCTCTTGATTCTTTCACAAGCAGC
ATTTCTGGGATGCATTCATTTCTTTATCATTCTACAGCCATAGGCCTGC
TCCTGACTGTCACGGGCTTAAGTCTGGACTGTGGCAGCCACATCGTAATT
CTTATGTGGTCTAGCTTCTTCTCACTCCAGCCG

>Sequence 411

AGGTACCTGGAACATAGTGGTATTTGGCAAATATTTGTTGAATGAATGAA
ATGAATTTACTAAGCTCTATTTGCCCTATATTCTTCTGTGTGATTTATAT
TTTATAGCCCCTTTGTTTCCTAATAGCACCTAATTACCGTCATTCTCA
CTGAGGAAACTGAGGTTTGGTGAGGTCAAGTGACTTCTTCAAGACACTTT
TTTTTTTAGACGGAATTTCACTCTTCTTGCCCAGGCTAGAGTGCGATGGC
GCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCATCTCCCAGGTTCAAGCGATTCTCC
CGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCATGCGCCATCACGCCT
GGCTAATTTTGTATTTTAGTAGAGACGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGG
CTGGTCTTTGACTCCCNAACTTCAGGTGAATCTTCTTGCCCTTGCCCTCCC
ACAATGCTTGGGATTAACAGGCGTGAGCCCACTGTGGCCCGGCCAGACAC
TTCTTAAATAATACTTTTATGCCAAGGCCATTTATATTTATGCTATAAAA
AGTTGTTCCAAATTCAGGCTAATCTTCTTTCTGAACCTAGAACATGC
AGAAGATTCTACTGGCAAACCAAGTGATTTAAGAACTTCCGAAACCAAAA
AGACCANATTGTGGGGTANGGAAGGTAACAAAATTGGAAAAAGACAGACC
CTAGTCAATGGGTTTGGGAAAGCCTTCATTGGTGGTGAAGGCCCTTTGAA
ACCTTTTTTAAATGACCCTTAGGCCTTCAGGCCTTTTGCCTTTTAAAC
TGTTTTGACCCCTGACGCCCTTACATGGGGTTCTTCTCTTGAAACTGG
GAATGGATAATGGATGGTTTACACTTTGGCCTGAACATAAACTTGTTGG
GCATACCAAT

>Sequence 412

CCGGGCAGGTACTAGCTGAGGTCATTAATTCCCCTTACCTTCACGTTTGG
CCAAAAATGAAGAGAAAAAATATTTTCTGTTTTTTTTTTTAAATACCACAG
TGTTTCAGGTTCTTGATATGAGTAAATCACTTTTGACGGAGAAAAAAGAA
TCGTTAATGTTGACTGTTTCCACTAGTCAAATTACTTGTTTATCAGACTT
TAGATTATAGGAATCTAAAGAAAAGAGTAACATTTCAAATAAATTTTGAT
AACTGTTCAAGCCTTAGTGAGCTCTTCTCAAACAAGAAAAGCCACATCCA
CTTGAACACATTGTAGGAAAAATTAGGAAGAGTTTTTTTTATTTATTGTC

>Sequence 413

Table 3

80/1077

CCGGGCAGGTACTGCAATGAATTCAGAAAAGAATCAGGCCTGTTACTCTC
CGAAGGCCTTTCTCTTTCTTTATCCTCTGAAGTAAAGCTGAGGACTGCTT
TTTGGGTGAACAACTTAGGAGTTGAGAGTTTCAGAAAAAGGGCTTGC
AATGTCATGTCCTATTGCCACTGAAGAAGAAAAAGGCACACCAACTTCAC
ACTCAGCTACTCCAAGTTCAGTTTCAATTAAACATAAAGAGACAGCTGGG
CCGGGCACGTTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGG
TGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGTTN

>Sequence 414

CCGGGCAGGTACCTACTTGAAGGACTTCATAAGCAAATTACGATTTAATT
TACAAGAACTATGTCACACGTATACACACAGGTTTTATATTTGTTGT
CTTTTCCGTGATTATCTCTTACAGTGTGTATATTTAATATATTCATTTT
CATTTTAATTTTATGTACGGTTCCTCANTTCCTTCATATGTGTATTACAT
TTCCCTGGAACATACAGTATTTTATATACTTAGCAATGGAAAGCTCCTG
GTTTCAGTTGTCTGTGCAGCAGGCAGGGGAGGAGAAGAAAATGGGTAC
ACTCCTGACCCTGCCTGCATAGCCACAGGTTCCCAAAAGCAGAGGTCCTT
GCTGTGCACCTCCCTGGGACAACCTTTCTTATTGATGGGTCTTGTGTTTA
ATTAATGAGAGTTTGTGTTTAAGGGTATGGGGCCAGGTGCAGCTTCCGAAT
CCAGTGCAAGAGTGGAAATAAGCTTCCAAAACAGTATCACCTGAGAGAGA
ACTGAGTCCATCCCTGTAGTACCT

>Sequence 415

AGGTACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCAGTAATAGTTCAAAAATTA
ATAGTTTTTGCATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTCACAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATAATTGTCAATTTTTTCAATTTTC
TAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAAATATTAGTAAAAATTGAA
AATAAACTTGTGCTTATTTTTGTTTGCAACACACTAGTTAATTTAACCT
GTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAA
TTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAAGA
AGTTTTTTN

>Sequence 416

AGGTACTCTAGTTTATTATTATTTTTTTTTCTTTTAAGGCGTAGCATT
CTAGAAGTATAGCTTTGGGAACCTTGTAGCATCTTAAAGACTTTTAAAGG
GTTGACAGCTATTGGCAAATTGACTAATACAGAGAACTAACTTTGGTTC
ATGTATTCAATGTCTAAATGAAAAATGGGAAGATAAAAGAGCTAAGAATG
AAATGTGATTTTCATGTGCTTCTCCTTTTTAGCTCTTATAATAGATTGAAC
AGATTTGATATTTGTGGTAAATACACTCAGGCAGAGTGACAGAGGCTTGG
TTGTCATTTAGCCTTTAGGGCCTTAGTGAGTTAATGAGAACTGCAAATG
GTCATCAAGT

>Sequence 417

AGGTACTTCAATCCTAAGATGCCACTGAATGGTCTCTTACAGTCCTTTAT
GGACTATTAAGAAAAACAGATTGCTAGTTCAATTGTCACATGCTATCAGT
TGCAAGTGGTAAACTATACATCTCAGAATCAGTAAAGTGTGGTATCTGG
AATAACAGTTACAGGTAAATTTTTTTAATGATTTTATGATGAATTACA
TACATAGAATTAAGTTCAAAAACCTACCTTAAAGGGTAAGATACGTTA
CTTTTCTATGCTAGTAGGAATTCAAATCCTTGAATGATAAAGCCATTTAG
AGTCTTATTCCAAGGTCCTGCTGANCAGAGCCTGATGTCAACGATTTCCA
TGACATAATCTTGTAACCTTTGTAAGGCTTTTCTTTTCCCGTCTTCTCT
ATCAGGGCTGGTGGGATGGGAAGGGCCCCAGATTTTGGAAACCAAGGAT
GCATACATAACTTATTGGT

>Sequence 418

AGGTACTTGAGTTTTTTCCCTTACAACCTTATATAGTCTGTGAGGGATTAG
ATAGGTATGCCTTAACATGATGCTAAAGATGTGGCTAGGGTTGCATATTT
CTTATATGACTTAGTTAACTTTGCCCTCTTCCAAGGTCACAGATTTTGT
CCTGACCCCAATCACCATGCACATGTGCACATGCACGTTCAACATGCCTT
TGGTAAAATAAAAGAGGACCAGGAGAAAGTGTTCAAACCTTGCCACTTCCT
GACTTCTAGAAAATAGCTGAAAGCCCATGCCCTGCTGATGGCATATCCTC
AGATTCAAGATCTAAAATGCCGTCGTAACAAAACACAGTTTGTGTTTGCTA

Table 3

81/1077

GCTTTTCTTTTCCAAGTGGTATCTATAAACATTTGCGAATGGCAGCTAA
ATTGGTTTTTCTTAAACAGTCATGAGTTGATTGCCAATCAACAAGGCAAG
CCTTGTAT

>Sequence 419

AGGTAAGTGAATTCAGGCAAGGGCACGAAATCCTTAAAGCCAAGCCTATCG
CCTTTTCTGACTTCTGCTAGCGAGCAGGCCACGACACTGTAGGCACAAG
GCAGAGATCCCAATATTTTGATAAATAACGTAGCAGATGTCCTAAAGCTT
CCCAGAGACTCTGTAACTCTTGGAATAAAGTTTTCACTTTAAATCCTGT
ATATATCAGGAAATTCAAACATAATGGTATATGGATTTCTCTTTCATCTG
AAAAACACCAATGCAATAGATTAATGCTACCACCAAGCCAGATGCAGCC
CCGCCTCCAACCTGCAAGGAACCCATTCCCTCGACATAGACCTGTGCTGG
CGACATGGCTGACT

>Sequence 420

AGGTAAGTGAATTCAGTATGCTGTAGTATTAATCAGTATGTCAAGTTCAGTGA
AGTAAAGGAGAATTGAATTCCTGAAGTTCACATTTAGGCCAAAAATTTGGC
GTTTTAGGAGGCTGAGTATAAGACATGATCTTTATAGAAAACGCTGATGAT
AAAAACAGCGCTCTCTGTTAGGTGCCTTTATGCTTGACTCCATTGTCATC
TTTTCTTAAGAACTAAGCTCAGGACTGGGTGCAATGGCTCATGTCTGTA
ATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCTATAGGATCAGTTGAGCTCAGGAG
TTCAAGATCAGCCTGGGCAACATAGCTAGACCTCGTCTCTACTAAAAAAC
AAACAAACAAAAAAACAAAAAAACGTACCTGCCCCG

>Sequence 421

CCGGGCAGGTAAGTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTATAGATGGGGT
CTTGCTATGCTGTCCAGGCTGGTCTCGAATTCCTGGCAAGTGATCCGCTT
GCCTAGGTCCCTCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCTATCGCTCCCA
CACTGACGATTTTTGGTGGGAGTGAGGGCAGGGATGCCCTTCATCAGAA
GAGACTGAGAAGAGGGAGAAGAGGGACAGCTGTGGACAAGGCCTTATAAG
AAGGCCTTGGATTTGGGAACAGAGGGTCCCTGTGCTGGGTGAGGCCTTC
AAGTTTACATCCCAGAGATGTGGCTGTAAAGGAAAGGGGGGNGGTGGNAG
TAAAAAAAATTTTTACAGGAAAACACATGCCAGGGAAATACTTTTTTTC
TCTTTGGAGGAAGCTTTCACATGCCTGTAAGTGGAAGTCAAGAAAGGAGC
GGAAATCCTTAGGGGTACCCTCGC

>Sequence 422

CCGGGCAGGTAAGTCTTACCTTAGAAGTGGAGCTTAACGCATGATACAGTGT
TACATGAAAAATGTAACCTATGAAAGATTCTTCGGTGTTTGTTGCTCGAC
GTGATTTGGAAAAAATCAGCTTATTTGATCATTCTTTATTCAACTCAGT
ATCCTGGCAAAATAAACTATTCATTTTCTCCGTATATTAATATAACCTG
GCATGCCCTACTTCAGTGCCCATATGATTCTCTTTCCCTCCATAAGAGAG
ATGTGTTCTTTTCATCTTAACCTTTTTAAATGTTGTTTGTTCATCCACA
CCTGAATTAATTCCTGATTTTAA

>Sequence 423

CCGGGCAGGTACATTGCTACACGGCCGGGGGCCATTGAGACTGCCATGGA
AGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGACTTCTGGAGAGACCATTCAAGGCT
TCTGGCTCTTGACAAAGATAGGCCACTGGAACAATGAGAAGGAGAGAATT
CTACTGGTCACAGACAAGACTCTTGTATCTGCAAATACGACTTCATCAT
GCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGATTCCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCA
TCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTGGGATGTCCCTGGACAAGAGACAA
GGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGGAGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCT
GTCCCGTGGAAC

>Sequence 424

AGGTACATAGTAGCCATTTATATTATTTTCTAGTTTCCCATCTCTATAC
CAGACTACATTTCTAGAAAAATCCTGGACCTCTTTACCACTCAGCAATGA
TTCTCCAAACATCGTATATAATATAGGACACAGTCCCAAGCTATGAGAAT
CTGCTTACACCTTTCTGGGCGTTTAAACATAATTCAAGAGAGGCTCCGTTA
AGTATCTTCTTCAAGTATTCATGTTCTACGAACTGCAGTAAGACAATCT
ACCCAGGAACCCACAATATAAGCCTCCCTAAGTTTTTCTCCCTCTGTAA

Table 3

82/1077

TTATTTAAATAGATTTTTTTTACTATTATTATCGTAGAGACGGAGTCTCAC
TATCTTGCCGCGTGGTCTCAAACCTCTGAGCTCAAGTAATTCTCCTACCT
TGGCCTACCAAAGTGCTGGGATTATAGGTATGACCCTGCCTCTGACATTT
TGGAAACTTTTGCTCATTTCCTAGACCCAATAAGTAAAAAAACCCATTGC
CATTTTTGAAGAACGCTGTTGTTAATGTACCAAACCTTTTCTGGCCTGG
GGTGGCCCCAAACTGGAAGGGGGGATTTTCTGGCCTTTTGCCAGTGGGC
TTCAATTCTGGCCAATTGGGTTTGGTACCTGGCCCCGGGTGGGTCCGGTTT
TTGAAATATGGGGATACCCCGGGCTGGAGGGATTTCGATTTCAAGGCTT
TATCAATCCCGTTGGCCCTTAAGGGGGGTGCCCGCTAACCCACATTTTGG
TCCCTTTAGGGAGGGTAAATCGCCGCTTGCGCAAACAATGGTATACTTGT
TTCTTG

>Sequence 425

CCGGGCAGGTACCATTTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCTCAACAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTAAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTTTGAACGGGTGTGGCCCATTTGGA
AAAGTCGAAGGATGCCCTGTCAAATTTCTTTGGCTTCACTTCATAAACA
TTGGGTTTGAGCACAGGAGGAACCCAGCCGATAGATTTTGCCAAGAAGA
CGGGCAGCGGAAAGTCACGCCGTTTG

>Sequence 426

CGGCAATCGAAGCTCCACCGCGGCGGCGCCCGGGCAGGACAATTTT
CTAAAGCAGAGAAAATCCTTCCCAAGAAAATAAACACTCCCAACAACCTG
TCCCATTCTGTACCTATTTGGATTACATAATTATTATGAAGTCAAGACT
TTCTTACTGACACGCCAAAAAGACCTCTCATCTCATAAGCTGAAGTGC
TTTTTCTCCACTATCCAAAGTTCCAAAAAATCTCCAAGTCCCTAAAAAGC
AATCACCAGTGTCTCACTGAATGGTTCATGAAAAACTGCACTGCCTCATCT
GTGCCCAGAACAGAACTGAGGTCAAAATATTTTCAGAGTTTGGGGATAT
ATAAGTTATTGTATACCATATTCTTGAACAACAACAATGATAAATATCCT
CACAAATGCCCTAAAATGCCCTACATTGGGAAGAAAACACTGGATTTTCT
TCCACGCTTTGGTGAAGAA

>Sequence 427

CCGGGCAGGTACCGTATTTTTTAAATTAAGGAGTTTTAGTTATAATGAAAT
TGATTTGTAGTCTGTTTTGCCGTAAACTTGTTTTCTTTAAATTGTTCTT
ACAGTGATATCTTACTATTTTTAACTGTCTGGGGTTTCTGATATGGGGAT
TTCAGCCCCGTGGTTAATCAGTCTGTCCCTACAAGTCCCTGATGCAGTAT
GTTTATTTGTGATGTTTTAAAGAACATTTCTTGGCTGGGCGCTGCGGCTTG
CGCCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATCACCTGAG
GTTGGGAGTTTCGAGACCAGCCTGACAAAACATAGTGAAACCCCGTCTTTA
CTAAAAAT

>Sequence 428

AGGTACGCGGGATATTAGGGCTGGTTAAGAAAAANACAAACCAGGTGAAG
ATAATCTTTGACTTTTTCCACCTGGAATTTAACTTTTTCTTTTCTCGG
AACATACAGCACCTAGAATCCTTAAACACTGCTTAGGCTGCCCCGAGACC
CACATGTGACCTCCATTAGCCCTGAGCTCCACTTTATGATGCTATCTTCT
TCTTTGCCCATCAAAATGGCCCTCTGGTGCCACTTCTATCTGGCCTCCT
GACCTCCTTTTCAGTGAGTTATAATAGGTGATAAAAGGTATTAACAGCCA
AAGGAGTTTTCTCTGGAAGGTAGCATTATCTCAAACCTGTTTCTCCAAA
CTTATGTGCCACAGAATGATGGTTTGGGAAATGGAAATAGATGGGCAGGA
AAATGATTTCTGTGGTCAAATGTTTGCAAATGCTGTGTACCTGCCCCG

>Sequence 429

CCGAGGACTTTAAAATTGCTGCACTGAGAGTGGAAGAAAGACAGAAGTAA
CAGGGCTGTGGATAGGGGAAAGGGAATGTATTGGGAAGAGAGACGCACCA
TGGAGTCACGTCCCCACAAATACACAGCACATTTTCAGAAAGAAGGAGCAG

Table 3

83/1077

GCACTGGCCAACCAAAACGAGTTTGAGGAAAAATCTATAAAAGGTTCTGT
GCCACACAGGAAAGACTGCCTGACAAATTAGCTAATGAGGACAAGGCATC
TGTCTTGAGGTCTCTCCAGATGCAAATTGGCCCAAATTTGAGGCCAA
CTGACCTCTATGGAAAAAGCAAAACCAAAGTCAGATTCTGTATCCGGA
GAACAACTGTACCTTGATCACACTCCAAAATCAAGATAAAAGCTTGGCT
TTCCAAGGGTCACAATGGGCTTACAATAAATGAGCCCATGTAGGAAGAAA
TAAATATGTGAAGCACCTCTTTCACCTTGACATTTGGGGCAAAGGAGACGG
GCAGCCACTACAGGATGTCTCTCAGCCCCGATAGGCAGATTTCTCCCGN
TGGCACCGCACAGTGTTGCAACTTGACCCATTTGCTTGAGTGGGCCCAC
GGAGGGACAGCATGGACTGAGAAGTCTTTTTCAGCTGGGGAAGTGTGTC
ACTCACAGCAGCAACAAAATCTCTAAAAGTCTTTTAAAAGTTCGGGGTGA
CAATGCAAAAAACTACCGCCCATGCTACTGCATAAGCTAACTTTGACTAT
CGGTCAGCCAAAAGAGTTGTGGAAAGACTT

>Sequence 430

AGGTATCGCGGGGGTGGCTAAGGCGGCTTTAGTTTCAGCATGAAGCGCAC
CCCGACTGCCGAGGAACGAGAGCGCGAAGCTAAGAACTGAGGCTTCTTG
AAGAGCTTGAAAACACTTGGCTCCCTTATCTGACCCCCAAAGATGATGAA
TTCTATCAGCATGGCAGTGAAATATCCTAACTAATTCTCCGAGAAGC
CAGCAGTGTATCTGAGGAGCTCCATAAAGAGGTTCAAGAAGCCTTTCTCA
CACTGCACAAGCATGGCTGCTTATTTGCGGACCTGGTTAGGATCCAAGGC
AAAGATCTGCTCACTCCGGTATCTCGCATCCTCATTGGTAATCCAGGCTG
CACCTACAAGTACCTGCCCC

>Sequence 431

AGGTACAATGGTTTCCTGGAACATTCTGAGTAAAGAAATGGGAAACCAAT
ACAGCTTACCTAGCTTGTTACCTTCTATGAACGCTGGCATTAAAAGTAAA
AGGCAGCCTTGGGAGGAAGAAATGCAAACACAGAGGGAGAACATAGCTTC
CCCTTGCTCTCTCTGCCACAAAAGCCTGGCCAAAGTGACTCTACTAGGT
TGAAGCAGCCTGCATAATAAAACGCTTAACCTTGGCTAAGTTAACCTCCT
CAGCCATTAAAAAAAGGGAGGGTGGGGGAAGGGCTAGCAAAATCAAGCTT
ACGGGAAATAAACCTAATCAAAGCCGAGTAGTAACAAAGG

>Sequence 432

GGCAGGTACGTGATCTTTTCGGCAAGTTGATTGAGGGAGGTGGGGGAAGT
TTTTCTCTGGCAATGGGGAGAAGCTTCTTTGGCTGGCCCAGAGGGTTCA
AGATTCTCCAGCTTAACTACACGAATACCCCCACACCAGGTTTCGTAGTC
CCACCCTTACTCGTTAGGGCTCTGATTGTGACATACGAGACAGGTCGAGG
CTGCACATTTGACCTACTTTGAAAATTTACCACATGGAAAAGTCATGATC
TGGGTCTGATTTTAGTGAGTTGGCCCTGAAGCTGCAGGAGACAAGAGTC
TCTTTTCTATGGATAACAGAATCTTTGCACTTTTAGAATATGCCTGAAGC
CAGCAATTAGCTGCTTTGGTTTCATTTTCTTTTGGCAAGACCTCAAATGC
TTTCACAAATAGCCATTTACACATTCCACTCTATAATGGGACATTATCT
TCTGCCAATCAATGATGCACCCAG

>Sequence 433

AGGTACTTGAGTTTTTTCCCTTACAATTATATAGTCTGTGAGGGATTAG
ATAGGTATGCCTTAACATGATGCTAAAGATGTGGCTAGGGTTGCATATTT
CTTATATGACTTAGTTAACTTTGCCCTCTTCCAAGGTCACAGATTTTGTC
CCTGACCCCAATCACCATGCACATGTACACATGTACGTTCAACATGCCTT
TGGTAAAATAAAAAGAGGACCAGGAGAAAGTGTTCAAACCTTGCCACTTCCT
GACTTCTAGAAAATAGCTGAAAGCCCGTGCCCTGCTGATGGCATATCCTC
AGATTCAAGATCTAAATGCCGTGTAACAAACACAGTTTGTTTTGCTA
GCTTTTCTTTTCCA

>Sequence 434

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTTTTGTCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCCCCATTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTACTAGAATA

Table 3

84/1077

AGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATTGAATGAAG
GAAAGGTTGGGGGAGAATTGGAATTGCATAAAAAATATCTGGGGTTTTT
CGACACACCTTCATTATTCCTTTTTGGAGAGAAAAGAATGAGCCCCCCC
CCCCATTGGATCAGCCGCCCTTCTATCCCCAGAAATTCAATTATGGGCAA
GCTGTTTATAGTCCCCTGGCCTCTAAG

>Sequence 435

CCGGGCAGGTACAACCTGAATGCTTGTAATTAGATTTTCATAGGAGGAAAA
AATTTTCTTTATCAACCTCTTTGAATTTATTTGATTTGTAACGCTCCACA
TTTCCACCTAGACTTTTTTTTTGTTTTTTATTTTTTGTGTTTGAAACAGAAT
TTCGCTCTGTTGCCCATGCTGGACGCAGGGGTGCTATCTCAGCTCACTGT
AACCTCCACTTCCCGGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTTAGTGGATTACAG
GTGCACACCACCACGCCTGGATAATTTTTGCATTTTTAGTAGAGATGGAG
TTTACCATACTGGCCAGGCTGGTTTAAAACTCCTGACCTTATGTGATCC
ACCCACCTTGGCCTTCCAAAGTTGCTGGGATTACAGGCTTGAGCCACCGG
CCCTGGCTTTCATTTAAACTTTGAAAAGATTGCCTTTTAATTACAGTAGC
ATTCTTTTATTAAAAAAATGGTGTATTAAATTGGGTTTAAAAATT

>Sequence 436

AGGTACCACAGTTACTTCTAAAAATGTGTTGCTAAATGTAGAAATCTCTAT
CCCCATTGACTTCTCAGTTGGAAATTAGTTCATGACCTAGAGACTGAGAG
CACCCCGGCTGTGCTTTCAGAGCAGGAGTCCTTGGATGTAGCTGTGGAAT
GAGCAGCGTTGGAGGATTTGAAAAAATCCTGGACCTGAAACGTAAGCTGG
CCTGTGTTTCCCTGATGTGCCCTATGCCTTTTATTGTGCTGATTCTACT
ATCTTAATAAATAGTAACATTAAAGTTCTTTCTGTGTTCAAAACCTTTTC
CTTGTTTTCCTATCAAACCTGTTTTGAAAAGCCTATTTTCATCTATTTTGAG
CAACACTGATAACTGATGTTTCATCGAAGGCAGAAAGGTTGGAGGAACCTT
GGCCAGTGTGGGGCAGACAGAAACCCATGGGTATTCCCCCTAGGCATCAA
GGGCTTTGTCAGCTGCATTCTGC

>Sequence 437

AGGTACAGCTGCTCAGCAGCAAAGCCGCAGGTTACTTAGACACCTCTTCT
CCTCTGAAAGCCAGAGCCAGTTTTCCTTGTCCAGCCTGTCTTAGAGAGTT
GTAATGGTCAAACGTGTGAGAAGGAGCTCTGCAAATGTAACATTTTGCAT
AAGTATAAGATGGTATTATTTAGTATTAATATTGTTAGTAAATTTTAGTA
ATATTCAGTATCTAAGATATTCAACTTAGATATCCAATGGTTATTCATTA
TCTAAGTCCAATATCAGGGGTATGGCTCTAGATATCAATAGATATTGGAC
TTAGATAATGAAAAGCTATTGTTTCAGATGTGTGTTTAAATTAGTGTGA
CACATGCAGC

>Sequence 438

CGAGTCCANACTGAATGACANGGCCAATTGGAGTTCCACTGCGGTGGCGG
CCGCCCCGCAGGTACATAATATCATATATGAGTTAAATCTTAATCACATG
AATTCTATATTACATCACTGAGGTAGAAGGAACAATATTTAATAGACAGC
TGCAATAAATATTTTTGTGAAGAATTCTTTTGTCAATAATCAAAATCATA
ACCTTAGTTCTGAAAAAGAAAAATTATATCAAATAATGGTAAATACAATA
TTGGATCAAAATTTTTTGTCTTTTTACGTTACAAAATTTATGTTACTTA
TAGCAAGTATATTTATTCTCTAATATGAGATTTTTTAAATGTAGAGTTCA
CTTGAAGTAAGACAACTAATATTCTTAATTTTATTATGATGTAGATTCT
TGATACATGCATAAACATGAGAAATGTCATACATTTATTAAACCACAGTG
TGCTTGGAACACACTAGACATTGGGATGAAGACATTTAAAGGAAGATTCC
TGCTTCACTAGACTTACAATCTAGTTGAGGAAACCAGACTGCTGTATAC
AAACTGACATTAAATCATAATTTAACTTGGTTCAAAATTATTTATATTTA
TAGGTACTAGCGTGAAATCCAATCCCCTAAGTCTATCAATTACGTGGATT
AAAATCTCAATATATCTTTTGATACATTAATAAAGAATTGACTTTTCTG
GGGGCATCAGATCTTTGGGTTAAGCACTAATGCTGGCTTTAAAGAATTTC
CCTTGGCTTTCAGTAGTTCCTTGAAAATTTTCTAAGCATTAAATGGAACAG
GTTGTCTANACAGAAGTAGCATGGGCTGGAGCAACAAT

>Sequence 439

AGGTACGCGGGGGGGCTGAGGTGGGTGGATCATCTGAGGCCAGGAGTTCC

Table 3

85/1077

AGACCGGCCTGGCCAACGTGGCGGAACTGCATCTCTACTAAAAATACAAA
AATTATCTGGGTGTGGTGGTGCACACCTGTGATCCCAGCTACTCGGGTGG
CTGAGGCAAGAGAATCGCTTGAACCCAGGAGGCAGAGGTTTCAGTGAGCC
GAGATCGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCCATC
TCAAAACAAAACAAAGGTGGGTGTCTTGAGTGCCTTTTGAGTATAGGCCT
TCAGACTTTCTGAGGATTGGGAAAGCATTTTTTTTTAACCTTAAAATATT
TATTGAATAAAGAATGGCAAGATCAGAAAAATAAGCTCTGGTTAGGATT
GATGTGGGGCTTCATTCTCAGCTCTGGTGCTACCTTCTTTATGAACCTCG
GGGGCTCTTTTCCTG

>Sequence 440

AGGTACCAGGTAATGAGGAAGGTGATCCCGGCCCCCATTCCTGATGGAA
CCTAGACTTCACTAAGGGATTGAGATGGAGGAGGAGATGTTCAAGAAGCC
AGGAAGGATCAACAACAGGGTGCCTCAATTCAGTGGGGCCACGTTAGTG
GCCGATTACTAAATGTCAGACCAACTGCAGTAGCGCTGTCATGGCCACTC
ATCTCTCCGGGATTTCTTCCCTTCCAAGCCAGCTAGGTTCAACCTTCTCA
TTTACTTTTAATACACCACCTCTTATATGATCTTTCTTCTCTACTTAGAA
CCCTCCCATAAAGCCGAACCAATCTGCCTTTTCACCATCTTCCCATCTTC
CTACTGCCTCCATAGTTATTCTTTCGGGATCTAGCTAAGTAAACTCTAAGT
TATTCTTCCATGTTTTTCTAGCACCTAACATATCAGTTTCCCCCTCCACC
CCCATTTTCTTCCACATACGGAGGCTCAATAAATAATAGTTAAATGAGGC
TGGGTGTGGTGGCACATGTCTGTAATCCTGGCACTTTGGGAGGCTGAGGC
ANGAAGATCGCTTGAGCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTAGGCAATATAGT
GAGACCCATATCTCTACAGGGAAACAAAAAGTAAACAACCACANAAAAA
AACAGGTGACCTGCCGTCCAACAACCTCAGAACCTGATGGTGGGAGATTCTG
TTTGAGCCCCGGGGAGGTAAAGCTTCAATAAGCCATGTAAGGCATGATCGG
AACCTTGTAACCTTGCCCGGGTAGTTATACTCTAGGGAGGGCTGGTTTAA
TATAACCTTGATACGCTTTTTTTTACTTATAAGTAATCTTTATGTTTTGC
CCCTCCTCTCCTCAGAGACTACTTTTATTTGAA

>Sequence 441

CCGGCAGGTACCTGGAAAGATGAACAGGATTGCAGCAGATAGAGACAGGT
AGAATGTATAGAGATTCCAAGTGGAAGGATAAAGGAGAGGGGAGAGAAGC
AAAGAGTGCAACTTCCAAGAAGATTTCTGGTTCTGGCACTGTCATGATAG
CTTGGGAGGAAACAGGCAGAGAGGGTTTTGGAGAAACAGAGCTGCAAAGC
CAAGTTAGATGTTAGGTGAGTTGAAAAAATAACTTAGGGCAAAGCAGAG
GGAGGGAGGTATTTACTCTGAACAGAGATGACAGGGTGGGGAGGACAGAT
TGTTTTGAGTAGGCAAAGGCCAGGAGCATGAAGCAAGCTAGGAATTGGGA
GGCTGGCCTAGAAGCATGGGCCACCTGGGAAAGGGACAAAAGTTAAAGTA
TGACAAACCCTTTGTGTTACCAAATTTCTTTTCTGGAGTCCTTAACCAT
TTGATCTTACTGGAATAGAAGTTATACTAGAACTCACTGCAAAGTGAGT
AAGGCTTACAGAGGGGAAAACAGCAGAGGGCCTAATGCAAGATTAACCTTC
TCAGGGACCCCTGCAGGGACTGGGAGTGCTAAGAATCAGGGAGGCTTGGA
ACAGCTCACTTTACAGGTTAATGAGAACAGGACTCACCTGGCTCAAGCCT
GGCATCCAATCATCAGCCCACTCTGGGTTTCATCCTTTGCGCTAGCTGAA
AGCCAAATGTACCTT

>Sequence 442

GGGAGAGGCCATCGACTCTGGGCGAATGTANGCTCCACCGCCGTGGCGGC
CGCCCGGGCAGTTACATTTGTTGGTGGCGTCGACATTATTATATAACCAC
TTAGAGTTGGACATGCAGTTAGAGAAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTG
GGAATTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGA
AACAGAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATG
CCATAGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATT
GTTTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATT
TGATGACAGAGGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGT
GGGATTATATACCTCCCTGGATTCACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAA
TAGAGACAGGCACTATAAACAGCGCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGC
ACACTG

Table 3

86/1077

>Sequence 443

CCGGGCAGGTACCTGGACTCCTAAGCCTCAGGGATTACTGAAATACCAT
TCTATTTTATAATAATCCTTAACCAAGAATTTTAAGGATCTTAAATTTT
CTGTGGTTCTATTGTTATCTGATATATAGATGATCTGCTGCCATATCCTA
AAGAGCAGGTGAGGCCGGGTGTAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCAGACGAAGGTGGATCACCTAAGGTCAGGAGTTTGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGC
TGGGTGTGGTGGTGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTAGGAAGGATGAGGC
AGGA

>Sequence 444

AGGTACTTAGCCCCCTGACAGTCACATTCATTTGTCTGTTACTCTCTGTCT
CTCTCCACTGGATGCAAGCTCTACGAGACCATCCTTTCTGTGTCCCTGC
ACTAGTCACAAGGCCTGGACCAGTGTCTGGCATATAATAGGCGCTTAATA
AACCACAGATAAATGGACGGATACCGGAACTACAACAATGGAAAATGCA
CACTGCAGAGGAATAAAAAATTGTTCTGGAAGGTTAGCAGTAGGTATCAT
TATGAGCTATTTTGAGGTAGAGGGTCAAGAGGAGAATGAAGGAAGGTTAG
GCAAGTCACTTGTCAATTTGAAAGCAGGTGGTGTCAACCATGTAGGGAGAA
GCTTTACAAGACAGACATGACCTCAAGATGCAGAAGACATGCAATCAGC
CTGGGACTTAACCTGCACAGCTCTGGACCCAACATTCATN

>Sequence 445

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGAAGAAAATTGCATTATTCAAGAAAATAAC
CAAGAATGTCAGTCACAGGAGAGCTGCTGTGTATAGATGTCTGGTTTTTT
AAGGAGTGATGATAATTTAATCAGCGGTGCAAAGGTGCGATCTAAATACT
GCATAAACCTAATCATCTTATTCTCAACCTTTCTCAATACTCCACCCACT
TAAAGAGGTGGGTGTGGCCTTCACAGATTCTTATAAAAGGACATAGAAGA
GACAAGCTCAGTTTTCTCAAAGGAGAAGGAGCGCACTTATAAGAAGCTG
TGTTTTGGTGACCCCTGAAACTTAGTACCTTT

>Sequence 446

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AAATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTGGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTTCTCT
GGTAACCTTGGAGACCCTCAGAGCTTTTCTTATTTCCAGAGACGGGCGGT
TTGGATGAGAATTATTCTCTTT

>Sequence 447

CCGGGCAGGTACTTATAACAACCTACAACTTCATCTCTATATGCTTTAAA
CAGATAAAAGAGAATAATGCAGTGATAAGGTAGTAAATATGGCCAGATAG
TTTGAGGTATAAATTCCTCTGTGTTGCTTGCTTTAAAAGAAACAAAATAC
CTGTTACAGATTTCTCTGTATATAAAAAATATTACAAGTCTTTTCTTTTG
TGGCTCTACCTAAACAAAGCCACCATGTCCATTTTGTTATTTCACTTGTT
TTGATTTTATGATAGTCAGTTTATGATCAATGGCTATATGCTAGTTCCTC
ACCATTTTACGCTGAAGAATTAAATTTAATCCATTAACATAATTTAAAA
AAGCAATTACAAAA

>Sequence 448

CCGGGCAGGTACAACAATATCTTATTTAAAAATAGTAGCAGCATATGATGA
TTTGAATTTTTTAAAAAACTAATAAAAAAGTTCTGTAATATACAGAATACC
CATATCACAAGGCAGGCAGGGGAAGGAGTAAAGAATAAAATACATCAAAC
GATCCACAAGATGAAACAATATACATTAATCTAAGTTAATATAAAAAATAG
TATAAACTCAGCCAGGCACGCTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTT
GGAAGGCCGAGGTGGGCGGATCACCTGAGCTCAGGAGTTTGAGACCAGCC
TGTCTCTACTAACAATATAAAAAATTAGCTGGGAGTCACGGTGGGC

Table 3

87/1077

>Sequence 449

GGTACTTTAGGCTGAAAATAAATAAAGGGTGAGAAAAAGAACAGTCTTAT
GTCAGTAAAATGAAAGAAAAGATGGTAGTTGGGGAAGACAGATGGGAGAA
GGGTGCTGGTGTTATAAACAGTAAGATGAGCATGTATTATAAAATGCTGG
NTGGNGAAGAANACCTTGTGGCAAGGAGGGTGGTAGTGTTGGAGAAGAAA
GAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAACTGGGAGCAGGTGGGATCCA
GGACATATGAAGGTGAAGAGCCTTGGGCAGAGGTGAGACATCTGCAGGAG
GGAAGGAAGTGAAGAGGGAAGGTGTGCAAATGTGGCATGAGGAAGTTG
AGTTAAGTTCCATCTGATATCCTCTATTTTCTCTGTAAATCATTCTGAAT
GAAGTATGAGACAAAGAGATCAAAGGGCTTGAGAAAAAAAGAAAATTTT
GAAAAAAAAGTACCTTGCCCC

>Sequence 450

AGGTACTTATGACTCACTAATCCAGCCACATGAAAGTGATCATTCATCTG
AATAAATAAATAAACAGTTTTTCATTATTTTCTCCATGAAAAGGTCTGAAT
TAATTGATGCGGATTTCTGCCAGCTTACTTTTATCTTTAAGGATTTAAG
GAATAAACTCAAATTCAGAAGTCTCTGCAGAACATTTGCGCAACATGTGT
TACAGTATCAACACCCCCAAGTCATTTGCTGGGCATTTTCAGTTTTGTAAA
AGGTTTTTCAGGGGGGTTTCTCCCCCAGCCTTGGAGGGATTTTTAAATG
TATAACGTGGGGGGTGGCCCTTTTTTACTTACCAGGGGCCCTCCCCCT
TTTTTATTAAAAAAATTTGAAACCCCCCTTTTTGGTGGGCGCTCCTCC
TTGGAAGACCTTCCACATCTTTTTCACTTTTCTTTGGGATCAGATGTGAG
ATAATGCAAGAATTTAAAATTCGCCCTTTAAAAACCAAGTTTTTTAAAAG
GGTTTTTTTTCCCACAA

>Sequence 451

CCGGCAGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAA
GAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTGGGGCCAGGTTCCC
TTGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTT
GAGACTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTG
TCATAAACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATCCTACTGGCTC
ATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGG
GCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATTTTCATGTTTCAT
TTGTTTATCTCTCATACTAAGCTGTGAGTTCCTGATGACAGAGAATGTC
TTGTTGGTTTTTGAATTTCCAGTGCCCAACTTAATTCCTGGCACAGCTGA
GTAAGCAAATGAATGAACGCCATCTAGTTGAGTAAAAATAAGTCTCGTTA
GGCCGGATGGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAG
GTGGGCGGATCAAGAGGTCAGGAAAACGAGACCATTCTGGCTAACACGGT
GGAACCTGGCTTAACCAANAAAGAGAGNACNNAAGGGTCTCTGGG
CGG

>Sequence 452

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGAGACGAGGTCTCGCTATCTT
GCCCAGGCTGGTCTTGAATCCTGGGCTCAAGTGATCCTCCCACCTTGGC
CTTCCAAAGTGCTGGAATTACAGGCAAGAGCCAGTGCACCTGGCCTTTGA
ATTTTCTTACCCTCAATAAGTTTCTTTTCATGCTGCTAAAGTGTATCACTC
TCTGTGAATTGTCTCAGTTATTTTTGAGTCTTGTAGGGAACCTGAGGAAC
TCCTGAAATGCCTCACACTTAATACCCAATCCATTCTTCCTTTTCTCT
TTCTCTTTTTTTCTTATCACCCCGCCTCCATTTTGCTGCAGGACATCCT
TAAAGTTATGGACTGGGGCAAAGACAAAACAAAAACGAAATTCCTGCC
CG

>Sequence 453

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCTCG
TTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCTTAAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTT

Table 3

88/1077

TATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCAT

>Sequence 454

CCGTGCAGGTACAAAATTAATTTGCTCATTTGGTTAGAGTATGGTTATTG
ATTAGGGGGCTAAGCATTTAGTTACTGCATGGGGCAGCCAATAATAAAAT
CACAGCCCTGFGTATTTACCTCCACAGTGTGTGCTGATAAGTGCAAAAGG
TTTGTGCAAATTCCTTTGAAGTTATATTGTAACCATGGTATATGTATTGA
AAACTTGGCCATTTTACCCCATTCCTATGAATGAAAACATTTTGGTGAAT
CAGAGGATAGTCTGAATTGGGATATGAAGGCCAGTATAAGTGTCAAGTTAG
CAAAGTCAGCTCTAGTTTAGTTTTTTTTTTTCTTTTAAGGCGTAGCAT
TACTAGAAGTATAGCTTTGGGAACCTTGAGCATCTTAAAGACTTTTAAA
GGGTTGACAGCTATTGGCAAATTGACTAATACAGAGAACTAAACTTTTG
TTAT

>Sequence 455

CCGGCCAGGTACAGGCACGTGCCACCATGCCTGGTTAATTTTTGTATTTT
TTTGGTAGAGATGGGGTTTACCCTGTTGGCCAGGCTGGTCTCATTAAAC
TCCGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTCCTGGGATTA
TAGGCGTGAGCCACCACATGCGGCAACCCACAGTTTTAACAGATTGTTT
ATACTTTGATTTGGTTTTGCAGATGATATGCATACTAAGGCTTTAAAAA
TTATCTAAATGTTTAAATAATTTTTGTTTTTGTGATTGGGAATTATTAC
TTCTGGGAGTCATGATCCTAAAGAAACAGTAAATTGGCTGTTTAGAGTGG
GAAAAAAACTTCAGGTAACCTTTGTTACTTAAATCCTGTCTCTTAATTC
ATAGGTTAAGACCTTAATTTTGCCTCTCTCGGTTTATGACAGTACCTTCG

>Sequence 456

AGGTACCATTTCAAATTCGGTTTGTATAAGGAAAGGGTGGGGAAACCTT
TGGAAGAAGAGAGACTAATAGCCAGGAGACTTAACTTTTTTCATTGTGTT
TGTCACCTTACATCCTAAGGCTGTGCTCTCACCTCACTTTTCTTTACTCA
GTTGGGCAGATTACCTTTTTGGTTTTTCCCCTGTTGGTTCTCAGTTACTT
TGATTTTCATATTCCCTTATTGTTTCTTCTGCTGCCACTCTCTCTGGTTAA
ACCAAATTCCTTAAGGGGGAGATGGGGAAGGAAAGAGGGGAAATATCCCA
TAAAGCAAAATAGCTTTTGTGCTGCTTGGAGAAATTTTATTTTGATTTATT
TATTTTTTTGAGATGGAATCTTACTCTGTTGCCAGGTTGGAGTGCAGTG
GCGAATCTCAGCTCGCTGCATCCTCCGCCTCCTGGGCTCAAGCTATTCTT
CCACCTCAGTCTCTTTGGTAG

>Sequence 457

CCGGGCAGGTACCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAGACAGGGCCTTGC
TCTGTCAACCAGGCTGGAATGTAGTGGCACGATTATTGCTCACCACAGCC
TCCAACCTCTGGGCTCAAGTGATCCTCCCACCTTAGCCTCCTGTGTAAGA
ATCCAACCTATTATAATACTCTTTTGTGACACATTCAGATGATTTCTA
TTTTTTAATATTATAAGCAGTGCTATGTAGAATAATCTTACAGCTGAACA
TTTGCAAACAAGTATGATATTTCCATAGGAATTATTGGAAGTAGGTTGCT
TTGTTAAAGGGTATTCCAAACATCAAGGCTTTTAATACATACTGCCAAAC
TTATCCAGAAAAAGTTTACCAAGGCATGCAGCTGCAAAAATTCTATGAGA
GCACCCTGGGAAACCTATATTTTCTTAGTTTTAAGGATATATGCCTGA

>Sequence 458

CCGGGCAGGTACTGTCACCCATGGCCCTGATAGGAAACAGATGGCATATT
CAAGCTGGATAATTTGAAGAGGATTAAATGAAACAAGTATTCACAAATAG
GTGGGCAGAGTTTAGAAAATCAACAAGAGATATTGTAGTATCCTGGGCTA
GCAACAGAGAGGATGGGAATATTGCCCATAGACCTGAAGTGCAAAGAGA
AGGAGTGCTACCTCAAAAAGAGAGCTTTGTGGAGAAGGCTGCCTGATAGC
AGCTGTAGTCCCAGGTAGAGGGTGAGCCACCACGCCCCGGCGGTTATTACA
TAGTTTTAAAAGTGACTCCTCTTAAGGAAATTTTAATTAAGAGAAAAATA
TCCTAGAACTATGATTAGGGTCAAAACAGTATCTATGTTCTTTAGGGATT
AAGGAAAAAGTGTTTCTGTCTTAAGAAAGGGTTTATAAGGAGAAAGAATC
TTTTCTG

>Sequence 459

CGCCCCCTTCGCCGCACACTACTGACTATCGGGCGAATTGTTGCTCCACA

Table 3

89/1077

CGCGGTGGCGGCCGGCCGGGCAGGTTTCATGACCTGCAGAACTTAGCCAAG
AGTTTGGGTCTCCGGGCCAACCTGAGGGCAGACAAGTTGTTAAAAGCCTT
GAAAGGCTACATTAAACATGAGGCAAGAAAAGGAAATGAGAATCAGGATG
AAAGTCAAACCTTCTGCATCCTCTTGTGATGAGACTGAGATACAGATCAGC
AACCAGGAAGAAGCTGAGAGACAGCCACTTGGCCATGTCACCAAAAACAAG
GAGAAGGTGCAAGACTGTCCGTGTGGACCCTGACTCACAGAATCATGAAA
AGCAGGAAAGCCAGGATCTCAGAGCTACTGCAAAAGTTCCTTCTCCACCA
GACGAGCACCAAAAAGCTGAGAATGCTGTTTCCTCAGGTAACAGAGATTC
AAAGGTACCT

>Sequence 460

CCGGGCAGGTACGTCCACGGTCAGCCTTGCTGTATGCTTGTGTGCTTAGA
GGAACCCAGGGTAACGATGGGGCAAACCTGAAAGTAAATATGCCTCTTATC
TCAGCTTTATTAAAATTCTTTTAAGAAGAGGGGGAGTTAGAGCTTCTACA
GAAAATCTAATTACGCTATTTCAAACAATAGAACAATTCTGCCCATGGTT
TCCAGACCGGGAACCTTAAATTTAAAAGATTGGGAAAAAAATTGGCCTAG
GATTTAAACCCGGGCCATTGGGGAGGGTAAAAACACCCCCCTTCCCCTAG
GAAAGATTGGGGCCCTTTTTTAAAAAACTTTTAGACCCCTTTAAACCA
GAGGAGATGTTTTTGTATATTTTGACGCCCCCAAAGGGGTGAAACAAAT
TTGGAAAAAAGGCGGGGCCACATTCCCCCAGGGACGGAAGGGTCCCTTT
TAAATTTTTCCACCTTTTTTGGGCTCTTCTCCCCCACAATG

>Sequence 461

CGGGCATGTTACTCTAATTAGGAAGACCTGGAGCTCCATCTTGGTGACAG
GTCGCCCCGGCAGGTACAGACTTAGTTTTTCAGAATGTTCCATGTATATGT
TTCTTAATTTCCATAAAAAAGTTTCATCTTTGCTTTTCCATGTTTTCTATT
TGCACTTCCTAGAAGGGGAATTCTAAGGTTTTATTTCTATCCTACAGGAA
TGTAAAAAAATGATTTTCATATAATCTACTGGCAAGTGTAGTTCCTGAGT
GGGAGACGGGCTACAAAGGATTCTGAAGTAGATTGGCTTTTATTTCTGTG
GCTGGTGATCCAAACTGAGTATTCCTCATAAGNAGTCTTAAGGGGATGGN
TGTTGTTTACCAACCAGGTTGTCTTTGCAAGTTAATGGAGGGGTGGGCCA
TTCAGGTTGAACCAGCCTGGGGGTTAGCCCCTAGCTTCTGGGATCCAGGC
ATTCAAATTTGGAGAAAACCTTTATTTACCATCCAGAATTCAGAGGTTA
GAACGCAACATTT

>Sequence 462

TGAGGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCGACTAAGATCCCAGAAGT
ATCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTGTGGGAGAAGCAAGCC
AACTGAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTAGCTCTCCAAAACCTTGCT
GTCTATGTCACCTGGAAGGAATCTGATTCTTTTCTGCAAGGCACTGACAA
TACCTTACAACAGCTGGGAGATAAAATGCAGAGCTTGTGAAAGTCATC
AGAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAAACGGTTCAACTTGATGA
TTTTTCGACTTGATGATGGTGTGAACACGATACACATTCAGTAGAACTG
TATCGATAAGGGCTGCTTTATTCACCAGAAGTGAAAAACACGATGGTTGT
GTGAGTATCTGAAGTACCTGCCCC

>Sequence 463

GCGGGCAGGTACTGAGACCTTTTTTCATAACTTACAGGTGCCTTGGCATAA
CTTACAGGTGCCTTGATTTGCTCTGTTTTTCTTACATCAGTAACTTTTA
AGTGAATTCTGCTCAGGGATGTGCCTGGAGAAAGCAAGTTTGATGAGGAA
GCTGGTGGAGCTGGTGGTTTGAAGGCTGAGTGAAAGTAGGGGAGAGCCCA
TGGCCTGATCTAGTAAGTGGAAGTCAGGGAGGGTAGCTGCGGTCAGCA
TGTCCCAGAGTCACCTTCATCCTGGGATGCGCCCTCTGATTCTCAGAGTG
AACATTAAAAATGGCAGACAAAACCAGGCACGGTGGCTTACGCCTGTAAT
CCTAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAGTT
CAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAATACA
AAAATTAGCCAGGTGTGGTGGCATGCGCCTG

>Sequence 464

AGGTACAATTATTTAACTGTGTCAGGAAATTAACCTTTATTACAATACTAT
TGCCCAATCTAGCAATTTAATACAATATTATTGCTTAGTTGCTCAATCTA

Table 3

90/1077

GAGACGATATTCAAATTTTCATCAGTAACACTTTTTTCCAATGCAGAACGC
AGCCCGCAGTCATGCGTTGCAGTTACAGTTGGAGCGTGTCCCTTCGTCTC
TTTTAATCTGAACTCATTCCCTCAGTCATTCTTTGTCTTTCATTTTTAAAG
AGTGCTGATCAGTTGTAACTAGAAATGTCACCTCCATTTGTGTTTGCCTGA
TATTTCCCTCCTTGTTAAATTCAGGTTATAGTTTCTGTCAAGGATAGCACA
GCAGCAATGGGCTGATTCCAGGGCTGGACCAGGCATAAGTGT

>Sequence 465

AGGTACCTGTATTTGACTGATGTGGTCCCCATCATTTTTCTGATAGAGTTC
TTTTTGCTGGGATCCTGGAAGATGATCTTGGTTTATACATGAAGAATCTG
GGGTCCAGTGAAAGTGACTTGGTAAAACCCACAGATCTGTGCCGAAAGCC
TTGGTCAGCTGCCCTTGGCCTGATGCTCTTTTCTCTGCATCAGTGCATT
GCTTCACCTCTTCTCAAGGACTCTGATTAAGTGGAGTGGACATAAACT
GGGGTTATTTATGTGGGATTTGGTTTTCCTTACATCTTAGATTGGGT
CACTGAATATACTTAGTTTTATAAGAGATTTTTATTTTCTGATTGGAAC
TTCTGAAAATGTGCTTAAGTCTTTGAGAAGTTGCTTTAACCTATTAATT

>Sequence 466

CCGGGCAGGTACCCTAATGTTTTATATAATTATTTACTAAACCATTCCAG
GTGACTTAATTACAATTGTTGTTTTACATACATATATACCTATCTCTT
TATGTATCTGTGAATACTTACTCTATACAGTTCTAGAAAACAAAATGCC
TTAAGCATTGCATAGTTACAACCTCACTTGGCCTGCTTACTTCCTTTTAAA
GGAGGGAATGCTTTAGGGAGGGGAAGATGCAAGATGGTTTTTAACCCCT
ATGTGCTATTCATTCAATTGGACATCTTATAATGTAATTGTGTTAAACTG
CCTGGAATTCCTAACAGTTCTTAGCTTTTTATTTGAAGAAATTTTGGAG
TGATGAAAATATAGTTATTTAGGGAAATTCAAAAGAAAGGGTTAACATG
AATCCAGCAAAACAACCTTATCCATAGTGGGTAAAAAACCAGTCTGCT
CTGCAACCTGACCCTACTTCAGAGTTTTCTCCTAGTTCCCTTTCCCTACT
GTTACTTTCCAGTCCTTGCTCCTACCCTCCTGTCTAATGAACGTGATT
GAATTACCATTTAGAATGTGCTTCNTCTNCAACCCTAACCAATATGGCAT
GACCCATGTAGCTAGTGTACGCGATGTACCTTGGG

>Sequence 467

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAATAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTACAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGA

>Sequence 468

GGGTGTCCCATATGAGCACATATGTAGACNCGAGCTCCATCGCGGTGACG
GCCGAGGTACCACTTCAGATCTGTTTTCACTGGATATGACTCTGAATGTT
TTTCTGTAGCTCGTATCCATCCCTAGTCACTTTGCCAGGATGAATGCTGT
TGGGCAGCAGTAGCCTAAGTTACGGAAGGGGAGCAGATTGAATGGGGTTT
TGAGACATCTTCTCTGATACCTTAGCTTTTCTTCTGCTCTGGTCGCTATC
CACTCAGTCGTGTGCTAGAAATGTTTAAACAACCAGGATCTCTGGGGTGGG
GGTGGGGGGGGAAGCCCTTAATTTGTAGCATTTTGTGCAAAATATAAATT
ATAAATAAAATTCTAATATAAATTAGAATTTTATATCAAATTCCTTGATA
TAAATTAGTTACTCCTCCTGTGGCCGATTTCAAGCTACCACCTTAAAGTT
CAAAAAGGATGTGCACAGTTGGCTCAAAGCCCAGTGCTGGCAAACCA

>Sequence 469

CCGGCAGGTACTATGCACTTCCCATGCTCCTAGGGTTAGGAATAGTTTCA
AACATGATTGGCAGACATAACAACGGCAAATACTCGGACTGGGGCATAGG
ACTCCAGAGTAGGAAAAAGACAAAAGATTTGGCAGCTGACACAGGCAACC
TACCCCTCTCTCCAGCCTCTTTATGAAACTGTTTGTCTGCCAGTCCTGCC
CTAAGGCAGAAGATGAATTGAAGATGCTGTGCATGTNTCCTAAGTCCTTG
AGCAATCATGGTGGTGACAATTGCCACAAGGGATATGAGGCCAGTGCCAC
CAGAGGGTGGTGCCAAGTGCCACATCCCTTCCGATCCATTCCCCTCTGCA

Table 3

91/1077

TCCTCGGAGCACCCCAGTTTGCCTTTGATGTGTCCGCTGTGTATGTTAGC
TGAATTTTGATGAGCAAAATTCCTGAGCGAAACACTCCAAAGAGATAGG
AAAAC TTGCCGCTCTTCTTTTTTGCCCTTAATCAAAC TCAAATAAGCT
TAAAAAAAATCCATGGAAGATCATGGACATGTGAAATGAGCATTNTTTTT
TTTTCTTTTCTNTTTTTTTTTTAACAAGTCTGAACTGAACAGAACAAG
ACTTTTTCTCATACATCTCCCAAATGGTTAAACTTACTTTATGAGTGTT
TGTTTAGAAGTTCGGCCAACAGAAAAATGCAGTCCGATGTCATCTTGGAA
ATGGTTTTTAAAAAATAAGGCATGTTCTTGCCCGAAACTTAGGAGCATG
GAAATAAATCAAAGGTAATTTCTTTCTATATAAAACAGCCAATGCCCAA
AATTAAGGGTTGGGCAAAGCTATTAACGCCTTTCTTAAGACCACCAAGGA
GATTGTTTTT

>Sequence 470

CCGGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATG
ACTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTCACCTCTGAAAAGCTACTCATCCA
CAGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGGGAGGAGATCTGGCTTCTC
TCTCCAAC TCTGAACAGATTGGATCCAAATAAGGGCCCTTCTACATCCCT
AGCCAAAAATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCCAAGACATAGACAATGGGG
TCTGATGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCCTGGGCAAGAGGCTTTTCC
TGAGGCTGGCAATGCCATTTTCTTCAGACTCACAAAAGGGATTTAGGGAG
GGGGAATGGGGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTTACCCTGGAA
AACTAGGACCCACTTTGTGGGAGCCCAGCCCAGCAGCTTTGCCA

>Sequence 471

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTAAATTGTTGT
CCCAGCCCATTCCTACTTGCAGCTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTCTGCTGCTGCCACTGCCACCTGTTTTCTTTT
CTTTTGTTGCTGGTTCCCAACCCATTTCATATCCAGCCGGACACACG
GGATTGTCCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATACTCTTACCCTGGCCACA
TTTATTTGGGAGGACTCCCTGATTCTATCTATTCTATACATTCTTGATAT
CCTAAAATTTTTTTGAACACGTAGCACTTCTTTAAAC

>Sequence 472

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGACAAGTTTCAAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGAATGGATGGATTATAACGATTTGCTTAAT
TTCTATATTATGATAACTCTTTTTATAATATTGGTTTTGAATACAACATT
CCTCCTC

>Sequence 473

AGGTACATAAAATAAAAAACATAAATAGTAAATGGCACTTTTCTTCATGTG
AGGCAGGGTGCAGAATAGGTTTGAGGAAAAAAGTAAGTAAAACCAGTGAA
TGGAAGCACAAATAGTAAGTGGCTGTGCTTCTCTTAATTTTCTGTAGAA
TTTTTTCTCAAATCTTATTATTGAAATGCCTATTATGATGTAGCAAACA
CTGAGGAGATACTAAGGCTTAGAGTTTAAGAAATCTAATTAATAGCTAA
ACAGAGCACAAATGTAAACTCCCACAATCTGATTCCAGATTCTGAGTCCAA
TCATCTCATTATTTGTCTCATTATGGAAGAATAACAAACCAACAAGTGAA
AATGCTAAAACCTCTAGGGGAACACCATGAAA

>Sequence 474

AGGTACTTACTAGGACCAAAGTCGAATTTTTTAAATTCTGATATTTTTCT
TCATAATTTTCTTAAATAAAAAGGGAAATAAAGAATAAAAAATAAATATG
ATGGATAAGATAGAAGTCACTTATGTTTTCTTATCATTTTGAAGGCTTT
CTTTGCATACCTAGCATGGTTAGAAGATATTGAATTGTATTGGTGTATTT
GTAATGTTTCTAAAATTTTTATTTTTAATCATTCAATTAATGAATTCCAC
ATATAAGTTTTTACCAATTAGTATTTGAAAAATATTTTTATGGCATTTTA

Table 3

92/1077

TAAATAATAAAATGGAAGGATAAATAATTTGATTATGTCAACAAATATGG
CCATTGTTTAAATGTTGGATGAAAACTTGCATAAAATACTAACATTCTT
TTGCACACCTCATTCATCTTGTTAAATAAGCTTTTCCCTCACCGTAAGTA
CTTCTCCTGGAACCTTTCCCTATTAAAGCCCTGGTATACTTTTCAGGC
TCCCTTCAGGTTTAAAAGTACTG

>Sequence 475

AGGTACAAGCAGCCACTTCAGTTTTACCACATTCATCTTCCACACACTGA
TGAACCATATGGAGGCAGCAGGAATTGAAGTAGAACCAGAGGGAGTAGTT
AGGACAGACATTCTGATTCATTCTGATTCTCACTATTGGTCAGGAG
GTAAAGGTTTCATTGGAATTTTCCCTCTGATGAAATAAAATGGGTCAGT
TTTTCTCAGTTGCCAATGGGCTTACCTTTTGGAAGTAGCATGCTTCTA
CAAGGACTTTTAACTAACTTGATTTAGTTAAAAGTTCTTAGAACCTGCCT
TTTCTTGATTTTTTTTTTTTTTAAAATTTCCAACTTTTTATTTTTTAAAG
ATTTGGAATAAAAAAAATGGTGGCCAGGGTTTTATTGGTGGTGATTACC
TGTAAGTTTTTGGGGGGGTAACTCTGCCCCCGTGGGCCGGAGCCCTCTT
TTAGAAAACCTAGGTTGGGATATCCCCCCCCCTGGG

>Sequence 476

AGGTACTTTGGCTTTTGTTTCTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCCAGCC
CCCCACAATTGGGCCTAATGGAACAANTTACTTTATCCTGATTTTCCCCC
TAACCCTTCTGGCAAATGGCCTCTACAGACTTCTCTTCCAGAACTAACT
TTTACTCTGGTTTTTCCTTTTTAAATGGATGGACCAGTTTTTAATGCCCAA
TTTGTGTCTTTTCAAACCTTATTAACCGACCCCAGTACAAATTAGTA
TATAAACAGTTCAAACAATTTAACTTGAAATATCCTTAACTTTGTGGT
TTAAAGATGCCTCGTTTATTATTATGGATAATTTTTTAATTCCTTTTGT
AAAA

>Sequence 477

AGGTACATGTGGCCTTTCAGCTAGCGCAGAGGATGGAAACCAGAGTGGGC
TGATGATTGGATGCCAGGCCTGAGCCGGGTGAGTCCTGTTCTCATTATAC
TGTAAGTGAGCTGCTCCAAGCCTCCCTGATTCTTAGCACTCCCAGTCCC
TGCAGGGGTCCCTGAGAAGGTTAATCTTGCAATTAGGCCCTCTGCTGTTTT
CCCTCTGTAAGCCTTACTCCACTTTGCAGTGAGTTCTAGTATAACTTCTA
TTCCAGTAAGATCAAATGGTTAAGGACTCCAGAAAAGAAATTTGGTGAAC
ACAAAGGGTTTGTCACTTTAACTTTTGTCCCTTTCCCAGGTGGCCCAT
GCTTCTAGGCCAGCCTCCCAATTCTAGCTTGCTTCATGCTCCTGGCCTT
TGC

>Sequence 478

AGGTACTTGAGGGCTGCTGGGTGCCCCGCACTGTGCCAGGAAATGTGGAG
ATTAGACAAGCAGTGCAGGGCTGATGTATAGTTTAGTTAGGAAGGAAAAA
GCCAGACACAGAAGAGGTCAGATTATAGCCTTGGACAACATGGAAGACAA
CTCAAGGCAACAAGTGATTGGATTGGTTCAGACAGTGCTGTAAAGTCCTC
TCTTCCCCTTTTCCAAAATAGTTTATCTTTTCCAAACATAAAAAATTACATG
GAGGCCGTGCATAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAACACTTTGGGAAGCC
GAGATGGGTGGGTCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACCAGCCTGGCCAAC
ATGGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATGCAAAAGTTAGCCAGGCGTGGT
GGCACATGCTTGCAAT

>Sequence 479

CCGGCAGGTACCCACCTTGATTAGCTGAGTGACTTTGGTTAAGGACAGT
TACTTAATTATCCTGGGCCTCAGTTTCTCTCTTTGAAAAACAGATTCATT
CACTAAAATAATATTTATGAAGTATTCATTTTGTGATAGCACTAGTCTAG
CTACCGGGGATATACATTTACAAAACAGATTTTAAAATATCCTGTCCTGG
TGGACCTCACATTACGTTCACTTAACAGGGATAATTTCAAGTGCCTCTC
TCATAGGATTGTTGCAAGAATTAATTTGATGAATACATACGTAACACTTA
TAACAGTGTCAAAAATGAGAGCTCAGTAAAAGCCATCATCACCATAATC
AAATATTGAATTTTCATAAAAAGTTTTCTTTATGTTTTCCCATTCCTTG

Table 3

93/1077

TTTCCTTGGAACCTTAGAAATAATAGATTTAAGTTATAAAATAATAGTGTT
AATGTAGTATCACTAGACCTCAATTTCTTACCTATAAAATGGTGATATC
CCCCTCTACAGTGTTGGTATAAAAATAAAATGAAACAATTTAAATGAAAG
TGCTTTTGTAACCTATCAAGAGCTCCACAGACTAAATATGTCATTATGTAG
CAAGTGCCTTGGCTAAAGTCCTTGCACTCAGAGGTCTTCAATACACGTTA
ATTTGATTAATTTATGGCCTAGCAATTGCATAGCTACTATTTGAGCGGTC
TGAAATCCTGGAACCCGGAACCTAATATAAGTGGGTACAGCTTCTAA
AACACTTCTGCTATTAAAATTGGCTATCATAATACCGGCATTAAAGGGT
GAAAACAGC

>Sequence 480

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGTTTAACTGGGAAATCTGAGAAATGGTAT
GGTTGTATGTGGGTGGCATTCTTGCATGATGGGAGTGGCCACCTGCTTT
CATATTCTGAAGTCAGAGTGTTCCAGACAGAAGAAATAGCAAGTGCCGAG
AAGCTGGCATCAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCTAGG
GAGACCAGGAAAGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAACTC
TTCTTGAGACAGCCAGCGTTTTTTTAAATGGCACAAATTACAGTCTTTTCA
CCCTTACAGTAAAGGTCACAGGGTCAACAATATTCTATAAAATAATTTT
TCTGGTAAGGGATTGATTTTTTTACTTAACTATATTGTTTAGGCAATTTT
AATTATAT

>Sequence 481

CCGGGCAGGTACAGAAGGGCCCCTAATATGATTACTATAGCAGGTTATAG
CAGATATTAAGAATTCCAAGGAAGGGGAGAGAAGACGCCTTTCTGGAAG
AGGTATGCTTTAAAATTGAGAAATGTTTAGGTAAGGAGAGAGGCACCGAA
GACATTGTGCTAAATGTAAACAAAGAACCCTTGATTTATATAAATAAAGTG
AACTCGGTTTTTCTTGGACAGTTTATTATTTTCTTCTTGTCTAAGGATGT
CTGTTCCATGACTTTTGAACAGATTTTGTTCGAATGTGGAATATACCTA
GTAGGAATAGGTATGTCTTGAACAAGGTAGAGTCTAATTAAGTTTTCAA
TTAAGAATGTGTGCTGGAATTTTTAGTTCAACAATCTAACCCACGCATA
TATTTGCAATGCTCTGCGACAAGGACTTGTGGGACAGAGAATTTGTGAAT
TGTGGATGAGTTAACAACACTGTGGCAGAAAN

>Sequence 482

CCGGTCTGGTACTCAACAAGTTGGTAAAGCTCTTTTAAGCTCGTAAACTC
ATGCTGGCTAGGTTTGGTGAACGACGTAGTAAGGTGTCTGGTAACTCATT
AGTTGTATAAATGACACTATACTAAACCAAGGCAATATAATTTTAAACAT
TCAGATAGAAAAAAGTTTTATTTGAGTTACTCTTTTGTTCAGTTTTT
TCTAAATAAGATGAATTATTTTGATTTAAAATTAATATATAGTAATTGTA
GAAAATTTGGCATAGAAAATTCATGAAATACAGTAAAAAAATTAATAATG
GATAATTCCATTATTCAAGTCACATATAATAACCAAGTTAACCATTTTTAT
GTTTATGTTTTATGGAACTATGTATTAAGCTTAATATATTCCGGTGGA
AATCCCAATTACATTTGTTATTG

>Sequence 483

AGGTACCACGTCATTACTGTACCTGGGGGAAAAAAGTAAAAAGCACTGC
TCCAGCTAGCACTGGTTTCGTCCCCACACTCAACTGTGTCTGGCTCCGA
TAATGGGGCACATTTTTTTTTTGGAGAATCCTTTCTTTACTATTCTGATG
GGCAAAGATTGAAAACCTGGCAATAAAAAGAAATTAAGCTGTACTTTTTC
ATAAACAGATGGCAAATTTTATGTGTATGGGTGTATGCATACAAGAAAG
GGAAATCAAGGGCCGGGCGCGGCGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTT
GGGAGGCCGAGGCGGGTGGATCATGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTG
GCTTACAAGGTGAAACCCCGTGTTTACG

>Sequence 484

CCGGGCAGGTACAATTATTAATACTTCCAGTCCTTGCTCTTTTACACCCA
AAGTGAGGAACCAAGAGGGTTACGAAACCAGGGAATATGAGAATTGACAT
AGTGGGCATGGAAGGGTAATGCTGAAAACACCGAAAAGGACAGTGTTCCG
ATAGAAGATAGGAGCCAGTGTGCACTCCCTCCAGCTGGGTTTTTACACCC
CTGGATAGACTTG*GCTGGGCAGGCTGGATTTATTTTAAGATTACAGAGA
GATGCACCAATTTGTTTTTAAACATAAATATGTGTCAAATAGAATGAGGT

Table 3

94/1077

TTTTTAGGGGCCCTTCTTGTTATGGGGGAGGGAGGAAATTATTTTAAATT
TTAAGGAACCTAAAAGTTTTGGTTAAACCACCTATCTATAAGTTTTTGT
TATTGCCCG

>Sequence 485

CCGGGCAGGTACATTTTATTCATCCGTCGTTTGGGTCAGGGTCTGCGGGC
AGACACAGGTAGCTACTGCCCTGTTGTGAGAAGCAATACCTCAATTGGTG
CCCCATGTGAGGAGAGCTGTGTGAGGACAGTCAGGGGTCTGCAGAAACAG
ACCTTCCGCAATCGGAGCCCCTTTGTAAAGCAAGCTTTGAAGGAAGTGTA
AGGACCGCTTTCATGAGGAAAGCTGCAAAGGAAGCCTGAGGAATGCGACG
GGCCCCCGGGAACAAAGGTGAAGAAAAACCGCGTGGTCAAGTCAGTGAG
TAACTAGTAAGTCATTGGTGCCCACTCAAGGTTACCAAGTTCTGGGGAAA
GTTGGTTCAAGCTGAGATTTTCATCATGGGACAACAGTTATTAGCACAGCA
GAAACATTATATAAAAGTATTACAACAGCTGCTTA

>Sequence 486

CCGGGCAGGTACATCTTTTCTTGCCCTCACATCACCTATTTTCCTCAATCA
CTGCTTGGATTATACCCCTGAAGTGTCAACATTATAATCTGTGCATCA
GGCTCTGCTTTCCAGCAGATGCAGCCTAGGATACTCAGGCTAAAATCCAT
TATACCTAGTAGGACAATGTTAATGTTTTCTCCTTTAATCTCTTAGATAT
TAATATGGTGACAGATAGATAGATAGATATTGATACACAAATCTATCTTT
CACTTCTTCATTCTGAAATAAATTCTTCTCGTATTTTTTAAACACTAG
ATTTTTTTATATGTTAGCATTTTATTTAGGAATTATTCATTTATGGTCTT
AAATAAGATCAGTCATTAGAATTATTTTACTGTCAGTATCCGGTTTCAAT
GTCA

>Sequence 487

AGCATCTAGTCACATACATCTGTAGCATTTCATGCATAACTAACTATAGAT
ATAATATATAGCTATGTTCTGTAACGATTAGATGTCTGTATATAATGATC
TACTATTATTTGTAATAAAATGTACAGANCTGGACTTGGAACCACTTATTA
AGGCCAATTGGAGCTTCACCGCGGAGGCGGCCGAGGTACTATTTTAAAGA
AAACACTGTTGGCATCTAATATATAGAAATGTATACATTTTGAAAGTGTA
ATGTTTGGCTTTGAAACTCTTCTCCAGTTATTGAGTAGCACCAATTCAG
AAGCAACCCATCAGGAAGTATAAGGGAATTTTTCTAGGACTTAAAATGTA
TTTTATTTGCTTTTAGCCAACCAAGCCGTTAGAAAGGGTTGAATGAATT
GAGTTAGGGAAGCGAAACACCACAGGCTTTAAAAACCCCTTAAGGGCTGTT
GGGAGAAATTCGAAAGGGTTCCTAATAGTTTCTTCCCAAAATGTTGCCGT
GTTGGAACCAAGGCCAGCTTAAAAACGGTGGAGAAAAACCCATTGGAG
GGCCCTGGAAGGTTGGACCAACACTTTAAGGTATTGGGTTCAATGGAAT
TTGAAGGGGGAATAATGGGGATAGGTGGGGGGTTTGGTTGGTGGTGCCTT
TGGGGAT

>Sequence 488

AGGTACAATTGAAGTATGTGCAGTTTATTGCATGTAAATAAACCTTTTAA
AAATTAACCGATACAAGTTGACTTACATGACCAGAAAGCTCTTGAAAAAC
TCTCCTGTTTTCTCCCCTATTTTTATTCTTGCATGCACCTTATAGACTGT
GTTAACACATTTTCTCATGCTTACGTGTTCTTTTTGATGTCTACAATTTT
CTCACAGAGTCAAAATTAACCTATTCAACATAAAATTCCTTGGGTTATC
TTCTTTTAGTTTCATTGAGATAAATTATTGAGATAAATGGTATTTGAAAA
ATGGTTTAAATGGATAATGTTCCATTGCCATTTCAAGAAAATCCTTCTG
GCTCCTTCCCGATTCTAACAATAAATAGGTCGAAATTTATTGCCTTGTCC
AACCGATTTACCACAGGATATAATTTGGCTTTTTTTTTACTTTTTTTTG
GAGGACCAGAAGTTCTTCGGCTTTGGGTTTAAACCTCAAGGGCTGG

>Sequence 489

AGGTACTACATAAACTGGGCTCTTTGTTCTCTGGCTTTAAATCGGGTTCA
ATAAATGAGAAGCAACAACCAAGGGTCTCTCTGGACTCCCACTACTCT
CTCCCTTTGCCCTTGCTGGGCCAAATATGGTGCAACTTCCTATCATTGCT
AGTCCCTAGGTGCTGCACTATTCTTGGTGGATTCCCGTAACCCCTCCCA
TACCATTGTAAATACCTGCTTCATTACACTCTTTGACCTAATTAAGAGTG
TTACTTGTTCCTATCAGGATACTAATAGAGAGGGACACCTAACTCAGTC

Table 3

95/1077

TGGGGAAGCCTGGGAAGAATTCTCAGAGGAGATGATGCTTCAGCTACGTT
TTTTGTTTGTGTTTTTTGAGACTGAGTCTCAATCTGTGGCCCAGGCTG
G

>Sequence 490

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTTGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTGAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGCTG
GAAAATGTTCTGGATTAACATTTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAAC
CCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCCTGATGAAGC
TGAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGCAGCTGGAGGCAG
GCACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATCA
CAACCTGGTGACTTGCACCCAAGTCTATTACTATTGTCTCTTG

>Sequence 491

CCGGGCAGGTACAGCAGAACTGCATGGATCAGGTAAGTGTGCTGAGCTGT
GGATCCTCCTAATTCTGAGCTGGGTGTGTAGAGACAAGAGCAGGAGACT
AGGGGCTGATGATCTTTTAGTCACATCCATTTACCCCAGAGTGCTCTATA
CAAATAGCATTTTTATGTATTCCCCGGCATGAAAAAGCTGGAAAGCACCA
AGAGAAGGTTGGTGTTAAACAACATGAAGTTTTGGAATCTCAGAAAGTCT
GAATGAGTTAATTTTTTTGAGCTTTAGCATACTTATCATTTTATAATGAG
GATAATTCCTTAAAGCAATTCTGTCCAATAGAACTTTGAGATGATAGAAA
TGTTCTGTATCTGAGCTGTCCAATGGTGTAGCCACTAGTCACATGTGGCT
TTTCAGCATTTAAAAAATGGCTAGTAAGGTT

>Sequence 492

AGGTACCAGCTGCTAAGCATACAAAGATTCAAGGTTAAAAAATCCTCTC
TTCATTCAAAAAGTTTACGCGTCTAGTAGGATGAATAAATGAATGAATGAA
TAAACCAAGTGAAACACTGCCAAGTGCTATTGTTTAGATCTAAACCAAAG
CCTGCAGAGGGAACAGTGGACTCTACCTGGGAAGATTAAAGAAGATCTTAC
CCAAGTGGGGACAGGGAACAAGGTCTCAAGGTGTGAGATGTCTTCCAGGT
GAAGAAGCGAGAGAGGGCCATTCTAGGCAAGGAGAACCCCAGAGATGGGT
CAAACAAGAGGTTGGAAGTAAGTAGGAAAAAATAGTGAAGGGTGAAAAGA
TATCTGTCAATTTAAAATATTAATAAAAGACAGA

>Sequence 493

AGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTAAAGAATTTTAATTTTCTAGTTTCTTA
TCTTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGTATAGCTCCATTCTCCAAGACAT
TTAAGACATGCGCTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTAT
GGGTTTTATCCATTTGTATACTGTTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAAT
AGCCATGAGGATGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAAT
GAGTTTTAAAGTGTTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAA
AGTAACTAAAGGTTGTTAGCATAACAATTCAACCAAAGATGCAATTGAAA
CAATATGTCTTTGCTGTCATGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGG
C

>Sequence 494

CCGGGCAGGTACGCGGGGTAATCTCAGTTACTTGGGAGGCTGAGGCAGAA
CTGCTTGATCCCGGGAAGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGGTCGCACCACT
GAACTCTAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACTCAGTCTCAAAAAATAAAAA
TAGAACGACTGACAGGCCATCTTCCAATGTTCTGATCTCCCCTGACTCTG
TGGGTCCAACAGGACCATCTGAGCAGGTCGAGTCCTGGGCCTGGACAA
GTTTGACTGGTCCCATGCCAGTTTTTCTCTGCTTTTACTCAATGCCCA
ATGCCCTCAAGTTGCCTTTGGGTGAATTCAACCAAAATGGGCTGATGA
GCAACTGTCCCTGAAACATGGGCACTTGTTATTCTCCTGGTG

>Sequence 495

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTGCTCTGTC
ACCAGCCTGGTGTATAATGGTGCTATCTCAGCTCACTGCAACATCTGACA
TCCTTGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGTTTA
CAGGCGTGAGCCACCGCGCCCAGCCAACCTTTTGCTTTTATATGTCTTC
AGTAAGGGTCTGTTGCTAGTAACTTAGTCCTGATTGGTGTGAAAATATA

Table 3

96/1077

TCTTAAACCCACACTTGAATTAATTTTCAGGTGCAGGGTTATTTTCCATC
AGCATTTTGACACTATTATGCCATCATCTATTATTACTAAGCCATTGTTC
TAAATATAAAGTTGGTGGTGAGAGTGCCTGCTTTTCTTTCACGGATAACC
TGCTTTTCTCTCTGGTATCATTTT

>Sequence 496

AGGTACCTTTAGTCCTTCTTTTGCCTGGAACATGGACTCAGGAGGTGGA
AGAGCCAGGATGTGTTTCATGAGAACATGCAGTGACACGCCAAGGAGAGCA
GAACAAGACTCTAGAAGGCTCCCAAGCCTGTGATGAATTGTAAGTGCATG
TTTATTAGCCCAGGACCTCTTCCTCTGGAGTTGTTCCATGAGAAAAACAG
TATCTCTTTTGGTTAAACCACTCTAGGGTTTCTGTGGCAAGGAGAATGTC
ATCGCTAATTGACACAACCTCAGGTTTTGTCTTTATTTTTATATTCAACA
AATATTAGCACATATGCCTGTAGCTATGTGCCAGTAACTACGACAGATAC
TAAAAGACAGTCCTACCTCGAGGCACTTGTGGTCTGGTAGGATAAATTCT
ATAGCTGGGTAAACCTGGCAAAAAGGGATTAG

>Sequence 497

CCGGGCAGGTACAAGATTTCTTAGGGCGAATCCAATTCCATCAATACCTG
GGGAAACACAAAAAACCTGGTGCAGCTGGAAGGCTGCTGCACTGAAAAGC
TGCCACTCTATATGGTGTGGAGGATGTTGGCCCATGTGGGACCTGATCG
GCTTTCTCTGGACCTGTACTGCGGTAATGTGATGAACTATTGGATGGTCC
TTTCTCTATGAATCTTCAACATATAAAAACATGATTTTATTCACATTTT
GAAAAGGCATATGTCCTTTTTTGGCAGCTTGGTAAATTTCTGTACAGGG
AGAAAATCCATTTTTTGGTTTCCAATGGGGGTAATGTTGGCAAGCACCAGG
GGAAATATTTTCTGTATTGCAAAAAGATGGAATCCTACAACCTGGTTTAAA
GACCTTTTGGTGGGAATTATAAAGGCCCTGGGCCTTTTAATGTAAAGTT
TTTTTACAACCCCTTATGGGGGGCCCAAATATATCACTTTTTTAACCTC
AAAA

>Sequence 498

CCGGGCAGGTACTAACTCTACCACTCTTATTCTACTGATTCTATTACTGC
TATTAATAATTCTATTATTACTGATTCTCCTTGTTATTAGGCAATATTGA
TAAAAAGGGGGCGGAAATGACACACACAATTACTTCTTTTTTCGAGCACAA
ATACATATGGACCCTTCTGGGTGCTTTCCTTATAAAATGAAATGGACCTA
TCCATTTTAGGTGTGACATCTACTTTTAAAATTAATAAAAAAAAAAACTAT
ACACATGTTTCAGAAAAGTTTGTAACTGTCACAGTTATAATGCAACTTGT
TTAGTCCATCAGTATAAATATACTTTTTTTGGTCAAAAATCTCTGGATGG
AAAAATGTGTGAATTATTCTTAAACTGTGCCTTACAACGTGGTAGAAAA
TTAAGCCAAAACACAAGACAGAATGACCAAAACCACAGATGTTTTCATA
GAATGCAGACATTGCTCTAATGAATTTTCATCCCTATGGAAAATCCCACCC
GATTTTATAAGGTTTATAATGTGTTTCTTAAAGAATGGAAACATTATTG
GAATTGTGTCTTAACAGGCCGCACATAACTTCCCATTATGAAAACAATTT
ATTCAATTATTTTTTCTTCTAATACCCAACCTTTGCTTATAAAAGGTCCAC
CAAGGTTTGGCTTTCTTATTCTAAAACGTTTATAACCTAAGATTACAGGG
CTTAAATATTTAAATAAAATAAATGGGCCCTTATTAAGATGGTCTCCA
CCCAGTATGCTTCCATAAATAGGGCATATTCTCAGTGAGTAA

>Sequence 499

AGGTACTTTGGGCTTGATCATTTTAAGTTTCAATTGCAAAAAAAAAATTTT
TGACGGAGTGTTGCTCTGTCACTCAGGTTGGAGTGCAGTGGTGCATCTC
AGTCACTGCAACTCCACCTCCAGGTTCAAGCGATTCTTATGCCTCAG
TCTCCTGAGCTAAATTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTGGTCAGGCGGGTCTCGAACTCCTGACCTCGTGATCCACC
TGCTCGGCCTTCCAAAGTGCTGGGATTACAAGTTTGAGCCACTGCACCT
GGCTAACTTGCCTTATTTTAAAGTCAAGCAATGGGAAGAATAACAAGATT
ATATAGTAATCAGTTTCATG

>Sequence 500

ACGTACAGAACTAGCTAGCTAGCTCATTGGTTTAGATACGGGTGCCGGTG
AAGGTTTGTGGCTTAGGAGGTAGATTAGATATTTATTTCCATTGGACTGA
GGCTTAAGCTCAGTTTAATGCTCATGGATATGGATAACTTATTTTGATTC

Table 3

97/1077

ACCTCCAGAAATTGTCGTTAAGCAATTTGTGTTTGTGCAAGTGTTACCAT
CTCTCACAAAGGATATGAGTTTCTGAACACTGATATTTTATAGTTTCTGT
ATCATTATACTTTGCAAGATTTTGGTCAAAAAGACCAAAAGCTTTATGTC
AAAATGGGAAAGTAGTGATAATAAAAAGTTACTCAGTATCTTTTCTTTG
CATTAATTCCCATGAATGGATTAACTAAGAGATTAACCATACTTAGGGG
AAATGCAAACTTTTTCTGTTTTCTTTTTTTTGAGACAGTGTTGCTCTGT
TCCGCATGAGTGCAGTGGTGCAGTCATGGTTCTCTCACCTCCTGAGCTCA
ACCTGTCTTTCCATCTCAGCTTTCCTTGCTCTTTTAATTTACGAAAATGT
TCCTGTCCATAGCCACTCCTGGGACAAGAATAAACATTGCTTTGTTGAAA
TAGTGTGGAAACACTTTTAAGTTAACAGAGGAGAGAATAGCAATGA

>Sequence 501

CCGGGCAGGTACTTTTATCTGACAGAGGCTTCATTTTTCTCAAATATTCC
TTTGAATCAAAGACATCCATCATATTA AAAAGAGTAAAATCATTTCAGGG
AGGATTGCTAGAGGATACAGAGGGCAGGGATTTAGCCTTCCAGGTGACCT
CTGCTGGGGTCCCAAGGGGTGGGACAGGGTTTTAGTCACTAATTTAAAA
GTATAAAAAGGTTTCCAATGCTTTATAAGTTAACAAACCCATATCCTGAG
AATTCAAAGAATACTGAATGGCAACATTATAAATAGTAACATTGCTATT
AAAAAGGCAGTAAGACTCTAGCTACCTGAAACCAAATAAGCAGTTAAG
G

>Sequence 502

AGGTACATTCAGGGTCTTCAATCTTAAGCTTGCCATTATCTCCTCAAAT
AATAACCAAGTGATGCTTACTAGGTATTCAAATTGAGCTGTCACCAGAAG
TCTTGTTGAATATTTTCTCACTTCCCTAAGCAAGTTGAACCAAGCAGGAC
AGATATGGAGAATGGATGATTGCTGATCACCAGGTCATTATTGAAGGGC
AAATTGAAATGGGTGGTGCTTGCTAAGAAGGTAGAAGAGGCCGGGCACA
GTGGCTCACGGCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCCAGGGCGAGTGGAG
CACTTGAGTTCAGTCAAGACCAGCATGGCCAACATGGTGAAACCCCTATC
TCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCTGGACGTTAGTGGCACGCCCTCTA
GTCCCAGCTACTTGGAAGGCT

>Sequence 503

AGGTACTCAAAGTCAAATCATTTTATATTTTCATCATGTATTATTTTCACC
TTAAATTTCAAATAAACTACAGTGAATGAAATATGTATCTATTATTTACA
AATTAATTTTACTTTGCTATACTTCCCCCAAATTCAGAAAGCCAAATTA
AGATACTGTTTCTTTGTAAAGTAATGCTTAATACGCCGTTATCTTCTAAA
TATAGTATGGCTTTACAGACTAACTGGTTTTAAAAAATTCTTTGCATCT
TATCTCATATAAGCCTTAGAGTTAACAAAGTCATTCCCCTTTTTAAAT
AAATTTAGTGACACAAAGTTTGCATGAGCAAAAAAGTTATTACCTTACGT
GAATGTCTTACAAATTGCTCTCTTATCAACAGGAGACAATTTCAAATGT
CATCTTAAATATTAACCTTGCTGGCTGGGCGCGGTGGCTCACACCT

>Sequence 504

CCGGGCAGGTACTTCAAAACTATTCATAAGCAAAAATCAGTGTCAAAAAT
ATTTAGTAACTTAAAAAAAACAAAAAGTATAAGTAGAGACGGACAAGAAC
TCCTCCTGCTTCTCCCACTGGGCTCATCGTATTTCTGTTCCATTACATA
AGAGACTAAAACTGACAACTCTGTTTTATCGCTAACACCTAAAAGCAAT
AAATGTGATTTGTTACCATATTATGATAAAATTTAACCAAAAAATTTTAA
AGATCGGATATTCTGCAGTTTACAGTGACATTTATGTATATATGCCTAAA
AGCTACATATAAACCTTGAATTCATTTAAAATTATTTCCAAAGAATAAAT
GAAGGCTGCTTTTGAAGTGCCAGG

>Sequence 505

CCGGGCAGGTACCTGCTAAGAATATTTTCAGCTACGAGTATCAGAAAAT
AGCCTAGAGGATCTTAAACAAATAGGGTTTTTCACATGTAACAAGAAGTT
TCTGGTTTGCCTCAGCTGCTCCATATCACCACCAGGAGCCCAGATTCTTT
CTTACCTTTTTTCTCCCCTCCCTAGAGAGCTTTCTGCATTTTTGTGTTCA
TGGTTGTTGCCCCCTGGACACAGAATTTGACAGAATTGCCAAATGTATCA
ACATTTTAGGCAGGAAAAATCGTAACGGGCAGAAAGGCTGTATCATCCATG
TCTGAAATCCTTTTTTAGAGGACAAAATTTGTCCCTACAACACTGCTCA

Table 3

98/1077

GTTGATTTCTGCTTATATCTCAATGGCCATTTAATGGCCAGTGT

>Sequence 506

CCGGGCAGGTACATCTTGAGCCAGTTGTACAGCTCTGTGTTAAAGAACC
CAACTAATGGTTCCTAGTTTTTAAGAAGGTTAAGGACTAACTAGTCTCTA
GACCATTATGAGATTAAGATAATCCTGAAATAAATAATACCGAAGAAGTA
ACCTTTTTAAGAACATACAGCCCAGAAATGACTGTTAGAATTCTCGCCTC
AGATGCTATTCATAGCTTATAAGTAGCCTTGCTCTTCTCACCATGAGGAT
TTCCATAACATTATTTTTAAAGTCAGGCACTTCTAAAACACCATGTGTGA
AAACACCCTAGGCCAATGCATGTAAGAAAAATGTGGAACCATATTTGATC
ATCAGACTTACATCACGTGGAGTGGGCTTCTCTCTTCTCTTG

>Sequence 507

AGGTCCCCGGGTGCTGAGTAAAGTCTATAAAGAGCAGTTGAGAATCCATG
GCCAGAAAATAGGTTAGAGACAAAACCTGGTGTGGAACCTACACGTCTTG
TCTTGTAATTCAGGAGCCTCATCAAGTCACCTTGAAGTCTACCTTGGATA
AGATAACACAAGACCCATGACAAATTGAAGTGTATCACTTAACAATGCCT
GTGAAAAAGACTTTCTCTTTAGTAACCCAGAACACTTTTACAGCAAGAGAT
TTTATTTCAGATGTTTATATTATTTATAAAGAGACAACTACATAACCA
CTTGCTTTGTTAACAGTGGACAGTGAGACATCTTGAAGAGGAAGTTGTTG
GTCTCTTTAGATTGGGCAGTCTAAACTG

>Sequence 508

AGGTACATTTTCAGGCTGAAGAAATGGCAAATCCTAAGGCCCTAAAGCAGG
AGCAAAATTGACATGTTTGAAGAAGACGAGTGTGACTGGACCTCTGTGAT
TGGGGGGAAGCGGCGCAGGATGAAACGAGGGAGGTATGTAAGGACCAAAA
CATGGAAGGAAAGCAAGATTTCCAGAAAAAGTGGATGGGAGAGGCACTAT
CCATGAATATGATCCAGTTGTCCAAGAAAGTTAATTTAGCAGAAAGAAAT
GGAATGTTAATGTTGGTTCAGATGCAGAACTAATATGTGTTTTATTTTA
ATAAAGGAGAGTTAAGCATCGTTAAAGACATAAGAAAAGAGAAAGCTGA
CTCCTTTTCTTCCAGTGACCATTAGTAACGTATTCT

>Sequence 509

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTGTTTTAACTTTGTTGAC
TAAGATCTCAGAAGTATCTGAGAACTTGGGCTGCGCAGGGAATGCTGGTG
TGGGAGAAGCAAGCCAACTGAGCTGAGCTGCGGCCCTGTTTGTCTTACG
TCTCCAAAACCTTGCTGTCTATGTCACTTGGAAGGAATTTGATTCTTTTCT
GCAAGGCACTGACAATACCTTACAACAGAGCTGGGAGATAAAATGCATAG
CTTGTAAGAGTCATCAGAAAGTTGAACACAGATGGTCCCCGGCTTAAAC
GGGTCAACTTGATGATTTTTTCGACTTGATGATGGTGTGGAACACTATTCA
CATTTCAGTAGGAAAACCTGTTATCGATAAGG

>Sequence 510

CCGGGCAGGACGCGGGCAAATACTTCAAGCTGTTTTGGTGTGTTGATTATG
TCAAATTTTAAGAAAAGGCAGAGGATCAGTTCAGGTATTCAAAGGCCAA
CATATCCAAAAGGTATTCAAAGGCCAAGACAGAGCTGCTTTTGTGTGGG
TCAGGTAGAAAGTAAAGGACTGTATTTCTCTGTCCATTGATTTACAAAAG
AAATTAGTGTCCATTCACCTTTCCAGGCACTCTAATAAATACTACTTATT
AAGAAGACTTTACATTTAAGTTTGACCTTTTTGTCCAAGGCTTAGATTTT
TTACGGGGTACTCTTTGCCTTAAGACTCAGACCCAATGGGCACCTATAT
TAGTTTAGGTTGTTTTCTTGAGAAAAAGTTTTTGTTTTTTCCCCAGT
CTTTGAGTTGCCAATGGTC

>Sequence 511

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTCATAGATCAGGAAAGCGA
GTCCCATAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGTTGGAGGGATAGTCACCTCTATTTGAATGTGATTAC
AGTTCCTTTATCATTTTGCTCTTTACCTTCATATTTCTTTTCAATACTTG

Table 3

99/1077

ATTCTAATTCGACATTCCATTTTACTATTGCAATTTTACTTTTTTCG

>Sequence 512

CCGGGCAGGTACCGCATGCAACCAGTTTACATGAATCTACCCCAAGTTGTC
AAGATGGCACACCCCTCCACCTGCACATTAGTTTCATCCCTGAGCCCTAC
TTACAGGCTGGAGCCAGGAGAGCTGGTGGCCTTGGAAACCAACAGACTGG
GCCTTGAACCTCTGGTTTTGATGCTCCCCAGCTGTTCAACTATACAAGCTT
CTTAATCTCTCTGGGCCTCAGTTCCCATCATGTTAGGATTGTCTGAGGAT
TAAATGAAACTGTCACTGAAGCACCTGGCACGTAGCAGGTGCTCTATCCA
TGTGGCAGTCATTATTTTTACTATTGAGCGTCTGGTTCTGTTGAGGCCCT
GCCTAGCCCAGTGGCTATTTTCATCAGTCTGTCCCTGGAGTTGCTGTGTTT
GTCC

>Sequence 513

AGGTACCCTGAGATTGCATGTGCGCACGCCCTTTCTAATCTTCTGACTTT
GAGTGTGGCTGGTCTGTAGCTTTTGCTCATTCTTCCTAATGACCATGGGA
ATAAGGGAGTGGGGTGGGGGGCAAGAATGGCTGCAAGTAGTGGGGAGTAG
TTGAAGGTGTGCAAAACTGTGTCTGCACCCAGCCTGACCCCCAAGAGTCC
TGGGCAGGCCCATGGTTTGGGTGTGAGTCCTGGTGAGTGTGTGCTCAAA
ATCTGCTTGACTATTGATGGTTTTTTACTGAGTGTAAATTTGATTAAAC
TCTTAAGTCCTCCTAAGTGCCAGGAAGACACTCTGCTTTCTCTCCCTCTT
TTTTCTCCTTGATTATAGTGGTA

>Sequence 514

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAAGCCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGTGCTATTTGG
CCGTTTTAGATGCGATGTTTCTTAACTTGAGCGTTGGGAAGTAAAGGTCT
GTTCTCTAACTAATTGATCTCTTAACTTCTTTGACTTTACTTGTATAT
TGATCCGATACTCCCATTTTTCTAATTTTCATTTTTCTATTTTATATTCT
TCTATCATGTTTCATATTGAAATTCTTTAGTATGTGCGTCATTCTACATTC
CATTTATGAGATTCCCTCCAGTTTGAAGTATTACCTCCAATTCTATATATC
TTTCCCAATCTTCTCAGTTTTTTCCCATTTCCC

>Sequence 515

AGGTACTTCTTAATTAGAATTTAGGGCTAACAAGAGATATTATAACATCA
ATACTTGCAATTATATAGAGGAGGCCTTTAACTACTGTCTAGGGAATTCA
GAGAGCCATGTTCCTTTACAACATTCCTTCTCGTGCAATTCAAAGACAAT
TGATAGCTAGAAAATGTCAAGGAACCAAGATTCTTGACCAACTTGAAAAG
CAAGACTTGGATAAATGGCATTATGAGATATATTTGCACTAATTGTTTCA
ATTTGACTGAAGTATGTCATCTCTGCTAGATTGTAATTTCCACAAGGGCT
GAGGCTTCAGTCTGCATATCACCCCTTATTTATTTCTCAGAAAGGGTCC
CCTATTACCTAGTGGGACCCTCAAAAATATTTGATGGATCA

>Sequence 516

AGGTACGCGGGGTGATCAAGCTGGAAGATTGAAGAAGGAATGGGGATGGA
TTGGAGTCAGCATTGTATTCTGGTCATGGTAACTTGCCAGTGTATATAA
ATCATCCAAATGGACATGGTGATGAGGAGTTGGACCTGTAGATCTGAAGC
GTAGAGAGGAAGGCAGAGTTGGAGATGTAGATATGGGAGCCTCTGGCCTG
TGGAGAGAGTGTATGATCACCATCCTGGACTACACGTGGAGAAGAAAAGA
TGACCAGCAGACAGAGGGCTGGGTAGAGCCAGCAAAGGAGACCTCAAAAGG
ATGGCAGACAGGGTGAGGTAAGGTCAGGAATGTGTGCTGTGGCATTACTG
AAACCTAAAGAGAAAAAATCGTGTTTCAGGAAGAAATCAACTTATAAAT
GCTGAGGAAGAAAGGCTAGTAGTGATT

>Sequence 517

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCAGAGATGGTGT
CTCACTTCGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCC
TTCCACCTCAGCCTCCCAAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGCCACCATA
CCCAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAG
AAGACAGGACCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAATTCCTCAACTCAAGT
TGGGCATTACTATCACCCCTACATTAACATGTTCCCATTAGGAATATGAC

Table 3

100/1077

CAAGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACAC
ATGAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCT
ATGCCCCTTGGGAATA

>Sequence 518

AGGTACTTAATGGACAGGTGTTTTGAGCAGAGGTTTATAGCTCTTAGAAC
TTTAAATGAGGCCTCCAGTGAAGTTGATTACAATGGAATGAGCCAAACAA
GGCCCGCAGAGTTCACCTCCACTTAATAACTCACTAATGCTGTCCTTCAA
AAGTCCGAAGATTACAGCTCTGAACCAGAGCAGCACACAGAGGGAAAACA
CAAGGTAATCTCTCATCTAAATGAGGGAGTCAGAGGCTGCAATCTCAGCC
ATCTAAGAACTTGCCATCCACTAGCAAGCAGGTTTGTCCCTGAAAATTCC
TGAGCAGTGGACTTGAAATTAACACAGACCCAGTAAAAAATGAATATCA
GTAACAAATAAAGGGGAAAACAAGGTCTATTTTCCAGATATAGAATCTAG
GAAGTGTTTAAAACTCTTTAC

>Sequence 519

CCGGGCAGGTACTGTTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTAAAGTTCATT
CTCCACCCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGT
ATTAGGGCCAAGCTGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCC
TGTGACTCATGCCTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAG
CCATAACATTTGCAGGATTTGGAATTCACCTCAAGCTCCAATCCCAGG
GTGTTGATTCTGGCTAACCATGTTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGA
CTCACTTTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGA
ACACTTT

>Sequence 520

TTTTTTGATAAATTTTAACTTCTGGTTTGAACTTTTGTTTCCTGTGCT
TAAAAGGAGACAGTTAAAAACACTCTGATTTGGACTGACAGAATGTTTT
TAGATGTTAGATAGATCTAGCTTTGAATATTTATTTGCAGAGAAGTAGCA
GGGAGGACTAGGAATGACTTTTTCTTAGGAGGTGCTATGCATTCCATCAG
GTGACTGACCCCTTTGTGAGCTGTAGTGGTCAGTCCCAGCATGGCCCA
CTTGTTGGCTGTCTTAGCCATGGTGGCTGTGGTTGGCGGGTACCT

>Sequence 521

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGGCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACCTGGGGAAAATCTTGGCACCCAGAAGAAATTAACCTGGGG
CTTACTGCAAAAAACAATGGGCCTACATTGGAATTTGGTAGAAGGAGAA
AGGAAGCCCTGTAAATTGAGAAGGCTGTGCCTTTGAAAAAATTTTTTGC
CCCTTAAATGTGGGCCGAAGCCCAAAGGGAAAAATCCTTGTGAGAAAAT
CATCAATTGCGTTGAAAAAAAACCTGGGCATTTTTTTC

>Sequence 522

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAAGTGAGTCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGTGGGTGGAGGGATGCGTTGATCCCTGGGCGATATGTTATTGGGCT
AAGTACGTGGGCATGGGATCTGACGCAAAAGCAGGTAACCTTTAGGATG
CGTAGATAATATGCGTTGATTACGGGAGTGAGTGGAATGAATTGCATTT
GTGTGTGTCTAAAAAATTATATAGCGGGCGCAACGCGTGATAAGGTAGA
GTATTTGTGGTCTTAACCTGAGGGAGAGTCGCCTTAAGCGGTACGGTGGA
ATTAACGTCATGATGGTGAATTAGATAATGACGTTATTGGAGTAAATATG
TTGTAGCATAGACTATTGGTTGCACCAAGTGGACTTATATAACGTCTGTGG
CGGGTTGATAATTGATGAGTGGATTATTACGTGATTCATTAGATAGACGT
CATATCTATGGAAGTATCATTAGTGCATAGTATAACTACATCTGATGGAA
TGGTGGGAGACGTCATTGCGTCGGTAGATTATGTTGACGTTACAGATCCT

Table 3

101/1077

GCATGTTCTACTAAATGCATAGTTGACTCTTGATACAATATAAACAGTCC
AAGATATACGTAATCGTTTATGGCGCTCGCTGACTCACGGCTATATCACT
CGTAATATATTAGGGTGAATAATCCGTCGGGAATTGCGTGGTCGAAAAC
CTTGTGGTCAAACAAGAAGCGGAAACTAATACCGTGTGCAACA

>Sequence 523

AGGTACATACTTCAGAGGCTAGTTGGCGGGAGTCACTAAGTTAATCCATG
CACAGTGTTCAGCCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACAACAGC
TTCTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTCAGGCT
CCTAGGGTAATATCCTGTCCCTATCACTTTCAATTGTAGGAAGATGGGCA
CATTACATACCCCCATAAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACAGAGATAA
TAATTGTATCTACCTTATGGGTTATTGCAAGCAGCACATACAGTCACCCA
AATAAAGTATATAAGAGTATCTTGTAAGTTCCCAGTAAGTGCTCACTCCT
ATGAATTTGGTGGTTCCCCATTTGAATTCCTGTGGTATTATAGGA

>Sequence 524

CCGGGCAGGACAGCTAAGAACACAGGGTTGCCTCTAATCTCAGCTCCAGG
TCAGAGTGCTATTCTCCTAGGAAGGGCAGGACATTAGCATTCTCATGCT
GCTCCTAGCTACTTGTCTGAGTTAAATTCTGTGTAAGTATAATTGAGA
AATGAAAGACTCCTTCTCCACCCCCACAACCTCAAGCCCCCATGCAT
GGAACAGAGACTCTAACTCCTTGAGCATAACTGCACTAGAATATTGGAGC
CTGTCTTTCCCTTGGCTTGTAAGGTAGAGATTCCAGGCTAAGAGAGGCAA
GCTTATAAGGCCTGAAGCTACTGCCTGTGCCCTTCTATTCAGTATTCAGC
TTCCAAAACAGTGGAAGTCTACTCAGAGAGGGAAATGCACATTATCCCT
ATGCCCCA

>Sequence 525

AGGTACTGGTTCATGTGTAACATACATCCCACAAGCATCTACTGTGTG
CAGAATGTCTCGTATGTGAAAGACACTGTGGGCATATAACTGTGGCTTAG
ATGGGCTTCTAACCCTGAGAAGATAATATATCAGCAGAAAAAAGGAAC
ATGTATATGAAGTCCATCACACAACCTATCCAGAATTCCACAAGAAAAG
TATGGTCAAAGAGCTAGGAGGTGTTGAAGGAAAGATTACCTGCAGGAGAG
GCAATGCGAGATGATAGAAGATTCTGAGCTATAGAGCGAGGCGGACCCAG
ATGGGAATTTCAAGTTTTCTCGGGATGTGGGACCCTAACCAAGCTTCTTA
TACTTTCCAAGCATCCATTTTCTCATTTTAAAAAAGA

>Sequence 526

CCGGGCAGGTACTAGACAACAGCTGTTTCCCTGGTGTATGATGGAGCCAA
CACCAGTCAGGGGTATATTATTACATCTGATTATCAGTCAGGATAAGGTA
GGCAATTCTCTGGTAACAAACCATCCTCAAATCTCAGTGCTTATATAGGC
ACTATTTCTTGCTCCACTAGATGGTTCATACTTGCTCACACTACCCATCA
TGGGTCTGTTAGGAGATCTCTGCTTATGGTCACTCAGGAATTCATCTGACA
AAGGAGCCACCACCTTGAATATCATGGGTCACTGTGCCTCGAGGGACTGA
GGCAGCTCTCTGTGAGATTGCTGATATGCAACTGGGCTTGGCCTCTTT
ATTCTTCTTGGACCGACTTGACTTCTCACTTTCTGTTTCTCCTGNGAAC
ACTCGTAAGGAATGGCTCAGTGAATTCCTTCTCAAGGTGGGCATATGGT
GTGCTGGTCCTGGACCTGTTTGCCTCAGATCCATCCTTCTGCTCTGCCT
TGTTCTGGGGTGAAGAAGTTGATCCTCGGCAGGGTGACTTTTTCAGGCTC
CAAAGAATTTCTGAAAGGACCCCCGCGTACATCCATCAACAGATTTCTAC
TCAGCAATAAAAGGAACAACTACCAAGACGTTATCTGTCTATGGACAG

>Sequence 527

AGGTCCAAAACACTGGTCTGGGATGCAAAAACATTATAGCACAATTGATGAG
AGAGAATTTACTAAAAAATTAATAAATTGATCAAAGAAATGGGATTCTTG
TGCTTCTTCCTATTAGTATTACAAAGTTTGACCTCATGACTTCTGCTTGG
AAATACTCAAACCTCCCAAATCCAGTGCTTACTGACTCAGTTTACCTGGCT
GTGTTTCTTTTGTAGGCTCTTATTGGCGGGAGGCAGTGGGAGGTGGTGT
AATGCTACCCTGAACATACAGAGGACTTTCTAAAACACTGTCTCCTGTGA
TGCCACCCAGCAGGCAGGAAGAAGTGTCCANTTTGTAATCATTANNTTTC
TATTTTNNNCAGATGAAGAAGACCTNNNGGGCTCCAGN

>Sequence 528

Table 3

102/1077

CCGGGCAGTATTTGGTTTTCAAAGAATCTTATGGAGAGCATTTTTGAAA
GTAGATGTTTGGAAATCTTTCCAACATTATGTGATTTTTGTCTCTAAAAA
TGATGTATATTGCTTATAAAAACTCATATCTGCACACTTATCTTAGAAAC
TGAAATTCCTAACCTCTTTTAGAAATCTTCCAAATGGAGAGGTTGAGTTT
TAAATATATTGAGGAATTCTAAGGAGGACAGTGGCGCAGTTCTGGCTTAC
TTAAGGCGTGCGAAGGGAAGAGAGTCAGCAGAGCTCGTCCAGAGGCAGCA
AGCCTCATATGCTN

>Sequence 529

CCGGGCAGGACTATTCTTAGCCACTGTTTTATTACAAATAAAACCTTCAC
AGGAAACAGAAGGTTAGAAGAATCTGAAAATCATTCTTCCCTTATAATT
CTTGACTTTTAGATGATAAATCCAGTTTTTCTAGCAGTATGTTAAATTA
GAAGATTCATCTGAATATATTTAGGCTTAAACAAACTTTATTACAAAA
CACAGCTATATCTATATAAAAAAAGCTAACTTCACCTCAAAATAATTGAG
ATTATATTCTTTTTTTTTTCTGTTTCTCCTTCCCTTTTTTTTCTTTT
TTTTAAAGTGATGGGGTCTCACTCTGTTGCCAGGCTGGACTTGAATTCC
TGGTCTTGAGGGATCCTCCTGCCTCTGCCTCCTAAGTAGCTGGGACTTCA

>Sequence 530

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTAAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACGCAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGTTTTA
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCTCCTTAAAAATCATCATTAAACAATCTTTCAAACAGTCA
GTGTTTGGCTCAGTAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAGTAGCTTGAATGA
ACAAAAGG

>Sequence 531

CCGGGCAGGTACATGCATCAGGCCATGGTGACCAATTGTCTGTGGAGGGT
GAGGCAGAAGGAATTGTTGAGGATGACTGAGGTGTCTGGGTAACGCTTTC
AACTGAAACTGGGAAAGGGGATCAACTGAAACTGGGAAAGGGTTTGGTGT
GGCAGGTATAAGTAATGAGTTCAAGTTGTATATTCTGAGATGGAAGTGTC
ATGAGGACATTCAGGTGGAGAAATCCTGTAGGACACTGGAAACGGATCCA
GAGTTCACAGAAGTCAGGATAAAGGTTAGGGCTCATTAGCATCTGGGTGA
TGAACGAAGGCTTGGAGAGAATGGGGTCCCTTATGGGGAGTGTGATTAAG
GACAACCGGCCGAAAATAGAAACCTGAAGCAAGGACCGAA

>Sequence 532

AGGTACATAAATATGAATATATTCTACCAGATGTCAATCACAGGGAGGAA
CTAGATAGAGACCCAACTATGAACACTTATTTAGTATCCTTTGGGTGA
AGTTTGGGCAGAAAAAGGGTGAAAGGAGATACTGTCTTTTGATACAAATG
CTTCTGTTTGCTTGAATCTCTTGCGTGCAAATGTAGCCATGTATCATTT
AGTAATTAAACATAGAAAAAGCAAAACAAGCCGAAGTGGTCTTTGTTTT
TTGAACCTGGAGTTAAGAAGGTAAGAAAGAAGCATTGTCAGTATCTGCAT
TCCAAGCTTGTTCCAAAGAATGGAGCTGGTAAATGTCTCCTGCTGTCTTA
ATTAACAAAAATCTGGGATGAGAGAATTTTT

>Sequence 533

AGGTACAAATAGACTCGATCCTCAAAGACTGAACAACCTTGAATCTTCAC
AATCCTGGGATCATTTGTTAGAGCACTTGTTCTTAAATAATGTAACAATG
ATGCAGTTCTCAACATGAAAGTCTGTGAATTTTAGCAAAAGAAATGGAGA
GGCTTCTGGGGTTCTGAATTCCATAACTCACAGCTCTGAAGGCGAGACTA
CTGAAACATTCCAAGTAGAGAAAGGTCAGCAATATCAGGGTGGTCCC
TTGTAAGGCGCCACAGGCTGGCTTCCAAGAGGACTTATACGGTGACATT
TATTATCTTGATGATTTACCAGTCTGGCTCTTAGCTTTTCAGGTTTCAGAA
ACCGATTTAATCAAGA

>Sequence 534

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCATTCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCAGTAGCTGGGTGAATTCTGGGAAAAAC

Table 3

103/1077

AAATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCT
TCCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATAACCATGAA
ATTCATCTATGCACAACCTCTNTCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAA
AAACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCACTAACCTCATCTATATCCACAT
CTTTCCAGACCTCTNTCCTGTCAGGTTGAGGATTNTTCTCTGCTTGC
TCTTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCG
TACTTTNNNNNTTNNNNNNNNNNNNNNNTTGGAAAGACCACTCTGCCGCC
CTTTTCAAGATGTTCACTCTTGCCCCATTACAGTTAATAGCAGGACATT
GGTCAAATTAAGGCCCAACCCCAAAACAAAATTTAGGTGATCATCAAA
ACAGGAGAACCTACTATGCAATCTTAGATGGTATGTCCCGGATATTATGG
AAAAAACCAATTTTCAGAAAATAGGCTGTCTTTTTTTCATTAAAAATCAT
TTGCAAAGGGATAATTTTATGTCCATTGGAAAAAAGTTACTAGCTGGAAA
ATGGAAATGAAAATATTTTCCCTGCGCCTGGTTTTGATAAACTTTCTCT
TACCAAAGACCCTTAAACCATTGGCGCTTTGCCTTTTAAATAAAAATAA
AACTTG

>Sequence 535
AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGAAACCAAACCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAGGAAACAGAAACAG
AGCTTCCAGCAGGTGGGGGCGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGCC
AAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATGC
TATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGAG
GTCCTAGTGTCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATATA
CCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGGC
ACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACACTGTCTGA
AGGGGAAGGTGCTCAATCTTCTTGACATAACTGAATGAATGAGTAACTA
TCTATTTCATCCATCTATTCAATCCTTCCTTCACCCAATCCTTCCCTCCAT
TCATCCATTGGGGTTTGAGCCTTCAAATGTAGAAAGGCCACCTTTATC
TAGTGGAGAAAACCTTTGGGTTTAGGAAGTAAAAAACAGATTCATTCATT
CCACAGTCCCTGGTTAACTTTTTTGACCTTGCCCAACCAGGGCTCTTTT
TGGGACTACCTTTCTTAATCTTATAAATGGAGAAGGTTATTTAAGAATAC
CTTTTAAGATCCGCTTTAAAAATTTTTGACTGGAGGCCTAACCTTAAAAA
ATATTTGTTTAGAGGCCAAACCCGGGGGTTACCCCTATAATCCCGTACCC
TGGCCGTTTAAGAACTAGGGATCCCCGGGCTGCAGAT

>Sequence 536
AGGTACGGGTTAACATTTAAAGAATCTACATTATAGATAACATTTTATTG
CAAGTAAATGTATTTCAAAATTTGTTATTGGTTTTGTATGAGATTATTCT
CAGCCTACTTCATTATCAAGCTATATTATTTATTAATTGTAGTTTGATG
ATCCTTACAGCAAAAACCTGAAAAGCTGTCATCTTCAAAAATATGATCTTA
TTTGAACATAAAGAAGTTTATTTCAACAGGAAGTTACTTACTCTATTG
AAAAAAAACCTACAACAGTGAATTATATAATATAAATAATCTATAATAAAT
ATAAATAATAAAAGTTACCTTGCGCTCGGGCCGTGCCAAAGGATACCTTC
TTGGTCTTTACACAATTTTTTCCAACCTTTCTAAAACCTTTCTATTTTTTT
TCCAAAATTTGGTTTTTCAATTCCTTACCAACCTTCCCCAAATTTAAATCCT
ATTCCCATTTTTTCGGCTCTGCCCGTTTTTTAATAAAAAGGGCG

>Sequence 537
CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTATGATAGAGATGGGGTCTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTAAATACA
ATAATTCTGTTATTGATAAAATTTAAGG

>Sequence 538
AGGTACAAGTGCTGTATGAACATGTGGGAATAGTATCATCACACAACATAT

Table 3

104/1077

CTGTCCTTTTTGCTGAAAGTTCTGAAATCTCCACCTAAGAATGTTGGAAA
ATGGATATAATGTGTAGGCTAAATGTGTTGTATCCAAAGTTGTGTAAGGC
AGTGGTTTTCAAACTTTTAATAGAAGCAAGTAAATTAGGATCTCTTTGG
ATTCTTATTAATAATGTTGATTTCTGGGCTCCACACCTTAGATCATCTTCA
TTAGAACCTCTCAGACCCGAATATGTGTATTTACGTGACCCTATGGTTT
CCTGTGCAAACCAAAGCCAGAGACTCACTGCTGCAGGGGAGTCAAGCTTT
TGGTTCTTCCTTCCTAGTCACTCAAGGACTAGAAAAGCAGCTCTAGTATT
AGTCAAATC

>Sequence 539

AGGTACTATGAAGGAAAAGTATGCTAAAAAATATATAACAGAGGCACCAG
ATGGGAGGAGAGAAGTGGGTGGTGGATGGAGGTGAGGGTGGGCTGCCAG
GCTAGAAGGACATTCCAGGCTGCTAAAGCATCATGTGCAAACGCCCTGGG
CTGGTAAGGCCCCAGTCACACTCAAGGAACATAACGGCGGCTAGTGTGGG
TTAGAATGGCAGGAAAAGGAGGTCAGATCACAGGGGACCTTATAAGCCTTG
GTAAAGCATCTGAAAATTTGCATTTCAGGGTTGTTGACCAAGCCCCCTGCCT
GACCAATCCTCCACTCTTGTATTGGCCCAAAAAAATCTTGGCCCTC
CATTCCATGGAAGGAGGTTTCACACCCCCCAAATTCAGCCTTCTGCCCC
TTTGCA

>Sequence 540

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAAGTAGAGCGTGTGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTCT
ATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCCTCAAGGTCTTTTGGTGAC
ACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTGC
CCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGGCTTTGA
CTGAGGTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAAGGCTTCTGG
TGGCATCACATGCTTCAGGAGTTGG

>Sequence 541

CCGGGCAGGTACAGAAAACAGAGTCTGTTGCTGCTATTGTTGTCACTTCC
CTTGGAGAGGACATGTAAGGCCAGCAGGGAGCCAGGCTCAAAGACAAAGA
ATAGATGCAGAGAGAACTGGGTTTACAGTCTTCCCTGGTTCCCTCAGGGC
TGCGCTTGAAGCTCCCTAAATCCCAGAGCACGAGAGCTATACGTTCTTCC
AGCTGTCAAGTCCAGATAGAGAATACCTGCAGCTAAGGAGCTATGGGACTT
CCATTTCAGCCTGGCCTGGTTAACACATGGAAGTGGCCTGAGTAAATGCCC
TTTGTGTTTCAAGTACAGGAAACCCCTATGTCTTATGGAAAAGCTGCTCAA
GCTGAGCATCCTTCAATTCTGCTCAAAGGCAGCAGAAACAAAGATATGT
GCATGTGGAAGAATAGAGCATTT

>Sequence 542

AGGTACTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTTCAGTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGTATTGATAAAAAGGTTCTTGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGTGTGAAACCCCATCTCTA
CTAAAAATAGAAAAATTAGTTACGTTGTGGGTGGCAGGGNGCCTGTAA
TCTCAGCTACTTGGGAGGGCTGA

>Sequence 543

CCGGGCAGGTACGCGGGAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGCAGCAC
GGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGATATTG
TGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACCTCTTTGAGAACTTA
GGCTTTCACATTCTGTTAAAATTGGAAATAACTTAATTTTTTCAGAAAGTTG
TCCATAAAACACCTATAATGGATTTTGGACTTTATATTCAAACCTTAAAT
TTCTTACCTGTGCTTCAGTTGAAACCTTCAGACTTCAAGCCTGTTCCCC
CCTTCTTGGTATCCGGAATGCCCTTTCCCCCAGTGGGGGGCCTTTTAG
GTTAATGGTTATTCCCCTAGCTTGGGGAATACACCCTGGGCCAAAGACTT

Table 3

105/1077

CTTTACCAACAATTTCCCCCTTCCTGTGCCCATTAACCAACTTCAATTC
TTTTTGGATAACCTGGAAATTTATTAAAT

>Sequence 544

CCGGGCAGGTACGTATAACAACATGAATTCATCTCAAAGACATTATGTTG
AAGCCAGATTTGACATAACTCATTCTTTGTCATTCCATTTATGTGAACTT
TGGGAATAGTCAAACTTAGCTATGGTGACAGCAGTCAGGGCAGTAATTA
TCTATCGAGTGTGGAGATTGACTGAAAAGGGCACAGGAGAACTTTCTGAA
ATAATAAAAATGTCCTATATCTTGTTTTGCATCGTAGTTACACAGGTGTA
GACAGTTGCTAAAACGCTAAAACTAAATGTGTAAGATTTATGCATTTTA
GTGTATTTAAATTATAACCCCCAGAAAGCATTGCCTTATTTTTTCTGGAG
GGTAAATATGCTCGTTAGGAGCATAAGGGGATGATTTTGAGAAAACCTT
GCT

>Sequence 545

AGGTACATTTGTTGGGGACGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CGTGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GGGGCTTCCAGCGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAG
CCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAAGTCAATTGTTTTGA
ATGCTTATGAAGGAAAGAATAAGAAAATAGTNNTAAATAGTTCCTTAATA
TTTTTGATTAAACAGAGGGTCAACTAAGTTGAATTCTTGGATGAAGGGTG
GGTTTTCAAATAGAAATGGGTGGGGAAATTATTATTACCCCTCCCCTTGG
GATTTCAA

>Sequence 546

CCGGGCAGGTACTTTCACTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGA
AGCATCATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAAAATACAATTACT
TAACAGTTATGTGACCTGGGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAA
AATGGAACCTAAGTAACCCCTCATAAGAATGACGTAGTGTATGGACACTGTT
TGGCCAGAGTAGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTA
TAGTCTCTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCCTTCCCAT
TTTGTGTACGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGTATTTTTT
TGGTTATCTCTTTAGGCTCTTAGGATCTTATTCAGTATTTATTTTCATA
ACATTATTTAAAATAATCTATAGATGAA

>Sequence 547

AGGTACACCAAGAACCATCACCGATTCTGTTGACGGAACATGAAGCAGTT
ACACGGGGCTTAGGCAGGAAGAGCACCTGAGGACAGATCATGACTTGACG
ACACTGAATTTCAAAAAATATTGGTGATGTGGGATCAGATTTGTTTTAGG
AAGATGACCCCTGGGGCTGGGTCTTGTGGAGGGACAGAATTCCTGGGGAC
ACAAGTGAAGGTTAGGAGACCAAGTTGGGAATATGCGGGCGCAGAAAGTTT
CGGTGAGATACAAAGAGCCCACGGTCAAGAATTTATGTCATCAGGAGGTG
AACGAGGGAGGACGGGGTCTCCCACTGGATGTGGGCCAGGGGAAGAGG
ATGAGGAATTCATAGGAGTCCAAGACAATTCCCGTGTGTCCCGCTGGAAT
CTGAATGGCTGGTGGGGAACCCTCAAC

>Sequence 548

AGGTACCCCTCGTTTGGGGTTCCAAAAAAGAGTCCTCTCACTTTAAAAAA
TTAATTAATTAATTAATAAAGGCCAGCCTAGAACTGGAAGGAAAGAATT
CTCATGTAATGTGTGTCTATGATATGCCAAGCATAGCAGTGCTCTATTTA
TATCATTTATTTAACTCTTATAGTAAACCCCTGTTTTACAGATGCAGGGG
ACGTAACCTAGTAGGAAGTTACTTATGCACAGTATAAGTAGGAACCAGGA
AGAGATGGAACGGAAATTCAAATTCAGGTCAGCCTGGCACTAAAATTCCC
ATGTCCTTTTCTAGTAGATTCTTTACCTCTCTCAGAGAATCCTTCAAAA
TTCAAACCTCAAAAGTAGATTCAATTTGGTTCTCCTACATAAGCAATATCG
GG

>Sequence 549

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGTTTCACCGTGT
TAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCCACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGGCCTAACGAG

Table 3

106/1077

ACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTTGCTTACTCAGCTG
TGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAACAAGACATTC
TCTGTCATCAGGGAACTCACAGCCTAGTATGAGAGATAAACAATGAACA
TNGAAATTATAANTTCAGTAACAAAGAATATGAGTGTTATGTGCAGAGGG
GAATGTTGTAAGAAGACTTGGGCAGGGGTA

>Sequence 550

AGGTACCCTATAATTTTTTAAAAATCTCGCCCCTCATTACTCCTCCACCT
GACATCCTTTTAGACAAAAGGCTCAAAGTCAATTATGCAGACAATGGCACC
TTTCTCTTCTGTAGCTGACAACCCGGCTCTTGCCCTCTGCAACCCAAAAA
ACAGCCCTCGACTCCCAATAAAAATGAAAAGAACCTACGCCAGAGGGAAAA
ATCTAGGTAGGGTCTCCCAATGAAAGCACCAATATTTAAAAGTCCTTAAT
GGTGCCCCTTTAACAATGGCCTTTCAAGCAAACCTTGGGCTTTTTTTTCC
TTTCACTTTTAGATGAAGAATTTTGAAGAAAGAATTCCACTCCGGTAAAT
TACCTTTTCTGCCTCGCCCAAAACCTTTCTTTTAGTTCAAAAACCTTGAA
TTAGAGTACTCTGGGGAGAAAGAATACTTTCTTCCAACCACTTGGGGCTT
GGAAAGGTGGCATTGGCTTTTTTTCACCACAAAACCTTGAAATTAAGGGAT
TGGCCAACAAC

>Sequence 551

CCGGGCAGGTACCTAACAAAGACCCCAATATATGAAGCACAAATGGCAGA
ATGGTAGAAGTAGAAAATTCTCAATGTGAAGTCTGACTTTAATATACCA
ACTAGACCTAACGGACAAATTCAGAAACACCTAATCAAAAACCTTGAAAT
GAGCAAAAATTGATTGCATTTTCACATTGTTTTCAAGCAAGCAATTTAAC
CACCTTGCTATTTTATGGCATGCTTATTTTTTAAAAAAAAGTTATGATGA
AATATGCATAACATCATACTCAGTACAAAGTTTCTGGTATATTTATAATT
ATGCAACTATAGCCATGGTATACTTTAAAATATTTCCACTATCAGGACT
AGACAATCATTACTGATTTCCCTTTTA

>Sequence 552

AGGTACCCATTCTTACCAGGGAGAGCTGGGTGCAATTAAGTTTTTTCCTG
TTAGGTGCAAGACTTTTTGAATGACTCATCATAGTTCCTGCTTAAGACGT
GTCAAAGAGGCCCAAGGCTATATTTAGGAACTTACTATGAAATTGCCTGT
CAGTTCCAACCAATTTTTCCAATATAGTATATATGAAGAGTTAGTAGCAA
GTAACTTTAAATACATGAAAAGGTTTTTGTGTGTCATTTTTTGTGTGCT
GTAAACTGGTATTGAAGATTTTCTTAAACGGATGGACATTCTTTCATTG
TGAAATGATTTAACACCCATTTCAGCATACACATGACTATACTGGAATGAC
CCTCATATGACCAT

>Sequence 553

GGCCCATATTCGACGCAAATACGATATTCGGGCGAATTGTAGCTTCAACG
CGCTGGCGGCCCGCCGGGCAAGTTCACTTGGAAGGATTAAAACCTTAAT
TTTATTCATTAGAAATGGATTAACCTACCTGTTACTTAATATAAAAAGGAT
TTACAATGTTATTCACAATGATATGCAATACTTGAAAATTGAAAATAGGC
CTGGCCGCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGGGAGTGCATCTC
TTGAGCTCAGAAGTTAAAGGCCAGCCTAAGAAATATGGTGACGATCCGTC
TCTACAAAAAATACAAGAAGTAGCCGGGCATGGTGGCGCACGCCTGTAGT
CCCAGCTACTTGGAGGCGGAGGTGGGCTGGTCTCTTGAGCCCAGGAGGCA
GAGGTTGCAGTGAGCTGAGATCCTGCCACTGACCTCTAGTCTGGGTGAC

>Sequence 554

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTATTTTTAGTTGAGACA
GGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATC
CGCCACCTCGGCCTCCCAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCA
TCCGGGCTAACAAGACTTATTTTTACTCAACTAGAAGGCGTTCATTCATT
TGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAA
CCAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGA
TAAACAATGAACATGAAATTATTAATTAGTAACAAAGAATGAGTGTTAT
GGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGGATCCAGCCGGG

>Sequence 555

TGATGCGCGTTCATTCACTATTTGGCGAATTGGATCTCCACCTGGTGGC

Table 3

107/1077

GGCCGAGGTACATACTTCAGAGGCTAGTTGGCAGGAGTCACTAAGTTAAT
CCATGCACAGTGTTTCAGCCAGTGCCTGGCACACAGTGGGTGCTCAAACA
ACAGCTTCTCTCCCTGCATGTTGGTCATTAGGGTCACAGGCTCTGAAGTC
AGGCTCCTAGGGTAATATTCCGGTCCCTATCACTTTTCAATTGTAGGAAG
ATGGGCAAATTACATACCCCCATAAGCTTTAATTTTCTTACTATAAAACA
GAGATAATAATTGTATTCTACCTTATGGGTTATTGCAAGCAGCACATACC
GTCACCCAAAATAAGTTTTTAAGAAGTTCTTTGTAGGTTTCCCAGTAAG
GTGCTCACCTCCTAATGAAATTGAATGTTCCCCCATTTGGAAATCCCTGG
GGGAATTAATGCCATTAATTCTGTGCCAATAAGGAACCCCGGATTTTCCC
AAAGGGGTTCTCGGGA

>Sequence 556

AGGTACCTTTAGTCCTTCTTTTGCCTGGAACATGGACTCAGGAGGTGGA
AGAGCCAGGATGTGTTTCATGAGAACATGCAGTGACACGCCAAGGAGAGCA
GAACAAGACTCTAGAAGGCTCCCAAGCCTGTGATGAATTGTAAGTGCATG
TTTATTAGCCCAGGACCTCCTCCTCTGGAGTTGTTCCATGAGAAAAACAG
TATCTCTTTTGGTTAAACCACTCTAGGGTTTCTGTGGCAAGGAGAATGTC
ATCGCTAATTGACACAACCTCAGGTTTTGTCTTTATTTTTATATTCAACA
AATATTAGCACATATGCCTGTAGTTATGTGCCAGTAACTACGACAGATAC
TAAAAGACAGC

>Sequence 557

CCGGGCAGGTACTATCTTGCACTTTGCTTCTTCTTCTTAATGTTTTGACT
CAGGCTTCACCCTAGTTAAAGCTCCTTTGGCATTCTTCTCCAGTTTTATGG
CGCCCTTTTTTTTTCCAGTTCAGCTGGCCTTTGAGCTCCTCTTTTGATGT
TCAGTATGTTTGTCTAGACAGTCTGGCCCCAACTCTTTGTCACTAATTTA
TTTTCGTATTGTGATCCATGATATACCCCCACAGGCTTTAAATAATTTCA
AGAATGCTGTTTATAGTTGAGCAAATTATAACCTGCATAAAGGTGGAAAA
TGAGGGAGTAATGGAGAGGTGGGGTGTGGGGGGGGACTGCTTGAAATCCA
GCCTGGAGGAAAGGGTGCTTTTTCTAATTGGTCAATGGGTGTGCCTTAA
AAAA

>Sequence 558

CCGGGCAGGTACAGATCTGCGTTAATTTTTGACAGCTCATATATACAGAT
TTTTAGAAATGTAATAGAAAATGATTTTGCACATATGGTGCAAGTCTTGC
TGGTGTATGTTAATGTGGCAACACGTGCCAGAACTGTTTGGCAAAACAT
GTTAAATGGAGTGCTTGAGTCAGAACTCTAATGTAATGTGTCTAAACAG
CAGTATGTATCATTATGATGTATTTTGTAAACATAGTGATGGCTGCTTT
CAGTCATGTAAGTGCTGGATAAAAATAACCACTTCAGTTGGAGTAATGTA
GGAAACGTCACCCAGCAGATGGGTAGTCCTCTGCAAAGTTACACTGTCA
GCCAGTGGCACTGGTTCTTTATTTATGTTGGGCTTTTGTACTTAAAT
AG

>Sequence 559

GGGAAATCATGCACTTCATATACGGCGACTCGGATCTCCTCCGCGGTGGC
GGCCGAGGTACTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT
TTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCT
TCCTTCCTTCCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTTCTTT
CACGACCTCAGCTCACTGCAGCCTCTGCCTCCCAGGTTTCAGGTGATTCTC
CTGACCTTAGGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTAC
GGTGTGAGCCACTGCGCCCCGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAG
AGTTGAGATTTTCAGTGACTAACAATAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTA
TATGATACATTTGCATTTTAGAAAAGTATCTAAGCTTCAATGTGAAGAA
CAGATTGAAATGGG

>Sequence 560

CCGGGCAGGTACAGCATGGAGATCAACTAATTGTATTAAAAATTATTAGG
AAGATCAGTTATCTTTATCTTTACTAGGTTAAGTTGATGAATTTGAGGA
ACAAAGTTTCTTCGTTATTGATAGTAGGATGGATTCTTGTTGGTTTTTAA
TAATCTTCTTCTGGGATTTTAGTAGAATGTTAATACAAAATTGCTTTCAT
AGAACCTTTTGAAAAAATAATTCTATTTCATTGGAACACCAAAGGAATTC

Table 3

108/1077

TAAATATTCAAAATTGTTTTAATCAAATTCTGTTTTAAAAACGACTACAG
TGGCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAAGCCAAGGCAGGAGGATC
GCTTGAGCTCCGGAGTTCAAGACCTGCTTGGGCAACATAGCGAGACACCA
TCCCTAAAATATAAAAT

>Sequence 561

CCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAA
TCCAGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCC
ACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCAT
TGTGGTTTCACATACACAGATGTATATTATTTGTTAGCCGGGTAATGAC
AGTCATTGTCAAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTCATGCCT
TGCTTTGTCAATAGGGAAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCTCTCA
GATGACTGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGAGG
GAAGGAGGCTTGACAGCACATCCTCCCCGATTAGATCCCTGCCCC

>Sequence 562

CCGGGCAGGTACCAGCAAAGATGGATGTATACACATACACGAGTCAATTT
ACTGTAATCCTGTTTCATTAGTGAAACACAGAGAAAGAAAAACAAGAAA
CCACATGACTGTCCATCAACAGATGATGGCTCGACATAAACTATTTAATT
AAATCCAATTTTGGTTGAACTTGCTTGAAAATTTTAACTTCGGTTTTCA
AAACTTCTCGCAAACAACAACTGTACTCTAAAAATTTGATAATCTCATTACAT
CTCGATGAATAACAGTTAAAAATATTGTTTACCTATAAGGACATATAATA
TGAAGGCTTATTTCAACTAATACCTAAATAGCCTATGGATCCTTCATTTT
CTTTATTAACAAAACTCCAAAAGAACTTATAACATGCAATTATATTGTC
ACTAATCATTCTTTTCCCTAAAAGGTAAGGCATTTAAACGAAGTGAAAC
ACCAACAAATTTTTTACTTATTATTAATAATGCTTTTTTTTATTTTAAAC
CAACTTTAGCCTATT

>Sequence 563

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAAACCCTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCBAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTTCAGCTGGGGGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAA
GCCAAGATGAAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGA
ATGCTATGAAGAAAAGATAAGAATAGGTTAATAGTCCTTATATTTGATAAC
AGAGGTTACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGAATA
TTATACCTTCCTGGGATTCAACTGAAGTAAGGAAGGCATCCAAAAATAAA
GACGGGCTCTATAAACAGCTCTCATAATTGGATTCTAACCATT

>Sequence 564

AGGTACTATAGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTTCGGCTTGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTC

>Sequence 565

AGGTACTAGGAAGTGAAGTAATTTGGAATAACATTAACCACTTTCATATA
CCACACACCTATCTTGTTAAGTCCAAAATGTCAGTAGTAATAAGGCTTAA
TCATTAAGATTAAGAATATTGTTATATGTTTGAATATGCTAAATTTATA
TGCTCTTCTTTGACCAAATTCAGTGTCAAACAAATGTCAATCACGTATCT
GATTTATTCCTGGTTCGGCATTACTGAAAGAAAAATGTTTATTAAATCA
GCATGTTTCAATTTATTTTATTATTTTTTATACTTTAAGTTCTGGGATA
TATGTGCAGAACTTGCAGGTTTGTTACATAGGTATGCATGTGCCATGGTG
GTT

>Sequence 566

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGA

Table 3

109/1077

TATTGCGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGAC
TTAAGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTTCGGATGCCTTCCCCAGTGGGGGCT
TAGTTAGGGTATACCTTGCTGGATTACCCTGCCAAGCTCTTTACACATAT
CCCTTCTGCCATAAACACTCATTCTTTTGTACTGAATTTTAAATTTT

>Sequence 567

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CGTGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GGGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATATAATGGGGGGAT

>Sequence 568

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCACCCACC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCC
GGGTCAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAAGGTATT
CAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCATGGACT
TACTACTTTAAAACACATTATTAGAAACCTAACACCTTGGAAGCTCTG
CATATTCTGAATGAAGAATATACTAAACCACTCAGAGGGAAATAGTTATT
AACCATTTTACCACAGACGACTAAACAACCTACCATGGCCCTTCCCTT

>Sequence 569

CCGGGCAGGTACTTTATCACAAGGAAAACCTATTCTACATTATCCTGACC
ATGGGGAAAGACTTGTATTTTGGTAAGCCAATTGTTGCTTACTTATTCTC
TGACCTAACACACTCTCCTTCTAGCACCCCAAGCTGGTTCCACAGGGCTA
TAATGCAAATTCGGATACATTTCTTTATGGACCTTGAAATCAGACTGTTT
GGCAGAGAACATAGTCCACATTATTTTGGAAAGCCAGCTGTATCACCGGA
GTCTACTTTTATTTAATCTTTTACAGCCAAGAAATCTATGGCATGTTTTT
GCCAGTCTCCCTGATATTTACATGGATGATGAAATGTCCCCAAATTTAC
TGAACCACAGCAAACACTTTGACTACTATTGTGGCAGGACTGTAATAACA
TTGAGTGCCCCCT

>Sequence 570

AGGTACAGTTATTATACTGCATCTTAAATAGTGGGGTGATATTAAATGGT
TATATTCTGGAAGCTCATGCCCACACTGCCTTTGAAGTTCAGGCTGCCCCA
GCCACATTTCAGGCATTGATTCAGGAAACTCCCTTGGCCTTTCAGTAAGAG
AGAGTCTCCCTTATGCCAGAACTGCTTTGAAATAGAATCCGAAACGTGTTG
TGCACGCGCTTACTGAGCTCGATTCCGATGGGGTCGCATCATCAGCATAG
CTTTGTGATGGGTAACCGGAATGTACAGAGTGACCCACCTAAAACATTTG
CGAGACCGTATTCTCTCTCATCTATAGCATTGGAAAAAAGCCTCCTAAC
AGGCCTCCCCAATTTTCACTTGCCTACCTAAAATATTTCTTACTTGCAC
AGTCAGAATATTTACATAGAATGCCTATG

>Sequence 571

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGGAAAAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACATCAGGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTGCGAGACTGAGGCAGGCGGATCA
TGAGGTCAGGAATTTGAGACCAGCCTGGCTAATATGGTGAAACCTGTCT
CTACTAAAAATAAAAAAATTATCTGGACATGGTGGTGTGTACAATATTTT
TTGCTGTTTCCATGTGATATCAAATTTATTCTTTAATCCTATTGCATT
ACATGAGTCAAGGCATGAAAGTTCTTGCTTCCATGAATGCAGATGATA

Table 3

110/1077

CTAGCAAGTCAACTTGTTTCATTTGCTTTAGTTAAAGGCCCTGGTGAATTA
GTGTGTGCTCGAATTTGAGTATATAAAATGGGAAATTTCTTTTTTTCAT
TTTGGTGTAAACAAATTAACAGCGGGTTAACTGATCATCCATAATGGAT
TGGATTAGGGTCTTTCAATATTCTTGTACCTGGACCTTGGCCGGTCTAAA
CTAGGGATTCCCCGGCTG

>Sequence 572

CCGGGCAGGTAACGTTGCCTCGTGTACCAAAAATTGGTGTGGCTGCT
GTGGTGCGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCTGTCTTCATCAAGCA
GCTGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCATTCTACTGCCTACACC
AAGATGTGATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTAT
GGCCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTC
CTTCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAG
CCCAGGCCAAGGCATTTGGCACTTGCCTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTT
ATATTCTATGTACCTCGGCCGCTCTAG

>Sequence 573

CCGGGCAGGTAACGTAAGAAGAGGATTGCTTTGGGCATAGGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTCTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCGATGCTTAGG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGCCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACCTTTTTT
AAAAGTAGGTAAATTAATAATTAATACAGAGTTTGTTCACATTTTGT
CCCATAGGGTTCCTTAGTGCAAAAAA

>Sequence 574

TTTAGCCCTTTAGTATAGCGCGAATTGGAGTTCCACGTCAAGTTGCGGCCG
AGGCACTTTGTTCTTTATTTGAGATNGAGGTCAAGGCGCTCACTGTACCA
AGACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGTAAAATTTTTATTTCTGGCTG
GTTTGTGTGCCCTCATGATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTACATG
GGAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATTGTGCAAA
AACATTAAAGACAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTT
GTGGAGTAACACGAAAGGCCTGGTGGATGAGATGTTTGAAGATCTAAATG
CCTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAAATCATGGGCG
AAAACCTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCACTGGGAGATGGG
AGGTGAAGGGCTCTGTAGTGCTTAACTGAATAG

>Sequence 575

CCCGTCTCATATAGGCGATATGGGCCAATAGCGAGCGTCCACCGCGGTGGC
GGTCGAGGTAACCTTTCACTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAA
GCATCATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTACTT
AACAGTTATGTGACCTGNGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAAA
ATGGAACATAAGTAACCCTCATAAGAATGACGTAGTGTATGGACACTGTTT
GGCCCAGAGTGGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTAT
AGTCTCTATGGTGGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCTTCCCATT
TTGTGTATGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGAAGTGGTTG
GTAACCTCTCTGGGCACTCAGGATCTCTACACTTGGTAGTTGCCCAACAGC
CCATCACTGTGTCTTTACCCCTAGGGCTCAAAGTGACATTTTTCTGGCC
CCATCAGGGTGTGCTGCACACCTGTGTGGAGTCTTGCCAGGTGAGCTCT
CCCCATCCCATCCCTGCCTTCATCAATAAAAAGCTGAGTCAGGGAAAGGG
AGTACCTGCCCC

>Sequence 576

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCTTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAATT

Table 3

111/1077

TAGATGTTTtagggattaaaaatcatagagggTGGCGCTAGGAAATAT

>Sequence 577

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACCTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGGAAGG
TTTTACAAGTTAAAAGTAAGTCAAAATCAATAGGGTCTTTATTTTCATAA
TCTGTAAATGGGTTTAACCTCTTCGGGGAAGTGTTA

>Sequence 578

CCGGGCAGGTACACTATTATGTGCTATAAAGGAAACCATTTGCAACAAGAA
AATGTCTTGGAATTTGGCTCCCAAGTTTGGTGAATCTGGAGAATGTATT
TTAATATGGAAATATGGACAGTCTTCTAATTTTTCAGTTTACTTTCTCT
CCTCTTAAAAATATCACTCTATTGTATTATTACGATTTTTTTTCTTTTTT
TGTGATGGAGTCTTGCTCTGTCACCCAGGGTGGAGTGCAGTGTCTGAAT
CCAGCTCACTGTCGCCTCTACCTCCTGGATTCCAGCTATACTCCTGCCTC
AACACTTTGGGATGCCGTAAGCTCACGTTGGGCTAAAATTTTTTGCACCC
ATTCAAGTTTGTATATTTACCAGTGAGCCTGTTATATTACCAGTGTTCCT
TCTTGTCTGGGTAACGTAATAGCAGAACCCTGTTCTTAAACTCCAGGAT

>Sequence 579

CCGGGCAGGACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCA
AATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGC
ATATTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTTG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTTATGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGACAGTTAGAACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGGTGGTTTTTTCATANGCCGAAAATGAACAA
GTTGCAAGNTTGAGT

>Sequence 580

AGGTACAAAAGGACACTATCAACGGTATAGAAGGAAGAGTCAGGGTCTAG
ACTTCAGGCCCCGCTTCACCACCTACCATGGAACCTTGATCTAGTCAGTG
TGTCTCCTTGGGTTTACTAATTTATAAAAGAGGTGGGCAGGGCAGGTATT
ATTCTATATTTATGATTATGATCAACTAACTAGATGCTTTTGAAAATGT
GTAGCACCGTGCCACCTTAGTTTTGTTTTCTCTCTCCTTTCTAGTTTA
TGGTAGTAATTAATGGTAGATGTTGTGGGTTCTCCAGGAAGGTATTGTTA
AGATAACAGTTTCTGAAGACTGATAAGTCTGACATGACAGATGACTACTT
GCCGTCACATTTTAAACATACTTTGAACTGATGAAAATCATTTCAAAAA
GAGT

>Sequence 581

AGGTACCTTCCTCCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTGTTCATCTTTT
AGATGTATATTTGGGAAGTTGCTCCTTGCTGACAATCCTTGAAAAGTGCC
CAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCTGGGCGCGGC
GGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGGCGGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGGGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAACTTAGCCGGGCGTGTTGGGCGGGTGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGG
CGGAGC

>Sequence 582

CCGGGCAGGTACGCGGGGACACTTCCTGGGCTCTGTGACTCTGACAAGGC
ACTGAATTTAGCTGCTACTATCAGTTAAGGCTCAGCTCATATGTAATCAG
TTCCAGGACCACCGGTCCCCAGGAAGAGGATGGAGAAATTGAAGCTCCAA
ATGGCTAAGCAATCTACCCAAGATCACACAGCCAGATTGGTGGCATCTAA
AATTCGAACCCAGTCCTGATGTGCTGAACTTCGCATCTGGATTTCTCAA
ATGAAGATGTGGCCAAGGAGAAACAACCTTCCTATTCCTATCCTGTAGCCT
GCCAAGCCTGAGAAGCTACCTCCCTGAAAATCTTCCTAGGACTCCTCAGC

Table 3

112/1077

TTCTCAATGCTACCAAATACCCACTATCTCCATAGACACACAAAATCC
CCTCCACCCACAATGATGTCCTGG

>Sequence 583

AGGTACAAGAAGAAAGGTCAATAGACTGTTGTCATGGAACAAAATTCAAA
ACAGGATGTATAACAGATAGGAGAGAGAAAAACCTGCTGGCAGCCTGGGA
ATCGTGAATCTTGCAGGCATATTTTTGGGGTAAACAAATCAGTTGGCAGC
TGATAAAGAGATCAGTCTGGGCGTTCTGGGTAGGACAAGTATCAAAG
AAAACAATTAAGTGTGGACAGATTTTTCGAACCCCTGATGGTATGGCTG
AGGAGCATATGAGGCTTGCTGCCTCTGGACGAGCTCTGCTGACTCTCTTC
CCTTCGCACGCCTTAAGTAAGCCAGAACTGCGCCACTGTCCTCCTTAGT

>Sequence 584

CCGGGCAGGTACCCCTTATGATCTAGATAAACCAATTGTGTTCTTCTATAG
TTTTTCCAACATATTTGAATAGGTGAAGTTAATATGTTTAATCATAAAA
TGCTCTCAGATGCTTGCAAAAACAATTACTCCATCAGATAAGAACACATT
AAAAAATTTGAAAAATTTAAAAAAGTCATTCCAGCTATATGCAATAAC
TTTTAGTATATGCATCTGAAAAGCTACCAACGTAACAATGAAACTCTAA
ACTTGTAGTAGAAAGGTAAATGCCTGTGATCAGCTTTCACATCACTTCA
GAGTATATTCTAAACTTCTTAGATTCTACATTATTTATAGAGTGAATC
TAAATTCAAACATTTCTCAGGAACAAAACGACTCCCATCCAATTATTTAA
TTAGGGAAG

>Sequence 585

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGGAATGAAAAAATGGGATGGAATTG
ATTGTTTTACTCATTTTCATTTCCGTTATGCCAGAAAGGATTGAGCCCATC
TTCCCAATAGTACAGGTGG

>Sequence 586

AGGTACATTGCTTCTGTTCTCTGTCACTCTGTTTCTGTGCCAGAAGACAC
ATTGCTTCTCCTCATTCTCTTATGCAGTGCTGTTTAAAGTGGTGGTCCACA
AATTGTTGCTGGATGGTGATGAGATCGATTAGGAGTTTATACCTCAATGT
AAATTAATGCACTTCCTTCCTTAAAGAAATGTCTTGCCATGAAAAATAT
CAGCATGCCTGTGGATGTCATTGATTTAAATGAGGGCACAAGTTCCGTAT
TTCCTTGCGATGGGTCCAGACTGTTTGCAGACTGGCCATGGTCCTTGGG
CCACACTGGAAGAAGAACTGGGCTAAGTATTTTTATGCCTGTGATTTAA
CTTCTCCAATAAACCGCAGCTCTTGTAGGATATGATGGTCCGCTGTCAGG

>Sequence 587

AGGTACTGCTTGAATACACTGGCCACCATTGTTTACCTGTTATGGGACAG
GCAAGATGGGGAAGCAAAGGAATTATTGCCATCAAAGAGAGAATAACAGC
TTACCTGGAAAGTCCACTATTTCTAAGAATTACATAATGTTCAATTGCC
TGATCATGGAAGGATACCCCCGTAAGAATGGGAATCTGTTCCCTCTAC
TGATGGCTGCTGGGGGCAGAAAGAATGATGTTGCATTTATCTAGGTTTAT
TAGACAAAGAAAGCTACAGCGTTGGTGAGAACAACAAATCCAGGTAAGA
CTGCCTAAGAAGAGCCTGGCCCTGAAATAATCCTTTTCTCCTTTCTGCT
CATCAGACTGGGACCCTTTGTCTAAACTCCTCCTG

>Sequence 588

ACGGGCAGGTTCTGCTTCAAAAGGCATGTATAACTAAGACATATGAAAAC
TAAATGACAAATGGGTATTTTTCAACAGGAACACTTTGAAAGGAAAAAG
AAAACAACAAGAACTGTAGGATATTCTTTTGAAGGCAACTGCATGATG
CTAGATTGTGTCCATGGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATT
TTTAAATACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATT
TTTGAATTGACATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAAA
TGACAGAAGTAATCGCGTTCCACATAACTTTTGTGTTTGTATTACATAT

Table 3

113/1077

ACAAACACATTTTTATCTTGTCAACAATATTATCTGAAACA

>Sequence 589

CCGGGCAGGTACAGTCATATGCAGTAAAGGCAACAAATGCTTGTCTTGA
ATCTGAACAATTTCTCAAGGCATTACCGTCTGCCTTTTTCTAGTTTAT
TCAATTTGGGATAAAATGTGTTGAATGGAAGTTACGTTACTTTTGCATAA
AAAGAAGTCTAAAAAATCACAATTTCTTTTTCAAGAATCAAGTTCTAA
TTCAATTCATCAAGCATTAAATTAAGCATAAAGTTATATTCAAAGAAGCAC
TGGGCTAAGAGTTTACGGAACAAAGGAGACACAGGTATCTCACGAGCTTA
AAATGAGGGATGAAGAAAATATATTCACAAATAATTACAGTTAAAGACAA
CATGCGGGGCTGGGCGCGGTGGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTCGG
AGGCCAAGGCAGT

>Sequence 590

AGGTACAAGGAGGGCATGTCAAATTCACAGTAAAGGAGTCTAAAGCGAGG
CCATTATATGCTTCTCTTCTACCTATCTCATATATGCCATTTATGAGCCC
ACTTAATATAGGACCTGCCCTCACCATACGCTCAGGCCTATAAGAACTT
TTATACCTACAAAGACTTCCTCACACCTTTGCCTTCTGCTCTATAACTGG
CCATGTCTGTATTCTGTTTCAGATTAGAGAGAGGTCCACTGAAGCTTTCCC
CAAAAGTTAGGAGACAAAATAACAATGCCCTAGTAAGCTGACAAAGGGA
AACATTGAAAACATAAATGAGGGCCAGGTGCGGTGGCTCACGCCTGTAAT
CCCAGCCCTTTGGGAAGCCGAGGCTGGCAGATCA

>Sequence 591

AGGTACAGTTTCAATAATATGTTTTTTTAATTGATGTTAAATATGCTCCT
AGAAGCTGCACTGCAACAAAGTAATTTAGAGAAAGGCAAACCTGGATTCA
GTTTTAGATAATAAATATATATGTGCATAATTAAGAGATTGATGTTT
CCAGAAAGGAGCACAAATGGAATGAAGAAGGTGGTGCAGAAAGGCTGAGCC
CTGTGCTATTAGTGATGAGTTTACCGGAGGTCTTTTTTTTTTAAATAAA
AACTTAATTTCTCTGTCTTTGAATTCTATGAGATCTCTTTCAGACAAACA
CAACATTCTGAAAATCAAAGACTTGGGGATTACTTGGGAAAN

>Sequence 592

AGGTACAAGTTCTACAAGTTGCCTTTTAATAATGAATCACAACCTATTACT
AGGGCATGCATGGCTTTGTCTAGTTCTAAAAATGTAAAGGATGGAATAT
AAGATACAGACTGAGATATGCTTGATTACAATTAGTCTACCATATTTAAA
TATGCCGCAGTGATTCATTTACCAGGTGAATTATTTTCCTCAAAGTGG
TCTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACGGAGTCTTGCTCTGTCTCCAGGCTGGA
GTGCAGTGGCGTGATCTCAGCTTACTGCAACCTCCGTCTCCTGGGTTCAA
GCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCGAGAGTAGCTGGGACTACAGGCATGCAC
CACCAAGCCCAGCTAATTTTTTTGTATTTTTAGTAGAGATG

>Sequence 593

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAATTTGAGTCTCACT
CTGTGCGCCAGGCTGAAGTGCAGGGGCACAATCTCAGCTCACTGCAACCT
CCACCTCTTGGGTTCAAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTTCCAAGTAGCTG
GGATTACAGGGGTCTGGCCACCCACCTGGGCTAAATTTTGGATTTTTTA
GTAAAAAACCAGGGGATTTTACCAATGTTGGGCCGGGCTTGGTCCTTGAA
ACCTCCTGACCCTTCAGATGGAATCAGCCCCCGCTCTAAACCCTTCCCAA
AAAGGGCTTGGGAATTACACAGGTTGGGGAAGCCATTGCCCCCGG
GCCAAAAAATTTTTAAAAACCATACCCCTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTCC
CCCTTTTTAAGAAAAACCAGGAAGATCTTTGGCTTTTCTGGATAACCCTA
AGGGGTTGGGGAA

>Sequence 594

AGGTACGCGGGGTCCAGAAGACAGGTATTATTGTATTTAGCACAAAGCA
AAGGGAAGAAGAAACACTGTTTATGTCCAAACTATGGGGCAGTGGTCTT
CTCTTTTACTTTTCTTTGCTGCTGTTTCATGAAGCTTGTTACCTTTTCGCT
GTCTTTTTTTTGGAGACGGAGTCTGCATTCCAGCCTGGGTGACAGAGCGA
GACTCCATCTCAAAAAAAAAAAAAACAAAAACAAAAACAAATAAATAATTGT
CGATGACACATTGATGGCTTTGAATATGGTCCAGATTTTGCCACCATTTC
TAATCATGATTAGTAGAGGGCTTATTGTGAACCACCCTAATGAGAGAAAG

Table 3

114/1077

AAAGAACTGGGGTGGGGAAGAAGGATGGCAAGAAGAAGCATGGGAAAAT
>Sequence 595

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTTAGACCATAATTTAGAT
CTTTCCATCCTCCAACCTAAGATTTACCTTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAAATCTGAAGTCTTTAAGAACCAAGATGTT
TCTGATGTTTATTTTAATGTTTCAGGGATTTGGAGGTGAGGGGCTAGAAA
CACTGACTCCTGCCCCTGACTCCCGCCCCTGACTCCCGCATTTATTTTCA
TAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAGGGTATTATGTGGAGAATAG
AAACAAGAGTAAAGGACTGAGAGTATATTAGAGAAAACCTATCATAATTTT
GGCAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGTTAGAGAA
AGGAGTAGAGGACCTCGAGATATAAGGAGAAAGTAAAGTCTAAACTTGCT
AAATGGACTGGATTTGTGGGATGAGTGAAACGGTGAAGCAAGGATGACTT
GAAGTTTGAGTTAGCTATTAGATCTCCAAGCAATCCCAGGCAAATGTTA
GAGGATTAGGAAATATTTAGCCCTGTTGAGAGAAATTTTGTGAGTCATTC
ACATATAAAATGGCTTTGGTAAGTCCATGGAAATCGAAGAGGTCACACTG
GGAACCAAAGAAAAGGAAATTTCCCAAGTGTGGAAGCCACCCCTTTACGG
CCCTTTCCAACATTTTGTGAAGAGGGGCCTTTTTTTGGGGGGGAAAGGG
AAAAAAAAGGGGGGGGGGGGTGATTATCG

>Sequence 596

CCGGGCAGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCA
TTTTCTGTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAA
TAGGATTGTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTAT
GACATTAGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGA
GGGGAGCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGT
TCTGTTTAACTTCTTCTCCTTTATTCCTATGGTTTTTATGATTGCAAAT
TGGCTAGTGGCAGGGCAGGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTTT
CACA

>Sequence 597

AGGTACTGCCTGTCTTCTATTACAGCACATGTGGCAGCAAACCCCAT
TTACAGTGATACATCCCTGCATCCCTTATAAGAATATATAAGCTTTGT
TTCCTCATTGAAGCAACAAGACATGGTTTCTCACTCGTCCTTATGTTCT
CATAGCTCATATTATGCTACTGTGTTTTTAGTAGGAATGGGTGCCTATGG
TCAAATGTATGGTCTGAGTGTACTTTATGTTTCAGCATAATATATTTGGAT
TGGCTTGGGAGTTTCAGTTTATATTTTCCAGTATACATATTAGCAATTGT
AAGTATACTATGATATTTTTACACGTTTTCTATTATATCAACCTCCCCTT
TTTCTGTTTTTTCTTTGTTACAGTTTTAGTATTTGACATATTTTATATTA
TTGCATGTTCCCTTTCTTGGGGACCTTATCATTCCGTTCTATAAATCC

>Sequence 598

AGGTACAGGCAACAAAAGCAAAAATACACGAACGAGATGNCCATAAACT
AAGAAGCTTCTCTGCACAGCAAAAGAACAGTAATAGATTGAAGAGACAA
CCCACAAATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTAAGGGGTT
CATACCAATAATATGTAAGGAACCTCAACCCAGAAATGAGAAAACAAGCTT
ACTAAAAAATAAGTAAAGGAGTTGAATAGACATTTTCTAAAAACAGACAT
ACAAAAGGCCAGATTTTTATCAAAAATGTTGATAAAAAACATCAACATTC
CTAATTATCAGAGAAATAGATGTCAAAACCATGAAGATATTATCTCACAG
ATGTTACTGAGGTTATTATAAAAAAGATGTGGCGGGGCACGGTG

>Sequence 599

AGGTACCACAGTTTGCTTAACCATTCACCTACTAATGAGAGTAGGTTCCC
ATAGGTCCCCATCATCATCCTTGATAGAGGCCCTCTGAGCAGGGATCA
GACAGTCCCACTCCTCGGGAGAGGGGACGCTGGAGAAATTTATTCTTAAA
CTAATTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAAGACCATTCTTAGTGAGCACT
GTGGGAAATTTTGGTCACCTCATAATAATTCTAACTGCGCCTCACTGCTG
AATATTCAATGGTCCTACATTGGATTTTGTATAGGAATAAAGGTAGCCC
TGTTATTGGAGAGCTCTTGCTATTGAAAAAATTTTTATGCCTCTTTTT
ATGTTGGTTTTTATTCCCAATTTTATTGTTCTTTTTAATATGTTTTTC
AATTACT

Table 3

115/1077

>Sequence 600

AGGTACTTTCACCTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAAGCATC
ATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGGAATAACAATTACTTAACAG
TTATGTGACCTGGGACAAGTTGAGCCTAAATGTCCTCATCATAAAATGGA
ACTAAGTTACCCCTCATAAAAAATGACGTAGTGTATGGACACTGTTTGCC
CAGAGTGGGCAGTGAAAAAATTGTGGCCATTCTGGAATAATCTTATAGTC
TCTATGGTGGGAGATCTGAAAGCCGTTTTCTTTCCCTTCCCATTTTGT
GTATGTATCTGCCTCCACTGATCTGCACAGGGAAGGGAAGTGGTTGGTAA
CTCTCTGGGCACTCAGGATCTCTACACTTGGTAGTTGCCCAGCAGCCAT
CACTGTGTCTTTCACCCCTT

>Sequence 601

CCGGGCAGGTACCTCACCATTCCACCTCATTATTCAAAGCTCAATGTTGC
AGCCCACTTTAAGCTGACAATATTGATGACTGCCTCTAAAATACAGGACA
GGGTTACTTATAAACCTTTATACAGGCCGGAGTTTCAGATATATCTGTGG
TAGATTATGGTTTCAGCTTGATGTGAGAGAATAACTGAAATAATTCCTAC
CCCTCACCCCTTGCCCCCTGCTTTTTTTTGAGACAGGGTCTCATTCTG
TCACCCATGCTGCAGTGCAGTGGTGTGATCACGGCTCACTACAGCCTCGA
CCTCCTGGGCTTAGGCAATCCTCCTGCTTCAGCCTCTCAAGTAGCTGGAA
CCACAAGTACCTT

>Sequence 602

CCGGGCAGGTACCGGGCCTTGTGCCAAACACCTTAGATGGGTTATCTCTG
AACTTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTACATTTTAC
AAGTATGGAACTGGGGATTACTGAGGTTATTTGCCCAAGGTAACACAGA
TGGTAGATTCTGGAGCCAGAGTTGGAACTGGGTAGTTTGCTCCAGACCC
AATGATCTAGCATCCTAGATGTGGTCCATTAGGGCTCTCTCTTTTCATCC
GTTTGTAAAAGAGAAGTTTTCACCTTCTCTCAAACCATTGAGAAACAAC
TTGGAACCTGGAAGTGCAAGGGGAGAATTCTAAAGAAAGCGTTTTAAAAAG
GAGAAAGAACAAGAAAGCAGGACACCATTTCCTACCTTTGGTATTCTCCA
AATAGTTGGCACCAATTCTCATAAAAAAAAAAATGGCACAAAATGGTGCAT
ATTTTTACACACACACTNTTGTAAATGTTTCAATTAAGATTTGACCACAATT
TAATTAATTAATAATGATATACCCCAAATATTGGATTGTCTATTGCTGGTT
CCCCTTTGTAGCATAGACTGTGGTCTTGTGCCTTTGTCCCAGGGAGGA
CTTACCACAGTGGCTGCCTCAGCAATTCCAGGCTTTCATTATTCCTTCCT
TACTAGAGCATTTCTGAGTCTGTTGGTATTCATAAAATAGTTCCCCGTAG
ACCTACCTTGAAAAAGCTATCGGTACTTTACCCAAGAAAGGCTTAAAAAC
ATTGATATGGAGGCCGGAAATAAGAGTTAATATCCTCTAAACTAG

>Sequence 603

AGGTACCTAAGGAGGCAACATCTAAACTGGTCTTGAGGAACAGCCGAAGA
TGGCGAACGGGACAGTTCCTGAAAAGGGAATGTGAGATTTGGCAATCAGG
ATAGCTGTAGCCTTTACTACGGAAAAGTCAGTGGTGGAGACAGCAGACAG
ATTCAGCGGGCTGAAGAGTAAGCATAAGGTGAGGATGGGTTGTGCAGGAT
ATATGAAACCATTATTTGTTTGAATTTTGATACTTAAATAGTAAAGGAAA
GTGCTAATACTTTGATAGGGGGGAAGTTTTTCTAAAATGGGTTGGGAAC
TTTGAAACATGTTTTTACTTACCAGAAATGAAGAAGGTAATTGTTGAAAA
AGGCCCTAAACGTTATATAATAGGGCAAATATTTGGGTTGAAATCAAAAA
GCCTCTTGTAAGGTCAGAACTAAAACGGTCTTTTCAATCCTCATAGCA
CTCTTTTTATATTTTTTTTATTTCACTTGCAATATTTTTTTCCTTTTG

>Sequence 604

AGAAGGGCATTCTCCCTACTTGTGTGTCATCTTAGGGACTCTCACTTTGA
CCCTGAGTGTGATAGGAACCATGGGGAAGTCTGAGCTGAGGTTGGACGTG
AAAGGTCTCATGTTTTAACAGGGTCACTCTGGCCCCCTCCACTGAGAACA
GGCTGAAGGTGGCAGGGACTGAGTGGAGAGACCTCTTGGGAGACCACTGC
AGCAAGTCAGGTGAGAGCTGGAGGTGGCTTGGCCAATGGGTAGCTGTGA
GGTCGAGAGCAATGGCTGGAGCCAGGAAACCTCTGAGTACCT

>Sequence 605

CCGGGCAGGTACCATTTGGAACCTATTTTTATTTAAGTTTTAGCTCAAGG

Table 3

116/1077

TTCTCCAGAATCTGGGAGTTGAGAAAATGCCAATGGAAATAGGAAATATG
AAATATCCAGGATCAATGGTAGACTTTTCTTCTTACTGTAACAGTGCTCT
GGGCACATTTCTTACCTTGCTATTTTTTTGGAGACCAAGAAAATATTGCA
TCTATGTCCATCCCTACATAGACCTCACAAAGCATAGGTCAAATTCTAAT
AGGCAGCCATGATTCTCCAATTTTTGTTTACAAATAAGTCGACTGACTT
CCTAATTGGAGTCATTGGGGGTAAGGAGCAACGGACAATGTCAGAGAGGA
CCACCTCACAGGTGGAAGTGTGAGGGGCTGGGAAAAGAAAAGAC

>Sequence 606

CCGGGCAGGTACTTTGTTTTTCAATGCAGGACTTCTGCCTACTTCAAAGA
AAGGGGTTCAAAGTTTCTCAAATGATTTTTAAGTAAAAGTCTGTTAGAT
TTTTTAAATTAGTAACTGAATATGTATAGATTTCAAAAGTTCTATACACA
TATATATATACACATATCTGTGTGTATTTTTTTAAAACCTAAACGAGAAT
ATTCTGCATCCTTACGTTGTCATTTTTACTTAATACTTTGTGTTACTTCT
TACTTTTGATAAGGTAGAACTTGCTTTTGGTAAAAACAATTTGACCAT
TAATTTGGTCATAAGAAAACAAATGCTGCTACCCTGTGATGCCCAGTGTC
TAATAAAGATTTTTTTTTTTTGGAGGCCAGGCTGGTATGATCTTGGCTCAC
TG

>Sequence 607

AGGTACGCTCCAGCATTACCTCTAAGCAAACCTTCAAATATGGCTACTGT
AGAAGCACTTCTCTCAGCAGCACCCCTCACTCTTCTCAATGAGAAAAG
AAGTTGAGGCCCCAATTGCATCCTCTTTACTGATCCACCCAAAACAACT
CCCTGCAGGAAAGTAGAGGGATAAGATTTCAAAGGAGATGCTGAAGAGT
AAAAAGCAATCACACTTCAAATAGGACTTTACAAATAATTAACAACAGC
TCCAGATCCATCCTGTTCTTCTCTAGAACCACTAGAACTCTCAGATC
TGAAACTGTATCATAGATTACACACCTACATATCCCACTCCATGATACAC
ATGTTGAAGTTCCTATGTCCATATCCATCCTCCACATCCTCAGAGTTAGC
AAACGAGTTAGACATCTAAGACTTT

>Sequence 608

CCGGGCAGGTACCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTATCCAACTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAAGCC
TTGGCAACAGCCCTG

>Sequence 609

AGGTACCTACTTTGTGGGGTTATTCTGAGAGTTAAATAAGAACCAAGGAG
ATCCTAAATATATTATCCAACCAATAGGTATGTCATTTTTGTAGTTGCT
TAGGAGTTATTTCTAGATGAAACAGACAAAACCTCTGTGCTTTTATAGAAC
TTATTTTCTAGTGGGGCAATAAATATAAAAAGTTACCATGACTTCCACAA
TGGCAGCATGAGGACCTCTGTAGACCTACTTCTCAGTGAAGTGAGCATAA
CTGATTAAAATTATGTAGGTCTTTGGGATCCCAGAGCACCTTTAGTCTCG
GGAGACGCTCTGCCAGCCAGAAATGATGGAAGAATTGCATAGCCTGGACC
CACGACGGCAGGAATTATTGGAGGCCAGGTTTACTAGA

>Sequence 610

CCGGGCAGGTACTTTATTATTCCGAGAGAGAAAGGCTAGCCCGAAAAAGC
TGTTACCTAAGCAGCTTTAGCATAATTGCTCTCTGCACAGAAGAAATCTC
TAGAAATCCAATTTTCTCTTTGGATAAGACTAAAGAACCAATTAAGAAAT
TGAGCTCCAAAATTCCTGTGATCACAGCCACATGGCACACGGGGCAGCC
CAGTCTGCATTGCTGAGGGCTGAATATCTGTTTTCCAATCACCTTTCTT
TGCTTCTTTCTCTTTCTTGAGCTGCTTGCCTTTTAGCTGCTTTATTGCTC
ATTAATATGTCCACTGGAAATTGAAAGAGGGAGGAAAGGGGGCTCTTAAC
TTCTGCATTTCTACTTATTAGTGGCTTTTGGTTAAATGGTTTTCG

>Sequence 611

Table 3

117/1077

AGGTA CTAGACCTCCCTGTCTCATTCTCATTGAAACATTTTCTTTTGGCT
TTCATAAACCTTTT CAGACCAATCTTCCCTCCTCCTTCTACTTGCTCCTTA
AATGTCAATGTTTTCCAGGGTTCCATTCTACATTTTGCTCATTCTTCA
TCCAACCCTCATTGCTCTTGACTAAAATTTGACCCTCTCAGAATCAAGA
GGAGTTTGAGATCCTCTTTGCTACCCACACTTGTTTTCAAACCATTACTT
CCCCTCATCTTAAAAAGCCCTCTGGGCTGGGCACAGTGGCTCAACACTTT
GGGAGGCCAAGGTGGCAGATCACTTGAGGCCCGAGTTTGAGACAAGCCCT
GGGTGACAGAGCAAGATTCTGTCTCAAAAAAAAAACAAAAACCAAAACCT
CTGTTTCTTT

>Sequence 612

AGGTACCACCATGCCTGACTAATTTTTATATTTTAGTAGAGACGGGATT
TCACCATGTTGGCCAAGCTGGTCTCTAACTCCTGACCTCAAGTGATCCGC
TCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGCGATTATAGCTGTAAGCCACCGCGCC
TGGCCAGGAGGGTCTATATTTAATGTCAGACATGGCCCCCTCTCTTACAAG
AGCAGGTCCACCAAGTCCAAGAGGGTTTGAGATGCACAGAGGGACACACA
TAACGAGGCAGAGACTCCGATCCAGTCCACTCTGAAAAAATCCAGCTCC
CCAGAGTTAAGGACCCTCACACCCCCCTGAACAAGGCCTGGTGTTCTG
GAATATTCAACTCGAGTCTGCTTCCTCGCTCGGCCTTCCTCT

>Sequence 613

AGGTA CTGGTAGTTTAAATATCTCAATATGAAATGGCTGAATAAAATCA
TCACATTTTCATTTTATATCAATGGTTCTGAAAGAATGATGCAAGAAAAA
TCTCTAACCTTAGTGAGATGAATTTTGTAAGTTCAGTGAATTCCTTCCA
TGCACATTTGAAGCCAGTCCAGGTTTTTCGACCTAAGTGGCCTCAGTCAT
GTTT CAGCACCTAACGAACAAATCATCTCCTGTCTCCAATGTCATTAACAA
CTCTATGGGTGAATGAGGATCACTAACTGTGGAGTAAGAAGGAAGCAGGC
AGCCTGTTTCCAATAACATGTTGTGATTCAACCACAATCAAATGTTATAA
AACTAATGTCTTAAAGTTAATTTGACCTTGAAATGTCT

>Sequence 614

AGGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAGGAAGAA
CTGCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCAGCAGCA
GTTGTGTAAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAGTCCTCAA
GGTTAACAGAAGTCTCAAAAAGCCCAAGCCCCAGATTTTGTAATAACAT
GGTTTACCCCCAACCTAATCAATGTCACCAAGAAAACCTTGTAAGTCCAAT
AAGACAAACAATAGTTAAGTCTGCAGAATATTTCCATATAGATTTAGAAG
TATATTTAACTCTTAATTCTCTGCTTTCAATATCAATTGTTTTTGAGCCT
TTTCTTGGGTAAAAGTTACCGAATGCTTTTTT

>Sequence 615

CCGGGCAGGTACACAGTTAATAGTAGTATTGTATAAGCCATGACAGTGTA
GCTCCCTTTTCAATTGTTTTAAACATGTCTGTCTTACTTGAGATCTTCTAT
TTAAAGCGAAAAAGAAATTTTTTAAATTTCCAAGGATAAAAGCTGGGGT
GATAATTTTTAAAAAACCTGACAATTAATTTTTCGTTATTATTTTTTCAG
TGAAACGAAAAGCCAGCAATTGTAATAAATTTCCGTTTATGAATGATAAN
TTTAGGGCTCTTTCAAATATTGGAAGCCCAAAGTTCTAACCTTTAATAAC
CTTTTAATANNAAAAAATATNTNNCATGTGTAGCACCCCATTA AAAACCAT
TTNNNGTTTTAGGGAAATATATTTATTTGNNA AAATGGGCTTTTTTTAAC
CTTTTTCTTTGGCCTTCAACTGTGGTGGAAAAGAGTGAAAATTGGGTA
AGTTGGTAAGGCCACCATTTATTTCCCTTGTTAAAAAAACCAGGCTTT
AAGTCATTTCCAAATTTG

>Sequence 616

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGTAGTAAGCCACATTACTCAGTTGTGAGGGG
GAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAGCC
ACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAACCG
ATTTTTTAAAAAACCTTATCCCCTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAG
TGTCACCCATTGAGTAAACCAAGTGGAAGTCAGCAGGAAAGTAGCTGGG
ATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTCTGTCACCCAGGCTGAAGTGAAATG
GTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAAGTGATTCT

Table 3

118/1077

CCAGCCCCAGCCTTCCAAATAGATACCAGTAAAAATGTCATCTGGCCAAT
TTGTGTGAAAAAA

>Sequence 617

TTAACTACTATATAGGGCGACTTGGAGCTCCTCCGCGGTGGCGGCCGAGGT
ACTACTATTTTGGTTAGTTGTTTATTGCTTTATTTTGCAGATGAAAACTC
CGCTATTGAGAGAGGTGAAATATTCTATCCCAGCAGAAAAATCTTCCAGTG
AGTCAAACATCTGCTAGTGAGTTGACAAAAAAATCTAGGAGCTCTTTC
CGTCAGCACTTGGAAATATTCTTATTGTTACTGTTGGATGACCCCTGGTT
TGTAGACACCGCCTATAGGGCAATGGTTGGGTTTCAGAATTACAGAGCGAG
AGGCATAAGCATCATAGCACAGAGAAACATATTAATAAAAGCCTCTGAGA
AATAAAAAATGAGATCCCAAATCCACCAACTGACTGAACAGAACCCCTTTT
GGCCAAGGGGACCTCAAAGTAATCTTGAAAATTGAGTTCTCAGTCATGGA
CGGATGTGAGG

>Sequence 618

AGGTACAGAAGGGGGAAATATGCCCCAAATGTCAATTTCTCTTGCAGCA
CTATATGTGGCTCTCACAGTGGAAGACGGAAGCACCATGAAATGTGGGAT
ACACAAGATAACTGAAAATGTGAGATGTTCTTGATGAGTTGGTGGTGACC
TTTGCAAAATTTCTCCAGTTTGTAGGAATTGTCCTTGAGCAAGTCAGTCCA
AGCAGATTTTATTTTATTATTTTGTAGACAAGGTTTCGCTCCATCACCCAG
AGTTGAGTGCAGTGGCACAGTCATGGCTCACTGTAGCCTTGACCTCCTGG
GCTCAGGTGATTCTCCTGCCTCAGCCCCCTGACCAGTAGCTGGAACCTACA
GGCACATGCC

>Sequence 619

AGGTACATTTGAATGAGTAAATAAAGCAAAGTCATATACATATATCACTC
TTACTAGCAGTCCTGGTAACTCCCACCTGTTTGTTATTGGAGTAGGGGTG
GCAATAAGCTGCTGTTTTATAAATTTAAGGAGTCTCAGGGGTCATATCAC
CAGTTCCAAAAAATAAACGAATTATGAGATTAACAGTAAAATGTCCATTT
TAATGAAAATCCTATGCTAATTCAAATGAGGACCCTACTGTTGAAGAAAC
ATTTGCTCTTCACACATAAACATGAAATATACCCTAACTCATTTATGAGC
TGCAGTCTTGAATCCAGGCACAATATATCACT

>Sequence 620

AGGTACTTGAGGGCATCATTAATAATCAGCCAGTGTTCACTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAAATGGGCAAAAATGCCCTTGGCCTTTACA
TGCTCATTTAAAAACATATAACAAGAGCACGTAAATTCAGGCAGGTTATC
ACTTTCTACTCAAAGCATTTTTTCGCTCTTAAAGTCACAAAATGTGCAAGC
CGGGAGGGCCCTACGGCTTGATTGTGCTAGGCCTCTACAACTCCACGTCA
CTTCCCAACCGGAAGCACAGAAAGATGCATCGTATGGAGTCATTAAATGT
AGCAAAACCAACCCGACAACTCCTACTACTTATTAATAATCATGAGGCC
CAACAGAGCTGCCCTGTGCTGGGGGACATTAATACGTGGGAGAAAAAAA
CAATGCGAGACAATGGTTCCAAGGGTAGCGTCTTCTTGGAAGACACCTGC
CCTTTCGGAAATAGCCTTGTTGAACCCCCCAACAG

>Sequence 621

AGGTACTCCTTCATATAGTAGTAGGTTTCAGAACTCAGGCTAAGGAAAGC
ATCCAGAAAACATTGTCTGCCTCTGCAACAGTTTGTGGATAGCTTGTAAT
TGAGTTTCTGATCTTGTCAAATCTGTCTTATAAACTCTAAATGTTGTGG
TCCTCACCTTGGCTTAGATTACCAGAATAATACCCTATTCTTGCTTATTA
GAAGTCAGTGCAAAATTCCTTCATACCCCTATTAATAAAAAGTATGAGTTT
TCTTAGGAACATTTCCATTCTAAATAGAGTATATGCTCATGTTTGTCTCT
TCCTTGATTATTGTTTGACCTAGTTCTAGGTCCAATTTTTTCAGACTATG
TCACATTATTTTCATGTACCTTAGTAGGAAGGTACTTTTCAGATAAAAAA
GTTTTCTTATGTTTCAGGTAAAAGTTCTTTCCACGCCAACCATTATTTT
TGTTTTTCTCAGAGTTCCTTAATTGGGCAAATTTCCCTTCAGGGAATTCT
TGGAAAAA

>Sequence 622

CAATTGAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTACGCGGGAAGGA
CAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAG

Table 3

119/1077

TTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGAT
GATGTTGGATAACTCTTTGAGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAT
ACTTAATTTTCAGAGTTGTCATAAACTAAATGATTTGACTTATATCAA
CCTAATTCCTACTGGCTCATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCCTCTGTTTCG
GATGCCTTCCCCAGTGGGGCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGC
CAAGCTCTTACACATTCCCTCTGCCATAAACTCATTCTTTGTTACTGAA
TTATAATTTTCATGTTTATCTCTCATACTAGGCTGTGAGTTC
CTGATGACAGAGA

>Sequence 623

CCGGGCAGGTACCCTGCACACACTATGTTCTCAAGAAATATTCATGTAAT
AAGTGAATAATTGAATGAATGAATGACTAAGTGAACTTCTCTTTACAAC
AAGCAAATGTAATNAGGCCTTTCTAAGCTCTCATCCTCATTGTCCTT
GGTGGATTCCCACCACACTCAGAATTCCTTTTACCCTTTCCATGCATATG
AGGCCCCACCTAATCAGGTGCTGGTCTTCTTAGCTTTCTGTCTCCTACCA
CTTTTGTCTTGCTTCGGGAACCTCCACTGTCTTTTCTGTTATAGGAACAT
GCTAAGGGTATTCTTCATAGTCAAGAGCAAGCTCTGAACCCAGCCCCAA
TCTGTTTTTGAACCTCAAGTTCCACTTATGTGCTAAGTGGGTTATATCGTG
AGAACATTTATGTACTGTAACCCCTCACCTCCCTCATGTGTCAAAAGGAAG
TAATGATGGTGCCTCGGCCGTACGGACAAGGATCTTTTTTCATCATAATTA
AATATTTTAGAAGACAAAATTGTTTGAAATATTCAGGCGGAACGCATTTG
CATAGATATACACGAAGCACTACATTCTGGGATTTAAGCGAATATTTATG
CCTAAATCTACACAGATAATTGTCAGGTACGCGACTGATGGGTATACATA
TACATGACATTAGAGTGATTCAAAAGTCACTAGACATACGACTATACGAG
CGATAGGAGGCATACGTATGAGATACGTGAGAGTTTATAGACATTATAAAC
TGGTATTGAAGATAGATTTTACACGATTGCGTAAGAGTAATTCATATGAT
AGACATCTCAGATATGTGATATATGAGATACATCAGACT

>Sequence 624

AGGTACAAATTTGATCATTTTATTATATCTGAAACAGACTAAAGGCAGGT
TGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTTGGGTGATAGATGGTGAGTGGTC
TGTAAGTGCTGGTTATTCCATATAGACTTCTGTCAAAGCTCATGGAAGTGT
TTGTTTAAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACTTCACTAGTGAAA
TCTTTAAAAACTATGCTGGTGGCTTCCCTGTCATCTTCTGAATAAACCCCTG
ATTCTTCTTTTTCAAGGTAAACAAGAACTTCTGGTGTGCCTTCCACCTTT
CCCATACCTCCCTCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCACTTCAAATTGCCA
TCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGCTCTTGCCTCTGG
GTCTA

>Sequence 625

CCGGGCAGGTACAATGTCCTATATTTACGAGGACCTTACTACTCTTAAAT
CGCTGTCGTTCAAAAACAAAACAATTTTTTTTTCAGCGTGTTCTTATATGCC
CATTACTGAGCTGGTCCCTGGGGATGCAAAGACACATGGANCTCTCATTG
TTTTCTCTCCAGGAAATNNTCACTTGGAAGAAAGAAACACNNGGAGATGCTG
CCTAGAATCCTTGATGCCTCCGAAGTTAGACTGGAGTTGGATTAACCCGG
CCTCTCTCTGTGGAAATAGGAGATGGCTAGAAGAGTGACATCAATCAGCC
ACAACCTGCTTCAGCCTCATAACGTCTCNGAGCAATGGTATCAGACTTGATGC
AGAGAACTACCCGGCATATGTGGCTTTTTTTTTTTTTTAAAATGTAGTGAA
AAAATTTCAAGTCACAGCCCAACAACACTGGACTAATCAAAAGATCATTTC
ATGTTTGGTTTGGATTAAATGCTCTTTTGCCTATGGCTTTTTGTATG
AGAATGCTTGAGAAATTCTATGAAATAAGGGAGTGGTTGAAGAAGAATCC
ATTGTTATAGAGCAGGGAACCTTAAAAAGAATACAATCTCTTGGCCCCCTAT
TTTCTCTTCCCCTTTCTGAATTTTAAAAAAGAACACTTTCAAACCGGATG
AAAAGTCTTTTATTGTAAATGGATGGGGACCAAACCTTCAACGTGAAAAGT
GAACCCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTCAACAAAATCTTGGGGAATGCC
CATTTGGACCTGGAAACAAAATTTTTGCTGTGGAAATACTTGGCCAAGG
GACTTTTTCTGAAGGCCCCCCCCAATGGCCAAAAAAGGACTGGTGAAAAGG
CCAAACTGGGCAATATATTGGGGGGAAACGGGTTTCTTATTGAAGGGAAG
GCCAAAACCATCTTTTTATGGGGGTGG

Table 3

120/1077

>Sequence 626

CCGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAGC
ATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTCAAC
AATTTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGTG
TTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTTT
CTCCAAAAGGAAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATAA
TTTGAATTCTTTTCAATATATCTCATTNTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAC
AGAGTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGGCGATCTTGGC
TCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCT

>Sequence 627

AGGTACGCGGGGACAGAGAGAAGGTTAAGAGCAACAAGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAAACAGAGTTTTACTCTTGTT
GCCCAGGCTGGAGCGCAATGGTGCGATCTCGGCTCACCGCAATCTCTGCC
TCCTGAGTTCAAGCGAGGAGCAAGTGAGTAGCTGGGACAACAGCCCTACC
TGATGGACTGGACTTCTGCCTGGATTGGAGTTTGATCATGCCTCCATATG
GGTGTTTACCAGGCGTATGCATTGAACCTGAGTTTGTCCCTTCAATACAA
GGAAAATCTCTGCCGCTTAGTGATTTTCCAAGAAACATGAGCTTCTGCCT
TTCAATGAGGAAGATACTCAGAAGTCATGTTTCGAGCACTCCGGAATAATGT
CCTTGGAGTTTCAACATTTCTTTGGTCTTCCACATTTTCATTTTGTCTGA
TTAAAGAGGAAGCCAGTTGCTGTTTGTGTGGCCATGTGAGCAGGCAGGGA
GATGGTGGCTGCCTAGAAGCCAAGAGAAGTGGCCTAAAGATGAAATCTAC
CTTGCTGGTACCTGGCCG

>Sequence 628

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCA
CCCACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGC
CTGGCCGGGTACAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAA
GGTATTTCAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCA
TGGACTTACTACTTTAAAAAACCACATTATTAGAAACCTAACACCTTGGA
GCTCTGCATATTCTGAATGAAGAATATACTAAACCACTCAGAGGGAAATA
GTTATTAACCATTTTACCACAGACGACTAAACCACTACCATGGCCCTTCC
CTTGTTTCAGCTGGTCTGGGTCG

>Sequence 629

CCGGGCAGGTACTAACATTCAAAAAACCATAAATATACATCCACTTAAAA
AGACACATTCCAGTTACGATACCCTTCTTAAAACAGAAGTCTGATTATTT
TATATATTATCTGATACTGTTACTGGCTTGCTATTTTGTGAGCTATAAGA
AGTAAACTGATGGTTAAAATACTATAACCTTGAAAATATACACTAACCTT
CATTATCCAAAAAAGTGTCAAAAAACATAGAAAAACAGAAAAACAACCT
TTTGAAAGCTTTGTTTCTTCTACCGCTTTGGTTAGATGCCCTTCGACGAT
CAGCTTCTCTGCCAAGGAAAATAAACGTTACCATCCAAGCCCAAACCTGAG
CAGCATTTCCCTGAGCTGGGCAGTGTAACACATTCCATGACCAAATT

>Sequence 630

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA
TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACA
GAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCAT
AGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAGGGAAGTAGTCAATTGTTT
TGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTGAT
AACAGAGGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGA
TTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGA
GACAGGCACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACAC
TGTCTGATGGGGAGGTGGCTCAATCTTTCTTGCCATAACTGAATGAATGAG
TAAACTATCTATCCATCCATTTATCCATCCATCCCTCCACCCATCCTTTC
CTACATCCATCCATGGGGTTTGAGCCTTTAAATGGAGAAGGCCAGCCTT
ATCTAGTGAGAAAAAATTTGGATTAGGAGTTAAAAAACCGAATCATACTT
CACAGTCACGGTTAGCTTTTTGAACTGGCCAAACCAGGGCTTTTTGGGAC

Table 3

121/1077

TTACTTTCCTTATCATGAAATGGGAGGGTTGGTTAGATACACCTTTAAAA
CCAGCTTTAAATTTTGGATGAAGGCCTACCTTAGAATTTTTTGGTGAAGG
CCGACCGGGGTAAGC

>Sequence 631

CAGGTCCTTGGGCTTTTGTCTTTTAAAAACACCAATGAGTATATGCTCATT
AGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCAT
TGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCTGTTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTTA
AGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTTTGTAAAATCTTATA

>Sequence 632

CCGGGCAGGTACCATAATTTAGTTATTGCTCAGTGGTTGAACATTTAGGT
TGCCTCTAGATTTTTCTATTTATTAGAAACATTCAGGGTTTCTAGATTTT
TCAGTTTTATAAGGAACATTCCAGTGAACACTTTCGTGGAAGACTTTTGC
AGGAATTTCAACACCTAATTTTGTACAACCCTAACTTTCTCCATTTGTT
TTGATGAGTAGTAAATTTTTATTTTGAAGAAAGTCTTAAGGCAAAATAAAT
GTAATGCACTTATATTTCAAAAATATAATTGCCATATACTACCTATAAAA
TAGGAGTATTTCAAGGAAATCAAACAAAACAATGATTTTTCTCAAGCATA
AGAAGTATGCCTGGTATGACCTGCTCCTTTTGA

>Sequence 633

GGCAGATGGCTCACACCTGCAATCCCAAAGTGCAAGGATTACAGGTGTT
GAGTCACCGTGCACGGCCCCAAGAGATGGTGGTGGTGGTTGTTTTTTTT
TTTAACAGTAGAACTGTTTTTTTCGTTTCCATTATTTATTTCTGATTCA
CTTATAAATGTTGGAGCTATTGAAGCAATTGGAATTTTTTGAATTATAG
TTAACAATAGTAAAGATGTATCTTAAAAGATATAGTAGCTTTATTTATCA
TTTAATAGTAATGTAATATAAGGCCTTACTTGTGTGTTCCATAATTTT
CTTTCTGCCAGTATGAAATAGCCAAAAGTGACTGAAAGCCAGTAATTTTC
ATATCCCGTGCCAGTTT

>Sequence 634

CCGGGCAGGTACATTACAGAGCATATGATCTTTCAAGGTTTTGTTCCACA
TGTGTTATGCATAGTAACTGCTCATTTCTATTAATAAATACTCATAAATTG
AATCACATTACAAATAAGTGCCATATACTTAACTGAGCAATATACACACA
TACGATTCTGTATAGGTGATACAAAGGCAAGAAATTCTGAGAAATTTTA
AGATTGTGATCTGTATCATTGGATGGTATAGCAGGAGTGGCAGAGGGAG
GACGTTTTCTTAAGTTCTTCACTTACTGGCTCCTGCACTTAGGTAGGATC
ATGTCAGTGTGCTGGCCAATGAGCAAAAGTATGGTGTGCCATTTCTGGA
GTAAGGGAAACGTATGTGCAATTTCTAATTTATTTTTTCTCTTCCATTGA
TACT

>Sequence 635

CCGGGCAGGTACCGTAAAATACTTGTTTTCTTAACTATATCTCCCACTGG
GCTCCTGGAGGACGTGATCATCATTGTTCCCCAAGTGCCCTCATATATT
TGGTGGTCTATAAATATGAAATAACAAATGAATGATGGTGCTATGAATTC
AACCACACCCACACTTCTTTTCACCATCTGAGAGAAACAGAAGGATCCAA
ATCTTGGAATCTAAATGCATGCCTCCAATACAAAGATCTTTAATAATCA
CCAGGCCTGAACCACTTCTTAGCAATTGGCCAGGTGCAAGGAGCCGTAT
CAACTCCTTACTAGGACAGCTTAAGCCCCTGAAGAAATTATCTCATGCAC
TAAGGAATGACCTGACATAAAAGCCTACTTGAAAATAAGCTGATGCCTGC
CCAGAGGGAATAATTTAAAAT

>Sequence 636

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG

Table 3

122/1077

CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAGAATGGTNGGGATTAT
ATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATA

>Sequence 637

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTTCAGTCAGATATGCCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAACTTCTAATGATTTTTTCTGGTG
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTCTTAAAAAAATTCCCA
TAAAATATATTCATTTATCAATACATAAATATTTGATGGATATCAACTCA
AGAAAGGTAGATGTCCTCACTTCTTAAGCATTATTTATTAAAAAATTCA
CAGGGCAGTTCCACTTTTTTCTTAGGAAAATATATTGCCAGGTGAATCCC
TTCTTAGCACTTTATTGTCATTCTTGGGGGATTTATTA AAAACCAAGGC
TTGCTTGAAGCATGTCCTTTGTACAACCCTGCTTCTTTGTGAACACAAAT
GTCTTCCCAGGCCTTGCTTTAATTTTTTGGCCCTTATTA AACTTCTTCAA
AAGGTTTGTATTGGGGCCCTGGCCTCTTTAGGAAGGGGAAGGGTTATTG
CTAACACAAGGAATTGCT

>Sequence 638

AGGAACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCATTTATATTTCAAAAATTA
ATAGTTATTGACGTTGGCTGTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGCACAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAAATTGTCAATTTTTCAATT
TTCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAATAAAAATT
GAAAATAAACTTGTGCTTATATTTGTTTGCAACACACTAGTTAATTTAA
CCTGAGACTAGTTATCTTTACCGAAAGTGGAAGTGTA AATTACTGGTTTT
AAAATTTTAAGCCAACCGGAAAAATAATCCTTCTAATTTTGCTTATCTT
TCCCAAAAAATATTTTAATAGAATAACCCCCCTTTACAAAATTTGGAA
ACAAACGCCTTAAATAGCCAATGCC

>Sequence 639

AGGTACCCAGACCTGCAAGAGTTGTCTCAAACAATAACAACAGTATACAA
ATGTTAACCCTAATCTTAATTCAGAACAGCTTAAATGTAATAAGGTAACCT
TGGAAACTATGGCGAGCTCTCAGGTAGAAGCTAGA ACTCTGTTTCACGTG
ACAGAAGCAGACAGATTGTTAAGAATCTGTTATGAGTGGAGTCCCATGCC
AGGGCTTACCCTGGCCACCACTTACTAGCGGAAGCCTTGAGCAAATTCTG
CAGCCGTTGTGAGCGTCACAGAGTGGTGAATGTAAAGATTATATAACATT
CTCTATGGTCAGTGTCTCCGCATCTAGCACCCCTAAGAAAATCCAAATGC
CACCTGCNATTGTGACAGGGACAATCTCTGGGTGCTACTTGCACCCTGCG
AAATCCACCCTCTCCAG

>Sequence 640

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAGAAATT
GATGTCCTGGGAACTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTTTGAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAATAATAAAAATATCACATTATTGCCTACCC
ACTAAAGGCAGCCTGAAATTTACAAAACAGTCTTCCTGGGGTCGTCTCG
ATGGTGAGATATAACTGCCTTTCATAATACTAGAAGTACTGAGACAGAAG
AAGAGGCTGGGACCCATCTGGATTGGCTGTAGGTAAATTTGTTTGTGCTG
GGGGCTGCGTTGGGACTGCTTGACGCAAAAACACAACATTGGTCTGAGTC
CGAGGTGTCCCATTTGATATTGGGGCCTGGGACTGGCC

>Sequence 641

AGGTACAAAAGCCTGACGATATGGTCTTGAGGGGTAATCCTAAGGCTGTT
AGACCGAAATTA AAAACAAACCTTACCAGTAGATCTGTGTTTTTAAGACAG
CTCTATTTAAGAGGACCATGCTGATTATACCAAGAGATAAGCCCCACAGA
ATGTAAGGGTGATCACTTCAGCAAACATGGGCATGGCATTGCAATTTTCT
AGTTTTTACCTCACAGAAGAGCAAAGATCTCACAATCACTTCGTTAAAT
AGCAGCGGATTCTCAAGACATACAGTCCGTGGTATGCATGAGCCTGAGT
AAGAGGTTGACTTTAATTTTTTTCAGCCTTGAAAATAAAAAAAGTTAAATG
CTCACGTATATAATTGGTTCAATTATCACTAAAATAAAGCAGTGCTGA

>Sequence 642

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA

Table 3

123/1077

TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCCAAGGGAACC
AAAAACAGAAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCC
ATAGAAGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGT
TTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGCAAATAGTCCTTATATTTG
ATAACAGAGGTCCTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGCGG
GATTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATA
GAGACAGGCACTATAA

>Sequence 643

AGGTACATCATCGGGAATTCATGATTAAGTGACTAAATGATTTGTTTCTA
AAACAGAGATGTATGCTGTCTGTGGCAAGGGCTGGGAGCTGGGCAACAGC
TGGGCAGGGGGCACATCGCCTTAAAGCCTCATGCACCAAAGAGCCAAACC
GGGGAGGGCTTTCTTAGAAAGCAAAATACAGCGCTCACACTGCAGGGGTG
GCGGCGCAGGTGTGGAACCCTGTCTTGATGCCTAACGTGGGGGTACACAGC
TATCCGAAGGCAGGCTCCAGAGAGCACCTTGACCATTTCTGCTTGTTTTT
TCCCGTCTATGCCCCAGCCTGGCAGTCACTGGCCTCTGATTTAAAGAGTC
GAGTTTGCGGGTGGTTTGCTAATTATGACCCCA

>Sequence 644

AGGTACTCCTACTCATATGCTTCAGTTAATTATATATGTTGAACAGGTAG
GAAGCAGTGCTGTTTTATTTATTTAATATGTTATTCATACATTTGAAG
AATTATGTTCTTTCTGTAGGCAGCTGAATTTTTTTTTTTGAGACGAAGT
CTTGGTATTGTCCCCCTTGCTGGAGTGCAATGGCATGATCTCGGCTCACT
GCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAGGCAATTCTCCTGCCTCAGACTCCTGA
GTAGCTGGGATTACAGGCGCCTGCCACCACGCCCGGATAATTTTTGTATT
TTTAGTAGAGACAGTGTTTCACTATGTTGGCTGGGCTGGTCTCGAACTCC
TGCCCTCAGGTGATCCGCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACT
GGCGTGAGCCACTGCTGCCAGCCGGCAGTTGAA

>Sequence 645

CCGGGCAGGTACTGACCTCCCCACTCCTCCCTTAGGTGTGTAGAATATGA
GAGAACGATTTAGCCTTCATTTAGCAAGTTCCACAGGGAACCAAGTATCT
TCAAGGAACAGCCAGGTTTTAGTGAAGGCGAGGTAAAGGCAGGAATGTTT
AGTAAAGATGTTGAGGAGTAGAGGAGCTGGTTCACAGTGGAATGGGGGT
TCAAACAGCTCAGTAAAATGGTTTATGAGGGAACAGTTTAGAGAAGGGTT
TCAAAATTCCCTAGAGCAATTTTGTGTGATGATCTGGATTGAATATCAA
TGTTGTTATTATGATCGTTTTATTTCATATTTTATTAATTTTTTATCATT
TATATTTTTTATTCTTTATTTTATAATTTTTTTGATTTTTTTTTTAATAT
ATTATTATTTCAATTATTTAATCTTTTATTATAA

>Sequence 646

AGGTACTCCAGCCTGNCGACAGAGCGAGACTCCATCTCAAAAAAAAAA
AAATAGCTGGTCATAGTGGCACACACCTATAGTCCAGACATTTGGGAAGC
TCAGGCAGAAGGATCACTTGAGCCCAAGAATTCGAGGCTCGGGACCATGA
TTATGTCACTGCATTCCAACATGGGTGCAGAACAAAGACTCCCAACTCCAA
AGAAAGAAAAAGGATTATGGGTTTAAACACTTGGAAGGATGTAAGCTT
GTAGGAAATAAAATATCACTGTCCTCTTTTGCTCAGGGTCAGCAACATGG
TAAAATGAGGAATTTTAGAAATTAACCTCCAGGAAAAAAAAAAGGGAGAG
AGAGAGCANGAAGAAACACAAATATTTACAGTTTTGAAATTATCTACTAA
TTAGGTGATAAGTAGTGTGTAGATAGTGGAACAGAATAGGATGCACAGA
AGAATGTTTTGAATATAGAAATGATACAAAACCTTGAGCACTGATCACAAA
TGCTGAGGCAGACCTGAAGATGGCACTTCANGGTTTGACATATGAAGAA
CGAAAGTTCCATTGATAGAAATGAGAAGTTGCCAGGGGGAACCTCATTTAT
GGTGGAAGAACATTAAATTAGTATTGAAAACACTGCCTTTGGGCAATCTG
CACCTNCCTAAATGCTTAGNCCTATTTCCACTGTCCCCTTTAGGCTCCA
AACACACCTGAACCACTGCTGGTGGCCGAAACCTACTTGGTTTCAAACC
CTAGGTTCAACAGGGATATTGAATGCCTAGCCTTCTCCGGGGATTGGTG
CGTCTTCATATTCCCTTCAAGTCCCAACCCAGAGGTACCTGCCCGCGCCG

>Sequence 647

CCGGGCAGGTACTTTGAAAGAATTGATCCAGCTGAATTGGAAAATGTGGG

Table 3

124/1077

AAGGGGATGGGGAAGAGGCTGCTCCACCTGAGATCTGGCTCCAGGACTTA
CAGCAAGGGGAAGTTGGGCAAGTTACAGACCTGTCCTATGCCCTCAGTTT
TCTTTATCAGCAGAAACAGAAAATCATCCCATANAACATAAGGGTCGAT
GGTATTCAGCGGGTCCCCCAAAGTGAAGCTGCACANTCTGNNAGTCATGT
TAGACAAACACATTTCTCAGGCCCCANCCTGNNAGCCCTCTGAATCAGAA
ATCCCTGTAAAGGAGGGATGNNATGAACTTGAATTTGCACTGACTTTCCC
ANGCTGTTTCTTACTTCTGATCAACTTNGGGGGTAGGGACCCATTGAAG
CTGCATA

>Sequence 648

CCGGGCAGGTACGTCAATTTGGGCCAATTGTTTCAGACTCTTTCTTCCCTCT
GAAACCATTAACCAAAGCCACTAATAAGTAGAAATGCAGAGTTAAGAGCC
CCTTCCTCCCTCTTTCAATTTCCAGTGGACATATTAATGAGCAATAAAGC
AGCTAAAAGGCAAGCAGCTCAAGAAAGAGAAAGAAGCAAAGAAAGGTGAT
TGGGAAAACAGATATTCAGCCCTCAGCAATGCAGACTGGGCTGCCCCGTG
TGCCATGTGGGCTGTGATCACAGGAATTTGGAGCTCAATTTCTTAATTGG
TTCTTTAGTCTTATCCAAAGAGAAAATTGGATTTCTAGAGATTTCTTCTG
TGCAGAGAGCAATTATGCTAAAGCTGCTTAGGTAACAGCTTTTTCGGCTA
GCC

>Sequence 649

CCGGGCAGGTACGCGGGGCGGGCGCGGTGGCGCGTGCCTGTAGTCCCGA
GTAGGTGGGATTACAGGCATGTGCCACCACCCGGGCTAATTTTGTATTTT
TGGTAGAGACGGGGTTTCTCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTTGAAGTCCCG
ACCTCAGGTGATCTGCCTGCTTGGCCTCCCAAAGTATTGAGATTACAGG
CATGAGCCACCGCACCCGGCAAAAGCCACATGTTCTTAGCAGTTCTTAGT
AGTGGTAGAGTTAAGTTTGTCTCTGGGGCTCTTTGTTACCACCGCTCCAG
AGTTGCCCATTTGAGGACTATCAATTGGAAATATGTCCCTGAGGAAAAAAT
GATATACCAGTTGATTGTGTGTTACCACTCAGATACACAGGCAACAGGG

>Sequence 650

AGGTACTATAAAACCAATGCCATGTTTTTGTAAAGGCCGGAATGAAAGAAC
CACCTGGAATCCGACTCATGGTGCTAATACTGAACTCATTGGCACAAGT
TATTTAGATTCAAAAAGGCCACCCCAAGAGCACTCTCTTTCAGTTTGAGC
AGAAGTCTGAAAATCATACTAACTACCTTTTATTGTGTTCTTATTATGA
GCAGGATATTGGGATAAAGAACACTGGTTTCTCTCATTTAATTCCAACAG
CAGTCTGGTGGCTCAGGAGCTATTAGGATTTTTTTTGTATCGATAAGGAG
ACTGAGGGTCAAAGAGGTGACGTCACCTGCCCAGGGTCATAGCACCAGGA
AGCAGGAGAGTTAGGCTTTACATACAGC

>Sequence 651

CCGGGCAGGTACATGCATACTCAATGTTTGTAGTTCCCACTTATAAGTGAGA
ACATGTGGTATTTAGTTTTATTCTTTTTTATACTCAGTCCAGATTTGTGG
CTCACAGGCTGGGTAGATAAAGACTTTTGTGTCCAAATTTCCAACCAGTA
GCTGCTATACACACATATCTGGGCCTGCCGATTTTCCCATTTGCTTGTTG
AAGAATCGACTTTTATGAAAGAATCAAGATCTGTTTATTTTCCTAAAACA
ACAGTAATGACGGAATCATAAGTAGAAGTGGGTAACCATGGGTTCCCTGA
ATCCAGCTTCTAGGAACACACTTTCTCCTGTTTCTCCACAGTTAAGTTTT
GTGGATAAGGGGAAGATTTATCATAAAAGCAATATT

>Sequence 652

AGGTACAAAGCAAAATCAACATGCTTTTTATTTTACCTCATTATTACATA
AAAAATTTTTTGTAGAGACAGAGTCTTGCTTTGTTGCCCAGGCTGGTCT
CAAAGTCTGGCCTCAAGCAATCCTCCCACCTTGGCCTCCCAAAGCACTG
GAATTATAGCTATGAGCCACTGTGCTGGGCCCACTACACCTTTTAAACAA
CTCTTCTCCTGTCACCTCTCAGGTGTTTTATTTTAGTTTGGTATTATATT
TAAGAATTCTTTCTTAGTGGCATAACATTTTCTGTGATCAGAAATCA
GA

>Sequence 653

CCGGCAGGTACATCCATTCTCATAATAGAGGTATCTTTCATTAAGGATGG
ACTTCGAAAGTAACTGAAACACCTGTGTGAAGGGATGTGTGTGCCTGTTT

Table 3

125/1077

ATGGGGAAGGGGTTAAGAGAAGAAGAAGGGATAAAATATCATTCTCTTT
ATATCCAGACTGAAAACAGTCAAACTAATACATTTATACATAAAAGAGA
TTCTCAAATACACCCTGCCAAATATAATTTATAAAGAAGAAGAATGGCTT
ATAAATAAGTCAAATATAATAAAATTGACTCATTGCAAAGTAATAAAGCT
CCATCTGATAGCATTGGGAATACCGACTTATGATTTCAGCAAATATTTCT
GATTTCACTTTAGAAACAGCCTTATATCCCTTAATTATCTTACCTGATA
AATTATCTCAGTAAGTCCAAAGTAGGTCAGTGGAACTCTTTTCTCTGGG
AACTATTCCTTAGAAGTAATTTAGCCTGGAACCTTCTGTTGGTTCTGTCA
GTCAGAAGTAGTTCAGAGCCCCGGGTNGATACTTGATTAAATATACATA
TCCCTCCAAAGCCCTGGTAGCTTGGTCTGACCATAAGAATGGCTGGGTAT
GAAAATGGCTGGCTGCCATATTTTTCCGGAACAGAACACAAGTGCCACAG
GTTAAAAACCAATGCCGCCCAATGCCAATGCCATTAGGGGCCACTTAATT
ATTAGGGTTTTGGCTTAAATGGATTCTACAACCCTTTTTCCCGGTTAAC
CTTCCTTTGGAGTTTCTCCCGCCACCCGCTCCCTTAACAATTTTTTTG
GGATAATGCCATTACTCCTTAAAGTATTTGGTTTGAAAGCATAAAATTAT
TCCACGTTAAGGAG

>Sequence 654

TGCCCCGTTACCCACATTAGTTAGGGCAATTGGAGCTTCCCGCGGAGGCG
CCCGAGGTACCTGAACAAATCCTATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAG
TTGCAGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCT
TGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTG
AGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTC
ATTGAAGTCAGCTCAGCTGTCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCAGTGGG
GCTTAGTTAGGTATCCAGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACCCATTCTTTGTTACTGAATTATAAATTCATGTTTAT
TTGTTTATCTC

>Sequence 655

AGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCCCTCCCTCCCGGGTTCAAGTGATT
CTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGCCACTGC
GTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGG
CCAAGCTGAATCTCAAACCTCTGACCTCATGTGGTTCCACCCACCTTTGG
CCTTACCAAAGTGCCTGGGTATTACAGTGTCTGTGAGTCCAACCACCGCCT
CAGCCCTACCAAGCATATTTTTTTAAAATACTGTACACCCCTATTACCTGA
ATACAAATTTCCCTCCTGTTTTAAAAAATTCCTATTTTTACTTATTTTTAA
ACAGATTAAAGTATTTAGTTTTTTTTTTTAAACATACCAACTAATTTTCTG
GTTATTGAATAAAAAATTTAAAGTGCAATTTTTCATTTGCCCCTTTTTT
GCAGGATTTTAACTCATAACTTACCCTAACAAAGGGAAGGAAGGGT

>Sequence 656

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAGTCTTGCTCAGTCGCCCCA
GGCTGGAGTGCTAACCTCTCCTTTTCATGTGGAGATGGACAGGGATGGCAG
GAGCACTGAGTGCTCTTGACAACACCATTGAAGATGATGCTGACGATCAG
CTACCTGTGGAGAAGGCAGGCCAGGCTGGGTGAGAGGGGAGCTCCTTGG
AAGTCAGGGGGTCTGTAAGGACAGCAAGGATCTCTTTGTCCCAACCTCCA
GCAGCCTTTATGGGTGCTTCTGTGTTGGCCTTGATTCTGGGATGGCCATC
TCAGTGCTGTTGCTGGCTAGCGATTTTCAAGAACTAGATTTTTCTAGGCC
TGAGCCCTGTTTTGAGAAAGAAGCTTCCCTCTGGTTTGTAGCTCAACATT
AATGAGTTTTGGTTCCTGG

>Sequence 657

AGGTACAGTGGCATGACCATAACTTGCTGCAGCCTTGAAGTCCAGGATTC
GAGTGATCCTCCCACCTGAGCCTCCAAGTCGCTGGGATTACAGACATGTG
TCACCATGCTCAGCTATTTACATCTTTTGATGTGATGTGACACAAAGTA
TACAACATCACCTATGGGTGTCCATGCCAAAAACGGGAAATGTTTAACAG
TGAGTTATTATATGTAACATCCAGCTTACAGGAATGATAGGAAGAGAGGA
ACTAGTGAAATGATGCCACAAGGAAGCACACAGATAAATCCAGAAAGTTA
GAAATTCTGTAGGACAAATGGCCTGGTCTCTTCAACAACTGTTGCTGATA

Table 3

126/1077

ATATGACAAAAAAGAGAGTAAGAAGAGCATGAGGCATGGG

>Sequence 658

CCGGGCAGGTACAGAATTGATTGAGGTGGTGGGTCTAGAATTAAGAGAGC
TGGATGAGAAATTACTATAGTCATCTAAGAATGAACGGTAGAGCAGTCAG
AATGAAAAGAGAAAACTAGGTCTTAAGACCAAATGACATGAGGCCATGTG
TGGTGGCTCAAACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCAG
ATCACGAGGTCAGGAGATCGAGACCAGCCAGCCAACATGGTGAAACCCT
GTCTCTACTAAAATACAAAAAATTAAGTTGGGCATGGTGGCGCGCGC
CTGTAGTCCCAGCTGCTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAGCCC
AGGAGGCGGAGGTTACAGTTAGCTGATATCGCGCCACTGCACTCCAGCCT
GACGACAGAGCAAGACTCCATTCCAAAAGTAGAGAATAATTGAAAGTCTC
GTACCT

>Sequence 659

CCGGGCAGGTACCTAACTTATTAGGGCCCTGATAATCAAATTAGCCAATA
AGTAAGAAAATGTTTTCTTAACCACACTGTAAATTAAGAGGATTCATATT
GAAATCACTTTTCCATTATTGCTGTCTTAGCCTGCTAAAGTTATATTTAG
TGTAAGTCAACTAGGCAGGTTGTGAGAGCTGGGAAGGTAGACTGTTGTA
TTGGGCAGGTCAGGGCAGATAAAGGACCAAATAATGCCTGAAATGCTG
TATTAACCTGCTCTACCTTGAAGTCTGTCTTGAATTGGGGGAAAAATG
AAGCTCTGAGGGGATGGTGCACAGGGAGAAAAGAGAGAATCTCAGGAATT
GAAAGTCTCGATGGAGAAGAGGTGGGAGAAGAATAGGAGGCTAGAGTGA

>Sequence 660

CCGGGCAGTATTTGGTTTTCAAAGAATCTTATGGAGAGCATTTTGTAAA
GTAGATGTTTGGAATCTTTCCAACATTATGTGATTTTGTCTCTAAAAA
TGATGTATATTGCTTATAAAAACTCATATCTGCACACTTATCTTAGAAAC
TGAAATTCCTAACCTCTTTTAGAAATCTTCCAAATGGAGAGGTTGAGTTT
TAAATATATTGAGGAATTCTAAGGAGGACAGTGGCTCATTTACTTGCTTA
CTTAAGTGTCTCACTCAAGGAGGATATGTCTTTAATTTTTAATTCTATAA
TGCCAATATACCTTTTTATTTTTTAACTCAATACATTTCCCATCAATGG
GACTTTCATAACATCATGTATCCCATTTTTATTAATGTAATCTTCGATAA
CAA

>Sequence 661

TAACCTAGTCGATCGGTAAGGCCGAGGGGAATAGCAGCGGAGTGGCCGCC
GAGGTACCTGAACAAAGTCCATCAAGGACAGATTCTCACTCTTGAATATG
CAACACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGG
ATATTGTGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTGAGA
CTTAGGCTTCACATCTGTAAATGGGAAATACTTATTTTTAGAGTTGTC
ATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCAT
TGAAGTCAAGCTCAGCTGTCCCTCTGTTCGGATGCCTTCCCCAGTGGGGC
TTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATTCCCT
CTGCCATAACACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATTTTCATGTTTATT
GTTTATCTCTCATACTAGGCTGTGAGTCCCTGATGACAGAAAATGTCTT
GTTGGTTTTG

>Sequence 662

AGGTACAAATATCTATGAGAAGTCAGATTCAGTGGAAAGTCTGTGATTAT
GGTTTTGTTTTTAAATGAAATTGAACATTTAACTGCAAAACGTGGGGA
ATGAAAAAGCCATCTGTCAGGCACTATATCACAAAAGAATCCACCCACTT
ACAAATAATCCCTGAATGTCACCACTCTTCTTCTATTCATCATCCTGGT
GTTGTAAATGGAATACTCACAATAAAGCTGCCATTAGCAGAGTATCCCTG
TGATCTATCCTTACCAACCATGTTGATCTAAAGTTGGAGGTCACTGTGAT
TAGAAAACCTCAAGACACCACCCCTGCCACCAGGGTTGAAAGGGACTG
AAAAGTAGATTTTTAACTGT

>Sequence 663

CGAGGTACTATTAAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGT
TCAAGGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTC
ACTCCTTCCCTTTCTAGTTTTTGACATTGCCAACTTTGNCTTCTTCT

Table 3

127/1077

TTTATAAAAGGCTTTCCAAGGCCCTTTTTGGAAATAAGGAAAGGCTTG

>Sequence 664

CCGGGCAGGTACTTCTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTTAGT
AGAGACAAGATTTCACTCTGCTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCT
CGTGATCCACCCGCCTCGGCCTGCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAG
CCACCACGCCTGGCCTCCAGTATTTTTAAATTAATTTTCTTGCTCAAACC
AGAATTAAGTTTCTCTTACCCTAACTAAGGGAACCTTGGCTAAGACAAAA
AAACGACCTGTTACTTACCTTAAGAAAAACCAATTTTATTTCTGATTATTG
CAAAAGCACACAAAAAATATGCTGGTTGTTTAGCCCTATATTTCTGCAAA
ACCAACATTTAAAGTATTTGACAACCTTTTTAA

>Sequence 665

AGGTACTTTCAAATGAGAATGGAGTTCAGTTTTACCATCTTTAAACCCCA
TGTAGGGCAAAGTGGAGTCACAACTCAGCTTGAATTATAAATATAATTGT
TCTTGTAATGGTGAGGAGATCTACCTTTGAGGTTTCCCAGAGTCAAGATG
AAAATCATCTTTTCACTCTGGAGAAAAACAGCTCCTTACTGGACTGAGGC
TGTCAGACGTAGACTTGGGTCATTGCTGGAAGAAACATAGAAAGCAGCAC
AGCTCCGAGGTCTTTNTCATCAGATGTGTAATATGGCCTTCTCTCTTC
AGAGCAGATTGCCTGGCAGTCATCATCCCTCCTGTCTGTCTCCAGCCCGG
CTGCTCATGCAGTGTCTCAAGCTTCTTGCAATTGCTGTGTTATGTGGTTT
TTGAG

>Sequence 666

CCGGGCAGGTACAGTGGATATGGTGAGCACTGGTTAGAGTCTGGATATAT
TTTGAAGGGGAACCTTTACTGAAGGATTACATGTGAGGTGAGAGAGAAAAA
GAGTCAGGGAATATAACACAGTTTGGAGCCTAAGCAGCTGGAAGGACGGA
GTTCCCATTTATTTTGGTAAGGAAAGATGGTTTGGGGAAAGAGATAAGTT
TTGGACATGTTATTTTTGAGGTGCCTATTATACATGCAAGATGCATGTCA
TGTTGAGGGCAGAGGTCTGAACAGGATGTGTAATGTGAGACATCACCAA
GGGAGTGAGTCTACTTGAAGGAAAGATCTGGGAGTGGAACCTGGGGTCCCT
AACATTGAGAGTTTCAGGAGG

>Sequence 667

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTGGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCATCTAAGTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTACCATGTTGCCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCT
GCCACCTTGGACTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCATG
CCTGGCCTTAAATCAACTTTAGAGTCAACATCTCTTATCACTGGAGCTTC
TGGAGAAACTCCATCACGTGGTGCTCTTTTCTGATGTGTTGTGCCCAA
ATAGCTTGTTCTCATCAGAT

>Sequence 668

AGGTACCACAATGCTAGGGCTGAGGTCTCCGGGATCCTCTGGGCCTTTTT
CATGGTTGAAAAATGACAGTGGCAGCTTCATTCCTTGTGCCCAGTTCCAG
AGAGGAGGAATGAGAAAGGAGCAAGGAGAAAAGGCTGACATCTATGGGAA
GCCAAACTTTTTAGGAATCCCCTGCTCAGGTTTGCTCAGGCTTGTTGA
CATCTTACTGGTAAGAGCACCATTGTATGGCCAGCCCTATATTCAAGGGA
GGCTGAAAACCTGTAATTTTACAGCTGAATCCCGCGTACCTGACCGGTCTA
GAATTTTAAATTTTACATCTATTAACTTTTAAGTTTATAAAATCTGTGA
TTCATTAAACATTTTACATTTAAAAAATTTTTAATTTATTAGTTATTTA
TATTTG

>Sequence 669

AGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTGTCTTGGTAGCAGAAAGAACTTCTCA
AAGTAAGGGCTTCACACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCAGCCATG
GCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGCCACAC
TGAAAATACTGTGGGGACAACAGAATGGATTTGCAAGTTACCACTATCTC
TCACCAGCTGTAAGACCCTTGGCACATTTGTGATCCTAAGCCTCAGTTN
CTAAATCTGGAAGGGGGAAATTAATGGGTCCTTGGCACAAAAACTGG
TTTTTGAAAAATTAACCAGAATTTACGCATATCCAAACTATAACCAAAG

Table 3

128/1077

TGGTCTGGCATTGAAACAAGAAGCCCTCATTAATTTCCGGGGAACATTTT
TGGGTTAATGGGAAAACCAAGGGAGGGCTTTTGCCATTGGTGGGGGTCA
CACCTGGNAATTCCCTATTTTCTTT

>Sequence 670

GGCTCAACACTCCTATTACGGCGAGTCGGAGCTCCACCGCGGCGGCGGGG
CGAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCAAAT
ATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGCATA
TTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGGCCAG
CCAGACGAGGTCAATTATTAGATTTGAACCTGCTTAGAATTCTTCAGGCAA
GTCTTGATGGAGCACTTCTTGGACAGTTAGAACTTTACCAGGTTACACAGG
AGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGGAGAC
CTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGAAAATGACAAGTGCAAGT
TGAGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGGAGAC
ATTTGGCAATGATGGG

>Sequence 671

CCGGGCAGGTACTTTGAGCTGTGGCATCTCCTGAATTTCAAGTGGCTTTGC
TTTTATTAAGCTCTGCATTAGAGAGCACCGAAATGATGGATATATTTAAA
AGCTGCATATTTTTAGAAACAGCAAAAATCTAGGGCTTGTTCTTGGTGA
AAGAGGTAGGGCAGTGGTTAGAACCCTCCTGGCTGACTGTGGGAATTGATT
TGCTGCTAGAGGAGGGTAGATTGGGTTTTCCAAAGTCTTTTTAAGACCCA
GACCATCTGAAACAAGGGAAGGGCCATGGTAGTTGTTTAGTCGCCTGTGG
TAAAATGGTTAATAACTATTTCCCTCTGAGTGGTTCAGTATATTCTTCAT
TCAGAATATGCAGAGCTTCCAAGGTGTTAGGTTTCTAATAATGTGGTTTT
TAAAGTAGTAAGTCCATGCTGCTCATATGACTTTCAATTCAAG

>Sequence 672

GCGGTGGCGGCCGAGGTACAGGAACTGGCTTAGCCATAGGCACTGAAGAC
TTGAGTTTTCCAAGCTCAGAGAGAAAAACAGTCCTCAAGCACACATTAAC
CCTTCCTGCACCAAGGTGGGGTGCAGCCTTCTCAACTCTGGCTTCTCCT
CTATTCCAGCTCTTTTGGTTTCTATCCCCTAGAATTGCATTAAACATTT
TTTTCCATATTGGCTGTAAACATTAGAGGTAAACCCATGAAATGGTGTTT
AAATGGAAATCGGTCCTGCAGGCTTGTAAGTGCTTTTGTGCTTTCTCTC
TTACTGCTAGAGATTCAACTGCTGTAAATTCCTCAGAAAACTGACTCTC
TCTTTAATTCTCAAAGCTAATTTGGTTATAACATAATTCTTTCCTTTAAA
AATCATATTTTTGTTTGCTCTTA

>Sequence 673

AGGTACTCTTGTGTATGTGCACATATATCATACATGTGTGTGCACATGGG
TGCGCATATATATGTTTGCATGGGCATGTGTGTGATTTGGGAATGTGCA
TGATATGTTCATAGAAGTGGGTAATCATGATCTTGACTAGTTTTTTTAGC
TGTCAGTTTTGGACATTAAATTTGAGGTGCCTGTAGAAGAAGAGAGAGG
GGGCCGGGCACAGTGGTTCACACCTGTAAAGCCAGCACTTTGGGAGGCCA
AGGTGGGTGGATCACGAGGTCAGGAGTTTGTGACCAGCCTGACCAACATG
GTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCTGGCGTGGTGGC
ACATGCCTGTAGTCCTGGCTACTCCCGAGGCTGAG

>Sequence 674

AGGTACTGATCTCCTGTTGGCCTGCTTCATTTGTCCTGCAGTTGTCAATC
CAGAACAATATGGAATAATTTCCGATGCTCCTATTAATGAAGTAGCACGA
TTTAATCTGATGCAGGTAGGCCGCCTTTTGACGAGTTAGCAATGACTGG
CTCTGAAGAGAGGAGATCCCCGAACAAAGAGCAGCCTTGGAAGTTTGACA
AAAGCTGTGTTGCCGCTTTCCTTGATGTTGTGATTGGGGGCCGTACAGTG
GAGACCCCTCCATTGTCTTCCGTCAATCTTCTGGAAGGATTGAGCAGAAC
TGTGGTTTATATAACCTACAGTCAGCTTATTACTCTGGTGAATTTTATGA
AGAGTGTGATGTCTGGGGATCAACTGAGAGAAGATAGAATGGCTTTTGAC
AATTTATTGGCAAACCTG

>Sequence 675

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA

Table 3

129/1077

GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTATATGTGTGTCCTGAAACTTATGGC
AGTGGAGTGAGAATAATTTTGAAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGGC
TGATGATTAGAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCACTCAAA
ATTCATACTAATTTTAAATGTTATGGTATTCTAACTACTAGATGGGTAAG
GGGAAGTTATAGGATTCTGAACAATACCATTAAGAATTAGGATAGGATTT
TCTACTGTGGTGTACAGAAGAATCAGAGCTAGCAAATTCATAAAAAGAA
AATTTGATTCCCAAGCCCAGGGTAAAAATCCAGAGTGCTGT

>Sequence 676

AGGTACCTTCTCACTAGGGTTACTGTGAAAATTAAGTGTATGTGTAAACT
GTTCCCTCACAACCCCAAGATATTAACACTCAGTGAATGGTAGCTTACAGC
ATCATTTTTATTATTAATAGAAATATCTCTCAGACCGGGACACAGTAGGC
TTCACGTCCTAGTAATTCCTATGCACCTTTGGAGAGGGCCAAGTGTTGGGT
CCGAATTTACCTGTAGATTCCGGTGAGATTCATAGAACCATACTTGACC
ATACATGTGAGTAAACCCCCCGTTCTTCTTACTTATAAAATTATCAAAAT
ATTCAATCTTGGGGCCATTGGTTGGTCAACAATTGGCCTGTAAATCCCC
AACCTATTTTTGGGGAAGGGCCTTGAGGCCACGGGAAAAAATCAACTTTG
AAACACCCAAGGAAGGCCGAGTAGGTTTGTGCGGTGAATGCCAAGTATTC
GGCAACCCACTTGCAACTTACCAAGTTCTTTGGGCAAACCTAGG

>Sequence 677

AGGTACACAAACCATAAGGTCAGTAAATATCACAAAGAGAGTATGCCTGT
GTAACCACCATGCAATCTCTGTTTATCATTGTAGGTGATAGCCACCTCTG
CCCAAGTTGGCTAATACTTGAAAAAAGTGGCCCAGAACTCACGTGCTGC
ACATTTTCTGAAATTACTCTTGACTTCTGATTTTCATGGCAACTCTTCTTA
TTTTCCAGTGTTGCTTAAAAATTTTGTCTTATTTTTGGTATTCATTTATTT
CAGAGGTCTTTAAGGAGACATTAACAAACAAACAAACATGGGTTCATT
ATTAACCTGGAATCAGGTTGTGGATGAACTGCTTAAGGAGAATATAAA
ATGAGTAAGAAAAAATACCAGTTTTTAAGAGGAACCTTGCAAAAAATGTG
CATTGAAGGCTTCA

>Sequence 678

GAGGCCCTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCCGCGGGGCCGGCC
GAGGTCCCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACCCATCA
CCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGC
CAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCAC
AGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAAC
TGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTC
TTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGG
TTTTACAAGTAAAGTAAGTCAAATCAATAGNGTCTTTATTTTCATATCTG
TANNATGGTTTAGCTCTGCGNGGAAGTGTA

>Sequence 679

AGGTACTCAAATTGGCTTAGATATCCTTGCCTTTAAAGGCTTTGTATCCG
CAATAACTGCTCTCTATTGTCCTTGTTAATAAAGTATTATTTTACCTTA
TTATTACTAATCTTTTCTTTGTAAGTAACCACACCTGGTTCTATCCAAAA
AAAAAAAAAAGTGCCTAAGTATTTGCCCTTTGTGGTAATACAATGCATA
ATTTAGTTAATCTAGGCTATCTTTCCGTGAGAGGTGATTGTTTCTGTATT
ATGAAATGTGTTACAGTAAAGCAAAATCCACGCCAGATACCTAGAGGCA
GACGGAGAGCCACTTACCAAGCACGAAGCTGCTTCAAACCTAACCTGACG
CGACTGTATAGCCACTCCACACACAAGGTATTACTCATGCCAACTTAGC
CTCTGAGTTATAACCGCACCTTTCTTTTACAACATGGCCCTTTATTAAG
TTAACATTACACACAGCCAGGCCGAGAGTCCCACCCCCAGACCCCATGAA
AAGGGCTTGAAAAAATATGAACTTCCGGTTTCCATTTGAGATCCTGACAT
TACTCTCAACGTTACCTGGATGAAATCTAGAAACGTCAGCGGCAGCAAT
CATCCAAGTGTCCATGTCTTTGGAGAAACGATTTAAATTCTNTCTGCAAG
AACGGATATGAAAAATTACTATTTTCCCAGATGGACCCTTTAAAAAAC
AATTCCTCAACAAATCAAAACAATATTTTAAATGCATATGTATTTATATA
ATAATCATATGAAATAACCCATGTCAATGGTAAAGAAAAAGAAATTAGAC
CAATCCCTAAAGAGAACT

Table 3

130/1077

>Sequence 680

CCGGGTAGGTACTGTCTTGGGGGCGTTTGGGGGCTTTCATGCCCACGAC
AAAGTGTAACATCTGGATCAGGAGACAGGAAACCAAATAACAGGTTCTCC
TCTCAGCCCCAAATGAGTTATAACTGTAAGCCCGTGCATACAACCTTTAGA
GTTTGCTTAGCAGAACTGCCCTAGCAGTTGGCACTCATACATAGAAATT
ACTTTATAGAGATTTTGGCTAAGGCCTGACGGTGTTTCAGAGCTCCTGATT
GAGGTTGCGTAAACCCACCGAGTGTCCTCAAGAAGCACAAACAGAACAGGCC
TCACATATTCTACCACTATACTGCAAA

>Sequence 681

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCATTGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGCTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACAACCTCCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACCTTTCTCTGTTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGGGTTA
AGTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTT

>Sequence 682

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGGCCAAGGGACAGACTGTGT
TCAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACC
AGGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTAC
CTTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACA
CAAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGT
TATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGT

>Sequence 683

CCGGGCAGGTACATTATTCATACACTGTAATGGCGTAAAAGAACCCTAGA
CACATGGACTCCCTTGCTAATAAGTGCACCTTCAAAGCGATAGTCATTAT
TTAGCATTTATCGGAAGAGGCTGGCCCCAGCTCTGGTGAAGGGCAGAGAA
GGTGTGGGTGGCCTCACGTGTTCTCAATGTCACAAAATGATAGCATTAAA
CAGACCCACTCCCTCATGGAAGGCAATTTGACGACCTTCTATTGATATTG
CAACATGTGTCTCTGGCAGCAGATCTCAATCCTTATGTAAGGGATATGGG
AAGACTTCCTCCACTTCATGTATATGCTTTCCCTAAGCAGATCTGGCAGA
TGCAAATTTATCCATATCTTTTCATTTCCATTGAAGTTTATGATCCACA

>Sequence 684

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTATAGCCATATTTTAGAT
CTTTCCATCCTCCAACCTAAGATTTACCTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAAATCTGAAGTCTTTTAAGAACCAAGATGT
TTCTGATGTTTATTTAATGTTTCAGGGATTTTGGAGGTGAGGGGCTAGAA
ACACTGACTCCTGCCCTGACTCCCGCCCCTGACTCCCGCATTATTTTC
ATAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAGGGTATTAATGTGGAGAATA
GAAACAAGAGTAAAGGACTGAGGGTATATTAGAGAAAACCTATCATAATTT
TGGAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGTTAGAGA
AA

>Sequence 685

AGGTACGCGGGGCGCTCAGGGACGGGTCTTTTGAAGTGCCTGGTGTGACC
CATCTTCCGTGCTTGAAATCGACGTAGTGGACCCTGGCTAGCATATTTT
CCCTGCCAAGATTATTGCAAAAAGACCATGTGGTGGTTAATATCGGAAAG
AATGTGTGGTTAATATCAGGAAGAACACGTGAAATGGAGAATTTTCAGGGC
TAACATTTCTTGTTTTGTTTCTGAAAACATCGGCATGTCCTAAAAAGTGT
TGCTGTGCCCATCATCTTTTAGGCTTGGGAAGCAGGACACCCGCCGGCT
TACTTTAAAGCCCAGGGAAAAGAAATTTGGACAAACCAAACCTACGTTTTG
GGAGAAGAACCCCATGGTTAGCCAAAGCTCCCGCTTTTAACTGTGTTGGC

>Sequence 686

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC

Table 3

131/1077

TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTTCAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCCCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTT
ATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAACA
GAGAAAAGT

>Sequence 687

AGGTACCAGGCAAAGTGTTAGGAACGTTTTATCCATTTTCTCTTATGTGC
TAAGCAGTCCCGCTAGCTGCTTCATCCTGGAAATATAGATGGGAGACTGA
AGTCAAGGACTCCAACCTGTGTGTTAACATCTCCCTTGACTCCCAGGAAC
CTCCAGTTTGGCATGTCCAAAATGAAACACATGTCTGTCTTCTATCAATA
TGTTTTGCCCAACCCCTGCAACACTCCCACTTCCAGAAAAATCACACAAA
CAAAAAACCACACACACAACCATTTGTGCCTTTCCTCTCTCAGGGAGTGCC
AAGAAACCATCTGGTTCATGCCAGAACTTGGGAGTCAACCTTGCCCCCT
TCTCTGCTTGCCCCCATAAATCTGCCACCACAAATCCTGT

>Sequence 688

AGGTACCAGGCTCAGTGGAAGCCAGGAACTGGCAACTTAATCCTGTTAAT
GAGATTTTGGGCAAGTCGCTCAATACCCCTTAGCCTGATTTTCCTCATC
AGTCAAGTGGCAACAATCATTACCTTCCCTGACTCCCAGGGTGGTTGGG
AGAATCAATGAAATGATGCACATGAAAAAGCTTTGCAAATTACTAAGGGC
TATCTATGTATAAGCATATGTGTGTGTGCATCCAAACATACACAACCTAA
ACATACCCCAAAATGAACATCAAATTACAGAGAAAGACTGAAGTCTGTTA
AGCAAAATTTCTGCTCATCTTTTATGATCCAGTTGAAATGTCCCTGCTTCT
ATTTATTTGGCTCAGTGCCTAAAATAATTAGCTTGAATTTTTTTTTTAAA
AAAAGAATATAGTCAAACAAAAGGAATTGCACTTATGGCAGAGTGGTGAT
CACTGAACAGTGAGCAATGAGACTGACCAAAGAAGAAAGCAGTTTTTGTGT
TTTCTATCCCATCTTCACTGTGGAATATCAATGCTCAATGAGTGTAACAA
GTGGTCATAATAACCCCTACCCGCTAAAATTCCGGTTCTGGGGTCTTTGGC
CTCTCATAAAAAATAATATAGGGTTAATTCATGCCAATAAAAGGCCATT
TGATTGGACCTCTACTCTTACCAAAAGGCTTCATGTTTCTGGCCTATTGA
ACTGGGAGTTCTTATAAAATTCTTTTAAACACAAGGCTCCCCTGGTAAAA
TTGTGATGGGACTTGCTTTTAAACAACCAGAAGGGGACTTTTGAATGGGTT
GTTTCAAACCTGACCCCGAAAAGGGGGAGTAAAATAAGGGGTGTGGATT
TGTAAGTCTTCAAGGCC

>Sequence 689

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGCACTTTTACTCTGATGTCGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTCGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAATTTGGTGGACCAAGCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACTTTTAGAGCAGCACCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCAGCCCTGCCTGAGAGCTCAAATGTCTACAGGTAT
T

>Sequence 690

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAA
ACCACAATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCCGGGCTTTCCGGGCAAT
GTGCTAGAGCTTCTGGGAAGCAGTCGTGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCT
TCGGATCCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGTCTGCTGGCCTCTGGCGTT
TTGCTGAGGGGTAACTCGGAATGGCTAGAAACAAGAACATTGAGATGGC
CCAAGTCGTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGT

>Sequence 691

Table 3

132/1077

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
GACAGCAGGACCCAGGATTGAGACCTGGAAAATTTTATTTCTGGCTGG
TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTCACATGG
GAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATAGTGCAAAA
ACATTAAAGACAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTTG
TGGAGTAACACGAAAGGCCCGGTGGATGAGATGTATGAAGATCTAAATGC
CTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAATCATGGGCGA
TAACTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCA

>Sequence 692

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CACTA

>Sequence 693

CCGGGCAGGTACTGTTTGTCTCCAAAATCCAGCTTTCGTTGAAAGTCA
ATGAAACATCTCTAAAATGCAGACATACCCAGGTTTCATTGGGAACACAGT
CACTGTGAGTATACATGATTATGTCCTGCTAACCTATTGGGAAAGAATG
CTGGGCTTGGCCCTAGTAAGTAGACTTGGGTTAAAGTTCACCTCCGCCAC
TAACTAGCTGGGAAGTTCAACTTCCCTGAGCTGAGTTTGTACGTTAGAG
AATATTAATAAATATGAAAATTGTGGAGCAGTCTTAAGTTTAAAGGAAC
TTTCATGGACATTAGCTCATTTTGCTGTGCCACCCTGGGAAGGAAGCAG
GACAGGCAGGCAGTGCCATCCCTGTCGTCAAGCAGCCTGAGGACTGCTGT
GA

>Sequence 694

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGATCTCATTTCAGAC
ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAAACTCAGATGTCCATCCC
CTCCTTATTCATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACG
CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG
ACCTCAAAGAAATTTTTTTTTTAGAGGCTGGGTCTTACTCTGTACCTA
AGGGTGGAGTTCAATGGGTAGGATCATAGTTCATTGGAACCTTTGAACTT
TTGGGGCTCAAGCAATCTTTTACCTTAAGCCTTCCAAGTAAGCTGGGG
ACTACCGGCCCTGGGCCTACCAATTACTGGGTAAATTATATTTTTTTTT
TTTTGGGGAGGGGACCAGAATTTTAACCACGTTTTCC

>Sequence 695

CCGGGCAGGTACTTCTTGGAGTGCCATTTTCCTTGTAACCCTTAGATTAA
TTCAGATTGACTGAGTTCTGTGTCAGTGGAATTTGCCAGAATTACATCAT
TGTGCTTTGCATCTAGTTTCATTTTCCAAAAGCCTACACAGATTTCATA
ATGTTAAAAAATAGCATCTTGTTTTCTTTCTGGGCAAATCTTTTTTCA
TAGTCACCAACTCTTGTCATGCATTCTGCACTTTGGGCAAATTTTCTTA
GTGACTCTCCCTTTCTGTCTTTCTTTTAAAAATTACGAATAATACTTAA
TCTCATATTGTATACTGCATGCCATTGTCCCATGTAAAAAGTTCTTGACT
TTTGTATTGTACTTTATAGTATCTCTATAAATTCAACCCTTTTTCACA
TTTTTACCTATTTTCTAAAATTATAACATTTTCTCAAATTTTATTTAAT
CACCTATTTGTCTT

>Sequence 696

AGGTACAAGAAACAGAAATCAATGAGGCTTACTTAAGCAGGAAAGGAATC
TATTGGAAGAATGTCCAACAGAATTGATGGGGAGCCCGCAGACACAAAAT
CTCATATACGATAAAAACTTGACAGACAGGGCTACTTCTATCATCAAAAGG
TGTTTCTTAACTTTATAACACGTGTGAATAGCCAACCTTAGGCCAAGCCT
GGAGGGTAGGTATATAAAAGGAGTAAAGGTCCTGACAGTAGGAAAATGGA
TTGAATTAATAATTAAGTCCGGGTGTGGTGGCTCATGCCTATAATCCCTG

Table 3

133/1077

CACTGTGGAAGGCCAAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGA
CCAGCCTGGCTGACATGGTGA AACCTGTCTCTAGTAAAAATAAAAT

>Sequence 697

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCA
GAAGGTTTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAAATAGGTCTTTATTTTCAT
ATCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTTATATGAATTA
TGAAGAATTTAGAAGACAATCCCTAAACACATGAAA

>Sequence 698

AAAACAAAACCTCCAGAACAGATAAAAAAATAAAACGAAAACAGAAAAA
ATATCAAGCGCAGAGAAACAAATAAAAAACAGGAAAGACAACAAATACCAG
AACGAGTCGAACCAATTAAGAAATACGGCGAATAGGTGCTCCACCGAGGC
GGCGGCCCGCCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCC
CAGCTCATTTATGAATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCA
GGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAA
AGATGCTGGGATCACAGGCCGTGAGCCAACCACACCCTGGCACCTCGTAT
ATAATTCTCCTTTAAAGAAGAGAAGAAAAACTATTGAGAAGGGCCAAAAA
TTATTTTAAATTA AAAATCCTTTACCTTAAGCACCAAAGGGGAAAAA
TGGGGAATTTGGCCTAAATATAAGGTTGAATGAAAGCATTACAACAAATG
AAACAGGAAAACCAATTCACCAATTTTTAGTTAAAAAAGGCAAAAAA
TATGGAAGAACCTTAATAAAGCCAATAATGGGGTAAGCCTTAATTTTATT
GGGGGTGGGGGAAAGAAAAATGGAGGAAAAAAGAAAAATATAAAACAAAC
CCCTTTAACTGGGGCATGGAACAAAA

>Sequence 699

CCGGGCAGGTACTAATCATACTGACCATTATGAGCAGTCATTTCTGGATT
TCTCCACTGTCCCTTTGCTATTTGGAATGATTTTGGGCTTCACTTTCTTT
ATTAGGTTGACTGAGCTGCTCTTGGTTAAAAACAAAATTTAACTTTAA
AGAAAATATCATATCAGCATTTAATTAAGTTTATTGCAAATTGTTGCAAT
AAACCTAGAATGCTTTCAACAGTTTTGCAGGATTTTGTGTGGTTGAAAT
GTTAGTTTCATTTGGTTTACTTTTAGCTTTAATTTTAAATTTTACCATAAT
ATTTACACAGATATTTTATAATTCCATTTTAGATGAATGTTCAATTTTCAT
GAAAAGGGATAACATTTCAATATCCCTGG

>Sequence 700

CCGGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAG
CATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTTCAA
CAATTTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGT
GTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTT
TCTCCCAAAGGAAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATA
ATTTGTAATTTCTTTCAATATATCTCATTTTTTTTTTTTTTTTGAGACA
GAGTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGCGATCTTGGCTC
ACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCCGCCTCC
CGAGT

>Sequence 701

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTACGAGT
GTTTATTTGCTTTCCAGGAACCTTCAGGGA AAAAGGTTAATTAATGGAGGG
AGGAAAGAGGGAGGGGTTGGCAAATCAAACACAGGACTTAAAAGTCCTAG
ATCTAAACCTTGAAATCCCCAAATATTTTATGTTATAAAAAGATGTCCCA
CTTTCAAAATCCAGTTCTGTAAATAGTTTTCAAAAAGTCGGGGGACTTGCA
AAGATTTAATTTGCCTGACAAAAATTTTCATTGGCATTCTTCTATATTCC
TAGCGCCACCCTTTATGATTTTAAATCCCTAAACATCTAAATTAATGTGG
ACATCTGCTTCTAGCAAATATAGTCAGAGCTTCCCTGCCACTGCCAATTT
GCAATCTTAAAACCATAGGAATAAAGGAAGA

Table 3

134/1077

>Sequence 702

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CACTATAAACAG

>Sequence 703

CCGGGCAGGTACCACAGGACACCTGGTGGGTAGTCCTGGGATGGGGTCCT
AGGTCTCTGGAGCCTCCTTCTCTCCAGTGGTCATCCAGGATGGGCCG
AGGATTCTACACGCTGTCAGAACATGTCTCTCTGGTTGCACAGAACAAAG
ACGTCTGTCTCGTTCTTACAGGAGTGGGGACCATTTCACTTGTCAAACTG
CCTTCTCTTAGAAGCTTCTCAACCTCAGGCCACGGAGATTTTAAAGTGC
TCTTTGGCACCAGCAGGGGATTGATTTTCTGAGTTGGGTTTTGTTTTGGG
TGTCAGATTCAAATATTTGGTGTGCCTTCTGAGGGAATTTTGATGTTTG

>Sequence 704

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTT
TCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCC
ACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGG
CCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTTGCTT
ACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAACCAAC
AAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGATAAAC
AAATGAACATGAAATTATAATCCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGGCAG
AGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTA

>Sequence 705

AGGTACTCCAGCCTGGATGACAAAGTGACACCCTGTCTGGTAAAATAAAT
TACCACGGGCAGATAAAGTGCTCAGTGAGCCACACTAATTTGCCACAGA
AGGGTGGAAGCAAATTCAAGGCTGAAATCTAGCTCTTCATTTCTGAAAT
CATTCATGCCCCTCTCTCCTGGCATGAAATGCTGATAACCTGGTTTCAA
TTTTAAGCTTAAATTTACAGCAAACAGTGCAGGTATCTCAGTTCAATGCC
TTGGAACCTCCTCTAAAGATGATTCTACTAACACTCATTTTAAAAGTGAG
TGCAAAATAATTTTACATAAAACAACCCAGTTTTTCCCCCAGGCCTTGCT
TACTAATTTTACTCAAAAACCTACCCTGCAC

>Sequence 706

AGGTACAATAATCTTGGAATATTAGATGCCAATATAAGTGGAGCAGTGTG
TAATTATTTGGAAAGAGAATAAAAGTATAATTCAATAACTTCTATGCCCA
GTCAAGTTGTCATTTCATGAGATTAAGTTCGCGAGCCAAGACAACAAAAAG
ACATTTTAAATATACAACCATTTATGAATTATACAACCTCAAGCATGCTTC
CTAAAAGTGGTTGTGTCTTATATTCCAAACAATTGAAAAATAAACAAAAA
TAAAGAACTCGTATAGGGAAGTTATGAAATGATAGGAGAAGAAACACCTG
TTTTGCAAGACAGAGACAGAGAGAAACAGAGAACTCCTAATGTTCTTTGT
TGAGGCCAGAAAGGACTAACAGGAGCTACTTAAGCAATTAACATTCATT
ATTGAA

>Sequence 707

CCGGGCAGGTACTCTCACCTGTTTTCCGATAAGCACAAATGTGCACCTGA
AATTTAAGTTTAGGTTTTTGTGTAACATATTGCATGTTGTAGGTGGGTAA
TAAGTGAATGTCATTTTAAAAACCTAGTTAACTGTATATATATATTAGCT
TGCACTGCAGTGTGTTACTTAGGTATACAGTGGGCTAAAAAGTCAAAGTA
AGCTAAAATATGTGCAAAGTATACATTTTATTGTCCCTGACATTAATTAC
TAGAAATTGCATGGCTGGGTATAAATCCTACAGTGGGNGTTTATAGAGCC
AAAATTACTGAGGGATGCTGGGTGACCTGTTCCGCATGCCACCATCTCT
TTCTGGCTTTAATATG

>Sequence 708

Table 3

135/1077

AGGTACAGAATTTGATATTAAGATAATTTCTAATTTAAAACTACTCTG
CCAACATATGGATACTGAACAAAATAAAAGACTATATGCTCTAAACCCCTAA
AAGTTGTCCATCTAAATTACAGAACACTATGTCGACAATGTGTAACCATA
GCAACATTTTCAACTGTAATCAGGTCTAATCATTGCAAATGTCATATTGA
TCTAAAAGGGTATGTTTTTCTTCCAACAACCTTACTGACATTTACCCCAT
TTCCCAAAATAAGAACAATGAAAAGAAATAGCTGACAATTGTTAAGTTGC
CTTACATCATTCTAATGTGCACAGGACATGGAGTCTTACTTATGACCAA
ATCACACTTTTTGCGCAATGAAAACCTTCCAATCATT

>Sequence 709

AGGTACGAGTAGAGTCAGTAGCTTCTCTTGTCTTATCCCAAAGGAGATGG
TGCCTGCTCCTGAAGCTGATCCTGGAATTTGGTTGGATTTATTAACCTCTG
TGCCCAGAGCTGGCCTTCTGATGGGCAGACTTGTGCCGGGCTTGTATTAA
AGACAGGGTTTTATGTCTCTAGTCGTTTCATTCCCATTTTCTGTTCTATT
TGGCCAGTCTCCATTTTGTGGGTCTTACCTCTCCATGCTGACTCTAGATA
TTTGAGAGCAAGGTAACTAAGACCACATTTAGTTCTAGTTCATTGTGC
CTGACACTCAGTTAGAGGTTCAATAAAGAATGTATCTACCTGTCCCTAAC
TGTGCAGAACTCACTTCTTTGTAAGCAGTGAAGAT

>Sequence 710

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGAATCCTTTGCGCTCTCGGTGCCCCCTCCA
CGCCCAGGAGCGTGGGAACCTGCTTAAGGGCTTTACTAGGGAAAACGGT
GCTGGTTCAGTGGGGCGCGTTTCCGGGAAGGTGAATACCGGTGAAAGTTA
TGCTGAGGGTGAGGTAGGCTCTGACGACGCACTTGCAGGTTGAATACTGG
CACATCATTACTTGTACTCCCGTGTGGTGAGTGCACCTGTGGGTTTTG
ATGCCGGATCAAATTCCTGGAAAGAGGCGCGCATTAAGACTGCGGATTGC
TGAGCTGCGCGACACTCCGTATTTTCCAAAACGTATTTGTAATATTCTT
TCAACCTGTTTGCATAATGGGACATC

>Sequence 711

AGGTACTATTAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGTTC
AAGGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTCACC
TCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGTCTCTCTCTTTTATAAAGTG
CTTCCAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATCCTTCCTAAAGAGA
GGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATAAACTTTCCTTATT
AAGATTCTTCATTCACTCATAATCATCTCCTTTTTCCTCACTGCTCATTC
ATTTATGGAGATAGCACCCATATCATAGCTACTTGGTCAAATCATGGGTG
ATACTTCCCACCTTAGGAGAGGAAAGATGACTAGGG

>Sequence 712

CGGGCAGGTACTGTTCAATTTTTCTGAATATTTGAAAAATTTTAAC
ATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGTG
CAGTCAGTGTGGAGAACAGAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAAAAATTT
CACCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGCAGAACTTAACAGATTG
GCCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAAT
GCACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGG
AAGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGG
CAACCAACAGAAAAGGAAGGACCGACTGGGCTGGAATCCAGGAGGAGCAT

>Sequence 713

CCGGCCAGGTACAAGAGATATGGGGTGGATACCTGGAGAACGCTGTGACC
ACACTATCATATTACAAGACACTGAATGGCTTGCCACCCATTGGGTGCCA
ATGATCAGTTATTTATTGGCTAGCTCCAAATGGGACATATTGGCTATTTT
GGCACTAACTTATGGCCGTGGTTACCTCCACAGTGGCTAGGACAATGTTC
CCTATGTTATGCCTGGGCACAAGGACTAGTTATCCAGACCTGTCAAAACC
AGCAAACCTTTTTTATTACAACCTGGGCTAGGACCCAATTTGGTATTTT
TAATGGAATTGAACCACTTTATCTTTCAATCTATTGTACACCTCCAGCCT
AATTTTAAAACCTTTGTGGAATCCCCCTGTCTGGGAGGAATTTCAATTA
TTCAAGCCTT

>Sequence 714

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTTTATGTAGAGACA

Table 3

136/1077

GGGTTTCACCGTGTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATC
CGCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCA
TCCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCA
TGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCAAAA
CCAACAAGACATTCTTTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGA
TAAACAAATGAACATGAAATTATAATTTCAGTAACAAAAAATGAGTGTGT
GGCAAAGGGAATGTGTAAGAGCTTGCCGGGTATCCAGCAGGGATACCTA
ACTAAGC

>Sequence 715

CCGGCAGGTACAGTAATCTAGTATAGTTAGTGATAACTATTCACTTCATA
ACATGTTCTTAATATTTATATGAATAAAATATAGCTCCTTTTCAAACTG
TTTTCAAAATATAACTTGTGCATTTCTTCCAAATTTTAACAACCTGTATTC
CAAGTGATAATATCTTCAGAGTTAAATTGAAATATTTTGATAAATATGAT
AAGCTTATATTTTAGCTAGACACCAGAGAATATTCATGAATAACTTTTCT
AAGGAAAAGATCTTACCCTAGAGGGAATATTTTGTTAAGAAAGTGTCTCT
GGCTGGACGTGGTGGCTCACACCTGTAATCCAGCACTATAGGAGGCCGA
GGCGGGCGGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAACAT
GGTGAACCCCATCTCTACTGAAAATACAAAAATTAGCCAGGTGTGGTGG
CAGGTACCTTGG

>Sequence 716

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAATAAATAACCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCACAATCACAGTAAATCTTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTGGGAGCTGGACAATAAACAACCTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCAATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGC

>Sequence 717

CCGGGCAGGTACTCTGTGTTCCGCCTGCTCAAGTTCTAGACTTCTGGTGT
CCATAGCAACCCAGCAGAAAACATCTGCATAGCCTTTGGGCTGACGTGAG
TTAAACTTGAGCAGTGAAGCAGCATAAGTTTTATGGTGCAAGGCACACTA
CAGATCCTCCCTTACCCCTCACATCTGATCCCTCTGCCTATGCTCAGAGC
CACTGCTATTTCTACAAATCTACAAGGCCCAGACTGAGGTGATGACCGGG
CCAATCTCTGGAATAGTGTGAGACAATTAGATACTCTNTCCTGTCTTCAG
GAGCCCATTGGAATAAAGCTACTTATCAAGTTTCAAAAACAACAGAAAA
GAAATGAGATTGAGGTGGAAAACAACCCAAAGTGTTTCATCAACAGATGAAT
GGAGATGCAAAATGTGGTCTCTCCATATTACAGAACATGATTACGCCTCG
AACAAGAAAGCAATGTTGATGCAAGCGTCAACACAGATGAACCATGAGGA
TATTATGCTAAGTGAAATGAGCCAATCTCAAAAAGCAATTACTGTATGAT
TTCATTATATGANGGACCTAGAGTTGTCCAAATCATAGAGACAGAAGTT
GAAGGTGGTTGGCAGGGGCTTGGGAGAAAGGGATGGAAGTGACTGCTTAA
TGGGATAGAGCTTCAATTTGCAGGAGAACAAAGTCTTGAGTGGATGGTATG
ATCCACCACAATGGAATTGACCTATGCCCTAAAGTTCTTTAAAATGTTA
CATGGTCCTGGCCGTTTAAACTAGGATCCCCGGCTTGAGGATTTCAATTA
ACTTTTGTACCGCCACCTCAGGGGGGCCGTACCACTTTGTTCC

>Sequence 718

AGTACCCTCATTGTAGCCATGGGAAAATTGATGTTCAGTGGGGATCAGT
GAATTAATGGGGTCATACAAGTATAAAAATTAAAAAAGACTTCA
TGCCCAATCTCATATGATGTGGAAGAACTGTTAGAGAGACCAACAGGGTA
GTGGGTTAGAGATTTCCAGAGTCTTACATTTTCTAGAGGAGGTATTTAAT
TTCTTCTCACTCATCCAGTGTTGTATTTAGGAATTCCTGGCAACAGAAC
TCATGACTTTAATCCCACTAGCTATTGCTTATTGTCCTGGTCCAATTGCC
AATTACCTGTGCTTGGGAAGAAAGTGATTTCTAGGTTACCAATTATGGAAG
ATTCTTATTCAGAAAGTCTGGATAGGGCTTATAGCAAGTTATTTATTTT
AAAAGTTCCATAGGTGATTCTGATAGGCAGTGAGGTTAGG

Table 3

137/1077

>Sequence 719

CCGGGCAGGTACACATTTGACATTGCATAACTAATTTACTTACTTCACAT
TAAAAAACAGATTTGTGTATGTCTGTGAAAAAGACAATGTGTTGATAGT
AGAACTATAAGGTAGAAAGTTCCTCTTTCTCCTTCTGATCCTTCCCCTGC
CCTTTTCCTCAAATGTGACTACAACTGTTAACAGTTTGAAGTCCCCTAA
GTTTTAAATCAAATGGAATGAAATGGCATTTAGGAACCTGGAAGAGTGG
AAACCTTTTTCCAGACCTATGCTACCAACTGAGTTTATATTTTCAGGCA
GATATGATGAATTTGCTGTGGGCCTTGGAGTCAGCCCACTGTTCCAATTT
CTTGTTTCATTCTAGAGCCACACGCCAAGTG

>Sequence 720

CCGGGCAGGTACCTGATTTGACCAAGTCTTCACACTTTACCTTGAATGAT
CACTAACCACAAATATTCTCCAGTGAATCTCTTTAAATTAAAAAAAAGC
ACTATAGTAGCCACATATGCAAGATTTATCCTCCTGAAGGCTGAAAAC
ACCTCTTTTCCCTTTTTATTTAAAAGTCACTAGTATATGTTTCTCCTTG
TAACTACTCATTCTAAAAAGTCTTATCAGAGTTCCTGAAACAGGAGGA
CAACAAGTAGAGAAATAAGCAATTTAATAAACCCAGATGTGAGCAGATGT
TATGTTCAGGAATAGTCTTAAGAAGTGGCTTCCATGCATTCACTTGACAA
GTATTATCAAGCACCTTCTCTGTCCAGGCAAAGAGCTAACCCTC

>Sequence 721

AGGTACCCCTGGCTGATTCCAAGCCTGTCTTTGGCTGTTGCGGGACCAT
AGAAACCTTGAACATCTGGCTGTGACTCCCATTTGGTATTGGCCTGAACA
TTCCACCTTGCAAACCTTATTCTAAAGCTACCTCAATTTATGGCAGTGA
TTCCCTCTGAGAAGCTTCCTGGCAAGATTTTAGTTAGATCTGGGTGGT
TCTACCCTGCACAGTAATCTGGCACTGTTTCAAGGAATGCTAAAACCTCTGTA
TCTCCTCTGCCTGACCACATTGTGGTTTACATTGATGTGACTCCACCCCC
AGTGTTAGGGGTAGCCTAAGACTCTCCAATGGAAAATGGAGCTCCGGTGA
GTAGGGTGGGACTGTTGAAAAGTGGAAGTTGGCACTTGTCTACTTATGT
TACTTTCCTTTCTTCTTTTTATTTTCCCCAC

>Sequence 722

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGGGG
AGTCCCAAAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAAGCTAAACAGTGAC
TGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCAC
TAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAAACCCCATGGATGGA
TGGAGGGAAGGATGGGTGGGAGGCTATCGTCGTACTATATAGTTCATTTT
GACTAATCCTTGGATTCTTCACTCTAGGCTAGATATACTCTACTCTCCC
TCCTG

>Sequence 723

AGGTACAATGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTC
AAGCGAACTCCTGCCTCAGTCTCTCAAGTAGCTGGGATTACAAGTGTGCA
CCACCACGGCCAGCTAATTTTTTGTGTCTTTCGTAGAGACGGGGTTTAC
CATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCTGC
CACAGCTTCCCAAAGTGCTGGCAATACAACCGTGAGCCACTGAGCCCGGC
CCCTTTGTCCACCTTGGTTGAATGTGAGGCGTTATTTGTCTCCTACCACA
TTAGAAACATCCTGCAGACAAAGCCCTGAGCTGAATCTTCTTTGGGGCCC
TAACACCCATCTGGACAGGTAAGAGGACAGGCAGTGAATGTTTACA

>Sequence 724

CCGGGCTGGTACTACGAGGGACTAGCTGTGCAACTCTGGGCACGGTGCTT
AATCTAGGCCTTAGTTTTTCATATTTGTAAAATGTGGTCAATTGATAAAGA
CCTCTCTCATAGAGTTGTTACGAGGATTAAGTAAGATAATACGTAGAAAG
CATTTAGCACAGTGTCTAAAAATAGTAAGTCTTAAAAACTGCAACCTGT
TATTATCATCCAACCTTACTTGTGACTACATCCAGATATTTAAACACTTGG
AAGTAAAGCAAAATATAAATGTAACCTTTGAATCACACCAATAGAAAAAT
TTAGAAAGTCATATGGTCCCTGAGAAGCCTTAAATTCATAAAGATAAAT
GGCGAACC GGCTTTCCAAGGAAAACAATTCTGAAAAAATAAGGAATTTT

Table 3

138/1077

TGGAACACAAAATTTATTTTGGTT

>Sequence 725

GCCGCCCCGCCAGGTAAGTCTGCTTATTAATC
ATTTTCCCCTTCTGCTCCCCTAATTGCCTTACTGTATGGTTCCTAATGA
CTTCTAGTTATTCTTTTGTTCCTTCCATTAACTTAAAGGATATGTGTA
TCCTCTTTTATGTATTCATAGAAGATACCTAAAGGAGATATTGTATACA
TATATATAAGATGTTTCATATGTTCCCTAATTTTACAATAATTGTTAAATGT
TATGTAGATACATACCCTGTAATATGTATATGTAATATGTAATACAGAGA
AGTGTGATATACGGGGAAATTACCCATTTAGTAATCCTTTCACCAGTTGG
TTTTCTGCTTTCTGTGCTATGTCTGTCTTCTCTGAATTCT

>Sequence 726

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGATGGGATGT
TGCAGTGTTGTCTGGGCTGGAGTATAATGGCTATTCACAGATGTGATCAT
CACATATTATAGTATCCAACCTCCGAGACTCAAGCAATCCTCTAGCCTCAG
CCTTTGAGTAGCTGGGACTACAGGCATGTCACCATGCCTGGCTCTTACA
ATTACACATTGTTATTTTGTACTCCACTTAAAAATAGCTGAGATTCTCTT
GATCAAAATAAGCCCATCAATTAAAGGGTTAAAAAGCCATACACTTGTTT
TTGGGAGGATTACCCCATTTTAAAGCCATTAAAAAGAGTAACCAGAAAATT
TAAGCCAAAGTGCCCAA

>Sequence 727

TAGGCCCTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGGGGCGGCCG
AGGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGAATCGACCCCACT
CTTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTC
CTCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCATCATCC
CTACCCTGTCTTTCCTTCTCCACCTTCTACTTAGGCTGGATTGAGTCCTA
ATTATTTACCAAGCAACAGTGATGATGAAGCTAATAATCATCATACATGT
TTGTGTGTAGCCTAGTTCAACCTTTAATTACTGCTCTCTCCCCAGCACCT
AGAATAGTGCCCAGCCATTATTGGGCTGATAAATATTTGTTGAATAAAT
GAATACATGAATATTATTCGTATG

>Sequence 728

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
GACAGCAGGACCCAGGATTGAGACCTGGAAAATTTTATTTCCTGGCTGG
TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTCACATGG
GAACACTGACACAGGTGAAATGGGAGGTTCCATAGGATGATAGTGCAAAA
ACATTAAGACAAATCCTAGCAGATGCAGTGAGTTCAAGGGAGAGTCCTTG
TGGAGTAACACGAAAGGCCTGGTGGATGAGATGTATGAAGATCTAAATGC
CTGCAGATAGTGAGCTGTCTGCAACTACCACAAAGCAAAATCATGGGCGA
TAACTCCCCAGGGTAGGATCTGGCCTGAGCATCCCCACTGGGAGATGGGA
GGTGATGGGCTCTGTAGTGCTTAGCTGAATAGA

>Sequence 729

AGGTACTTCTAGAAATCCACAGCTCTGGGAGGGCTACCTTAAATTAACACT
GGCAGTTCTTTGCAATTAGGGTGCCATAAAAGCAGCACAGTTGACTCCAA
AATGGACTGAGTTTTGGAAGATGTCTGCCAGCAAAATCATATAGACTCT
CTTGCTGAAGGGATGAAAAATTAATAATGCCTTGAGGTATATTAATATAA
AAATATGTGACCAAGCAGTGTAATTAATCCCCTTTTTCCTCAAAATGTA
GCCTTTTTTTTTGAGATGGAGTTTCACTCTGTCACCCACGCTGGAGTGCA
GTGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAACCTCAACCTCCTGGGTTCAAGCAAT
TCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGTGTGTGCCA

>Sequence 730

AGGTACTTAGTGTAGATATTTAAGGCTGATCATTTGGATGGATCAGACAG
ACCATGTCTCAAAGCATGCTGGTTGTATGAGCTAAGGCAAATAATGTCAA
ATTTTATGACTGACTTGAGGGTTCTTGTGAGAGTTAAAGGAGATAAGGG
AGGCCAGGCCAGGGGCTCAAGCCTGTAATCCTAGCACTTTGGGAGCCCCG
AGGCAGGTGGGTACAGAGGTCAGGAGTTTGAGACCAGCCTGGCCAATATG
GTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCCAGTCATGGTGGT
GTGCGCCTATAATCCCAGCTACTCAGGAAGCTGAAGCAGGAGAATCACTC

Table 3

139/1077

AAACCTGGAAGGAGGAGGATGCAGTGAGCTGAGATC

>Sequence 731

CCGGGCAGGTACTGACCTTATACAATAAATTGGGTAGTTTTCTTCTCCC
TTTATTTTCTGAAAGTTTGTATAAGAGTGTTAGTTCATTGTTGGTGTTC
CATTGATATAAATATATCTTAAAGTTTTCATAGAATTTACCACTGACCTT
TTGAGTATTATAAAATGTCCTTTTTTGCCTCTTATACTCTTTGTCTTGAA
GTCTATGTGGTAGCATTAAATATGGGCACGAATCAGCTTCTTATGCTTAT
TATTTACATAGTTTATCTTTTCTGTCTTCTGGCTGTCTTAAAGATTTTTT
TTTTCTGTTTAGATTTCCCATAAATGTTCCACGGTGTTAGTTTATTTTG
TGTTTTATTCTTGCTTTGCAGCTTTGCT

>Sequence 732

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTA AAAATGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGA ACTTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGC
AAGTTGAGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAAG
AGACATTTGC

>Sequence 733

CCGGGCAGGTACAGCATTATTAGCTGGGGCTTTCCTGAAAACCCCAGGG
TCTCTTTCTATTGTCCCATATGGTTGGAGTCACAAGAGTGGGAGAGATG
GCCAAGCTCTCTGCAGAGGATCCTGGCAGCAGCCTGAACCCTCTTGCTAC
TTCCATCAAAGGAAAAAAAAAATCAAATATTTACCCCCACGAGCTTATAAT
ATTACAGAGAACTCCACCATCCTGCCCTGCAAAATATCCTGGGATTTGAC
TAATACTAGAGCTGCTTTTCTAGTCCTTGAGTGACTAGGAAGGAAGAACC
AAAAGCTTGACTCCCCTGCAGCAGTGAGTCTCTGGCTTTGGTTTGCCAG
GAACCCTTAGGGCCACGTAAAACACAC

>Sequence 734

CCGGGCAGGTACCAAGAGGAGAGAGCTGTCCAAAAGTGGAAGATATCGTT
TCTGGCTTAAGGTGCGATGAAACAAAACAGGAGACACCAAAAAGAAGTGC
GGAAAAGCTAGGTCTCAGAGTAGGGCGGCAGGCTGAGGAGGGCCGCGCTG
AGGAGGAAGTGATGGGTGCCAGGGGGTGAAGTACAGGGAGACCCCTTA
GAAGGGGATGACTGCCTGATCTGTTTCCATGGACTCTTCTATTTTATTA
GGATTATCCATTCTCTTCTACAAGCTCTTTTGCTTTTGTCCACCCTT
AAGTTATAATGTATATACTGTTTAAAAACATTTAAGTGATACAGAAGTAT
ATCAAGGAAAAATGATGACTATTAGTAGTTTGTTAA

>Sequence 735

AGGTACCTGCCCTCAATGGAGCTCACAGTCTAGTGGGGGTGAAAGACAG
GATATAGACAATAAAATAAATATGTAAAATATTTGTCATGTTACATTTTG
ATATACAACATGAAGAAAAATTAAGCAAGGAAGAGAGATAGGGAGTAAAG
GGTGGAGGGTTATATATATTGATAGGAATGGTCTATGGTGCTAGCATTG
AGGAAAGGCTTACAGAAAGACACTTATTGCTTTATATCTTAGACAGGATA
TTCTTTGGCCTTGAATGTATAATAACCCTTTTTAACTCGCTCTTGATGA
TAATGTCAATAAACCTTTTTTTATTTCTTAAGTGACGGATAAATAACT
AAAGTAACCTTAAATTGAATGTCCTCAGAACCCCTTATAAATAGTATTA
AAGCCTTTTGGGTACCA

>Sequence 736

AGGTACTTTCTCCATTTTAAATCCTGGAAATTAGGCAACCTTCTGGGTAA
AGCAAGCGTTCTCCGCACTGACTAACAGTGAGTGATAATGGATCTGTT
TCCCCACAGATAGCCAGCTGTCTGCATTAATTACAGGACTGCATTGCATT
TCTGGTGAAAGAGACCTTTTAAATTTCTGGGGTCAGGGCCTTGTTTCACAT
TTCTTAAAGACTAAAGGTGGCCACTTCTCTTCTCAATGGCTTGGACACTT
TAGTCCAAAGAACCCAATACCATATTCCTTTCACCCCAATTTTAAAGGAA
ACAACAATGTTATTA AAAAACCAGTTCAGGCCACAGAATGGGACGAGGCCA

Table 3

140/1077

TTCCCTGGCTTTCTTTGCCTTCTGGCCATGGAGAACCCCAAACACCCCTT
TCCCTGATTTTAAATTTGGGACATTTAAATGGATTAAATTACCAAAAGCC
AAAAGTAGTTAAGGCCTATTTTGGTTTGATTCTTAAAACCAAAAATGGGT
GTTGTAAAAATAAAT

>Sequence 737

CCGGGCAGGTACTGGGACCTTCACACTGCACAGGGGAGCAAGAACCTCTT
CTCTTAGCCTCTGCTTTGTGGGATTTTCCAAAATCCTCCTGGCTTCTTTT
CCCTTCCCTTCCTTCTTCCCAGAGCAGGGGCCAGCTTTACCTCAGTTGGT
AGGGCCACACACCATGGGGTGGAGATGGTCAAAGGTCCTCTGCTTGGACA
AGTTGCTCCCTGTCTTCATTCTCTGGCCAAGGCCAGTGTTAGGTGGGGA
CTGGTGAGCTGTCTGGCCCCACAGGGCTAAGCTTTCCTTTAGGTGGGTTT
ATCCCACTTCTCAACAGTCTAACAAGAAGACAGATTCCACAAGCCCACTTC
GTCTCTTGCTGCAAGCTATGCCTTCCGATTCTGCCTTCATTAGAAATAAG
GGTGATAT

>Sequence 738

CCGGGCAGGTACACCTATAAAATGGAATGTTAAGTAACATTAATAAATTAT
GTGGAAAATTAATAAATGTTTATGAAAAAATACTACGGAAGTGTAGC
CTGGTCTCACACAGGGCCTTGCCTTGTTTGGCCAGGGTCCAGGTTACCA
AGGTTAGGGAGAGACTGAGCACAAAGACCGTGAACCCCTTACCACTTAAC
CCTGATGCAGGGCAAGGGGGCATCGGCTGGACTGAGCGCAGTGTTGGGTGG
GAGGCCTTGCGTTCCATGAGCCTGATGCTCAGGAGCTTGTGAGCTGCCGG
TGAGTGTCCCTCTATGGGATGCAGCCTGAGAAGTTTTTCCACAGAGGAG
TGTTTAATAACCTACAGGCTTATCCAGCCTGT

>Sequence 739

AGGTACTCAGGCTTTCAAAGGGTTGAGGAAAGGTCTTTTGTGTTGAAGGAA
GGAGTATCTGAACATGTTTAAATGCAAAGCTGTATGTGCCAGGAGTGTGA
GGCTGTAGCTAGATCAAGTCATTTATCAAGGGAGAGGTCCTAGGGCACAG
GAAAAGGGGTTTCGTCTTGGGCAGGACAGGCCCTGGCAAGAAGGTATGGAA
GCGTGTGTGTGTGTGGGTGTCTAAGAGGGGAAGTTCTGCCCCAGGCTGATA
TTTGGTGGGGGAGTGTCTGAGATTATACCGCATATATTGTATAGATAGGT
GGGGTTTAAAGTGTTTTTTTACTTACCAGTTTAGCTTTATTTCAAGTTTAT
CTACTTTATCGTGGTATTTACTTTTTTTTCTTTAATAATCTTTATCGATT
CTCTTAATCTCATCTATTTATACATCCTAATTTTTTTTATACTGTTTCTTA
TTATGTT

>Sequence 740

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTGCTGAGCCTGCTTGGGTGGGGAGCATGGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTCCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTGTCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTGAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAGCCTCTGCCTTCTCACCATGCCAGGGATGCTTA
TTCATGGTGGGACACAGGTGGAA

>Sequence 741

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTTCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATTCCGAATAGAGACAGG
CCCTATAAACAGCTCA

>Sequence 742

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA

Table 3

141/1077

CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTAAAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGGTTGTAAAAAAAATAAGAGGAATTATATTATGAAAAGGTTTAA
AGAAGAAACTGGAAACCCAGGTTGTGATCCCCAGAACCATTATGAAAGGG
GGAAATAAACCTTGGGGCAAAAAGTTTAAACATATTATTCAAGGAAG
GGAAATGGAAACCTGTACAAGAAAGGGTAAGGGGTTTATACAAAAATGTT
GGGCAAGGAAGGGAGTTTTTTGAAATTA AAAATTTCTCATTCTTGAAAAA
TCCCTCCTAATTTA

>Sequence 743

AGGTACTTGCCCCCTTTCAAAGTATATCATTTTTCCAAATTATCTTATATTT
GTGGAGAATATAGCTGAATGGCACATAAACTATCTTGCTTATATACTTTT
AGATCACTGTCTTTTGTGTTGATTGATTTTGTGTTGGATTTTTTAATTCTTA
ATGTTTTTTGTTTTTTATTTATTA AATTTTTTTATCTTTTTTCATATTTTT
ATAATTTTTATTTTATTTAATTTTTTAATATTTTTTAATATTATTGATTT
TTTTTTAAATTTTTTATTTTTTTTTACTTTTAAATTTTTTTCTTTATTA
TAACATTTTTTTTCATATTATTATTTTTTATTATTTTTTTAATTATTATTT
TTACTTTTTTTTTTTTTATTTTTCTATTTATTTTAAATTTTATTATTGT
TCATTTTTTAATACTTTATTTCTTTATATTTATTTTTTGATGTATTTATT
GTTAATATGATTGAGATTGTAT

>Sequence 744

CCGGGCAGGTACTTTGAGAAGGAAATACTGGGTTGTAATCATGGATAAAA
TATGCAGGGGAGGGGAGGAGATTATAGATATTAATATAGAGTTTAGGGTG
GCATTAGGCAAGGATGACATCTGAATATCTAACTTCCATTTTACATTGCC
ATGTAAGTCTTTTTGCCCAGTGGGTTTGGGGGACATTGAGGCAGAACTCC
TGGA AAAATAGAAGGAAGTGAAAGGTCACCTGGTCTCTCCAATAATCTTGAT
GGGAAGGACTAGACAACACCATTAGCAAAATGTGCCTCTTAAAAACTCAA
GACACAAGCATTATCTTCATCTCACTGAAATAACAGCTACATCCTTTATT
AACATGAGAAAATCGAAAAGCTTAAGAAAATTGTCCT

>Sequence 745

CCGGGCAGGTGAGAGCAAAGAAATGTGATGAGCCAGCTAAGCTGACCAGA
CTTGTCTGGCAACCTGCATGGAGTATAAAATGGGAGAGCATTTTCACATT
TTCATATTTCCCCCTTGGTCATTCTCTCTGTGGCCAGAGCAGAAGTATT
ATATTTTGGGGGTGCACTGAGAAAGGGTTTTGAGGCTGGGCGCAGTAGCT
CATGCCTGTAATCCTAGCACTTTGGGAGACCGAGGCGGGCAGATCACCTG
AGGCTCAGGAGTTCAAGACCAACCTCAACCTGGCCAAAATGGCAAAACCC
CATCTCCACTAAAAATAGAAAAAATTAGCAGGGTGTGAGTGGTGGGCACC
CGATGCTGAGGGAGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCAGA

>Sequence 746

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTCAATTTTCTCTAAAGATCTCATTTCAGAC
ATTTAAATGAATATTATGCTACACAACAGGGAAACTCAGATGTCCATCCC
CTCCTTATTCATTCAAACATTTCCACTGCCATAATATGGCAGCTGCAACG
CCAAGAAAGAAGAAAGGAAAAAAGACTAAAAGAGGTGAAGAATGAAAAAG
ACCTCAAAGAAATTTTTTTTTAAGAGGCTGGGTCTTACTCTGTCACCTAG
GGTGGAGTCCAGTGGTAGGATCATAGTTCATTGTAACCTTGAACCTCTTGG
GCTCAGGCAATCCTCTCACCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGTGACTACAGGC
CTC

>Sequence 747

AGGTACTGGTAGTTTAAATATCTCAATATGAAATGGCTGAATAAAATCA
TCACATTTTTCATTTTATATCAATGGTTCTGAAAGAATGATGCAAGAAAAA
TCTCTAACCTTAGTGAGATGAATTTTGTAAGTTTCAAGTGAATTCCTTCCA
TGCACATTTGAAGCCAGTCCAGGTTTTTTGACCTAAGTGGCCTCAGTCAT
GTTTACGACCTAACGAACAAATCATCTCCTGTCTCCAATGTCATTAAACAA
CTCTATGGGTGAATGAGGATCACTAACTGTGGAGTAAGAAGGAAGCAGGC
AGCCTGTTTCCAATAACATGTTGTGATTCAACCACAATCAAATGTTATAA
AACTAATGTCCTTAAAGTTAATTTGACCTTGAAATGTCCTTTGAGTTAAGAT

Table 3

142/1077

TAGTCACACCCTAATGTATTAATTCCTCGAAAAATTTT

>Sequence 748

AGGTACTTCATTCCCTTTTGTGCTGAGTAATAGTCAGTTATAAGGATACA
CCACGTTTTGTTTATGCATTTCATCAGTTGATGAACATTGGGGTTGTTTTT
ACTTTTTGGCTATTGTGACTAATGCTGCTGTAAGTATTCTTGTATGAGTT
TTTGTATAGATGTGTGGGTTCATTCCCCTCTTAGTGGATTACCTAAGGAG
GAGGAACCTTGCTGGGTTCGTATGGGTAACTCTTATATTTCAACAATTTGA
GGGAACCCACCAACACTTTTTTCAAAGGTGGGCCACCACCATTTTTTAC
CCAATCCTTGCTAGGCAACGGTATTGAAATAATTNCCTATTTTCTCTTTG
CATTTCCTTTACCAAACAACCTTTTGCCCATGTTCTTGTCCCTTTTTTTAA
TTTTTAAGCCCATTCCTTTTTTGGTGGGGTATTGAAGGGTGGGTATTCTGGC
TTTGTGGTTTTTTGAATTTTATATTTTCCCCTAAATGG

>Sequence 749

CCGGGCAGGTACAAATATTACTATACCAAGGTGTAGAGGAGTATGTCTAA
GCCTGTAATGATAGCAGGTGGCAAGGTGGAGGTAGATGGCCTTCTGTGGT
AGTTCACGGGGAGGAAGACAGTGGATCCAAGCAAATAAGAAAGGCCACAT
TTTTTTTTTAATTTTGCATCTCAAGGTATTTAGTCAAAATTTTTTTTTT
AGTTTTCCACAGCAAACGATTACGTAAAATATAAACCTAATGTATTCTTT
AGGACTAAGTGTGCCTTTTCTCTATATGCTAAGAGGTGTAAGTAGAGAAT
AGACGTTTTAGTATCCTAACCAATGAATATTCACAAGAAAAGGCTTCAAA
ACTTAATTATCTTGGCCTTATTTCTAAATTTAACCTAAAGTCATCTTGCT
TTT

>Sequence 750

GGGGCTGCTCGATCTCTATCATAGGGCGACATTGGAGCTCCTCCGCGGTG
GCGGCCGCCCGGGCAGGTACAAGGGTTCCTTTTCTCCACATACTACCA
CCATTTGTTATTGCCTGTCTTTGGATACAAGCCATTTTAACTGGAATGAA
ATGATATCTCATTGTAGTTTTGATGTGCATTTTCTGATGATCCAGTGAT
GTTGAGCACCTTTTCATATGCCTGTTGCCATTGTATGTCTTCTTCTGA
GAAGTATCTATTTCATATCTTTCCCTATTTTGTGATGAGATTATTAGATT
TTTTTTCCTGTAGAGTTGTTTAACTCCTTATAATTCTGGTGATTAATTC
CGATCCCTCCACTGGCTTTCATTTTTCTCTTCCCCCTCCCCACTCCACCT
ACCCATATGTAGGGTTTTGGTCACCATTGACCTTGCATCCCTGTTAGCC
GCACA

>Sequence 751

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGAAAAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACATCAGGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCTGTAATCCAAGCACTTTGGGAG

>Sequence 752

CCGGGCAGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTAT
GAGGCTGGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAAGTGCAGAGGAAAGAAGGCTGC
CCTACCCCTGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTT
CTCCTGCCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGA
ACCGGAGGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAACATTTTCGGCGG
GGCCTCGTCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAAA
ACAGCCAGTAGTTCCATTCCCCTAACATCTTATAGTGACCAATAATACT
CTACCATAACTGTGCGAAAATCCTAAAAACTCTTTCAACCCTGAGATTCTA
CTTCTAAGAGTTN

>Sequence 753

CCGGGCAGGTACACAGGCCAGGCACAGTGGTTCACACCTGTAATCCCAAC
ACTTTGGGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCA
TCCTGGCCAACATGGTGAAACTCTGTCTCTACTAAAAAATACAGAAATTT

Table 3

143/1077

ATCCAGTCATGGTGGCACGTTCTCTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGA
GGCAGAAGAATTACTTCAACATGGGATGTGGAGGTTGCAATGAGCCGAGA
TCGGTCCACTGCACTCCAGCCTGGTGACAGAGCGAGACCCCTTCTCATAA
ATAAAAATGTTGTATGTGACAGCTTACCATTTTAAAAAAAAGACTGATGG
AAGAGAGAGAAAGTTGGGACAGCACTA

>Sequence 754

AGGTACCAACATTTTTCTCTACAAAACTTCCCACATGCTGGATGCAGTG
GCTCACTGGAAGCAACTTGAGAGCCTGAGGTGAGAGGATGTCTTGAGCCT
GGGAGGTTAAGGCTGCAATGAGCTATGATAGCACCCTGCTCTCTAGCCG
GGGTGATAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAAACAAAAACCCAAAAAACTC
CCACAAGGTCAAAAGATTGTTTATTTTAAACAAGATCAACATTCTTTGTT
TATTATGAAAATTACTTGTCTCTCCATAGAACTGACGNAAGTCTGAACC
TTTTTATATACTATTCACTTTTTCTACCGTGGNGAATCTAAATGAATG
ACGTTTGCTATTTAAATCTTTTGAGGAAAGA

>Sequence 755

CCGGGCAGGTACTTTTCCACTTTGTCTTCTTTCCTGTCACACACCCTATC
CTTTCAGGCTGTGTTGGGATGGACAAAAGCAGTTCTGGAGTCCTAAGGAG
AAGATGAGTGGGATATGTTTCTGTGACCTGCAGTCATTTTAAAGTTAGC
TGTTGCTAGCTGACTCCATGTAAGAATACCTTCCAGGAATTTGATGGCTG
TGCACTCTGGCAGTGCAGCTGGCATGGTTATAGGGTGCTTGGCCGAAGGT
TTGCATAGCAATATGAACGCATCCTACGACACATCTAGCCAACACTGGAA
GACTGTGGGTAATGGACGAGAAACCAAGATTGACTTTTTTGCAAGTTTTTA
AAAATAATCTTCTTGTAACCTCACATGTGAAAGAAACAT

>Sequence 756

AGGTACTTAGCAGCTGTGTGACCTAGAGCACAGTGCTTTGAGTTTTGAG
TCTTAGCTTCTGTGTCTATAAAATGGGGTTCACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTGAGATTAGATTACACAGAAAATATATTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GGAAGGTGTTGCTGATTAGCATTTGAAATCCCATCCTGTGGGTGAGAAAA
CCCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAGCCAACCTCCCACTGATGAAG
CTGAAAGTAGCAGAACCTTGCTTCTACTGCCTCCCTTGCACTAGAGGCA
GGCACAGGACTAGCCTGTCAATTGGATGCAAATGCTCCAGGCCTTGAATC
ACAACCTGGTGACTTGCACCCAAGTCTATTACTATTGA

>Sequence 757

CCGTTCAAGGTACGCGGGTTAATAACAAAAGCTCTCGTGTTACTTTTAAAC
AAGGTAAACTTTAAACAGTTTTTTCCTCCGTTTCTTTTTTATGGAAATA
AGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAATTCAATGGCAGGGGCAACTGAAGC
ACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGATACAAAT
ACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTTCTATCACTGGGTAGTTT
GAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAATGGGTTTAAACTTGGAACATCAAA
GCAAGTTACAAGGAACTTAGTTTTACAGTGTTGGCAGCCTAGGCGCCAG
AATTTGTTATAAAGTGTCTGAAAGTGGCACAGGTATTACTTAACTTTTCT
TTAAG

>Sequence 758

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTGT
TACAGGCTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTCCTCT
GGTAACCTTGGAG

>Sequence 759

CCGGGCAGGTACATATCTGCAAGGAGACATATACAAGGACGTTTCATGCCA
TGGGTTAGAAACAACCTAAATATCCACCAATAATAGAATAGTCCATCTTT
AGAAACTCTTTAGAAAAATTAATATACTAAATATATATTAATTTGCCT

Table 3

144/1077

AAATTTCAATAGCAATGTTGAGTAAAGATGGAAATTACAAAATGATAAAA
TGGGAATACTTTATGTAGTTTGTGTTGTTGTTGGTTTTGTTTTGTTTTG
TTTTTGGATTTTTTTTGGAAATGAAGGCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGA
GTGCAGTGGTGCAATCTCTGCTCACTGCAACCTCCACCTGCTGGGTTCAA
GCAATTCTACAGGCGCATGCTGC

>Sequence 760

AGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACTGAGTGC
CTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTGCAAG
AGTGCTAACTCTATCCATTAAGCCTTGGAAATTGCCGGTAAATATGTAA
AAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAAACTGAT
ACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCCAGATTC
CCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGTAGCCA
GAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAATCCTGCA
AATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCCTAAGGC
ATGAG

>Sequence 761

AGGTACTTCTTGGGAGAAAAGCAGACTCCTCTAGAATCCCACAATTTATA
AGGCAGAGAACAAAACCATTTGTTTAAACAAACAGGAAAAAAAAAACCTCAC
AGAATAACCATCACTGAAGCTAATGAAGGAGAAAGTTTCAAGGAGGAGGA
GGTAAACATTGCTGAAAGTTGAGATGAGGGAGAGAAAAACAATCTGAGA
TTAGACTTTTGGACTTGGCATGTAGAAAATCACGGGTGACATCATTGGA
GGATTTTCAGAGCCATTAGGGAAAGAATTCAGATTGTTACTGAAGGTGAA
GGAATAATAAACAAAAGCAGACTGTTCTCAAAGGAATTTTATCCTTAT
AAAAAAAAACAGCCGGAAATTGAGAGAGAAACC

>Sequence 762

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTAGCAG
AGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTA
GGTGATCCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAACCTAAAGGTATTAAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCATTTTAGAAAACCTGATCTAANGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGA
AATGGAAGGGGGGAGAAAGACTAGAAAGCAGAAACATTTACTCATTTAAAG
TAATTCTGGACCATGAAAACCTGAAAAAAGGTATAGGGGACTTCCAAAA

>Sequence 763

AGGTACTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTCACTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGATTGATAAAAAGGTTCTTGGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATGCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC
TAAAAATAGAAAAATTAGTCACGTGTGGTGGCAGGGGCCTGTAATCTCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTGGAACCTGGGAGGCAGAGG
TTGCAGTGAGCCGAAATC

>Sequence 764

AGGTACTGTTTTAACTCATTTATCTTGTGGTAACTTGTAGCAGCCGCCG
TAGGAAGCTAATTCACCCTCATCCCTCACATTACACCACAATCTCCTTC
TCCTCACCGGCAATCCATCTCCTCTGCCTCCCAAGTCACAGAGCCCCAGG
TGCCACAATGGCTGTGGAGTCTGCGGTGCAACCTCATTGCAAATATTTGT
ATGCTCGGAAGAAAAACACGAGTTAAGCAGTGGTAAACAAGCAGAGTCCCCG
GGAAGCAGTGGTAAACAACGCATAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAAACAACGCA
GAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAAACAACGCAGAGTCCCGGGAAGCAGTGGT
ACAACGCAGAGTCCCGGGAAGCAGTGGTAAACAACGCAGAGTACCTGCCCC

>Sequence 765

GCNCAGGTTCGAGCCATTTCGAATATCCGGCGAATTGTAGCTCCNACGCGC
CGGCGGCCGAGGTACCTTCCTTCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTTT
TATCTTTTTAGATGTATATTTGGGAAGGGGCTCCTTGCTGACAATCCTTG

Table 3

145/1077

AAAAGTGCCAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCT
GGGCGCGGCGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCG
GGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGTGAA
ACCCCGTCTCTACTAAAAATACAAAACTTATCCGGGCGTGGTGGGCGGG
TGCCTGTAGTCCAGCTACTCCGGAGGCTTATGCAGGAGAATGGCGTGAA
CCCGGGAGGCGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATCTTGCCACTGCACTTCCA
CCTGGGCGAAAGAAAGAGACTTCCGCTTTAAAAAAAAAAAAAATGAAAGAA
AAAGGG

>Sequence 766

AGGTACAGGCAACAAAAGCAAAAATACACGAACGAGATGCCATAAACTA
AGAAGCTTCTCTGCACAGCAAAAGAAACAGTAATAGATTGAAGAGACAAC
CCACAAATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTAAGGGGGTCT
ATACCAATTATATGTAAGGAACTCAACCCAGAAATGAGAAAACAAGCTTA
CTAAAAAATAAGTAAAGGAGTTGAATAGACATTTTCTAAAAACAGACATA
CAAAAGGCCAGGATTTTTATCAANAAATGTTTGATAAAAAAACATTCAAC
ATTTCTTAATTAATCAGGAGAAATTAGATGTCCAAAAACCATTGAAGGA
TATTTATCTTACCAGAATTGTTACTGAGGGTTATTAATAAAAAAT

>Sequence 767

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGACGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGA
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGGTGGGTAAATTT
CTCTTTTCTTTTAAATCCTTATATCCCTAAGAGAGGGCTCCACCTCCCT
CGTAATGTCACCTTGGCGTG

>Sequence 768

GCATCGTCAATGTTAGACGCTGTTGAATCCGGCGAATNGTAGTTGGAAAA
CTCCGGCGGCGCCCGGGCAGGTTACAGCCAAGCGCTTAGGCTGCAGCT
GTGATATGGACCCAAGCCCCAGCTTTCACAGGGTTGATACTACAGCCACT
CAAAACAGGGATGTCATGAGGCTGCAGCATCTTAAATATCTTAGAGGAAA
ACATTCTTTAAATTTCTTTAACAACAAGCCTAATAAAATGAAGAACATT
TTGCAGGGGTAAGGGGTTGATGTTGAGGAGGAAGATAATATGTTAGGCAT
TAACATTGGATTTGTTTATAACAATTATTAATATTCAAACACATGTTAAT
TTTTAAGATCGGGGGCAGTAACTACTTCTGTAAAGGACCATATTATAAA
TTTTTAAGGCTTGGGGTTCCAAAAAATCTCTGGTCAACTACTCAATTTT
TTCCACTGCAGTGCAAAATCATCCTTAGACCTTG

>Sequence 769

AGGTACATACTCCCATTCACAGCTTAGTCTAACATGCAAAAAGGGCATG
ATTAGAGATTGTTGGTCATTAAGAAGAACAGGAGGAAACGTTCTGGAGCC
TTGGCACTATGCCTGGGGAAGAGAGGATCTCAACACCCCTCAGCCATCTC
TGGGCCAGAGGAAAGTCACCTAGGGGTTGTCCTAAAGAGTTCCACGGGAG
AAGAGATTATGCTGTCTGATGACCCCTTACTGTTTTCTCCAGTATGTCCC
TACTTTTTTTTGTCCAGCTGAGTTTATTAACCTTGTCCTGCTTCTGAGGT
CGGTTTCTTTTCTACCATGTGAAGGTTAAATCTGCTTTACTGTCTTTGC
TCTCTTTTCTTACTTTTCCAGAATTCCCTACACTTACTACATAACC

>Sequence 770

CCGGGCAGGTACGGCTTCTATGTGTGAACAACACAGACCACTAAGAGATG
TGACAAAGCTGTTCCATCAGAGGAAACATAGTCTGGGGGACAAATCCTCC
CATTCCTGATAGGACAGGAGGGAGCGGTTGGCTGGGGAAGACCTGAGTGA
GGGAGCTTTCTTGAGGACGGGTTTTGTGCGAGTGATGTTTATATACCATG
CACAGCCTGTCAGCATACAGCTTGAATGAACTCACGTGTGTAACCAGATC
AAGAGGCAGAATATTACTAGGGTGGCAGTTTTGAGTCCCATGAAAACAAA
CACATTTACTCTGTCTAGCTCCATCTCTAGTTAATTCTAATGCAGTTTAA
ATGCTCACAAAATCCTTATTTGAATGGATGAGTCAGTGGTTTGAATTGAA

Table 3

146/1077

TAGTTTTTG

>Sequence 771

AGGTACCTCAGAATGATAAATCAGAATCTCTGAGGAATGGGCCCAGGCAT
CAGTATTTTTCACACGAACAAGCAGAGGTGGATCCTTACCTTCTCCTAA
AAAACGTGTCACAAGGGACAGGTCACTTGGAAGGCAGTTTAAGAGAAAACC
AAAGGAAAAAATCTGGTGACACATGTAACACTGTGATTAATCTATTGCTTA
CGATGTTTTATATGTTGAAAGTCTGGAATTCTGAATATTTTATTATGTAA
GAGATCCAGTTCCTCAATGTCACAGCCTCTATAATTTGAATAATAATAAA
GGAGCACAACAATTCACCTTATGATACCCAACAGAAGACTGCAAGGATATG
CTGGGGCACAGAGCCCAATTAGGGTTTAATAAGACAGGGTTTATGGGTGA
AGCAATCTTA

>Sequence 772

CCGGGCAGGTACAATCTTAAAAGAATATTAGTTACAAGTAACTAACAAAA
AGATTTTAAAAGGACACTAAAATTACTTTCTACACTATTCAAACATCTG
ATACGAGCTGTGCATCAGTTAACCACTGCTCTATAGCAAACCTTACCCCAA
ACTCAGTGGCTTACAACAACCATGGATGATTTACACATCTCTACAGGTCA
GCCAGTGGGTGATTCAAGTAAACCTGGCCGACCTAGACCTGCTCAGGAGA
CAGCACACAGCTGACAGGTGATGATGGCATTGGCTGGTCTATGATGAAATC
GGCAAGCACAAACCTGGCCCCCTCCACTGGGCTAGCCTGGGCACGATCTC
ATGGAGGTGGCGGGGTCTGAAGGTGCAAGCCCAGTCCTGTAAAAGGATAT
C

>Sequence 773

AGGTCATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGAC
ATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAAC
ATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGACCAGAAACAGA
GCTTCCAGCAGGGTGGGGGGCATTTTGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CACTATAAACAGCTCTCATAATTGCATTCTAGCAATTAGCACACTGTCTG
ATGGGGAGGTGGCTCAATCTTCTTGCATAACTTGATGAATGAAGTAACT
ATCTATCCATCCATCTATCCATNCATCCCTNCACCCATNCTTCCTTCCAT
CCATCCATGGGGGTTTGAGCCTTCAAATGTAGAAGGCACAGCCTTTATTT
AGTGAGAAGACATTTGGATTANGAGTTAAGAGACGGAATCATACATTAC
CGTCACTGGTTAACTTTCTTGACTTTGGCCAACCAAGTGCTTTTCTGGGAC
TTACTTTCTTAATTATAAATGGAAAGTTAGTTATATAACCCTTAAGATC
CACTTTAAATTCTTGACTGAAGGCTAACCTTAAAAAATATTCGTTAGAGCC
CAACCCGTGGCTTACCCATAATCCAGTCCTTGCCGGCGGCCGTTTGAAAT
AAGGATACCCGG

>Sequence 774

TACGCCCCGATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGGGCCGCGG
CCCGGCCGGGTCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTA
ACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGA
TCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTG
AGTCCCAGAAAAGCACTGGCTTGACAAAGTTCAGAAAAGCTAAACAGTGAC
TGTGGATGATGATTCTGTCTCTTAACCTCAATCCAAATGTCTTCTCAC
TAGATAAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGA
TGGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGGATGGGTGGA
TAGAGTTTACTCATTTCGTTTTAGTTATGGC

>Sequence 775

CCGGGCAGGTACCACTTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCT

Table 3

147/1077

TCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGA
N

>Sequence 776

AGGTACAGACGAGGGAACGTCCAGTCTGGCCTGCCAAAGAAGAAAAGAGT
AAGCTCAGATTTGAGAATGTAAACCTAACAAAAACAAAAGCTGCTCTCT
TGCTGTGAAGTCGCTACAGCTGTCTTCACTGGTCAAGTGGGTGATTTTGA
CATGTTCAAACCTGGACTGCTTTGTGATGAAGGGTTTGATTTTCCTCTAA
CTAGGACAAGGATGGGACAAAGACAATTGTTAGCTTGGTATCTCTAAAG
TCAGGAGGCAAGGATTACAAACAGCCGGCCTGTAACAGCAACACAGTCTG
CGCACCAGCCACAAGAACACAGGCATCTTATCTGGCTGGTGACGCACAGT
AACTGTGCGGGGCACAGCAGCCAGCAAGCGGGTCAGACATAGGAGAGACC
AACAGG

>Sequence 777

AGGTACTTCAATGGTGGAAGAGGCATCAATGATTAACCATAATCATTTC
TGATCATGACCAAGTCACCCCTGAGACTAGTAAGTGCAGGTGCTCACAAA
AAAATATGCAGCTGTCCTTCCTGCCTTCAGGGGATCATTATGAAAGTAA
TTTCTCACCTGACCAAAATGATCGCTTAACATTTATTGCATCATTGCCCC
TGTTCTGTAGACTACTCTACCGAAGTTTTAATTTGTCACTAGTTTAAAG
GGCCAAAAGATCTGTTTTCTTCAGATATTAGAGACACAAACCAAGCATCT
CCCCTTTCTTGGAATTCCTTCTCAAAAATGACTAAAGTCTGAGACTGTT
TTCTTATTTAATGTCTATTGAATTCTGTTTTACAGAATTTCAAAGAGCA
GGTTCTTAGCTTACTTTTCAATGGAACATTTTAGCCAGGTAGTATAAGTA
CCTGCCCC

>Sequence 778

AGGTACAGTTTTGTAAAGCAAGATGATTGAAAGATCTACTGAGTGCCGTGG
AGTCACAGAGAGGAACAACCTACCCTCAGGCTATGGAGTTCAGTGAAGGCT
GCCTAAAGAGAGGATGAGTTGTGCTGAGACTTACAGAATGAAAGAAAAT
GTCCTAGTTGTTTAGCTTGACTGTAAACAAATGGGGCTTATTACAGGATT
CTGTATGCATTTTTAAGTCTGATGTATTTTCCTCAAAAGATGAGGATGGT
AAGGATGATATGGGGGGAAGGGCACTAAGCAGAAGGTTCTTTATTCTTCT
TACTGCCCTGTTTCTCCCCTGCTGTCTTATTTATAACCTCTTGTTTAATG
ACAAGAATTTCTATTGAACAAATTATTTATTTTATATAAATGTGGATAAT
TGGAATCAAG

>Sequence 779

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGTGTCT
CACTTTGTTGCCTAGGCTGGTCTCACACTCCTGGCCTCAAGCTGATCCTT
CCACCTCAGCTCCCAAGCACTGGGGTTGCTGGCGTGAGTCACCATAACC
CAGCTGAAAAGTGATTTCTTATAAGCCAAGCAATCAGCCTCTGCAGAGAA
GACAGGACCCTCAGCACATATCTAGCTCTGTAATTCCTCAACTCAAGTTG
GGCATTACTATCACCCCTACATTAACATGTTCTCATTAGGAATATGACCA
AGACCAGGACAGAGTCACAAGAGAAACAGTCAGTGGATCATGTGACACAT
GAGATTTATTGGTCCAATAAGGTGAACTGGTCAGGAACCAGATCTGCT

>Sequence 780

AGGTACTTTGTTCTTTTACTACTCAATGAGACTGAGAGCCTGCTGGATTCT
ACTAAGACCAGGTGAACCCAGAGGGCTCTCGGTCTCATTGACTCAATTGG
GTTTGAATCTCAATTCTGCAACCTACGTGGCTTTGGGCAGGTTTCCTCAT
TTTCAAAATTATACAATAATATTTACCTTTAAACTTATTGAAGGATTGG
AAAGCTGTAACACCTAGCATGCTGCTGGCATAAAGGTGGGGGTTAAGTA
AAAAGTAGCTACTATTAACATTTTTGAAAAGTGCTCCTTCATTTCCCTG
CTCCCTTTCATACTCTTCATCCTACTTTCCTGGTAGTTCATTTCTTCTTA
GTTGGCTG

>Sequence 781

CCGGGCAGGTACCTACTAAACAGCAAAGAAACCATCCTAGAGGAAACAAA
GAGCCTGACTCAGAAGCGCTCAACAAGCAGCAAATTAAGCCAGAGCCTAA
TTTGGTCTGTGGTCTCTTAAGTGTGGAGCCAAGAACAAGGAGAAACAAA

Table 3

148/1077

GTTGGGGGCCAGATGAGAGACCACAGGAACATGAGGGAGCACCAAATTAT
TGCCCATTCCTTTCAAGGCCAAAAGCTCACTTTAGGGTATTGGATATTAG
GCCAGTCAAATATGTTTTGAAAGGGGTTTAAATGGCATTCCAATCCCTAG
GCTTCCTAACTTAAAGACACGGTGAGCAAATTATTGCGCCAAAAAGTTTG
TATCTGTGATTTTGCTTTTGTGGAACATGTCGCTATTTCTGGGCCCCG
AATCAAAGTTAATAAATGGGAACAAATAGGGCAACACCGCTTGTGGT
TAAATAACCTCACTTCAAGCCCAACAATATG

>Sequence 782

AGGTACCCAAATTACCTTGATTTAAACCCAGCTCGCCCATTTATTGGCC
GTATGACCTTGACAAGTTATAGAATCTCTTGGGTCTGTTGTAACATGG
TAATAATAATACCTACCTACCTAACACACAGGGTGGTTGTAGATTAAAGG
AGTTGCCACATGTTGGAAGCATGCTTATGCTAACAGGCATACTCATGAAG
TATCAGCTATTTAAATTATCATCCTCCCTCAACAGGATTCTATAAACTGG
TTCCAAGATAAGGTAACCTGGGATAATAAAGTTTTCTGATTTGGTTAGAA
ATACACCTAGAAAACCTTAGAAACCAGGCAAATGTGAAACATAAAGAGTAG
ATATCTGGGAACAAAAAAGTATATTATAAAATGCCAATACTGTCAATTCA
TATAAAAGGCATCTTAATCAATCTCCCACTCCCCACAAATGGAAAGCGGA
GGATGGTACCCGGGATTATCATTATTATTATTTTTAAGAGACAGGGTCT
TACTAGTTGCCCTGTTGGGCTTGAATTTCTGAGTTCAAGCGATCCTTCC
ACCTTAAGGCTCTTAGTAGCTGGGACTAAAAGCATGTGCCACCACACCCA
ACCTCCATTCAAGGGTTCTAGAAATTGGTGGGGTCATATTTAGAACCTT
GAAATTGGCGCCTTTACTTTGGTTCATAAAATGGTCTTGAAATAAAATTT
TTCCCTTGCCCCGGGGGGGGGCTCGCTTCTTATAAAAAAACTCTTAAGG
GTGGGGGGGAATTTACTCTTCTCCTCCCTCCTGGGGGGT

>Sequence 783

AGGTACTTGAGGGCATCATTAAAATCAGCCAGTGTTCAGTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAAATGGGCAAAAATGCCCTTGCCCTTTACA
TGCTCATTTAAAAACATAAAAAGAGCAGTAATTCACGCAGTTTTACTT
TTTCTCAAAAATTCTTGTCTTCTAAATTATAAATTGCCACACTATAGACCC
TACTTTTTTTTTATACCTTAACTATTATATAACTCTCTTTCACCTCAC
TAATTAAAACATTACTTAATAAATCTTTTAAACCTATTCAATAAATATCA
AAATATTTATTACTAATAAATTTATTATTAATTATACTTATTATAATATA
CTTAAATATAATTAAATCTTTAACATAAATATTAATATTTATTATTTAA
AAAATATTATCTTTTCTAAACATATTATGTTCTCACTCCATACTTTTT
ATACC

>Sequence 784

AGGTACCTTCTTGGCTATGTCTGCCAGCAGGAACAAAGAGGCATCCAAAG
CATGTCTCTTGGGCCATGGCATTGTCTTTTCTTCTAAGTCTAGGATGG
GTGTGCTGTGCTGAAGCTACATCATTGTGTGGAACCTGAGCTGTGGTCCAG
CTTTCCAGCCTCTAGTGAGCAGTAAGGCACACTGCAAGGGGAATGTGGCA
GAGGTGAGTGGATCCACATGGAGTATTTACTACATCCACTTCATTGGATT
CTACCTGGATCACTGTGTGGAGGTGGAAGGCCATCTGTGATTTGTGGTG
CTTCTAAAACATTCTAAGGACGTGCCCTATTTCAGTTAAGACACACATTT
GATTCTAGCTATGCAACCTTTACAACCTGACCTGATACTTCCTGAACCT

>Sequence 785

CCGGGCAGGTACCCTACCTGTAATATTTGTATTAATAATATCTTATTAGC
ATTTTAATTAGAAATTTAATATTAATGATTTGGAATCAGTAGTTTTCAAC
AATTTAATAGTGCAAATTTATTTGTAGTATTTGATGGGGAGATATGGTG
TTTTGTGACTATATTTACAACCTGGATGTATCTGGGAATATCTCAAAGTTT
CTCCCAAAAGGAAACATTTCTATTACAAATATGTGACTTGTGAAAATAA
TTTGTAATTCCTTTCAATATATCTCATTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGA
GTCTTGCTCTATCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGGGCGATCTTGGCTCAC
TGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCCGCCTCCCG
AGTAGCTGAGATTACAGGCACCCACCACCGCCTGTCTAATTTTTGTAT
TTTTAGTAGAGATGGGGTTTACAGATGTTGGCCAAACTGGTCTGGAACCT
CTGACCTCAAGTGATCTGCCCGTCTCGGGCTTCAAAAGTGCTGGGATTAC

Table 3

149/1077

AGGCGTGCGCCATTACGCGGGCCAATACGTGTCATTCTTAATACATGTCT
TCCTTTTTATTTTTTTTCCCCCGCTTTTTATTGAGCTTCTACTATTTG
CTGGGTATGCAGAGGTGGAAAAAATTAAGGTTTAATCTTATTCCCCTGA
GAAGCCTTTTTTGGTATTTTGGTGTACCTGGGCGGTCTTAAACTAAGGAT
CCCCCGGCTTGAGAATTGGAATCAGCTTATTATTCCGGCACCCCTGGGGGG
GGCCCGGCCACCTTTGTTCCCTTATGAGGGATATTGGCCCCCTGGCGAAC
TAGG

>Sequence 786

CCGGGCAGGTACTGGGAAGTCTGGCAGGATCCTTGATGTCCTCTTAATCT
CTTTTAATTTTCATAATACTGTGATGCAGGTATCATTATCCCCCTCTCC
ACTACCTTGTTTTATCCCAGAGGGAAGTAAAGCTCAGAGAGGCTAAGACA
CTTTCTCCAGGTGACAGACTCTGGAAGGGGCAAGGTAGGATTTGATTGT
CTGTCAGATTCCATTATGCTGTGTGCCTCAAATGCCTGGTGATCCTATAC
GCTACCATGGGCACTATGTGGGGCAGTGCCACTAAGCTCTGCTGTGACCT
CGAGGTTACCTCTGAAGTTTATGAGCCACTGCCAGAGGCTCAGGGTGGAT
GATCCAAGATAGCTGGGCTAGGGTATTAAGGGCCCTATCAGAACAAAG
ATCATTCACTTTTGAAGTCTAATCTCTTTGGGTTCTAGATGGGAAGGAAA
CATATTAAGTGGATGAAGGAAGGAGGTACCTCGGCCGCCGGGCAGGT
ACTGCCACCATCTCCGGTTCCAGGAGTCTTCTGCTTGACTTTCGGGTCT
TCCTCACGGATCCTGGAAGGGGGTCTCTGCAGAAGCGACCAACCCATC
TTCCTGGGAGAGCTGGTTCAAGAATTTTCTGCTGGGGGACAACCTGCCTT
CTTTCCTGAGGAGGGCCCTCTTAATTAACCTTCTCTGCATGGGGCTTCTAG
ATGGGTTTTTGAAAATCTTTTCTTTTGCAGATGGCTGGCCCCAGAGGTGG
AAACCCTGCTTTTTTGAACACAATCAACCCTGTTTTATTCCAACCAACA
AATCTTCCTTTTTCCTTTCAGAT

>Sequence 787

AGGTACAAAATATGAGAGAATTCATTTCCAGTAGGCCTACACTACAATAA
ATTGACAAAGAAAATTTGTCAGGCCACAGGTAATAATATGAGATGGAAG
CTCAAACCTACAAGAAGAAAATATTTATAGGAAATATAAATATGTGGTA
AATCTTTTTTAATTAATGTAAGAATCAAAATATTATTTTGTGGGATTG
TGATGTATGCAGATGTAAAATATATAACAAAATAGCACAAACAATAAGGG
AAGGCAAGTGGAATTCTACACAAGTGTGAAAGTTTACATTTTATGTGAA
GTGATATGACATTAAATCTAAATAGACTGAGGATAAGATAAAGATGTGTG
GTATAATACCCAGAGAAACCACTAAAAACAAATATCCAAAAGCAGCAGAG
CTAAGAAGTCATTGTTGGAATTAATAAATACTAAAAAATGGATTAAC
ATAAAAGATGGCGGGAAGAAAGACCAGAAATGAAAAACAGAAGGTATCA
ATAGAAAACAAATTGGAAAATAGTAAACCTTGAACCCAGTCATATTAGTA
ACTGCATTAAAAACAATGGGACTGGCATAAGCCATTTAGTGTTGGTTAT
AACGAATTAACTGATCCTGGGTGGTTATTGAAGAAAAGAAGGCTTCCTTA
CTTGCGGGTCTTGAAGCCTATTGGAAGCAGGCTTCGCTTCGGTTGGCTT
TTGGTGAGGGCTTCATTCTTATTCAAACCTTAATAAAAAGGCCAAGGGGAA
ATGGGCGGGCGCAAAGGAAACCTANAAAGGTTGGGTTTTAACAACTATTT
TCACGAACCTTAATTTCTTAAAGTCATTTTTTTTAAGAGGAGAACTCTA
CTCTCGGAGGAT

>Sequence 788

AGGTACTGTTTTTACAGTCATTTTGGATTCTGCTGTCTTATACACCAA
TAAGTAGTTAAAGTGACACAGTTCATAGAATAAAATGAATGAAAACACAG
ACATGGAAATGGAAGGAAAGTGCAGAGCTGCTTTCTAAATCAACCAATT
AATTAATCCTGACCACAAATACTGAAATGCAGAGATGCAAAGTCCTTTT
TGAGTAGCCTGGATCAATTGTTCTTAAGAGCAGATGGGCACTACTTTAG
CTGTGTTGTCTACAAAGAAATCCAGTTGGCGAGAAAATATTTTCATCCACA
GAACTATGATTCACGGGGTTAGTTCCTAGAGGTATCTGCCCCAAGGCCAC
CTGGGATGATTACCAAAGTCACTTTAAACCAAGATTCTAAGCCTAATACC
CTTGCCCC

>Sequence 789

AAATNTATCGACGCGCTAATACATCACTATAGGGTCTAAATTGAGAGATC

Table 3

150/1077

TCCACTCTCGAGTGTGCTGGCTCGCCTCGGGCAAGGTGATCTTCAAAAAA
GAATCTTATAAATACATTAATATTATATAATTACCTAAAAATATGTGAGA
TATTATAAAATAGTCTATAAATGATGCAAAAACATATCAATACTTAAACA
TTATATTTTAATTTATTTTAAATATAAAATATAAAATAAAAAATATACTA
AATGAAAATAAAAAATTTTAAATTAATAATTTATAAAAGTTTACTACTAA
CAAATCTTTATAAAATAATATTAATTTTATACTACAAAAAAAATAACATT
ATATTAATATAAATTAAAAAAATATTTTAAATTTAAATTAATATTTAATG
ACTTAAATTTAAAAAATTTTAAATTTTAAAAAATAAATCTAAATAATTA
TAAAAATAAAAAATATTATAAATATTTTAAATCATTAAATTTAAAAATACT
TATAATAAAAAATTTATATAAAATTTTAAATATCAAAAAATAATTAATATA
AA

>Sequence 790

CCGGGCAGGTACCCGGGGGGGCATCACGGACCTACCCAATATGTGATGTCA
CCCCTGGTGGGCCCAGCTGTGTCATGGAGAACTTCAGCTGGGCCCAGAG
ATTCTGCAGCGGGAAAATCCAAGGCTTATTTATGCCAGGCTGAGTGGATT
TGGCCAGTCAGGAAGCTTCTGCCGGTTAGCTGGCCACGATTTCAACTATT
TGGCTTTGTCAAGGTGGAAGGAACAGCATATTTAAGTTCTTTTCTGTGGAA
AACTTAGAAATTGAGTCTGTGGGAAGCACCTCTAGGACAGAACATGTTGG
ATGGTGGAGCCACCTTTTTTTACGACTTTACAGGAACAGCCAGATGGGG
AAATTCATGGCTGTTTGGAGCAAATAAAAACCCCATTTTTTTCCAGCCTG
CTTGATCAAAGGAATTTGGAA

>Sequence 791

AGGTGCCTCAGAATGATAAATCAGAATCTCTGAGGAATGGGCCCAGGCAT
CAGTATTTTTACACGAACAAGCAGAGGTGGATCCTTTACCTTCTCCTAA
AAAAGTGCACAAGGGACAGGTCACCTTGGAAAGGCAGTTTAAGAGAGAGCA
GAGGAGAAATCTGGTGACACATGTAACACTGTGATTAATCTATTGCTTAC
GATGTTTTATATGTTGAAAGTCTGGAATTCTGAATATTTTATTATGTAAG
AGATCCAGTTCTCCAATGTACAGCCTCTATAATTTGAATAATAATAAAG
GAGCACAAACAATTCACCTTATGATACCCAACAGAAGACTGCAAGGATATGC
TGGGGCACAGAGCCCAATTAGGGTTTAATAAGACAGGGTTTATGGGTGAA
GCAATCTAG

>Sequence 792

AGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATTTTTGTA
TTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCT
CTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTTCCCAAAAAGTGGCTGGGAT
CAAAAGGCCGTGAGCCAACCACACACTGGTCCCTTCTATTTATTTCTCTT
TTAAAAGAGGAGAAGAAATACTAATTGAGTAGGGCCATAAATTTATTTTA
ATTTAGAGTCTTTTACCCTTAAGACATCAATGGTGAATAAAAATTGGNN
AATTTTGCCCTTAATTATAGGGTTGAATGATAGTCATTAACACAAAATGA
AAACAGTAAACACATTCATCATTTTTTTAAGGTAAAAAAGGGCAAAAAAA
TTTTGGAGGAACTTTTATAAAAGCCTTACATTGGGTAGCCTTTATATTT
TTTGGTGTTGGGGTGAAAGAAAAATGAAGAAAAAAGGAATTATTAAACAA
TTCTTTTTTACCTGGG

>Sequence 793

AGGTACGCGGGGATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GNTTGGACATTTGNNCATAAANNAGAGGTCCCATTATCCAAGGCCTTAAC
CTTTCTAAGAAAAATTTTTTAATTTCTTCAAAAACTTTTAAGTTTGG
GCCCCCTCTTTTTTCTTTCTTGTTCCTTCAAGGAGGGGAACCCAATT
TCCTTTAAGTTGGGCCNNACCTTGGGNGNNAAAATTCNNTTGGNCACCNN
CCAGNNAAGGAAATTTNCNNAACTGGNCGCCTTCANNCTGCANANNAAT
ACCANNATGGNCCTNNNACATTGNNGANNTTTGTAGNANNGGAGAAAAGG
GNAGCNCCTGTTATTTTGGTGAAGCCTGTTGCCCTTATGAAGAAANATT
TCNNTTTACCCCCCTGNNNAATGTNNGGTNCGGATGCCAAAAGGGAAAGA
ATCCCTTGAAGAAAGTCAN

>Sequence 794

Table 3

152/1077

AGAAAAGAA

>Sequence 800

CCGGGCAGGTACAATTTCTTATTACTGCATCTAAAAATGAGGACAACATT
CTTTAAATATCACGCTTATATAAAAACTTGCAGAAACTCAATCCACATGT
CTTAATTAGAAGCCACCATAAAGAAAGACATTTTCATTGTTTTAATAACTT
ATGTTTCAGAAATAAAACTGCTCTTACTTAAGCACTGCTTAGCAGAAACGT
TAAAATCAAGTCTAGAGAAAAAGTAGAAGATGGTAATGTTTCCTAAGATAC
ATGAGAACTGAGTTTGGTTACAGTTAGAGAGAAACAGAATTTTTTCCACT
CCCAAACCAGATCTATTGAATTTACTTGGTTTATTTTTGTATATATTTGG
CATCTAAAGAATGAATTGCCTTTTAGACAAAACCCTTCTCGGTGAAGTTG
TTTCTTTTGT

>Sequence 801

AGGTACAATGTGATTTTCATCAGTGTTTATGTTTTTGAAAGGAAAAAAA
TGGCTGAAGTATTATTTTAGTCCATGTGCAAAGCAAATTCTGTTTGTCT
GTTAAAAAATAAATGAGCAATAATCTCCAAGAAATCATCTTGACCAGCA
TTAATGACTAGTTTGGTAGTTAACAGCCCGAGGCATAGCCAGAGGCTATT
AAGGCTCTGGGGGAAAGAAAAGGTTGGTAGATTGTGGTTTACCAGTAATT
AACTATAGGTATGAATCAAAACTTCCTAAGAAAAGAGATTTAAGTTACTT
TGGATTATTTAATGTGTATGCTTATCTTTTCATACATCCCCCTCCACAC
CTTTTCTAATAGGAAAAGAAGATGAAGCCATTATTTACAAACCAAGTTG
AATTGGAAATAATTCACGTAATGAAACAGGAAACACA

>Sequence 802

AGGTACTGTGTTGTAAGAGATGCAGGTTAGCAGAAACCCTCCACATGAGA
TCTGCTTTAAGACTGACCCAAGCCTGAAACGCTCTCTCCCTAAGTGATCC
ATGTCCCTGCAGTAATACCATAACCACTAAGCTAACACACTCACTGTAAA
AGTGTGCTTCTCCATGAGGCACCAAGACTTGATGACCATTTGCAGTTCT
CATTAACCTCCACTAAGACCCTAAAGGCTAAATGACAACCAAGCCTCTGTC
ACTCTGCCTGAGTGGATTTACCACAAATATCAAATCTGTTCAATCTATTA
TAAGAGCTAAAAAGGAGAAGCACATGAAATCACATTTCAATCTTAGCTCT
TTTATCTTCCCATTTTTCATTTAGACATTGAAT

>Sequence 803

AGGTACGCGGGGGGGCGGAGCAATCCACACTGCTGAGCCTGGGGGGGTTT
GGAATTCTTCGGCGAAGTGGAGCGGGCCGAGAGTGGGTTTCCCGTCCCCG
AGCCCTCCCTCATCTCGGAGATGCCGCACTTGTGAGCGACAGGGCTTCAT
TTGAATTTTCGCACCTCGCGAGTTGCGGAGCCTGCATCTCTGAAGCTGCC
TCGGTGAAGAGCCACAGCATTATTTTTTTCTCTTTGGGAGAGTAGCTGT
CTGGGATTTGAGATCCTATCTTCCCTGCAAATTACCAGGTTGCATCTTCA
CTGATAGGAATACATTTCTTCACCAAAGGACATGGATGAAAATGAAAGCA
ACCAGTCTCTGATGACAAGCAGCCAATATCCT

>Sequence 804

AGGTACTGCCCAGATAGAACCTTCTGCCTCTTTGGGGTAAAATTCGATTT
CAAAGAGAGAGAACTGTGGGGTGAGAAAGGAAGACTGGGACCCAAGGGGC
CAAAGTAGTGACAAATGACTGCTGTATGAAGGGTGACAAGGACAATACCT
GCTGAGCTCAAACCACCCTTTGGACCCAGTGAAGCTCAGATGTTGCTTCC
AGTGCAGGAGTAGTTAAGCTCAACTGTTTTACAATATCCAGTTATTTGGC
TTGGGTGTGATGGCTCACACCCACACTCCTAGCACTTTGGGAGGCCAAGG
TGGGTGGATTGCCTGAGCTCAGGAGTTTCGAGACCAGCCTGGG

>Sequence 805

CCGGGCAGGTACTACCTCTTCCATAGGTTGTGTACCCAGTTCTGAGATC
TTTCAAAGCACTGGAAGAGAACCGCCAAGTTCTCAGCTGTCAGTGCAAAC
TGGTGTCACTGAGATATCCATTGTCCTAGCTCATATAATGTCCAGGTCAG
TGTCTTTCTGTTTCTCTGAGCCCTGTTTTGACACTAGAATCTTTGCCGTA
GCTGCCTGCGGCTCCATCTGCCAAGGAGACGCCCCCTAACCCCTCTAAGGT
GACGTTTTCCAGCAGCACTGCCAGAGAACAGGGTGAAGGGCCCTGCATTCC
CAGGACCCACAATAGCTCTGTTTTTCTTCTCTCTCCATTTCCAGGA
GAATTGTT

Table 3

153/1077

>Sequence 806

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGATGGAATGATTG
TTTACTCATTCACTCATTAAATGCTAGAAATGATTGAGCCCCCCTTTCCAT
CAGTCAGTGTGC

>Sequence 807

CGGGCAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACCTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCAAATTGACCAGGTTGGTCTC
GAACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCCACCTTGGCCCCGAAAGCGCTGA
GATTACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACCTTCTCAACATT
CTGAGTTAGTCACTTTCCCTTTGGTTTAAAGCCAGCTCGGGTTACTTGCAA
CCCTAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACCACCTAGAATA
AAATTCATTTTCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATGGAGGGTGGTGGA
ATTCAGAGAGCAGAAATCTGTCTGACCAGAGAAGAGTTCTTAACAGGTT
CCACT

>Sequence 808

AGGTACTAAAGTCAGCAAGACCTAATGTCTAATTTACTTATACCTATGAT
GAAATCTAGTGCCAAGGATCATCCATGGCCATTGCCCCACTTCAAATATT
CATGAGCCTCCACAATCCAAAATGCATTAAATGTGGGCAGGTTGCCAATA
ACACACAATCTTCTAATGACAGGGAGCTTTCTCAGATCAAAGGAGCAAG
ATGTTAAAGACTTCAAACCTAACTGTCTTTGTAAGAGACACCCAGAAAAG
AAATGCCAGATCCCACACCCTGTTTCAGTTATGAAACATCAATGAAATAG
AGAAAATAATAAACATTCATTTCCTCTTTGGAACCTCATTTTTTTGCA
ACAACCTTGCTTCTTTCTTTCTTACCATTGCACTCAATCACTAAGGATG
TTATACACTA

>Sequence 809

AGGTACCATCAACTAGCGTTCATTATATTGAGAACTAATGAATGGTTGG
TCTCTACTAAACAAACATCATGTGTTTACAGCTAAATATTGTATATCCAA
AATGTGAACAGGAAGATGAAACCAATTGATAAAGGTTCTTACTTCACATT
TTCCAAGTATAGTATTAATTCAAATTTCTGAGAAAAATCAAGAGACATAT
ATCACATAAGGGCAATAAATACTACCATAGAATTTTCATGGTATGGAAGTT
CCTACATACTTATGGTTCTGTCCTTCACTCTCTTTTTTGAACACGTTTGT
GGTAGAAAAAATAAATAACAAAAAGAATCATTTCCAAAATAATTGGATTT
GAATTCTTAAAAATAGTTTGGTATTTACTTATGTGTTTGTTCATGAATGA
C

>Sequence 810

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAGACGGGG
TCTCCCTATATTGCCAAAGCTGGTGTCAAACCTCTGGGCTCAAGTCTCTC
CTTAGCTTCCTAAGTAGCTGAGACCAAAGGCACAGGCCACCGTGCCTGGC
TCTACTTCTCACCTTAACTAAATAACCATCCACCTGAGAAATAACATATA
CATGTAAGCTTAATTCAAATATTCAGGTTTTGTGATCCTCAAACGTGAAT
GATCAGAATCACCTAGGGAGCTTTTTGAAAAAATTAAATCCCCCTCTAC
ATCAGTTTCTACAGGGAAGTCTGGGAATTCATGTCTTAAAAAATAAATAA
CCCTTATAGGCTGGGGCTTGGGGGCTCACAACTTAATCCCCGCCCTTT
TGGGAGGCCTGAGGCAGGCAAATCCACCTGGGGTTCAG

>Sequence 811

CCGGGCAGGTACCTGGCTTGGACTTGAAGGAGAAATGAGAGAGCAACTAT
CCGCAGTAGAAGGCTGAGCATTTCAAATCCCTGTGAAACCTAGGGTTTTG
AAAACAGTATGTTTCGGCAACAGCAAGTGGTTCAGTGTGATTGGAACCTT
AAAGGGAACAGTGGAAGATGAGGCTGAGCATTTAAGGAGGTGCCAGATT
GCCCCAAAGGCAGTGTTCTCAATACTAACTAATGTTCTTCCACCATAAA

Table 3

154/1077

TGAGCTCCCCCTGGCAACTTCTCATTTCTATCAATGGAACCTTTCGTTCTT
CATATGTCCAAACCCTGAAGTGCCATCTTCAGGTCTGCCTCAGCATTGT
GATCAGTGCTCAAGTTTTGTATCATTTCTATATTCAAAACATTA

>Sequence 812

AGGTACTGTCACCCATGGCCCTGATAGGAAACAGATGGCATATTCAAGCT
GGATAATTTGAAGAGGATTAAATGAAACAAGTATTCACAAATAGGTGGGC
AGAGTTTAGAAAATCAACAAGAGATATTGTAGTATCCTGGGCTAGCAACA
GAGAGGATGGGAATATTGCCCCATAGACCTGAAGTGCAAAGAGAAGGAGT
GCTACCTCAAAAAGAGAGCTTTGTGGAGAAGGCTGCCTGATAGCAGCTGT
AGTCCCAGGTAGAGGGTGAGCCACCACGCCCGGCGGATATTTTCATAGTTT
TAAAAGGGACTTCTCTTAAGGTAATTTTTATTAATAGAAACAATATTCTT
TAAACTATGAATTAAGGATAAAACATGTTTCTATG

>Sequence 813

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTGTAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCAGCG
CGCCAGGCCAAGAATTTCTTTCCATCTCCTGTGTCAATTGCTTTGGCAGTG
GAAAACGCACGTGGCCTCTAAAGAGTGGGTCCCAAGGTCATGAAGGCCTG
TGGGGTGGAGGGCAAGGTATCTCTTTCCAGGCTGGAATGGCAGAAGACGC
GGCGGCAGAGGGGCTGCATGTCTCTCACAGCAGGCCCTGAGGACCTT
TATCTCCTGAGCCATGAATGTCCCTCAGGAGTGTCTAAAGCACCCGGTG
GGCAGGGGGACCCCTATAGGCCTTAGGAGCTT

>Sequence 814

CCGGGCAGGTACATCATCGGGAATTCATGATTAAGTGACTAAATGATTTG
TTTCTAAAACAGAGATGTATGCTGTCTGTGGCAAGGGCTGGGAGCTGGGC
AACAGCTGGGCAGGGGGCACATCGCCTTAAAGCCTCATGCACCAAAGAGC
CAAACCGTGAGGCTTTCTCAGAAAGCAAATAACAGCGCTCACACTGCAGG
GGTGGCGGCGCAGGTGTGGAACCCTGTCTTGATGCCTAACGTGGGGGTCA
CAGCTATCCGAAGGCAGGCTCCAGAGAGCACCTTGACCATTTCTGCTTGT
TTTCTCCCGTCTATGCCCCAGCCTGGCAGTCACTGGCCTCTGATTTAAAG
AGTCGAGTTTGCGGGTGGTTTGCTAATTATGACCCAACGAGCACTTCTGG
CTTCGGTTGGAGTGAGTGGGGTGT

>Sequence 815

CCGGGCAGGTACGCGGGAGAATAACAAAAGCACTCGTGTTACTTTTAAAC
AAGGTAAAACTTAAACAGTTTTTTCCTCCGTTTCTTTTTTATGGAAATA
AGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAATTCAATGGCAGTGGTAACTGAAGC
ACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGATACAAAT
ACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTTCTATCACTGGGTAGTTT
GAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAATGGGATTTAACTTGGAACATCAA
AGCAAGTTTACAAGGGAACTTAGTTTTACTGGTGTGAGCAGACCTTAGG
CGCCAAGAATTTGTTATAAAAGNTGTCTGGAAAGTGGCACCAGGG

>Sequence 816

CGGGGCCGGTCTGCCCCGCCAGGTCCAAAGCGCAAATAGGCAATTTGGTT
CAATATCTCCCAACTTAAACCCACTGCTTTTCAACAGAAATGTTTTTTA
CATCAAGTGTTGCCTCTGTTCTCACTCTCCCTCCTTCTTGATCTTTTAAT
CTAACCTGTCTTCTTGACTTCTTTCTAGCCCCTGCCCCATTGCCATTGG
TTTATAGGTCAAATTGCTTGAGTTAAATGCATAGAAGATGCAACTATTTT
AGACCTCACTTTAAACAATGTGGTAAGTGTTAAGACAGAATAAAAGATAA
ACCAAAATATTGTAGAAGATGATTCTAATGGCATATCCAGGAGCTAACCT
GCTCTGCATTGATGAGTTTAGCTATCATAATTCCAAAGGAACACTATGAT
TGAGAACAAACCAAGAGCACTACTAACTCCAGCATCACCAAGG

>Sequence 817

AGGTACTTTTTAAATGACAAAGAGTAATTTCAACAAAACCAAATGCTGCA
GTGTGGCACTCAGCTATAACAGTGATTTTCTTTATCCAAATAAACACAA
TAAAAGCTTTGCTTTGCATTGTTCAATTATAAAAACTGAATTTTTCTTT
GCAACTATTTATTTTAAATAAGGAAGTAAATTTCTCAAATGATACAGT
TGCTGCTGCAAAGTATGAATAATAAGACTGAGGGAGGTAAGAGAGAAAGG

Table 3

157/1077

TGTCCTTCTGTGCTATGTTTGGCTTTTATTGAATCTTTTGGACAGTATCC
TTGTTGTTCTGTGTGCTTCA

>Sequence 829

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAAAGCCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGTGCTATTTGG
CCGTTTCAGTTGTGATGTTTTTAAAGTAGAGTGTTGTGATCAGAAGGGCC
CTTTAGAAAGATTGTGGCTAGAATATGGAGAACAAAGAGGAGACCACCAG
AGTGGATGTGGGAGGCCAATATGTAGGTTATTCTAGTAGCTTTCAGTGA
CTTACACAAAGGCAGTTTTAGCGGACTTGTTTCATGAGTTACCTAAGAGAT
AAAATTGACAGGACTTGAGAATGAGTTAGATGATGGGG

>Sequence 830

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCGCCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTTA
GAAAGGTTTTACAAGTTAAAAGTAAGTCAAAATCAATTAGGCTTTAATTT
CCAAATCCTGAAATGGGTTTAACTTCTTCCGGGAAATGGTTTCCC

>Sequence 831

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTGGCAGGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATCCCCAACCAAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAATAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGGATCACTGACACCTAGGNGCTCCGAAGCGTTGTGTGGCCACAA
TGGAAAAAGTCGAA

>Sequence 832

CCGGGCAGGTACTCAGCTAAGAAGAGGATTGCTTTGGGCATAGGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTCCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTCTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGTATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCGATGCTTAGG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGCCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACCTTTTTTT
AAAAGTAGGTAAATTAATAATTAATCAGAGTTTGTTCACATTTGTCCC
ATAGGTTCTAGTGCAAAAATGCAGGGAGATAAAAGCAAACATTTGAAC
CAGTG

>Sequence 833

AGGTACCCAAGTGACATGACTAATTACAGTAACCATGAATTCAGTGCCTG
GCCATTTATCCTAGCAATTTCAAGTCTCAGGAATCTCTTGACGATTAAG
AAACCAGAGAGACAACTATATGTTTAACTTCTACCTTCTGTCCCCTGAGA
AGTCACTACTCATCTTGCTTCCCTCAGGATGAACTTTCTGTTTCTATGTT
TAAAAGTCTGCAAAATAGATTTAAAAAACAACAAAAAAGCAGACTCAG
TATGAGATCAAACCTTACGAATCATTGTCAAGGTCATTTTTACCTCTTC
TATACCTAGACTACTGGGTGGGATAGTGCATTCAAAAATTCCAGATTCA
ATGCTCTCATTTCCATCGTGACAAAATGCTACTTTATGAAGAATTATG

>Sequence 834

CCGGGCAGGTACTTGATTTCCTTCTTTGTTGACTCAACTTGAGAGCTC
TCATTGTTTCCAGAAGCACTTTGTTGAGGCTTGCTTTTGGCCGCTGCATC
TGGAAGCTTAGAGGCAATATTCCTGGGTGGGAGTAACATCCGAGTTGGAT
TTGATGTGATTAACTCAAAGGGGGAGGAGGCTGATCACGGAAAACAGAT
GTCAAGCAGAGCTGCACAGTCTCTTTCATTGCTTTCATCTGTGACTCCCT
GTCAAGAGCTGCTTCTCCAGTTCATTTTGGCTACAGCTAATTTTGT
CCAGATCAGTAAGCTGCTGCGCCTTAAATAATAAATCCTTCTTCCATAA

Table 3

158/1077

CGAAGCTCCTTCAGCTGGGCTTGGATTTTTTTTGACTCTTCTGCGTGAAT
GCCACAGAGCTTGTTCCTGACAN

>Sequence 835

CCGGCCAGGTACTTCAGAGCTAAGATAGCTCTTTGGGTTCTAAATTCTGC
GATCTTCTTTTTGATTTCTCTTGGAGCAATAATGAAGGCAAAACATCAAT
AAACATAACAACTGGGTAAGGGAGACCATTGAGAAGGACTAAGGACACC
TTCAAAGTTCTGAGTGAGTTTAAAAAGAAGAATGATGAAAACCTTGATAG
AAATATGAAAAAAGTATAGGAACTTGTATGGCTTGAACTTCTTAATGT
TTAGGCTAATTATATTGAAGATGACAGTGGTCATTGAGAAAAACAAAATC
CCCAAAGCAATTTTGAATAAGGGCCAACATTAACTACTTACCATACAAC
TATTCTAAGTATTTTACTATATTCACCTTATAGCAACTCTAAAAAGCATGT
AGTATTAACAGAGAAATTGAGGCA

>Sequence 836

CCGGGCAGGTACTTCTCTGCTGAATTAATAGAATCCATTGATTTTCATT
TAACTTTTACTTAATGATTTGGTATTGTCATTATGAGCATAAATTATTAT
AATGTAATGAATAAAAATAATATAATAACAAATATATGCCCTCTAGGTTAT
AAAACACTTGAAGGACAGGGCCCCAGTATGTTATTCATCAATGTATCCCT
ACTACTGCAAGCATCATAATAATGGCTTGCATACAGTGGTGGTCACTTAT
GAATTATAATTAAGTATTGCATTAAATGCTGAACGTGTATATCTAGCTC
ATCTCCACCTGAAAGTCACTGGGAATATATACATGTGTGTATACACACAT
ATACACCTGTGTGTCCATATGTAATATATGTCCTTAAGTGTATATATACA
TTATATATATACC

>Sequence 837

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTTAACTGAGGTAAGGAA

>Sequence 838

CCGGGCAGGTACGCGGGCTCCACATAATTGCTGTTCTCAGATATAGAGAT
AAGAAGTTTTGATAGCAAGTTTTCTGTTAATGTGTAATAAGCACTTTCT
CTTTTTTTAATTCTCATAGGTGAATCATCTCTAATCATGAACAAGTTAAA
ATGCCCTCATTGTAGCTATGTAGCCAAATACAGACGAACACTAAAAAGGC
ACTTGCTCATTACACAGGAGTGAGATCATTTAGCTGTGATATTTGTGGA
AACTGTTTACTCGAAGAGAACATGTAAAAAGACATTCCCTGGTAAGTAA
CTTTAAATACAGCTGATCTTTGAGATAAACTATATTTATGTCAGTGAAGT
TAAAGGGATTTAAACAGTTAATTGTGAATTTAAAGAAGATTGTCTCCTA
AATTGCTTTAAACAGTTTGACTTTATGAACGTGATAGTGAGCTTTTTACAG
AGAAACCGGTGGATTCACTCACCTATAAATGGGGGGGTAAATTTGAGTG
GTTCCAAAGCATTCTATTATATATAATAATCTTATTTTGGATTTTTTCC
CCTTCAAATAANGGGCATTAAAAGGGTTAAAAATTCCAATGTTTTGTGGG
TTAAAAAACTTCATGGTTTCAACCGGGGGTTGGATAAAACTAGGAACTT
AACAGTTTGGCGTTGGGTAAACGTGCCGATTTAATACCAGCCGAAAGGC
CGAAAGGTGTAACAGGGCAAGGTTCCAATTCCTTGGGTTGAAAATCCCA
GAAGATTAACCTTGAAACCTTTTAA

>Sequence 839

CCGGGCAGGTACGGTTATAAGGGAATTGGGAAGTCTTCGTCATGGGAGAC
GTATCAGAATTCCGGAGGTGACTTTAACTTCAGATTAGATTCTAGAATCA
GTTTGCAAAATAGAGTCATTTATGAATTTGTATTTTGACAAAAAGTTCAT
CAACACCTTTTATAATATTCTATGTTGTGGAAAAAAGTTAGGAGCAACCT
GACTCTGTATGTGATATTATGACTTCAAAGGAGCTTGGTTTCTCTCTCTC
TCTCTCTCAGAGGAAAATTTTAGTGTGCTCATAACTTAATATAGACCCTT
TTCAGACATTCGGTTGGTTTCCTGCTTCTGATTACCAAATAATGCCAC

Table 3

159/1077

ATTGACCATCTTTGATGCCCTAATTATGCCCTGGAAATCCTTCTAATAAA
ATTGAATTTTGGGGTCCGG

>Sequence 840

CCGGGCAGGTACACATAGCTCAGGAACACTGATGCACTGCCTTCCATT
TAGTGGCAGTTTGAATTTAAGAATTTCTAGTTTGTCTTAAGCTTTTCTGT
AATCTCTCACATATATATTCTTAATTTCAACTGATAATTTCTTTCTTAAT
GTCTAATATAGCCTATTTGCCCTCTGAACAGCATTGAGATGCTTTGAAAT
TTAATGCCCAAAAAGTTGGCTTTGGTAAGGTGGTCTTCATTTCTGCAGT
AGAACCATGGTTGAGGCTAATGGTCCCATCAGCATTAGCAGGCCCTTGGC
TAGTTGCACAGTAACTGCATGTTTCCCCTAGTAAAAGAGATAACCCCA
ACAGTTTTAGGATTAATGCTGAGTTGTAGTGTCT

>Sequence 841

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAGA
GACAGGGTTTACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTT
GATCCGCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCC
CCCATTCGGGCCTAACGAGACTTAATTTTTACTTAACTTAGATGGCCGT
TCATTCATTTTGCTTAACTCAGCGTGGTGCCATGGAATTAAGTTTGGTGC
ACCTGGTGAATTTCCAAAAACCCACACAAGGACATTTCTTCTGTTCAATC
AGAGGTAACCTCACGAGCGCTTAGTTGTGGAGAGCATAATCCCAAATGTA
ACATTGGAAATTTATAATTTTCAGTTAAACACAAGAAATGACAGTTGTTA
TTGCGCTAAAGAGGTAATGTTGTTAAAGAAGACTTAGGCCAATGGGATA

>Sequence 842

CCGGGCAGGTACGGTTGCTATTTATAGCCACTATCATAACATACTGCTGC
CTCTAACTCCTGGCCTCAAGCGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTCGGTAGC
TGGGACTATAAGCACATGCCATCACACCTGAATTAAGGACACTTTTTGTT
GTTAGTATTAATGCATTGGTTCAGCTGAGCAAATATTTAACAAAATTCTA
CTAAGCACCAGGCTTTCTTTTCTAATATACAGGTATTAATAGTCATTAGC
CTGAGGCACATATAATACACAGACTATTTGAATGAATCAGACTGATGATA
CAAAGTATAATTGATGAGAGACATGTAGTCCAACCAGAAGATTGAGGACA
ATCATCCT

>Sequence 843

AGAGAACGAAATAATTGGAAAGACATTACCACTCGTACGGATGGGACGAG
ACACGACACCGGGACAGGGTTACTATTTTTTTATTATTTTTATTTATTA
CTTTTATTTTTTTTTATTTTTTTTTTTTTTTAATAATTTTTTATATATA
AATATTATTTTTTATTTTATATAATAAAAAATTAAAAAATAAAAAAA
AAAAAAAATTAAAAAATATAAAAAAATAAAAAAATAAAAAATAAAA
AAATAAATATAAATAAAAAAATAAAAAAATAAAAAAATAAAAAA
AAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAAAATTAATATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
AAAAATAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATA
ATATATAAATTATAAATATATAAATATTAATATAATAAACTA

>Sequence 844

ATGCGACGCATATACGGACATATCGGGCGAATTGTAGCTGCACAGCGCTG
GCGGCCGCCCGGGCAGGTTCCGGGCCTTGTGCTAAACACCTTAGATGGGT
TATCTCTGAACCTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTA
CATTTTACAAGTATGGAACTGGGGATTACTGAGGTTATTTGCCCCAAGG
TAACACAGGATGGTAGAATTCTGGAGCCAAGAGTTGGAAAACCTGGGTTAG
NTTGTCTCCAGAACCCCAATGAATCTTAGCATCCTTAGATTGTGGTTCC
AATTAAGGGGCTTCTTCTTTTTTCAATTTCCCGTTTTGTAAAAAGTAG
AAAGGTTTTTCACTTTTTTCTTTCTTCAAAACCCAATTTGATGAAAAAC
AAACCTTTGGAAAACCTTGGGAAAGTTGCCAAAAGGGGGGAGGAAATTTCT
TAATAGGAAAAGGCCGGTTTTTTTAAAAAAGG

>Sequence 845

AGGTACACAGAGACACGATCCACAGTTGTGTAGGAATAACTTCCTAAACA
TCTTTAGGATCTACCTCTTTTCTGTTCCCACTGTTATTTCTTTGTTTC
AGGCCCTTAACATCTCTAATATACACTAGTATTTCTGTCTTCACACTGTT

Table 3

160/1077

TTTTTTCTTTACACAGCTCTTTTCATAGCCCCTCCATTAGCACACAGAT
TGGAATTGTGTCTCCTTGTTACCCACAGAATAAAACCCAATGTTCTTAAT
ATGTAGTCTTAATATAGACTCTATAAATAGCCCCTTTGTTAATCTATCTT
GAATTACTCACTTTTAGGTTTCAGCTCCCTACTGAGACCCCAACTGGCTT
TACCTTTTGTTCCCTCCTGG

>Sequence 846

AGGTACTTGTCCCTTCAATTTTGGGAAATGCTATTATTTGATAATTTCTCT
TTTTGTATTTTCTTTGTTTCTCTAGATTCTTAGTTTCAATTTTGTCTTT
CAAACCTTGTAATTTAATTTTATTCTGCTTTCATATGTATATATAATTT
GTCATTCTGAATGTTCTTTTATTACCCTTACCTTATATTTTCATGGA
ATGCAAGTAGCTTTAACCTTCTTTTGTGATAATTAGTTTTTAATTTGAA
CAAAATAAAAAATTTGTGTTATTATTTGAGCTTGGGGCTTTGGGATGGTC
TTCAACGGCCATGTTAAATTCGGTAGACACCTTTTGAGTGCGAGCTCAAA
GGCCGTGGTTGGATTTGCCCTTGAGTCTCCATGGTAATTTTCATTGACCC
ATGCTCTTGGGCCAAACAACAGGTGGAAAACCCCAATCTTCTACTTAAA
AATTACAAAATAAAAAATTTAGCCTGGTCCAATTGGCGGGTGTTCACCC
TTGTTAGTCTTCAGGCTACT

>Sequence 847

AGGTACGCGGGCACCCACACACATCTTACTAGACCAAAAAAGAAAACCTG
TCAAGCAAATAATCTCCCATTCTTGGGTCATTTGGAGAGATAACACAGG
CCAGGTTATATGTCCTGAAAGATGAGAATGTGTGAAGTCCCAGAGAGTC
TGATACTAGGGCCTTCTTCAAGGGAGTTAGTGGATTTGGCCGGTTGCAA
CCAGCCCTTGGCCCCCTTTGCCATGCTCCTGAACTTCACCTTGCACCAA
TCATGGGGTTGCTTGGCTGAATGCCCCAGGGCTTTTCATGGACTGGAGGC
ATGTGCACTCCTTTAGCAACCCTCTTCACTCTGTTTAACCCAAACGGTAG
GATTTTGACGGGGTCCGGAAGGGCATTTTTAAATTTGGAGAAAGGGATG
GGAAATGGTCTGAAGGGGCAAGGTAAAACTTTTAACAAAGCAGGGAAGGT
CTGGCACCCCTGGCCTTGACATTGAGAAATCCCCCTTATTGGGCAATTG
GAAAGGTAGGGGGGAGG

>Sequence 848

CCGGGCAGGTACACACATATAATTCAGCTGTGATTTTTTAAAAATGTGAAC
TTCATACTGGCAGTCACGGATCCTCATCTTCTCAGCTTGATTTATTCT
CTCTCTCCAGGCCTGGCCGTCTCCAAGTCATCCTCTACAAAGCACTCATG
ATACCTTTTGTAAACCACAAATCAGACGTCATAACTCAGAATTTTCGGTC
TGCTTGGGGCACAAGACCATTTTTGTATCCTCTGTGAGCTGAACAATGTC
TCTGCACCCTTACACTCAACTGGAACACTCTGCAACTACAGAAGGCCAAA
GAGGCTTCCAAGTTCTCTCTTCTGGGCCTTCTCACTCACTCTCTTTTC
TAAGGT

>Sequence 849

CCGGGCAGGTACAAAAATTAAGATTTTACAAAAATAACAGATGCAAGATCT
GGCAAATGATTAATTTGGGGAAACCATGTCATTTACTACATCCAAGTAAG
TCTAGTATTTCTTGAAATTTGGAAGACAGAACAAAGTTCTGCGGCCCTCG
TGAACATTTCTCAACAGGGTTACGGGAAAACCTCTGTTATTTGAATGTGTA
GGGGACAGGGCGTGGCAAAGGTGCCAGTGGAATTTAATACAGTCAAGCAG
GAGGCTTCTTTTAAAAAATACCCACGAGGCTGCCAGCGGAGTTCACCAAG
GGGCTAAAGGCAGCAATCAAATGAAAAAAAAAAAAATTAAGTACCT

>Sequence 850

AGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAAGGATAT
GAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGACACATGA
AAAAATGTTTCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAAACCACA
ATCCGGGAGGCTTGGCAAAGACCACTGGGCTTTCCGGGCAACGTGCTA
GAGCTTCTGGGAAGCAGTCGTGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCTTCGGAT
TCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGTCTGCCGGCCTCTGGCGTTTGTCTG
AGGGGTAACTCGGAATGGCTAGAAACAAGAACACTGAGATGGCCCAGTC
GTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGTGGTGGCAAAGAAAGGCGCGCCGACA
GAGTGCCAGTCAGCTGGTCAGAGTTCTTTACAGGTTAGG

Table 3

161/1077

>Sequence 851

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGCACCTTTTACTCTGATGTCGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTTGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAAATTTGGTGGACCAAGCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACCTTTTAGAGCAGCACCCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCAGCCCTGCCTGAGAGCTCAAATGTCTACAGGTAT
TGTTTGGCCTTTGAACAGCAACATTGTCTCTTGCAGCAATGTGAGCCACC
TACTTGGGGCTTTACGGCATGGCTGAGACAAGTGGAGGGATGGCCTTTC
TATTATCTCTATGTGCTCTTTCAACTTCTTATAACAACAGCACCTCTGC
TGGAAGAACAGAGGCACTTGAGAAAGGAGAGAGAACTNTCTATTTGAAAT
ACAGTTATCATGTATAAAATAATTTTAAAAAATTAGGTTCAAGGGGCATA
TGTGCAGGTTTGTTAGGATTAACTGGGTCATAGGAGTCATTGAACCTT

>Sequence 852

CCGGGCAGGTACAGTTGTAGTTTATCTGCATAGATAATATCAACCAAGTT
AGACCCAATAAAGAGTAATATATAGAATGACTATTTAAATACTATAGGG
AAAAGTTGGATTTTTTTTTTTTTTAAAGCTAGATTACCCAAAGTTAAATTT
GGCCAAAGTGGATATCAATTCCTAGACTTGGGTTTTAACTTAAATGGATT
TATTTATGGCCTCTAAGACAATCATTTTATTCTCACTGCATTCATGAAAT
AATTCATAACACATTTCTCCAGAGTTGCTAATGCAATGCTCTTTCCCT
CAGTGGAGTCATCTGATTGTTTTAGCGCAGGCACTATCATCTCACCATCA
GAATATATAAGAAATGTTTGACCTTCAATTAAGTTGCAGAATAT

>Sequence 853

CCGGGCAGGTACGCGGAATTACATCACATCTATATGAAAAATCAATCTGT
TTTTTTAGTTGCTGAAGCACTTGAGACTCCAAAGTAAATCAAATCTTTA
CATCAATTTTCCAGGAAAAGAAAATGATAAAAAATCTTTGTCCTTGAGGTT
CCACTTGACAGGGTCAAAGCAATTCTTTCATTGCATTATACCATAACAC
AAATGAGAAAATGCAAAGATTTAGAATTGCTCTATTTACATATTAGCT
TCTTAGTTTGCTCTGCAGCTGAGCAAGTGTTATTAGGCACAAGAAATTT
TATTGAATTTTAACTGGTCTCGAGAATTTTCGTGATGGATGGTTTACTC
AATTTAAACAGATCATCTGGTGAAATTGCTTTCAGGTTAAAAGGAA

>Sequence 854

AGGTACGCGGGGTAAGTTTCTGATGGTATATCAGTTAGAAATAATATTTA
GCTATTTGTAATAAAAAGCTGAAAACAGTAGCTTGAATCAATGGAAGACT
TTATCTTCTCCTGATACAGCTGACAATAATGTTGTTGCCTTTATGATAT
CAAAGCCCCAGTTCCCTTATCTTCTACTAAACCTGCCTTGGCAAATGCTT
GCTGCTTCATAGTCACATGATGGCTGACTTACTGTAACCTTCATGTAGAA
AGAAAGGAAGAGGTAAAGAGATAAAGGTACCTGCCCCGGGCGGTCGAGGTA
CAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAGCAAGG
AAGACAGCATGTCTATAGCATTGGGAGGTGGAAGGATAATATACAGTTGG
TGAGGTTAGAGGGGACCAAATTT

>Sequence 855

AGGTACATGGTGTTTCTTGTTGCCCCAGGAGAGAGCCTCCCAATCAACTCT
CCTGTTGATCATTTTCCCTTCTTCAGCACTAATCATGAAGCTGTCTCAA
AATGAGACCAAAACAAACAAACAAATCAGACTCAACCTAAAAGCCTTTT
TTGTTTGTGTTTGTGTTTTGAGACAGAGCCTCGCTGTTGTCGCCCA
GGCTGGAGTGCAAAGGTGTGATGATTTTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTC
CCAGGTTCCAGCAATTCTCTTGCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGAGATTAC
GGCCCCCTGCCACCACACGTGACTAATTTTTCTATTTTAGTAGAGATGG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTGAACTCCTGACCTTAGGTGAT
CCACCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTGCT

>Sequence 856

GGGGGGGGGGTGGTCGAGGCGGTTAGTCATACGGGCTAAAGTTAGCGGCA
ACGCCCTGGCGGCCCGCCGGTCAGGTATCAAGATTTTTTATTGCGAATTT

Table 3

162/1077

AAGTCCATCAATACCTGGGGAAACACAAAAACCTGGTGCTGCTGGAAGGC
TGCTGCACTGAAAAGCTGCCACTCTATATGGTGTGGAGGATGTGGCCCA
GGGGACCTGCTCGGCTTTCTCTGGACCTGTCGGCGGGATGTGATGACTAT
GGATGGTCTTCTCTATGATCTCACAGAAAAACAAGTATATCACATCGGAA
AGCAGGTCCTTTTGGCGCTGGAATTCCTGCAGGAGAAGCATTGTTCAT
GGGGATGTGGCAGCCAGGAATATTCTGATGCAAAGTGATCTCACTGCTAA
GCTCTGTGGATTAGGCCTGGCTTATGAAGTTTACACCC

>Sequence 857

CCGGGCAGGTACGGTTGCTATTTATAGCCACTATCATAACATACTGCTGC
CTCTAACTCCTGGCCTCAAGCGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTCGGTAGC
TGGGACTATAAGCACATGCCATCACACCTGAATTAAGGACACTTTTGT
GTTAGTATTAATGCATTGGTTCAGCTGAGCAAATATTTAACAAAATTCTA
CTAAGCACCAAGGCTTTCTTTTCTAATATACAGGTATTAATAGTCATTAGC
CTGAGGCACATATAATACACAGACTATTTGAATGAATCAGACTGATGATA
CAAAGTATAATTGATGAGAGACATGTAGTCCAACCAGAAGATTGAGGACA
ATCATCCTGATGTAGATTTTCATTGACTTTAGTCTTGGA

>Sequence 858

AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAA AAATGGAGATTCCCCAACAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTCAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGG
TTGAGCACAGG

>Sequence 859

CCGGGCAGGTACCACATTTGTGAATTTATGCCACAGACTTATTTACGTAG
TGCACTAAAATTATAAATAGAGATAATGATTGCAGCATGGTTTAGAGTAG
TAAAGGACTGGAAACAATCTCCATGGCACTGATAAGGCAAGATGTAGGGA
GGAGAAATGGGGAGTGACTGCTCAGATACAGTGCCTCCTTTTGGGGTGA
TGAAAATGTTTTGGAACCTTGATAGAGGTGCTAGTTGCACAGCTTTGTGAG
TTTTCTACATGTCACCTAATTGCACACTGAAAAATGTAAATGTGGGCTG
GGGACAATGGCTCATGCCTGTAAGCCCAGCATTTTTGGAAAGCCAAGGTGG
GAGGATCTCTTGAGGCTAGCAGTTCAAGACCAGCCTGAGCAACATAGTGA
GACTGCATCTCTACAAAATTTAAACT

>Sequence 860

AGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCAACAGCT
GCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATTGCCATT
TGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAGATGATA
AAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCTTCAACT
TGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTGTTTGGC
AGCCAGACACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGATCTTTGC
AATGCAACAAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGATGACAG
AAAATTCATCCAACCTCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCCTTGGCA
ACAGG

>Sequence 861

AGGTACAACATTTTTACATCCAAGAAAATTTGAGGAGTTCTAGGGCAAA
TGTAAGAGATAACATTCCTTGCATACCTGAAGAGAAGAAATATGGACAG
ACTGAGAAAATGATTTTTAAAATGACAAAATAGGCTGGGCAGAGTAGCTC
ACACCTGTAATCCCAACACTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATTGCTTAA
GCTGAGAAGTTTGTGACTAGCCTGGGCAGCATAGCGAGATCCCATCTCTA
CAAAAAAAACCACAAAAATTAGCTGGGCATGGTAGTGCATGCCTGTAGT
CCCAGCTACTCTGGAGGCTAAGGTGAGAGGATCGCCTGAGCCTGGAAGGT
CAAGGCTGCAGTGAACCTGTGATCG

>Sequence 862

Table 3

163/1077

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCATTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAAGACTAATGGATATTTTT
TCTTCATAAGGCTTGGAATAATTATCAATTCACCATTAA

>Sequence 863

CCGGGCAGGTACACCCAAAGAAAATTAGGAAAACCTAAAAATAAGCCAGA
TAATATTCAGTGATAGGACACCTTTTGTTTTAACATTACCGTGTTAAACA
TCTATCCCTCTATTGTGGGTATATGTCCTTGCTCTCACACTACTCTGTGT
TTCTCGAGGTAAGACAGCTAGTATTTTATCCTGAATAGTGCCTACACTG
AGAATTTATAGAAAGGACAGCAAAATTATTTGAAACATGAAAAATGTTTT
AAAATGAAAATAGTAGTCCACCATAACAAGTTCTATCACAGTTAATATAA
ATTGAGCACCCCAATCTAAAAATTCAAATCCAGAATGTTCCAAAATCTG
CAGTTTTTGGAGCAGTGACATAACGCCATGAGCAGAAGATTCCACACTTG
ATCTCATATGACAAGTCAC

>Sequence 864

AGGTACAGTATGCCTTAAATGTATAGGACCACTGAGTTCAGGAAGAAAAG
CATAGGTATTCTGTAGGTGAATTACACTAACAAAATCACAACTGCAGAAT
GTGATCTGATACTTTTGTGGACAGTAAAGCTAATACATTTTATATACAC
AGTCATACCTTTTTTTTTTGTAAATGTGTTTCGTTAACGTAAGCACACAGTC
ATCACAGACTGAGACAGGACTTTGTTAGACCAGATCTTGTGAGCTAAATA
TTAAGAGCTTAACATATATAAATGATTTTAATTGGTATTGGGCGAAGGA
AACCTAAAAATGCTTAAATTGACAGATCTTACAATTTGCTTACTGAAAAT
TCAGAAAGCTTTTATGAAAACCTTGTATTTT

>Sequence 865

AGGTACAGTATGCCTTAAATGTATAGGACCACTGAGTTCAGGAAGAAAAG
CATAGGTATTCTGTAGGTGAATTACACTAACAAAATCACAACTGCAGAAT
GTGATCTGATACTTTTGTGGACAGTAAAGCTAATACATTTTATATACAC
AGTCATACCTTTTTTTTTTGTAAATGTGTTTCGTTAACGTAAGCACACAGTC
ATCACAGACTGAGACAGGACTTTGTTAGACCAGATCTTGTGAGCTAAATA
TTAAGAGCTTAACATATATAAATGATTTTAATTGGTATTGGGCGAAGGA
AACCTAAAAATGCTTAAATTGACAGATCTTACAATTTGCTTACTGAAAAT
TTCAGAAAGCTTTTATGAAAACCTTGTATTTTAAATATTTTTTGCTC

>Sequence 866

AGGTACAAGCAGTGTTCTGAGTAGTGAGACAAGACCTCTCTACTAAGGTC
ATCCTTTCAATAGAGCCCCTGCAGGGAATGAGGGGGTGAGCCACACGTGT
ATCTGGGGTAGGCTTGGGGTGTGGTGATTGTGCAACAACAGTCCAGGCAA
AATGAACAGCAAGGGGACAAGACTGGTGGACCCTCACTGGGCCATTGGTG
GAACAGCAAGGAAGCTAGTGTGGCTGGGATGGACTGATGAGGAGTGTGGT
AGAAATGAAGTCAAAGAGGCAGGATTTAATCCCTGATTTCCCAAGAGAGA
AGCAAAGACACAGGTGTTAATTTCAATCAGTCCTGGAACCCAGACTCAAA
CCCAGGTCTCCTGGTTCTTCATGCACAGACTTGTTCTCTGATGTCTCAGTC

>Sequence 867

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAATAATAATACCCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCCACAATCACAGTAAATTCCTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTTTGGGAGCTGGACAATAAACAACTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCAATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGTAAATCAGAAGCA

>Sequence 868

CCGGGCAGGTACGACCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA

Table 3

164/1077

GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTGTATTTTGTAGAGATGGGGTTTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATCTATTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTAAATA
CAATAATTCTGTTATTGATAAAATT

>Sequence 869

CCGGCCAGGTACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCC
TGGATTCTGCAGTTGTGGGGTCTGCCTGGTGCTGAGTTTTACTGTGGTGG
ACTCAGTGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTTC
CTGCCAAGTGGAGAGTATGTCTTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGAA
AACAGGTGATTTGGATAATGTTAACTGTCTTCCTATCCTCTTCAACGT
ATCTTTTATTATTATTGGGGCTACAACCATACTGTGATCTTTCATCTG
GTTTTCTTAAATGTAGTAAAGATATTGTGTGCCTTGGACCATGTCTGGTG
GGCTTATGCCTGGAATCTTATTTTGGGAGGGCATGGTCTGAG

>Sequence 870

CCGGGCAGGTACGCGGGTATACGCGCACATATACGCACACACACGCAC
ATACCCCTCAAGAAGCAATTAACCGTTGATATGTAATCTTCCAATTAA
GTAGCTTGATGCCATCTTAACTGTAAATTGAGGAAAATAACATTTGTG
GCTGTAATAGATGATTTATGTAGGGCTCTAGGGCAGTCGGAGTCTACATT
TTAGCCAGCCTTGTAACCTTGTTATGGAATTCATAGTTGAACCTATAGA
GAGCTGAACCCCTCTAAGGTCTTTGAGCAGCTAAGTGGCAGCTCATCTTG
TAATTTTAAAGTTAAACAAGGATGTGTGATGTGTGCACATGCATCTCTCT
CCTTTAGAGACGTTATTCACGTTGATGGGCTTTACTGAAAATCAGCGAG
GCCGTAACCGCTTACCCTTGTCACACGTGGTGGGT

>Sequence 871

AGGTACTTTAAAATAATAGACCTTACAAAGTTTTCTAGACAGACTTCCTG
TGAAGAACAAGGAGCAGGGGGAAGGGGAAGGGGTAGAATTTACCAATCT
GAATATTTTCAGCAAGGGAGAATGCATGAGTTTTACTATAAAACCACTG
AACATTGCAACAATACTAAATTCATACATATATAATAATCACTGAGCTA
TAAGGTTGCTGATGTATTTGTTCTTGAAAGTGAATTAGAGTTACTTTATG
CAGAATCAGCTAGTTTTTATGTTTCATAATTGCTTTCCCTTTTTTGAAC
TTTTTTTAAAGTCTAAAAGTAGGGGGAACCAAGCCCGCTTGGTGGTGA
ATTTGGGAAAAAATCTTGAAATCCGGCTTGCAAATGCTTATTGCC

>Sequence 872

CCGGGCAGGTACTATGTGCCACTCTTTTCATAGTCAACTAAAAAAGCA
GCTTCAATTCTAGCTAGTTTTCTTTTCTTTTCAAATAGAAAAAAGAAAG
GCCAGAAGTCAGCAGTTTCTCTTCCCCTGAGTCCCTGTCCTCATATAAAG
ATATTTTCCAAGCCCCCTTCTGAAAACCTTCTGCTGAAATATCTATCAGAC
AAAAACATATTGCATAAGTCAGACTTAATAGCAAAGGAAGCTGAAACACA
ACTTTTTTATCTAAGCACTTTACTACTACAGCAAAAATTCAGAATTCTAG
TAGGTAAGAAAAAAGGAATGGGTAGGATAGGATCTTTATTAGCAACCAAAA
AAGCCTAGATCATTAAAGGGAGAGAAAGAGCTTAGGAATCTAAAGCAAG
ATTTTTTCTAATGTCCAAACACCAGGGGCAGGATAAATCACCTTACCTTT
ACCAGAACCATCCCCATATTTT

>Sequence 873

CCGGCAGGTACAGGAATTTGTTTAAACCTGAGAATAATACATCAGATGT
TCTTAGATATGTTTTTATATCATTTATTGTAGTTTTAGAAAGCTGTAAATC
TTCCATTACTGGTTTCTGCGTTATTAGAAAGCTATAGGGAATTTGGGTGG
AGAGGACATCTACCTCCGCCACCAAGTGTAAGAAAGCTGTGAGGGAATT
TGAATTTATGTAATTTCAAAGGAGACATTCACTTTCAGAGAATAACTCAT
TAGGCTCGAAATTTAATAGTTTCAGCTACTGAAGAGGCTGAGGTAGAAGG
ATTGATTGAGCCCAAAGGGTGACAGTCAGGTATGATGAGGCCACTGCTCT
CCAGCCTGGGTAAGAGAGCAAGACTCTGTCTCAAACAAACAAACAAACAA
ACAAAAAAGAAAGTCTATATATCTTTTAACTGTTATTTATTTATCTATNT

Table 3

165/1077

ATAAGCCTGCAGTGGTTTCTGGTGTGCATAAGAAAATGAACATTAGCCTA
TGGAAGGCGGAAATCAATAGTCTTGATTTTGGAGACCACCAAGCTGATCT
CCTGAACTGCAAAGATAGCATCATTTCAAATGCCAATGTTAAGGAATCTG
GGATGTTTTTGAGAAGTTTCAGTATGTTGGTTTTAATTTACTATTTTCTC
CATCATACTCCTTCAAATGAATAATCCAAATGTAACCTAACAGATTTTT
AGTCTTTGAAAACATCTGNTTTATGTTGGCTAATAAAAAGGAACAGGTTA
TTGGAAACCAAATACTGGGTCTAAATCCTATTTCTAGCACTAATTTTCT
TTGGCCTTAAAGGATGCGGGTATACTGTTTTGCTTATTGAGAATAGTTGG
CAGTTCCATAACCTTTTGAA

>Sequence 874

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGTTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTCATCCAACCTCTGAACCATGTGATGA

>Sequence 875

AGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACTGAGTGC
CTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTGAGAAG
AGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAATTGCCGGTAAATATGTAA
AAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAACTGAT
ACAAAAGTGTTCCACTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCCAGATTC
CCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGTTTAGCC
AGAAATCAACANCCCTGGGTATTGGGAGCTTGAGGGGTGGAATNNTTCCA
AATTCCTGCAAATGTTTATTGGCTTACAGCCCT

>Sequence 876

AGGTACAGATTTGCTACATCATATAGCATTTTTTTAGACCATAATTTAGAT
CTTCCATCCTCCAATAAGATTTACCTTTTTATATGAAGCTTTAATTAC
TTTCCGCAACACTTTTGTCAAATCTGAAGTCTTTTAAGAACCCAAGATG
GTTTTGGATGTTAATTTAATGTTCAAGGATTTTGGAGGTGAGGGGCTA
GAAACACTGACTCCTGCCCTGACTCCCGCCCTGACTCCCGCATTTATT
TTCATAAATGAAAATAGTAAAATAAATTCATTAAGGGTATTATGTGGAGA
ATAGAAACAAGAGTAAAGGACTGAGAGTATATTAGAGAAAACTATCATAA
TTTTGGCAAGAGATAATGGACATCGAAGCTTGAGTGAAAATAACTGCTAG
AGAA

>Sequence 877

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGAGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGCAGCCTCTGACTTTATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATTGTCTAGGGGATTAATAATCATAGA

>Sequence 878

GCCGAGGTCCCACTATTTTAACATCCAAAAAATTTGAGGAGTTCTAGGG
CAAATGTAAAGAGATAACATTCCTTGATACCTGAAGAGAAGAAATATGG
ACAGACTGAGAAAATGATTTTTAAATGACAAAATAGGCTGGGCAGAGTA
GCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCAGATTGC
TTAAGCTGAGAAGTTTGTGACTAGCCTGGGCAGCATAGCGAGATCCCATC
TCTACAAAAAAAACCACAAAAATTAGCTGGGCATGGTAGTGATGCCTGT
AGTCCCAGCTACTCTGGAGGCTAAGGTGAGAGGATCGCTTGAGCCTGGAA
GGTCAAGGCTGCAGTGAACCTGTGATCGTGCAACTGCACTCCAGGCT

>Sequence 879

Table 3

166/1077

AGGTACAACCCAGAATATGTCCACAGGGGTTATGTGGGGCACAGTATA
TATAACAGGGGGATATGTGTGGTCCAGGAGGTGAGAGAAGCAGGGAGAGA
AGCAATTGTTGCATTCCTTTGCTTCTGCTGGGCGCTCTGTGATGCTATAT
ATAAAATAAGGTAAGTGTGCAGTTGAGTGGGTAGGGAGAAAAGTGAGGCA
TCTTAAGGCCTGGTGGAGGGTGACTGATTTTCATCCTGTCTTTGTTATGTA
TCTGAGAAGCAGGTTTATAACCAGTAACTGTCAGTGTTCAATATTTAACA
AACTCCAGTTACACAGGTAAGAGGTCAGCAGTAGCTTATAGGTCTCACTT
ATATTATCCACGTGCCCAACTGCAGCCA

>Sequence 880

CCGGGCAGGTACTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTCCGAGATGGAGTCTCG
CTCTGTCGCCCAGCTGGAGTGCCTGGTGAATCTTGGCTCACTGCAATC
TCTGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTTTCTGCCTTAGCCTCTCGAGTAGCT
GGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCAGCTTATTTTTGTATTTTAGT
AGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCT
CATGATCCGCCCCCTCTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAG
CCACCACGCCTGGCCCTCTGGTTATTCTCTTTAAAGAGGAGAGAAAACCTT
TGAGAGGCCAAATATTTAAATAAATCTTTACCTTAGCCCCAGGGAAAA
AAAGGAATTTGCCTAAAATAGGGGAG

>Sequence 881

CCGGGCAGGTACTTTATAGTTTAGGCTGGACATTGGAAAAAAAAAAAAAGCC
AGAACAACATGTAATAGATAATATGATTGGCTGCACACTTCCAGACTGAT
GAATGATGAATGTGATGGACTATTGTATGGAGCACATTTTTCAGCTAAGG
AGGGGGAAAAATACGTCATCATTTTTTGGCCCAGCAGTTGTTTTGATTAC
TAAATCATCAATGGCCAGGAATTACCTCAGCTAATACCTTTATTTAGCTT
CTTTGAAGAAGGTCATAAAGTCCCGGTGGGCAAATTTATTTTCCCTGGGC
AGATTTTTTAATTTGGGACCCCCCTTAATGTTGAAGAAGCCATGCGGGCG
TAACCCCAATCTTGGGGGTTTTGTTGGGAGATTAAACACCCGGTATACTT
AGTTGGTATCCATGCTTATGGGGCATTATAACTTCACTTTGATTAAACCT
TTCTATTTACTATTCTAAAATTCTGTCATATACCTCTTTTTCTATCC

>Sequence 882

CCGGGCAGGTACACTCTAAAAGCCAAAAACAGCATGAGCTGAGGCAATAC
AGAGCATAAGCTGGTATCACCATGCATCCTGGAAATAAAACCTGTGCTA
CCTACTATCTTGGGAATTTCACTGAGAGTATAGCACATTCTAAATGAAAA
AAAGAAACGAAAAGGAATGGTTATAAATTGTTTAAATGTGTAAACAAACA
CAATAGATGTAAGTTACAAAAATGTTTCAAGTAACAGAATGCACTGATAA
CATTTAAATTAATATAAAGAAAAAGCAGATCTACTTCCAACAAATACATG
GATACATCTTTGTTTCATACAGCAGATGCAGAAATGTAGCTTCTATTTTA
AAAAGTCTGAATGTCCATAAACTGTTCCCAAGATTTGTCTTTAACTTATA
TATTAAGGAAAAATTTCTTCTTGCATATTCAGAAAAGGTAAAGGTTAT
TATATNTAGAGAGAGGGGGAGAGAGAAAAAGAGTGAGAAATGGCAGAAAT
GCAAGAGAGAGCCAAAATTCAGAAAACAAAAGACTGAGTTATACCATAT
TCCAAACTGCTTTGGAGAAGCATCACTGAGCAGTGCACTCACCCAACCG
GCATTTCGNCAGCCATNCAAATTATATGCATTTCATAAGACACACCGACGTA
CTTTGACCATATGCACCAATTCTACTAAAACACAGTTGCATATATGAGCT
ATGAAGAACATTAGGACGAGTGAGAAACCATGTCTTGTGGTCAATGAGG
AAGCACAAAGTTATATATTTCTAATAAGGAAGCCCGGAGGTATACTGGAA
AATGGGGTTGCTGGCCAAGTGCCGTGGATATAAGGGAACGCATACCTCTG
CGGCCCGGGCGGA

>Sequence 883

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGGATTAT

Table 3

167/1077

ATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACA
GGCACTATA

>Sequence 884

AGGTACAAAGGAGCATATCATTAAAAATAAAATAAAATATCACAGGG
AGAGAAAGCATACGCGCTCACCTGAGTCTTTTCTTTGTTTTTCAGGTTCCCT
CATTCCACATTTCAGTATTAGCCAGTATACCCAGACCTCCGTCTTCTATGT
CTACAATCCTTATTTCTACATCTAACTGTAGAATTCTTGACCTGTTTTGT
CAAGCTGCCTACTGATAGTCTCTATCAGGATAATAACCTGTCTCAATCCC
ACACTGGAGACAAAATAAAATTATCTTCTCTACTCCAAACCAATTCTTTTT
TGTGGTCCCAATCTCAATTTATCTTCTCAATACCCAAAAAAGAAGCCAT
GAGATTGCCTTGACCACAGCTCCTCCCTTACCAGTATATGTAGCCTGTTA
CTAAAGCCTGTTAATTCTACTGCAT

>Sequence 885

CCGGGCCCGGTGCTCAGCTAAGAAGAGGATTGCTTCGGGCATATGAAGCAG
AATGACGAGTTCAGTCTTGCTCAGTAGTTGGAGCACAGTTTTCAAAGCCC
ATCAACACTTTGGAATGGATTTGTTGTTTTATTTATGCCATCAAGGGAGA
GTTGATATTTGTGTATTGCTAAAACTACTAAAGTATGTCTATGCTTACG
TAGGAACATACAAACCATATATCCTCTGGGATCTGGCCAGGTTTCTGTAT
AAGGCTTGACCTACGTAAGATCCTATGATGAAGACCAGAAAACTTTTTT
AAAAGGCGGTAAAGTAAAATTAATACACGAGTTTGTTACATTTGTCCC
ATAGGTTCTAGTGCAAAAATGCAGGGTGATGAAAGCAAACATTTGAAC
TATTGAAGTGAGAGG

>Sequence 886

CCGGGCAGGTACCATGGACAATACCATCAGAGTTTCCAAAAGGCTGGTTC
TCACTCTTCTCCTGCCACATGCTTTCCCTCACACCCCTGGTGTGGAATAA
ATGTTAAGGAAAGCTAAGACACAGTTGGGAGGAGGGGACACAGGCCTTTC
CACTCAAGCGCAAAATACTTGCAAAATGCCTGGGTGCCAACAAAGGAATTT
GGCAGAGAACCTGTATCAGCGGCAGCGGCATCAAAAAAGAATGTCTAC
CTTACAAGGTGAAAGAAATGGGGGGTCCAAAGATGGTTTTGGGTGGGAAA
TCTGGCACATTAGACACGGAATAGCCTGTGGCTGAGATTCATATTATACA
ACATCCTAATAAAAAAATTCAAATCAACCAAATTTAAGAG

>Sequence 887

GCNCGGGGATTTCGACTCTATACGCATATCGGGCGAATAGTAGCTGCAACA
GTGCTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGG
AGTGACAAGGTTTCACCATGTTGTCCAGGCTAGTCTCAAACCTCTGACCT
CAAGTGATCCTCCTACCTCAGCCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCATG
AGCCACCACGCTAGCCCTAGTTCAACCATTTTAATTCCTGTATAGTATT
CCATTGTTTGAATATATTGCAAGTTTATTCAATTCTCATTAGTCTGTTTC
TAAATTTTGTTACAAACAATTATGTAATTAATATTCTTATACACACCTCC
TATTCATAAGAGTTTCTTTAATGATATGCTCCTATCAAGCTGTGGGGAAT
ACACAGCTTTATGAGATGGTAGCACATTGTTCTCCAAAGTAGTTAAACA
ATTTAC

>Sequence 888

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA
GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTAGATGTGTGTCCTGAAACTTAATGG
CAGGGGAGTGAGAATAATTTGAAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGG
CTGATGATTAGAAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCACTCAA
AATTCATACTAATTTTAATGTTATGGTATTCTAAACTACTAGATGGGTAA
GGGGGAAGTTATAGGATTCTGAACAATACCATTAAGAATTAGGATAGGAT
TTTCTACTGTGGTGTACAGAAGAATCAGAGCTAGCAAATTCATAAAAAG
AAAATTTGATTCCCAAG

>Sequence 889

CCGGGCAGGTACTGGGAACCTCTGGCAGGATCCTTGATGTCCTCTTAATCT
CTTTTAATTTTCATAATACTGTGATGCAGGTATCATTATCCCCCTCTCC
ACTACCTTGTTTTATCCAGAGGGGAAGTAAAGCTCAGAGAGGCTAAGACA

Table 3

168/1077

CTTTCTCCAGGTGACAGACTCTGGAAGGGGCAAGGTTAGGATTGATTGT
CTGTCAGATTCCATTATGCTGTGTGCCTCAAATGCCTGGTGATCCTATAC
GCTACCATGGGCACTATGTGGGGCAGTGCCACTAAGCTCTGCTGTGACCT
CTAGGGTACCTCTAAAGTTTTATCAGCCACTTGTCAAATGCTTTAGGTGA
GGCTGATCTATCTATCCTAGTTCTCGTGATAAAAACCGCCCCCGGGTTG
CATG

>Sequence 890

AGGTACTTGTCCTTCAATTTTGGGAAATGCTATTATTTGATAATTTCTCT
TTTTGTATTTTCTTTGTTTCTCTAGATTCTTAGTTTTCAATTTTGTCTTT
CAAACCTTGTATTTAATTTTTATTTCTGCTTTCATATGTATATATAATTT
GTCATCTGAAATGTTCTTTTTTTCATAACCTTACTTATATTTTCATGGATGC
AGTAGCTTACCTCTTGTGATAATAGTTTTAATTGACAAATAAAAAATTGT
GTATATTGGCTGGGCTTGGTGGCTCACGCCTGTAATCGGAGCAACTTTGG
GCGAGCCAAGGCGAGGTGGATTGTCCTTGATCTCAGGAAGTTCAATGAAC
AGCCTTGGGCAACACAGTGAAAACCCCATTTACTTTACTTAAAATA

>Sequence 891

AGGTACCCAGACCTGCAAGAGTTGTCTCAAACAATAACAACAGTATACAA
ATGTTAACCCTAATCTTAATTCAGAACAGCTTAAATGTAATAAGGTAACCT
TGGAAACTATGGCGAGCTCTCAGGTAGAAGCTAGAAGCTCTGTTTCACGTG
ACAGAAGCAGACAGATTGTTAAGAATCTGTTATGAGTGGAGTCCCATGCC
AGGGCTTACCCTGGCCACCACTTACTAGCGGAAGCCTTGAGCAAATTCTG
CAGCCGTGTGAGCGTCACAGAGTGGTGATTGTAAAGATTATATAACATT
ATCTATGGTCAGTGTCTCCGCATCTAGCACCTAAAGAAAATCCAAATGC
CAACTGTTTTTGTGACAGGGACAAGCACTGGGTGC

>Sequence 892

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTTCATGTGTAGCTTCTTATCACAT
AGGGAGTCCAAACATCACTTCTCTGTGAGGGCTTCTCTCCAAAGCACT
GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACTGTCAACTCATACACAGGCAT
ACACATACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAATGACCATTTTCC
TTATTTATTGTTTATCATCTACCTCTCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
AAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCCTGTCTTATTCAT
GCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATATC
TGTTTAACAAATAAACTCTCTCTCT

>Sequence 893

AGGTACTGTGAGGCACTCTTTCCCCACTCTCCCACAACCCTCAGCTTAAC
ACAACCTGGTGATTGCTTTGTCCGTTTTCCCATGAGGACCCTGAGATT
CAACAAGGTTTCAGTAACCTCACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGGGTG
CAGGGAAGTGGCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCCTCTTGTCTTAATC
TCTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCTGATTTCTTCAGTGTTT
TATGCCATACAGTCTCCCTGAGTAGATGTTCTGTATAGGGGATATCACA
GCTTCCTGAGAGAACTGTGGTTAAGTCCAGCAGGATGCCTGGGCCTTAGT
GGCACTGGAGTAGTGGGGAGGTTCTTGATCCCCCATGCAGTTCCTTT

>Sequence 894

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCCTCCAGTTTTATTTATTTATTTATTTTGGCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTGTAGTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTTGCAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACGGGCAGATCACCTGAGGTGATCTGGTCAACATGGTGAAACCCT
GTCTCCAATAAAAATACAAAATTAGCCGGGGATGATGGCAGATGCCTGT

>Sequence 895

CCGGGCAGGTACCCAGTGTCTCATTTTCAGGCCCTCCTCATCTTTATTGGA
CCATTGCAGCAGTCTCCTAACTGGGCTTAATGCTCTAGTCTCTCCTTCCT
TCAGTGTGCCCTCTACACTGCAGCCAGTTTCAGGAACACTAATTGAGTCA
TCCCCCTGTTTAAATCATTTCAGTGACCAGGTGCTGTGGCTCACACCTGT

Table 3

169/1077

AACCCAGAACTTTGGGAGGCCGAGGAGGGCAAATCGCATGAGTCCAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGTCAACATGGCAAACCCCATCTCTACAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGCATGCATCTGTAGTCCCAGCCACTCAGGAGGCTGA
AATGGGAGGATCACTTGAGCTGAAGAGGG

>Sequence 896

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATTT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTTATGTAGAAAAATCTTCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTTGCCATCTCCTTTCTCCTCTTTCCTTTGTTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAAATTGTGTTTTTAAATTTGGGGAA
TTTTTGCCATGTCCTAAAAGTAGATCTTCTGAAGATATTCCTTACTTTTC
GGTGTATAAAACATATTTCTTGTTAAAATGGTTGGTAAAAGAGGCTTTTC
TATTTTATAATACCACCAGTTAGGACTTGTAATTTAAATTTGTTATTCTT
CCCTCTCTT

>Sequence 897

AGGTACAAATATCTATGAGAAGTCAGATTCAGTGGAAGTCTGTGATTAT
GGTTTTGTTTTTAAATGAAATTGAACATTTAAACTGCAAAACGTGGGGA
ATGAAAAAGCCATCTGTGAGGCACTATATCCACAAAAGAATCACCCANCT
TACCAAATAATCCCTGAATGTCANCCACTCTTCTTTCTATTTCATCATCCT
GGTGTTGTAAATGGAATACTCACAATAAAGCTGCCATTAGCAGAGTATCC
CTGTGATCTATCCTTACCAACCATGTTGATCTAAAGTTGGAGGTCAGTGT
GATTAGAAAACCAAGACACCACCCCTGCCACCAGGGTTGAAAGGGA
CTGAAAAGTAGATTTTTAACTGATGCAAAGCTTGNGCTCAGGCTCTGGAA
GTCCCCATGGTAGTGGGGCTCTGCCCTAGTCCCCCAACTCTTCTTTTCGA
GCTTCACAGGATTTTAAATGTCATTTGCCCTCTCTTTATGACTTTGGTGAG
CAAAAGACTTTATACAATTTACACTGTTTCATCCCAGAGGGCAGTCAGTT
CAGGAACAAAAAGAAGATTAGAGATAATTCCAATACTCAATGGGTGGGAA
GGCCAGAACATAACAACCATGAATGAGGAAAGGTCACCCCATGAAACCA
AACTTGAATGGTCCGCAATGCCACTGTCCACATTCTTAAGAACCCCGGG
AAGGTAAAATGGCTCCTTCTACCTTTTTTTTTGCTGTGACCTAACTGTCCG
GCCGGCCGTTAGAACTAGTGGAACCCCGGCCGGAGGATATCAATTAAGC
TTTTTGAACCGGGACCCTCAGGGGGGGCCGGGACCCAATTTGGGTCTCTT
AGGGGGGTAATGGCGCCTTGGAATCA

>Sequence 898

CCGGGCAGGTACCAGCTTTTGCCTTCTCCTACTGTAAAGATGTTGTATG
GGTACTTAACCAGTTGGGGTTTAAATTTCTTGCTGTATAGTGGACTTA
GTGTCACATGCCTACCTCAGGATTTCTGTGACAATTAATATGATATTTT
AAGGCTTCTAACTTACTGGATCTAAATAAATTATTCCTGGAAAAAAAAG
TTTGCTGTGTAATAAAGCACCTAAACAGTAATGAAAAAGCAGGTATAGAA
CTTTAGGTGTTTGTACCCCTCCCTCCCCCAGTGGTGTGTGTAGGAAAAC
TTTGCTTCTTTTTGTAAATCTGATGTCTAATCTCTTCTGACTTTACGTTT
AATCAGTTGATTATTTTCATTCAGCAGATGTGATCGGTTTGCAGGGTTTT
CAGTCAAGTAGGATTGAGAAAACATG

>Sequence 899

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACTAGAGCGTGTGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCANNGCTC
TGCAAAGTGNNGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTNCCTTGGGCANAATG
TTTTCTATGTAGAATTTTAGACACTTTTCTGTGANCTTTCTCAAGGGTC
TTTTGGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAAT
CTCTTCTTGCCAGCTTGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGAC
TTGGCTTTGACTGANGTGGTGTAGCCTGTGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAA
TGCTTTCTGGTGGCATCATATGCTTCAGGAGTTGGATGAATTTCTTGAA
TCTTTAGGAAGTATGCCGCTCAAGATCGCTCGTATTTGTTGCATCGCAA
AGATATATGTAGTCTGGGTTACGCTATGCCGTCTCGAAAAGTGCCAGAGA
TGCCAGACGACATTTCCAAGTACTTGTTATAAATAGACCTATTGTCTTAC

Table 3

170/1077

GAGTTATTTTGTGCACACATTTCTTTAAGTCGTTTATCTATAACGCAAT
CTTTTATCGATCTAACGATTTAACAAATCCTATTTTATACGGGTACCAC
TCACTTGAACCTATCACTGCATCTGAACAATGTAGGANATATCTGCGAAT
GCGGTGATTCTGTAAACACATACAAAGTCTTAATAAGCTACTAATTAATCG
TAGTGCATGATACTACACTCTGATACTTAAATATTTAATAAACCTCACAT
ACACTACTCACATATACTGTAACACAAATGTTAATACGCTTTGTGTATA
GAATCGTAGGATCAGCGTATGCATATCT

>Sequence 900

CCGGGCAGGTACCCCTTATGATCTAGATAAACCAATTGTGTTCTTCTATAG
TTTTTCCAACCTATATTTGAATAGGTGAAGTTAATATGTTTAATCATAAAA
TGCTCTCAGATGCTTGCAAAAACAATTACTCCATCAGATAAGAACACATC
AAAAATTTGGAAAATTTAAAAAAGTCATTCCAGCTATATGCAAATAACT
TTTAGTATATGCATCTGAAAAGCTACCAAACGTAACAATGAAACTCTAAA
CTTGTAGTAGAAAAGGTAATGCACTGTGATCAGCTTTCACATCACTTCAG
AGTATATTCTAAAACCTTCTAGATTCTACATTATTTATAGAGTGAACCTCT
AAATTCAAACATTTCTCAAGAACAAAACGACTCCCATCCAATTATTTAAT
TAGGGAAGAAAAGAT

>Sequence 901

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGC ^TCCCTGTCACTGAGTAGCTGGGTGATCTGGGAAAAACA ^
ATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTTC
CAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAAT
TCACTATGCACAACTCTTTCCCTAAGTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAAA
ACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCACTAACCTCATCTATATCCACATCT
TTCCAGACCTCTTTCCTGTGAGGTTGAGAGGATTTTTCCTCTGCTTGCTC
TTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCGTA
CTTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNTTTGGTAAGACCACTCTGCCGCCCT
TTTCAAGATGTTCACTTTTGCACCATTACAGTAAATAGCCAGACATTGG
TCAATTAAAGGCACAACCACAAAACAGAATTCTAGGTGATCATTCAAAAC
GGAGATCTACATATGCAATCTTAGAAGTATGTCCAGGATATTATGGTAAA
AACCAAGTTGCAGAAAAAAGGCTGGCATTTTTTCATAAAAAATCATTGGA
GAGTGATATTTTATTGTCCTAGGAAAAAAGTACTCCCTGTTAATAGAAAT
GAGAAATATCTAACTGCGCCTGGTCTGATAAACTTTTCTTACAAAGT
ATCCTAAACCAATGGCGGCCTGCCATTATAAATAAAAAAGAACTTAGG

>Sequence 902

AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGGCTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTTATATTC
ATTNAACTGGCCCGGGGGCGGCCGGCCGGGCGGAGGGTCATGGGACTACAGG
CACGCC

>Sequence 903

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGAGTCTTCCTCTGT
CGCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACTGCTACCTCTGC
CTTCCGGGTTTCAAGTGATTCTTCTGCCCTTGGCCCTTCTTAATAGCTT
GGGAATTACAGGGCTTGCGCCCAACCATTCTCAGCTTCATTTTTTGTA
TTTGTAATTTAATTTTATTTTAAATTTTTTTTGGAGACAGAAGTTCTTAA
CTTCTGGACGCCCCACGCCTGGGAATTTCCAAGTGGTAAACCGAATTCT
CAAGCTTCACCTGGTAAACCCTTCCGGCCTTTCTTGGGTTTTACCCAAAT
TTTTTCTGCGCCCTTCAACCCTTTTTGGAAATTTGCTTGGGGATTTTAC
CAGGGCCTTAAATAACTTACCCACAACCCCGGGGTTAGGTTTTTTTGGA
TTTCTTTTATTTA

Table 3

171/1077

>Sequence 904

AGGTACATTTATTACAAAGGAGTGAATATTGATATATTATTAACATAATTT
TATAGTTTACTTTGTGTTATGTATTCTATGGACTTTAACATGTGTAATGA
CATGTATCCCCATTACCAGTATCATACAGGATAGTTTCACTTCCCTAAA
AATCTTTGATGTTCTACCCACTCCTTCCTCGTTCCTCTCCTCACTCCTC
CCTCCCTCCATCTTAAGCCCATGGCAACCCCTGATCTTTTACTGTCTCC
ATCGTTTTGCCTTTTCCAGAATGCCATGTAGTTGGAGTCATATAGTATGT
AGCCTTTTCAATTGACTTCTTTCACCTACCAGTGTGCATTTAAGGTTTCT
CCATGTCTTTTTGTAATTTGAGAAG

>Sequence 905

AGGTACTGCTTCAAAAGGCATGTATAACTAAGTCATATCAAACTAAAAT
GACAAATGGGTTATTTTCAACAGAACACTTTGAAAGGAAAAAGAAAACAA
ACAAGAACTTTAGGATATTCTTTTTGAAGGCAACTGCATGATGCTAGATT
GTGTCCACGGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATTTTAAAT
ACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATTTTTGAAT
TGTCATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAAATGACAGA
AGTAATCGCTTCCACATCACTTTTGTTTTCTATTTACATATACAAACAC
ATTTTCTCTTGTCACAATAGTATCTGAAACATTAAGAGGTGCTCATAAA
TATTTGA

>Sequence 906

CCGGGCAGGTACTTTTCTTCTTGGCCAAATTCTCCTCTTATGGGTATG
GAGATGACATGCTCTAAATGCTTTGGGAGCAAGCACTCATTAGAGAAGAC
TTTTGATGTATCCTTATCTTGTTAGTAGTTTAAGCTTGTGAGATCCTTAA
AGAATGACAGGCTTAGGACCATATCCCTAGACTTAAGAGGATTCTCATT
GACCATTTGTTCAAGTGTCCATCACTGAATCACTTACCAAATACAGTCGAC
ACTCTGTATCCACAGGTTCCACACCCATAGATTCAACCAAATGCTGATTG
GACATATTCAGGAAAAAAATGCATTAACACTGCAACAATAAAAAATAATA
CA

>Sequence 907

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTG

>Sequence 908

CCGGGCAGGTACACAAATCAAAGGAATACCATATTTAGCACCATAGGTGA
CTAATTAGGCAAATGAGCAAGTTTTAAGAGTCTGGCCCAATTTTTAAAGT
GTGTGTGTGTATCACAATCTCTCTAATGCTATATGTAGTCTAGGCAAT
CTGGCAACAGATTCTTAATATTGTTAGGAAAATGCAAGTATGATCCTGT
TATTGCTACTGCTTTCACCCAGAGGTAATGAGGAAAAGTCCAAGTTCCT
TAACATAGACTTCATAGGCCTGCATGATTTAGGACTGGTTATCACCACCA
CCTCAGAGAACTCCTGACCTTTAATCAAAATGTGCCTTGTGGTAACTA
CTTTAATTTAAGCCATGATTGCGATTTATAATTCCTATCTTGTGATTA
AT

>Sequence 909

AGGTACGCGGGGACAGAGAGAAGGTTAAGAGCAACAAGATGGGAGGCAGC
TGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAAACAGAGTTTTACTCTTGTT
GCCCAGGCTGGAGCGCAATGGTGCGATCTCGGCTCACCGCAATCTCTGCC
TCCTGAGTTCAAGCGAGGAGCAAGTGAGTAGCTGGGACAACAGCCCTACC
TGATGGACTGGACTTCTGCCTGGATTGGAGTTTGATCATGCCTCCATATG
GGTGTTTACCAGGCGTATGCATTGAACCTGAGTTTGTCTCTTCAATACAA
GGAAAATCTCTGCCGCTTAGTGATTTTCCAAGAAACATGAGCTTCTGCCT
TTCAATGAGGAAGATACTCAAAGTCATGTTTCG

Table 3

172/1077

>Sequence 910

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGATTTTATAGTAAGGACAGG
GTTTCACCATGTTGGCCAGGCTCGTCTTGAACCTCCTGACCTCATGATCCA
CCCGCCTCGGCCTCCCGAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACGCATG
CCAGGCCTGGCCAAGTTTCTGAAGGGCTGGCGGGCATCTCTGCTTCTTCC
CGACTTTACTGAAAATGTTTCCAACAATTCATCACTGAGCATGAAACTGG
CTAACTTTGGGAAAGCGACAGATTTCTTACTTTGAAGGGTGCCACTAAG
AGTCTCCTGTCCTAAGGATTTTAAATCAAGAATTATTTTATAAAATATA
TTTTTAACACATAAGGAGACAGATGATTGAATGTTTTTATTTGAGCA

>Sequence 911

CCGGGCAGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCGCCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATTGGATGGGATGATT
AGGTCTTTTTTACCCGTACAATAATTGCCTGATTGTTTGGGCCTCCTTTA
TTTTTTACATGAGTGCTAAATAGATAAAAAGCG

>Sequence 912

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTAATAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGGTCATTTTATAGATTTGAAGTCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGAAGTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATAGCCGAAAATGACAAGTGC
AAGTTGAGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGG
AGACATTTGACAATGATGGGGTGTTACTGGCATCTAG

>Sequence 913

AGGTTCTACTTATAGCTTATCTGTTTCCTAATGCATATAGAAGGCAAATA
AATGGACAAGCAGCATTTGAGCATGAGCGAAATACTCTGAGACTCACTAG
CCATGCTTCAATTTGGCAGCTTTGTAAGCATACAAATGTTTCATGGCTATGA
TTTTTCATATCCACACCTTCTAAGAAAATTTGTTTTATAGTGCTTTGAAA
AATAAAAATATTCTTAAACAAACCAACGAACCAACCTACAATTATCCA
GTGCCCTTTACCCATAGTTTGACAATCACTGTATCCAGGAAATCTATTTT
AATGGTTCTCAGTTGTGCAAAAGTGAAAGGTCATAATAGCAAGTTTAATT
TCAACAAGAGAAAAATATCATTTTATGATAACTAGGACTGCCCCACTGGG
AATAGGGATGTAGAACCAAAGTTGAAACAGCATTTCCCATCTTATAGTA

>Sequence 914

AGGTACCCCTTCACTAGACTAGAGAAGTGTACCCATCTATTTCAAGTGTAT
TCAATCACATATCATTATCAACACTCGAGGCCATTCTAGTAGTCAGTGCA
TGAAAGTCCTCACCATCATTGTNTTCATGCTTCTAAGTATCTTCAATCTA
TACAATTAATAAACATCCGCTCTCTAGTTGCTATTCTCATATGTACATAGCC
ATTTCGGTTTGGCAAAAGTTTGGGGTGGAACCAAAAATTTTTGTGTATA
TTATTAATAATTAGTCTCCTTGGTTCACCTCTACCTGTCCTCCTTTATATA
TTAACACACATGTTTTATCGAGGNTACCTAGTTGGTATCATTTTTTTATCA
ACAGTATTTTTATGTATAGCCCATATCATTCCACTAAGAAAATTATATTT
ATATTTTACGATTATTAATATCGAGGCGGCTCTATTTTAAACAGCAATAA
ATATTATACTCACAACCTATCCTTATTNTATTTCGGTTGTGTTTCAATCCA
ACAAAGAGGTTAAGAGATGGTGTGTTCTCTTTATAAAAATAANACTACCCC
AAGAGTCTCACTCTGTNTTTTTCTCTTCTGTAAAGTAAAGATGGGTTTCT
TCTATTTATAACGACCGTAGTACTCTTTTCTTTTATTGGTGGTGGTAAC
AATCCCTCTATTATACACCAATAATGTTGGCTCCTTTATGGTTTAAAGAG
ACCCATAAATCTTTGGCAAGAGATTCCCCTTTCTTTTATTAACGTG
AATAAGAGGAAACCTCTTGGGTTTTTAAAAACCAACACCTCATCTATAT

Table 3

173/1077

GGACATACTATATATAAGACGTACGGTTATGGTTTAATACATACTACAAA
CTCCTTG

>Sequence 915

AGGTACTGTTTTTACAGTCATTTTGGATTCTGCTGTCTTATACACCAAA
TAAGTAGTTAAAGTGACACAGTTCATAGAATAAAATGAATGAAAACACAG
ACATGGAAATGGAAGGAAAGTGCAGAGCTGCTTTCTAAATCAACCAAATT
AATTAATCCTGACCACAAATACTGAAATGCAGAGATGCAAAGTCCTTTT
TGAGTAGCCTGGATCAATTGTTTCCTAAGAGCAGATGGGCACTACTTTAG
CTGTGTTGTCTACAAAGAAATCCAGTTGGCGAGAAAATATTCATCCACA
GAACTATGATTCACAGGGTTAGTTCCTAGAGGTATCTGCCCCAAGGCCAC
CTGGGATGATTACCAGAGTCACTTTAAACCAAGATTCTAAGCCTAA

>Sequence 916

CCGGGCAGGTACTATATGGCTAACTTATTTGGGGAGCAAAGCTGACTTAC
CATAAGTCTATCTCAAATAGAAATGAAACACTCAATTTGTGAAATATGCT
GAGTTTTAATGCGTGTGGGGGCAGGGTGAATTAACATTTGTGATGCAAGG
AGAAGAGCAATCTATACTTACCACTGTCTATTTGACATTGGGGACTACTG
CTACACTCTAAGTCATTTTACCTTATAACGCAGAGTTGTAACACGCTACT
CTGAGCAGCTCATGACATCTGTTTGAAATTTAAGTTGGTGCCCTAATATG
GGTTTATTATAAAGATTTTGATGCTGCTTTTCAGAGATGGGTAACCTACT
TTACCCCCCTAAGCTAATGTTTCCCAAATACACCCAAACCCACAGAAAGG
AAAATATTTCTTATTAACCTACAGCCAACATTATAAAACATTTTATATC
TTGAAGCTGTGATACAGTCCAGTTTTTACCG

>Sequence 917

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACATAGAATATGAGCACAGCACACACATGA
GAGACGCAAGTGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTACGTGTCAAGCCCAA
CACAGTCTTAAGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCA
GGCCAATGGCGGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGG
ATATCATCACAGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATG
GGAAAGGATATTGGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAA
GGGGTGCCATCAGTGCAGCCCCCGCACCCACAGCAGCCACACCAATTTTG
GTGACACGAGGCAACGTAAGTACCTCGGCCGCTCTA

>Sequence 918

CCGGGCAGGTACCACTGCACTCCAGCCAGGGCGACAATGAGACTCCGTCT
CAAAAAAAAAAGATTATTAATTTAAAAATATTTTAAAGTGATCAGCTGTTAC
TCTACCCCAATCTCATTGGAGAATAAGATTCTACTGCGGTTCTAAGTCAT
TGTGTGCTGAGTAAAGTGGTTAACTAGTGATTGAAAGAATACAGGAGAG
AGGGTAGGAGTGAGTAACAGGTGGAGCCCCTGTTTCTTTATAGCAAA
AAAGTTAACATCTCTTTGTTTAGTTTAGAGAGCACTTAATTTTAGGATGG
GCTTTCCTGCTGGTGGGTTAAATGTGCTCATTACCCACCCTCCCTGAATTTT
GGAGGCCTAAGGGCTCTAAGTGTCTTTACCTTTTTTTCCTATTGTT

>Sequence 919

CCGGGCAGGTACTGGGACCTTCTTGGTCTCACTTACTGCTGCGTCCCATG
CACCTAGGCAAGTCTGGCACATTATAAACCATCAATAAACATTTGTTTAA
TGAACAAATGAAGGAAGAAACAGGAGGCACGGGGCACAGAAAGATGATAC
AACTGCCCCCTCTATTTAATCCAGTCCACTACCCTTACTCTGAATGCTTCA
CATCACATTGCTCGTCTTAATTGTTTTCAAACAACAAGTCCAGACGCCT
GCTCACAGGGGTCCTAGTGGGCTCCTGCTGTCCAGCCTTGCTCCACGTG
AAGATGCCCTCTTCACAGAGCAGTGGATCCCCCTCTCCTGGTTCCAGCTC
TAGGAGTCTCACCACAATCCCACCAGCAAAACCTCTATCTCCTGCCTCAA

>Sequence 920

AGGTACGCGGGGAAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCC
CTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTCTTTTTCACATCAATGCAGAGTCGCCTC
TGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGATTGCAGTTCCTTATGAAAAGG
AAAATTGGAGCCAGGTATTTTAATTTGGTTTTGGACATTTGCATTAAAAG
TAGGGTCCACTATTCAGGTCTAAACTGCTAAGAAAAATTTTATTTCTCA
AAAATTTAGTTTGGGCCTTTCTTTTTTCTTCTTGCTCAGAAGAGACCCA

Table 3

174/1077

TATCTTTAAGTGGCCAACTGGGGGGAAAATTCTTGGGCATCGCCAGTATG
GAATTTCAAACGTGTCGCTTCAACTGTATAAAATTTACCATTTGGGCCTAC
CATTTGGGATTTTTGTAATAATGAAGAAAAGGGATCCCCCTGTTATTTTT
TGGAAGCCTTGTTGGCTTATTGGAAAAAAATTCTTTTAACCCTCCTGATA
TTGTGGGTTCCAATTCCCCAAAAGAAAAAATCCCCTGGGTGAA

>Sequence 921

AGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCAACAGCT
GCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATTAGCCAT
TTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAGATGAT
AAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCTTCAAC
TTGTCACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTGTTTGG
CAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGATCTTTG
CAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGATGACA
GAAAATTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCCTTGGC
AACAGCCCTTGCAACCC

>Sequence 922

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGACACGGGGTTTCAC
CGTGTTAGTCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTGCGATCTGCCCCGCT
CGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGTGCCCAGCCC
CACCTCAATTTTATAATATAATTTTCTACACAGAGAACACAGAAAATAGT
TGTCTTTTGTTTACAATAGAGAATCAACGTTTTTTTTTTTACTACTTATAG
TTTAGAACTAAAGTTTCAGCTTCACAACTATTGGTGATGCTATGTAAATG
TCTCAAATTACTGAATTTGTGAAAACCTCTCATGTTTCTTTCACATGTGA
GTTACAAGAAGATTATTTTTAAAACTTGCAAAAAGTCAATCTTGGTTTC
TCGT

>Sequence 923

AGGTACGCGGGGAAACAGCTAAGATTTCTCCATAAAGAAAAGGAAAATTA
ACTCTAGTTGCAGAGTGTA AAAAAGTATTTCCAAAGATAGAAAATGTCAA
GCAAATATGTTTCTATTGTAGGTTCTGGGAAATATCTTGCTGTAGCATCC
CATGACAGCTTTATAGATATATACAATGTAATGAGTAGTAAACGAGTAGG
AATATGCAAAGGAGCTACCAATTACATAACCCATATTGATTGGGATATTA
GAGGTAAGA ACTTAATAACTTAATACTTGATAAAAGTTTCATTTGATT
AGTATAGCTATATTAGAGAAACGGAAAAGGGATTCAACAGATGATTTTAA
AAGAATTGGGAAAAACAACCCCTTATTCTCAAAATTATTTTTTACTATTTT
ACATCTGAAGATAAATC

>Sequence 924

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAAACATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTCAGTAT
TTGGGTATGGA ACTTGT TTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTCA
GACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATAA
GATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACACAAGTAA
GAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAGT
TTGAAGACACAATTGCATAAACTGTT

>Sequence 925

CCGGGCGGGTACTTTGGCTTTTGTCTCTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
CCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAAATGATGACAGTTTATGCAATTGGGTCTTCAA ACTTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTG
TGTTAAGCGCTGCAATATATGATATTTTAACTTTGAAAAATCTTATAAG
GTAAGG

>Sequence 926

AGGTACTTTATATTTTTGCATATAAACTTGCAGTATTTGTTCAAAAATTA

Table 3

175/1077

ATAGTTTTTGACATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTACAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAATTGTCAATTTTTCAATTN
TCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAGTAAAAATTG
AAAATAAACTTGTGCTTATATTTTGTGTTGCAACACACTAGTCAATTTAAC
CTGTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAA
AATTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAA
GAAGTTTTTAATGATATGCCAGCTTCCTAATTTGGAGACAAAAGCCTTA
ATTG

>Sequence 927

AGGTACATTCCAGCTTTGACCTACTTCCCAAGCTGTATTTGAATTGGCTT
TTATAGAGAGTTAACTGTTGGCAATATTTTGTCAATGTGAGCTTTGCTGC
TTAATCCTGATACTATTTATTCTTTAATGATGAATTCATAAAAAAATT
GAGTGCCAGACAGTGTGAGAACAATAGAAATGTGGCAGTGAACAAAGTC
CCTGCCTTCATGAGCTTACCTTCCAGTAAATATGAATAAAAAATCTTTCCC
TTACTTTACTTAGAAATNTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGAC
GGAGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTAGAGTGCACAATCTTGGCTTGCTGC
AACCTCCACCTCCCAGGTTTCATGCAGT

>Sequence 928

AGGTACTGGTTCATGTGTAACATACATCCCAAGCATCTACTGTGTG
CAGAATGTCTCGTATGTGAAAGACACTGTGGGCATATACTGTGGCTTAG
ATGGGCTTCTAACCCCTGAGAAGATAATATATCAGCAGAAAAAAGGAAC
ATGTATATGAAGTCCATCACACAACCTATCCAGAATTCCACAAGAAAAG
TATGGTCAAAGAGCTAGGAGGTGTTGAAGGAAAGATTACCTGCAGGAGAG
GCAATGCGAGATGATAGAAGATTCTGAGCTATAGAGCGAGGCGGACCCAG
ATGGGAATTTCAAGTTTTCTCGGGATGTGGGACCCCTAACCAAGCTTCTTA
TAC

>Sequence 929

AGGTACATCAACCCCTAACTTATTATAAAAGATCGTTAAACCTTTGAAAGG
TCAATGTATATACTGCTATCTATCACAGGCGGGCACCATTCAATTATGTCC
TGTCAGTGGCTCTCCACTGGCCAACCCCTCAAGGTGTCAAGGCCGAGGAC
GCTTCAAAAGGCCATTGTTGGGTAATGAAGGGGGCCCCAAAACCTTCACT
TCCCCCAAAAATATAGGTTTTTTTATTTTTTACCAATGCTCCAATTACTT
TATTTTGGCCCTTTGGCCCTTATTTTTTTCTTAACCTTTTTTGGGGTTTT
TACTTCTTTTACCCTTGGCGTTTTACCCCTTCTAAAATTTTTTGGAGAAA
AGGTTTCTTCTTCCAATTTTTTCCCCCTCCAATTGTATAATCTCAACCC
AAGAAAGTCAATTTTCTTTTCCAAATTTAATAACACCAAAAAGTTTTT
ATAAGTGGGCGACCAATTGGCCCCCTATTTAATGGGGGGTGGGGGGCTT
TTTAATTTTTCTTTTTTTAAGACCCCTTACCTTTACAAATTTGCCACCT
TTCTATGGCATTTTTTTGGTTAGGAAGAATTTTCTCCAATTTTTT

>Sequence 930

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACACAACAGTTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGGTTTA
ATTAGAAATTAATCCCAGTCTGTTTTTAAAAATATAATTTTCTATGACCCC
AAGGGCTTTACCAAAAAATGTTATTTAAAGAGGGGAAAGTGCCCCAGAAT
ATTTAAAGAATGCTTTTGAAAAATGGTTTGGCTTGATATGCCATCCTTTT
AAAAAATTCATTCAATTTAAACCAATCCTTTTCCAAAACCTAGTTCAAGA
TGACATTTGGGCTTTCAGTTACATTTTTAAATCCAAAAAATTTTTGATAA
AGGAAAGGTTAGGCCTAGGAAAATGCAAACCAAATATAGTGAATTGGAAC
AATTGGGCCTTTTTTGCAAACAAGCAAAAGAAAAAAGTCCAGGTGGA

>Sequence 931

AGGTACACTTCCATCCCACCAGCTTTGTTGCTGTTGAACCGCCCCCAAAT
TGTTGCGCACCATCCACAAGCTGAGCTGCTGCTACATCCTATTCTTGGG
GCCAAGCTGCAGTGGAGATGCTCCACCCACCCCTCCAAGTTGCTTTTGGC
CCTGCCCCGTGAAGGCTTGAGCTGAAATGGCACTCAGCCTCCTAAAGAAT
TGGCTCCTTGGCTGCTCAGGGCAGTCATGCACCCCATTCCTGAATGGAA

Table 3

176/1077

GCAGCACCTTGCCTCCAGGAAATCAGTGTGTCATGGCCAAACCCAATCAGTT
GCACATCTCAGGGATGAGATGACATGGTATTTTACATCTTAACTAAACAG
AGCACTGACTGAGCTGGGTCACCTCACCTACAGGTTGAATAATTGTAGT

>Sequence 932

AGGTACTCTGGCTTCTTCTGAAATCAGATTCCAGCTCCTAGTCACCATAA
AGTATGCCTGACCCTTACTTTATCATTGGAACTAGGTATTCCAGAGCAA
GAAATTCATGTATTCATTATTTATTATGCACTGTATCTGATTCCCTAAATT
ACTCCTTTTTTTTGCAAAAAAGGAAAAAAATTATTTTCCATCACATGTG
CACTCTCATAAACTGAGGTTATATTTTAAACACTGTATGTATTCAAGA
AAAATATATCATTTATAAACCTCATGTTTTATATTTTCATGAAATTCAG
GGTCCTGTGCTTGAACCTGACCAGGTGGGAAATACTGCTCTTATAAAAA
CTATGGGAATTTAAATTAACACAGTGAAGTGTTTCAGTTCTA

>Sequence 933

CCGGGCAGGTACATGCCTTAACTGGGAGTTCAAGCTAATTCTTGATTTCT
TTCTCAAAAGACGATTTAAATATAAGGCAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTCCG
ATACTGTAACCTAACCTAAGTGTGAGTATATAGAAATGAGTATGTTTTA
TGAGTTAACAATGAATCATAGAAGGCAATTTATGAAGAACTAGAATGATT
CTGTCTAGCTGCCTTCAGGGATCAGAAATTCAAATTAACTTCTGGCAGA
CATTTAAAGAATGCTAGCATACAAAACCTGAATTTAAAAAAACGCACACAG
TTAAACACTCCTCAGTGGAGTTTCAAGAGGAAATCATGAATTAAAAAACA
CACGGCATGATACACTGTTGACTGATACCAACTGGGTGTGGTCGATCCCA
GGTGCACCCAAACCTGCGGGAATGGCAGAAATACAGCTGTGC

>Sequence 934

CCGGGCAGGTACAGTGGCATGACCATAACTTGCTGCAGCCTTGAACCTCA
GGATTCGAGTGATCCTCCCACCTGAGCCTCCAAGTCGCTGGGATTACAGA
CCTGTGTACCACTGCTCAGCTATTTACATCTTTTGATGTGATGTGACAC
AAAGTATACAACATCACCTATGGGTGTCCATGCCAAAAACGGGAAATGTT
TAACAGTGAGTTATTATATGTAACATCCAGCTTACAGGAATGATAGGAAG
AGAGGAACTAGTGAATGATGCCACAAGGAAGCACACAGATAAATCCAGA
AAGTTAGAAATTCTGTAGGACAAATGGCCTGGTCTCTTCAACAACCTGTTG
CTGATAATATGACAAAAAAGAGAGTAAGAAGAGCATGAGGCATGG

>Sequence 935

CCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTC
CCGGGTTCAAGTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTAC
AGGCGCGTGCCACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAGAGATGG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACTCCTGACCTCATGTGGT
CCACCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCG
CGCTCAGCCTACAAGCAATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAA
ATTCTCTGTTTAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTT
TTTTTAAATACAATAATT

>Sequence 936

GCCGAGGTCCCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAG
AGGCAGCACAGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCT
TGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTTG
AGACTTAGGCTTCACATCTGTAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTC
ATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTGCGATGCCTTCCCCAGTGGG
GCCTTATTAGGTATCCCTGCTGGATACCCCTGCCAAGCTCTTACACATTCC
CTCTGCCATAACACCCATTCTTTG

>Sequence 937

AGGTACATCTGAACCTTTAGAAATTTACATTTGAGTAAACCTCAAACCTCCA
AAATGTATCCCTCCTCCCCAAAAAGGGACATTTTACTGAAATAAAATCTG
TTGCTGGTTGCTTCTGGTATGTTATGTCAAAGTTGTTAACCGGATACAGC
AAAGGCAGCTGCATTGTATTCAGAATTAGTTTGAGGTAGATTTTATTGT
TATAAAGCAAGACGCAATTGAAGCCACACTCTGGGAAAATAGCAGTAACA
CAAAACATAGTAATTTAGGCAGAATTACTTAGCCACAGATGTCCAGAGAG

Table 3

177/1077

GTATAGGAAAAGGTCCATATGCACTTTTTGTANGCAAACAAGTCAAGGTT
AAATAAAAGCCCTATTTTGAGTCTTAAGCTGGATGTCAAGAAATTGCCTC
ACAGGTGAAACAGGTCCAACCACAGAAGAGGCTCTGTTGTTACTTGAGTC
ACTAAACCATTTGGATGGAAGCCAGTGCAGCCTTCTCCTCTTTATGTCAA
GTTTCCATCTGTGAGAAATATGGCCTATTATGCCTGGTGACATAACAGGA
TCACTGTTGAGTCAGGTGTGAGTTTAGGCTTATGCACAAAATATTGGGAA
ACACTCTTCACCTGACCGAATTTCAATACCAATGGAAAATGCTGCCCTG
GCTGCCGGATATTCTAAGCCAACCTGTCCTGTCAATCTGACGTCATAACC
GACTAACATCCCCGGTTATGTTCAACTTAGTAGAATAAGAGTTGCGACTG
ACAGACATCTATGGAGTACTGCGGTTGATAGAAAATCTTGAAATGAGTAA
ATACTACATTGACATGTCCTATCTTCTATGTCAAAGGGGTAAACATAAG
AATGTATGT

>Sequence 938

AGGTACAGTGGCGCCATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCCAGGTTT
AAGCGATTCTCGTGCCTTAGCCTCTCAAGTAGCTGGGATTACAGGCGCCT
GCCACCACGCCAGCTAATTTTGTATTTTAGTAGAGACGGGGTTTCACC
ATGTTGGCCAGGTGATCTTGAACCTCTGACCTCAAGTGATCCACCCGCC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACTGCACCCGGCC
TTCAGTGAAAATCTTTACATGTCCAATAATGTGTTAAATGTGGGATACA
ATTGTGAGCAAAATGGATGGTTCCTGCCCTCTTAATACTCATTCTGATGG
ACATTTATCACAAGATAGGGAATTATAAATCGCAATCATGGCTTAAATGA
AAAG

>Sequence 939

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTGCAGTTTTATTTATTTATTTTGGCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATCCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCAGATCACCTGAGGTGATCTGGTCAACATGGTGAAACCCT
GTCTCCAATAAAAATACA

>Sequence 940

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTACTGCATT
GCAAACCTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATTCCTACACCTTCCCCAGC
CCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAAC
CTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACCTTTCTCTGTTT
CCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAACGAC
CCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTTA
AGTGCTGTTA

>Sequence 941

CCGGGCAGGTACCTTTGAGACCAGATGCTGCTTATCCAACAGCCCTTATC
TCCTTTCTTGCTAGTAGACATGACTGAACTTTCTAGTCTACACGACTCAA
AGGATAATTCATTAATCTAAGCCACTCCTGATGGATGATCTTACTTGCTT
TGCCAATGACAGGAGTGAGATGACCCATTTCTAGCAAAGCCATGAGGCCG
TATCTGCTGGAGCTTCCAGGGGAAGACTTCCTTGCTTTAGAAGGACACAG
AAAAATCTGTCTCTCTTTTGCCAGACACGGTTCTGTGACGATTTCTTCC
CAGAATTACAGTAGCCATATTGGGACCATGAGGCGAACTGGCGTGAGGAT
AAACATGGAGGATGGCAGAGCAAAAAAATTTCAAGAACTGAGTCTTTGG
TGTTAT

>Sequence 942

CCGGGCAGGTACTTCCCCACCGCATCTGGAGTCTGTAATTACATGTATAT
TTGGCTGCTTGAAGTAGTCATACTCACTGATGCACTGTTATCTTTTT
TAGTCATTTGATTCTCTTTGTTTTGGGTAGTTTCTACTGATCTTCATTC
ACTAGTTCTTTATCTTTCCCATGTTAAAATCTGTTACTCCTTATCCAGA
AATTATTACCTTTTTTATCCCTTAAAAAATTACAGTTTATTTTTCTCTT

Table 3

178/1077

ATTTGGAGAACGGGAGTTCTCAATTCCTGTTACCCCCAGTGCTTGGAAGT
TGGCAGATGTGCAATGGATACTTTAGGCATTGGGCTTGCAAACACTTCCG
GTTTTCTCCCATGGTTCCAAGGCCGATTTATTCCTTGCTCTTCAAGCCTC
TTTCAACAAGATAAGTCTGGTGGAATTAACCAGGGCCATGGCATTCAACCA
ATGGTCTGGGCTAAGGTATTTTAGTAATTTTTTAGGTTAGAAGAACCA
AGAAGCTTTCAACCCATTGTTTTGGCCCAGGGCTTGGGATCG

>Sequence 943

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTGTTTTTTTATTTTTCCTTTAGTGTGAGTG
TATATTTTCATGCTACCTAAGTTATTAATTTTTTTGTAAATATTAGTTATTT
TTCAAATACCTAAGAATTGCAAAACATTTCCCAGGCACAAAAGAAACATA
CAAACAAAACCTCAGCAGCCTTTTCAACTATGAACAAGAAAGAAAGAAAGA
AAGAAAGAAAGAAAGAAAGGGGACATGCATTCTTTCCTATTTACCCAGCT
CAGATTTCAAATTCAGCATGGGTATTTAGCATCTGTAGAGGATATGTATA
ATCAGGAGTAAAATGGTTCATCTCTCAGGCTTTGCTGATCATTTTTCCAG
GGAAAGGGGATAACTGCGAAATTCAAATGTTG

>Sequence 944

CCGGGCAGGTACAAAGCGCAAAATAGGCAATTTGGTTCAATATCTCCCAAC
TTAAACCCACTGCTTTTTTCAACAGAAATGTTTTTTACATCAAGTGTTGCC
TCTGTTCTCACTCTCCCTCCTTCTTGATCTTTTAATCTAACCCTGTCTTC
TTGACTTCTTTCTAGCCCCTGCCCATTTGCCATTGGTTTATAGGTCAAAT
TGCTTGAGTTAATGCATAGAAGATGCAACTATTTTCAGACCTCACTTTAA
ACAATGTGGTAAGTGTTAAGACAGAATAAAAGATAAACCAAAATATTGTA
GAAGATGATTCTAATGGCATATCCAGGAGCTAACCTGCTCTGCATTGATG
AGTTTAGCTATCATAATTCCAAAGGAACACTATGATTGAGAACAAC

>Sequence 945

CCGGGTAGGTACTTTGGCTTTTGTCTCTAGAACATCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGATTGATGCAATAAATCCTTATTGTACTTGCCTCTATTAC
TGCAATTGTAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTGCC
CCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTTCCTTCCAGAACTACTTTTCTC
TGTTTTCTCTTGTAATGATGACAAGTTAATGCAAGTGTGTCTTTCAAAC
TATAACCACCCAAAACAATAGCTAATACCAGTCAAAAATTTACTGGAATT
CTTTACTTGTGTTAAAGAGCTTGTTATTTTTTGATATTTTTTAATCTTTGG
TAAAAAACTTTTTAAGGTAAGGTTGCTTC

>Sequence 946

TTTCGTTCACTACTTAGCAATGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGCCCTTCG
GGTCCCATAGCCTAATCTGTGCCTGGCATCGCCTGTAGCAGGCATTAACA
GGACTTGCATACACCGTTAAAGATGACCTGAAACAGAACGAAGTGCATAC
TATATAACGCAATACCCCTAAAACGTTATCTCAAGGAAGCATGCCCATCG
CAAGGGACACACACTAAATGGCTCGCTATTTGACATACCTACACTAGACA
AATTGACATACTCACAAGCATAAGCCTCCCCACCTGGGCTGAAGAAACG
CGGGGCTGAGGGTCAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTTCAT
AACCAAATCATTTTCATATTTCTAACCCCTTCAAAACAAAGCTGTTGGAAT
ATTCTGATCTCTTACGGTT

>Sequence 947

CCGGGCAGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGA
AGAGGCAGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTGGGGCCAGGTTCC
CTTGGATATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTT
TGAGACTTAGGCTTCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAAGT
TGTCATAAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGC
TCATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTG
GGGCTTAGTTAGGTATCCCTGCTGGATACCCTGCCAAGCTCTTACACATT
CCCTCTGCCATAAACTCATTCTTTGTTACTGAATTATAATT

>Sequence 948

AGGTACCAATTTAACATTTAATCATCAAGGAGAACTGGATGACAAAGGCA
ATGCCAGGCATGAGTCGAGTGTGTCCCTTAACTTTCCAAATGGTATTAC

Table 3

179/1077

TTAGAGAAAAGGAATTTGTTTACTTTCAACAGATACTACATCTCAATTGT
CTTGACCTTCCTCAACACATTAATTGTAAAGTGATTAATGAAGTTTGAAT
GGAGGCTCTGCTTACACCAAAAGACAACCTATACACCTCTGCAATGTTT
ATTAACAGCTAACACTTCAAATTAGTTTGTGTTGCCACAGTAATTACCT
GATTCATGACTGCATGGAGGAAGCATTTTTATGAGATATTTTAGTGCT
TGGTCCTTGAGTGTCCATTTTGTGTTGTGACCAGCACAGGCCTTCTGGGA
ACAGTCTCAGCCCTTAAA

>Sequence 949

CCGGGCAGGACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCCT
GGATTCTGCAGTTGTGGGGTCTGCCTGGTGCTGAGTTTACTGTGGTGG
CTCAGTGTGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTCC
TGCCAAGTGGAGAGTATGTCTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGA
AGAGGTGATTTGGATAATGTAAACTGTCCTTCCTATCCTCTTCAACGTA
TCTTTTATTATTATTGTGCTACAACCAGACACTGTGATCTTTCATCTGGT
TTTCTTAGATGTTGTAAAGATATTGTGTGCATGGACCAGGTATGGTGGCT
CATGCCTGTAATCCCATTTTGGGAGGCCAC

>Sequence 950

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGCTAATAAAACAGTAGAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTGAGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGAAGAGCCTTGGGCAGA
GGTGAGACATCTGCAGGAGGGAAAGGAACTGAGAGAAGGGAAAGGTGTG
CAAAATTGTTGGCAGGAGGGAGTTTGTAGTTA

>Sequence 951

AGGTACAGTTTGGGGTACTGCCTTGATTTCTGCTAAGGCACCAGCCATT
TGGCCACGTGCATTGAAAATGGCAAATAATATATTATTATGAAAATAAG
TCTGAAATTGCAGACCACCTGAAATGGTCTCAGGGACTCCTAAGGGGCC
AGGGACCACACTTTTGAGAATGACTACCCCTTAAAGAATTATGGTGCTTT
CCCAATTATTTTACCCAGGTTATTCTCACCTCTATCAAGGTTAGTTTCA
AGGGGTGCAGGAATAAATTTAATTCTTTTAAAGGTTTCTTGTTAATTA
CAATCTTAAGAGTTGAACCTGTGAAGGAAAATTTAAGAATTTTCTTCAC
CTTTCATTAAGGTTATAATTTAGCAATTTTATCAACTTCATTTAGGAAA
TTTTTAGAAAAATTAAGAAATTTTCTTCACCTCAATTAAGGTTATTATT
AATTAGGCTAACTTATACCTTATTATTATTTTCCCTTTTGTGCAT
TCCAAAGGTAAGGGTGCCTTTTTTTT

>Sequence 952

CCGGGCAGGTACAAATCTAAAACACAAACATCACCTTTACAAAACAAAT
TGTTGATTAATAATTATCTTTTCATAACTATCTCATAACTTTATGACTA
CAGGCCACCATTAAACAACTACAACCTTCACATAAACTAACATGTGCTT
TTAATGCTGACCTTAGTTTAAAAAGCCTGCCAGTATGGAATGACATTCAA
ATAAAATAAAACCAATTTAAAAAGAACAGAAATGCAAACTCAACAATAT
TCCCATCTTTTGAATCCTGACAATGTAGAAGTCAAATTCATAATCATCCT
AAAAACCAAGGGAGTCATACGACCACTGTATGTCTCTTCAGTCTAGGAAT
AATGCA

>Sequence 953

CCGGGCAGGTACTTTAAAGTTATAATGCTGATGAACAAAAAGGTATGTA
AAAACCTCAGGATTTAATTAATTAGATATATTTCCACCATTAGAACATTT
CTGCTCAGAGGTCTTATTACAAAGCTACATTTCTGATAGTCTACTACGGT
GCAGCTTCTGCCAAAGCCACTCAATACTAACCTCTTACATAGCAACTCTA
CTAACATGACCTAAAGGGTTTTTCATCCTTTCCATAGCCCAAAAAAGAAA
AAGAACCCCCCGGGTTTTTTTTTTTCAAGGGTCTTAACCCCCCTTAAA
AAAGGGGGCCCTTTTTTTTTTCCCCCTCCCCGGGGCCCCCTTGTGGTAAA
AAAAATTGGGGGGGGAAAAAATAATTTCTTTCCCCCTTTTTTTT
TCCCCCCCCCTATTGGGGGGATTCCCCCCCCCATGGGGGGTTTTT

Table 3

180/1077

TTTTTTTAGGGGGGGGCGGGCGGGAAAG

>Sequence 954

CCGGGCAGGTGCACGCCACCAGGCTGGCTAATTTTTTTTTTTTTTTTTT
TATTTTTACTAGAGACAGGGTTTCACCATGTCAGCCAGGCTGGTCTCGAA
CTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCACCTTGGCCTTCCACAGTGCAGGGAT
TATAGGCATGAGCCACCACACCCGGACTTTAATTTTAATTCAATCCATT
TCCTACTGTCAGGACCTTTACTCCTTTTATATACCTACCCTCCAGGCTTG
GCCTAAGGTTGGCTATTCACACGTGTTATAAAGTTAGAAAGCACATTTGA
TGATAGAAGTAGCCCTGTCTGCAAGTTTTTATCGTATATGAGATTTTGTG
TCTGCGGGCTCCCCATCAATTCTGTTGGACATTCTTCCAATAGATTCCT

>Sequence 955

CCGGGCAGGTACCCCAGGCTCTGTCCAGAATGGAGCTTGACATCTATGC
TAAAACCTTTCTTAAGGCTCCAATTAAGTGCCTAAGAGCACTAGCAAATC
TTTGCAGCAGTTCAACATCTATTTAGAAATGCCCTTTGGTCTCCCTGTTT
CAGATACACATCATAGCAGGTGACTTTCACCTTCCCAGGACTCAAAATGG
AGACTGGGGAATCCTTGTCAGAATAAACATTAATGGAGGGCCGGGTGCGG
TGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATC
ATGAGGTCAGGAGATCGAGACCCTCTGGCTAACATGGTGAAACCCCATC
TCTACTAATAATACCTAAAAAAAACAAGCTATTTTCGTACCTTG

>Sequence 956

CCGGGCAGGTACAGTTAAATAGTGCATCTTAAATAGTGGGGTGATATTAA
ATGGTTATATTCTGGAGGCTCATGCCACACTGCCTTTGAAGTTCAGGCT
GCCAGCCACATTCAGGCATTGATTACAGGAACTCCCTTGGCCTTTCAGT
AAGAGAGAGCTCCCTTATGCCAGAACTGCTTTGAAATAGAATGTGGCAGA
GCTGTAAAGTGGGTCCAATTCTACAAGTCAGCACACTCTGTGGATTTTCC
ATTGTGAATAGTTCTCAGATCTATATCTTCAGACCCTCCACCAATAGTAT
ATTTACAGCCCTTAGGTATCTCTCATCTATAGCATTGGAAAAAAGCCTCCT
AACAGGCCTCCCCAATTCCATACTTGCTACGTAAAAATATTTCTTACTTG
CACAGTCAGAATATTT

>Sequence 957

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGCTGAATTGTTTCTGACTACCATT
ATGCAAGTAGGTGAGGAGATACATATACAGGAGTTTCTGAGTGTCTTTT
CTAAAACTTGTGCACATTATGTTTGTATTTGAAATAGAGGCAGTGTTAA
AATGAACGTGGCTGTGCTATACTTCTTGATTAAAGTGTTACAACAAAGAT
TAGATTAAAGGAACAACAACAGCATGTTACAAGAAGCATTCCAATTTTC
CAGTAAGAACTGAGTCATGCAAGATGAGACCATACAGGTTTCCACAATTA
ATTCTAATGCCAAACTTTTAAAGGAATATAGGGACTTCCCAGACCTTG
AAGAAAACATTGAAGCCACAATATTTTGTA

>Sequence 958

AGGTACGTTTCATGTGATAAACTATAAGATTGTATAATGTCGTCTTCTTG
TGGGTAACCTTTAATAAGCTTTTTATGATATGTGGATTGTTCTCAATTGGC
TTATTACAGCCTGCAGCCATGGAATGTTCTGATGCTGACATCACAGTGA
CAGGCACACTTGTAGTTGAGGTGTTTGTGGGATATGGATTTTTTTTTT
TTAAGTAACAAAGGTGCACCAGCATTGAGCTGTCTGACAGAACGATGTCT
TCATTACAAGCAACCATCACTAAATCACTTTAAATTTATTTGACAAAAC
AAAATAAAATGGCTTATTTCAAACCTTCTCTTATCAAAGTCCAAAAC
AAAGTAGTAACCTTAGGAATTTAACG

>Sequence 959

CCGGGCAGGTACTTTTATCTGACAGAGGCTTCATTTTTCTCAAATATTCC
TTTGAATCAAAGACATCCATCATATTAAGAGTAAATCATTTTCAGGG
AGGATTGCTAGAGGATACAGAGGGCAGGGATTTAGCCTTCCAGGTGACCT
CTGCTGGGGTCCCAAGGGGTGGGACAGGGTTTTTAGTCACTAATTTAAAA
GTATAAAAAGGTTTCCAATGCTTTATAAGTTAACAACCCATATCCTGAG
AATCAAAGAACTACTGAATGGCAACATTATAAATAGTAACATTTGCTATT
AAAAAAGGCAATAAGACTCTAGCTACCTGAAACCAAAATAAGCAGTTAAG
GCCGGGCACCGTGGCTCACTCCTGTAATCCCAGCACT

Table 3

181/1077

>Sequence 960

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCACTATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTGG
CCAGCCATGCCTTTCAGTCCTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGT
CCATGAGCAGATGACCTTACATATTATTGAGTCCACATTTTAAACGGTCT
TATACTGATTATTTGTGAGCTCTACTCCATTCTTGTTCTCATTAGATTTT
ACCTTCCTTTTCTAGTCTTCCCTTCTTTTGTGTTTCACTACATTATCCTCT
CATCACTTGTATATCATCTCTTTTTATTTTTCTATATTTACATACCTA
TCTACTCTATTTTTTTC

>Sequence 961

AGGTACGTTTGACGGTGTCTACAAGGCACCACCTTATACCTTTCTGAATT
CTTAAAAGGTTGTGCAGTTTCACCCTGGGTTTGATTTTTGCTCTGAAACC
ATTTCTTGGCTCAAGAATTGTTTGATGTGTGGAGAGATTGGGAATGAGAA
ACAGGTTTATATTTAACAGTTTATCTTTAGCTCATCTCTCTGCTCAC
ATTTTATAGGCAGTGAGCAGAACCCATGTGTCACCTTAAAGTGGCTGCCTG
GAAATCTCTTTAGATAGATCATTGACTTCATTAGGTGCATTTCCGCTTCC
CACTTTACTGCATATGTTAGTGTGCTAAACTCTCTGTCACTGCCCAACA
GGGTCCGCCTTGCCCTCTATCTCCAC

>Sequence 962

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCACTGCTATAGCAGTGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATCTTCTAATTGTGACACAAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAAACTCAGGAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATG

>Sequence 963

CCGGGCAGGTACCAAGTATTTTATCTCAGTAGAAAGTCTTGACTGGGTAT
AATTATTAACCTTGAAAATGACCTTTTCTCTGGCTCGGGTCTCAAGGTAGA
CTTAGTCTTCATTCTGGGAGGGCCTTGTGCTGGTCTTCTTGGCCTTGAA
ATTGGGTTGTGCTTCTTCCTAGTGGGGCCTGGTAAGCACTCCAAGTTGTC
TTGTTCCCTGTTCAACAATAAAACAAGTTTTGGTCATTTTGGAATTTTT
CCTATTTAGGGTGGCTTTATTATACCCTGTATGAAACACTTTATCCTAT
TATGAAATTATGGTTCTTTTACACTATCTCATTACGAAAATGATCCCA
ACTTCTTTTCGTATCAGCTATTACAAACTGGGACTTTGTATTACAAATT
TATGTCCTTTATAAGAGGTTTTAATCTGGATTATCTTTAATGTAGTAGT
AGCGACCATATATTGTTTATAAATATCACTTTGTGCTTTTGTGGTATTTA
TAATATTTT

>Sequence 964

TGAGGTACCACAATGTCTCTGGCTAATTTTTTTTCTTTTTTTTTTTGG
TAGAGACACGGTCTTGCTATGTCACCCAGACTGGTCTCAAACCTCTGGCC
TCAAGCAATCCTCCACGTTGGCCTCCCAAAGTGCTGAAATTTCAAGCCT
GGACCCACTATGCCTGGCCAAAAGCTTGTTTTTAATACAGCTCCATTTT
AAGTGGAATGATTATTTGTCTATAAAAGGGAGATAATCCTGTTTTATC
TGATGAAAATGCAGAGAATCTAAAATAATATTTGGAATAACGTTGTATAA
TCAAGATAAGATGGTAGAAAGGATGCTTACTTTGAAAGCATGGAAAGAGA
GTGTCTAAGAACATGGCAACATCTTCCACTCAAGTCACATGGTAAGAAGG
AACCTTTG

>Sequence 965

AGGTACACACATGAGAACTGAAATGGCCCAAACCCAGAAAGAAAGCCCAA
CTAGATCCTCAGAAGACGCTTCTAGGGACAATAACCGATGAGGAAAAGAT
GGCCTCCTTGCCACCGTCTGTTATGATTTCTCTCCATTGGGACCAAAA
GGCCGTTCTTTCTAAGCAGACAGCAAGGTGAATGATGGGCCAAAATGAGA
CCACACCTTCATTGGCATTCTTTGAACAATTGTCTTTGGGGATCCATT

Table 3

182/1077

GTGATGACATCTGGNCTTTATTGGAGGAAAGAAAATTTCTTTGATCAACT
CCGGTTTTTATTTATTCTCCATGTTCTGGACGAATACATCCTGTGGTTCT
TTGACCCAGTGGAACCTTTTCTGGCCACCCCGTTAAACCAGCTTAAATTT
TCATGGTATGTGG

>Sequence 966

CCGGGCAGGTACATCTGTAAAGATCAGGCCTCAGGCCAACCAATGAATTA
CTCTAGAGAAATGTAGCTGAAGAAAGCACTGTAGATCTGCCGGGATAGCC
TGCTTTGTGGGGAATGAATGACTTTTGGACAGATCGTGTAATAATAATGT
AAATAGTATGTTTGAACGGGCAGAATTCATGGGATAGTGTCCAATCATGA
CTTTGTTTTTGCTTTTCATTGTTCCCGTGAAATTTATTCTCTAGGAACCT
TTAAATCTGACTCCAGCACGGTTTGTGACTCTTCTTAGGAGAATAGAAAA
TCTTAACAATTGTCATATTTGAGAAAACATCATCTCAGTTTAGAAATAGG
AATGTGTGGCCAGGCGTGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAACACTTTGGG
AGGCCTAGG

>Sequence 967

GTTTTGAGCGTATACACTCANNCTATAGGGGCCGGAATTTGGGAAGCCTT
CCACACGCGCCGGGTTGTGCGCGGTCTCGGTCCCCGTGCGCAGGGTTCAC
CCCTATTCACCGTTGCCCCAGAAACAACGTTATATTCTTGAGAAGAATGA
GGAGGAGGTAAAACAAGGAACCAGAGGTTTCCCTGGCTCTCAAAGGCAAA
CCCCACCCAATTCCCAAGTTAAGGGCCGGAGAAAGAACCAAGGAACCTTA
ATTA AAAAATTCACCATTTAATATTGGCAAAAGAATAAATTTTCTGGAA
TGGGGTGGGCCAAAAGGTCGCCTCCCCAAAAGAACCAATTTTGGACCAG
GTTTAAAATATTA AAAAAGGCCAAACCTTGAAGTTTAAGAAAGGGGGTAG
AAGGGGGAAAAAAAAGGCCAAACTTGGGGGGAATAGGGTAAACATTTTTT
AATGGGCCTGAAGAAGGATTCCAGGGAATAGGGCCTTCTTTTGGGCCCC
GAAAAAAGCAACCAACCTTGGGAAAGCCCTTGGAAGCCCCCTTGTA
GCGGAAAAGCAAAAGGGGCCTTGGAAGTTTGGGGTTGGCCCCGGGCCAT
AGGGGGGCCCTGGGGGGGTGAAGCTTTTGGGCCAATGGGGAAAAGGGAAG
AGCCTTTGTAATCCAGGGTCCAATAAGGCCCCCCCCCGCGCTTTTTTGT
GAAATTGGGGGTGGGGGGGGAAAAAGGACCCTTGGGGATTCCGTATAAAG
GGGAATTAGTGGGGCACAACGTAAGTTTTATCCCTAACGCTGGCCAATG
GGGG

>Sequence 968

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCGCTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTATTCTCGTGCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTAGTAAAGATGGGGTTTTACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATCCTATTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTAAATAC
AATAATTCTGTTATTGATAAAATTTAAGGCAT

>Sequence 969

CCGGGCAGGACGCGGGGGAGTTACCCAGAACTAGCAACAGTAGTAAGCCT
CATTACTCAGTTGTGAGGGGGAAGGTAGACTCTTCCAGACCTTTGATAA
AGGGGCTGCTCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGC
TTTAAAGTAAGGAGGGAGCAGATATAAAAAACCTTATCCCTCTTTCTA
ATCTCTTATGTCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGT
CAGCAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTGTGCA
CCCAGGCTGAAGTGAAATGGTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCT
CCTGGGTTCAGTGATTCTCCAGCCTCAGCCTCCAGATAGATACCAGTA
AAGATGTCATCTGG

>Sequence 970

CCGGGCAGGTACACCCACCCCATGTCATTTTAAAGGGCAATGTGACTTG
CACCAGGAAGCAAAAGACTGGGAGCACTGCTTTCCATCGCTCTGTGGCAT
GATTTCTAGTGGTGCCCTTCTACCCCCAGACACCCCATGATGCAGGAG
GTCCCTTCCCCTGGCTGCTCCTGGACCAGGCCACAGCTCAGGCTGAAACC

Table 3

183/1077

AGGCTGTCTCTGAAAATAGAGGACGTAGGCAGAGAGGTGGCTGGATTCCCT
TCCGCGCCAAGCAGGCACAGTGCCGCCCCCTCCTTGAAGAAGCTCTGCCTA
TTTTCTTTTCTCCTCGACCCAGTGGGCGAAAGAAGTTGAGGTCTTCAGG
CAAATTCTTCATTGCTTGTTGAAGACCG

>Sequence 971

AGGTACGGAGTCTCACTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCCATC
TTGGCTCGCAGCAACCTCTGCCTCCCTGGTTTAGGCAATTCTCCTGCCTC
AGCCTCAAGTAGCTGGGATTACAGGTGTGTGCCACCATGCCCGGCTAATT
TTTTTTAGGGAATTTTTTTGAGTAAAAGACGGGGGTTTCACCAATGTTGG
TCAAGGTCTTGGTCTTGATTCTTCCTGACCCTCCGTGAATCTGGCCCCAC
CTTCAATCCTTCCCAAAAGTTGCCTGGTGAATTTACATGGGCATTGAGTC
ACAACTCCCGTCCCTGACCTCAAAGTTACCTTTTTTTAATTAGCTTTTA
AAAAAAAACCTGCCGTTGCCCAAATAATCAGATTATCCGTGGAAATTCAA
TTATTAATAAATTTACCTTGAACCTCACCTCTGTTCCACCAAGGCAATTTTT
TAACAAAAAGTAGGCCTTTTCATACATTTTTTTAGGAAAAGGAT

>Sequence 972

CCGGGCAGGTACCAAACACAATTCCTGCTCTCAGGGAAACATGGATAAGA
CTTAAACAAGTGAAATGTTAAATAGCCCTGTGAGACAGGAGGGAATGCAT
ATCAAGCAAGACAGTGTGGTCATTGGGTTTTGAGGGGGAAAATGAGGGAA
AGGCCTTTGTGTGTGAGGTAGGGTAAAGTGGATGAATTAGAATCACATAT
TAGAAAGGTCTTTTATGGTGGGAGTGGTTGTTCTATTGGTTTCAATTGTT
TATATTATTAGAATTTTTTTTATTTTAAAATTTTTTACTATTATTTAGCT
ATTAAGAGTGTTTACTTATTTGATACCTTTTTTTGAATGTTTATTACATTT
TTAAATAGTTTGTACATTTATATAACCTTTTTTTGGTATTTTAACTTTT
TTGTAAGGGTAATAGTTTTTTTTTAGATTTATTATTACTTTTTTTTATATT

>Sequence 973

ATATAATATGTATACGAAATATTTAATATTACTTTATTACATTAATATAA
TATATTATATATATATAATAAATTTCTATTACTTATATAATTATTAAT
TATATTAGTTATGTATTAATAATTATGCGAATTGAGCTCCACCGTGTGGCG
GTCGATGAACGCGGGGGAAAATTCTGATAATTATACTGCCCTTCCCCTTT
ATAGGTTTTCTGTAGGAGTTAAAATACACTTTTTCAATTGCTTGACATAA
TGCTCAACACTGGTAGGGGAGCTAAAAATGTCAGCTATTGTCCTATGTGC
CAAAAAAAAAAACCACACAGACAGAAACACACACCACACAAAGACACCAC
ATTGGAGGGAAAAGGAAGTTAAAGATTAGAAAAGCAGCAACATAGTGTAT
TCGGTAGGCAAAATGGTGACCACTTAGTGAATTTTCATAATTCTTTTTTTA
ATTTACTTCTTTAATACTGTACATTTTATCAGTGTATATAAATTGAG
CCATGTTATTTACTTTCTGTAAATCAGAAAGAAGGGTGGTATTAAAACCT
GACCTTTAATTTTAAATAAAAACAAATATTACTTGGCCAGGCCACGGTTG
TCTTAATGGCCTGTTGATCCCTGCAACTTTGGAAAGGTCTGG

>Sequence 974

CCGGGCCCGGTACCTATAGAAATGCCTTCCTCAGGAACCCCGCCATTGTTA
AACAAGAGTGAGCGCCTAGTGGGCAGAAATGTAGTGATTGTGGAACAACC
TTTTCCAAGAAATCAAGCCTTTGTAGTTAATCAGGAATTTGACAGAGAAT
AAGCCTCACAAATGAAGTGAATGTGGCCCCATCAGTAATAAATTATATCT
TGTATCTTACAGATATTGTATCAGAATAAATCTTCTGATACCAGAAAGGT
GGAAAATCTTTAGTAGGAATCCTCCAGCCATTATATTCCAGAGAGCTCA
TTTAGGGCTGAAACACTGTGGAGGCAGTGGTTGTGGAGGACATTTCTGTG
AGAAGTCAAACCTGTTAAACACCATTGAAATCATGTTGGGTAGAAATGCA
GCTGTTATGAGGAAGTCTTTACCTGGAGATGATATCTCAATTGGTATCAA
AAGAATTCTTACAGGAATATTTATGAAAGATTGTGATGGTGCTATTAGCG
CTAAATTGTGCCTCGTGTGCCAAAGAAACATAGACAACCTGTAGAGGCAAT
GGATATGGAAAAACATTTTCGTAAAATATGGGAAAATTTATGGAAAAAAG
AACTCTTGAAAGTAAGAAATGATGGCAACTCACCAAAATTAATCATGTAT
CATAACTTTATGGCTTGAAAGTCTTGGAAGGACGTGTTTAAATGAAATCTT
GACCCCAAGAATAGTTTTTTTGGAAATGAAAACCTATGAATATACCAAATA
TGGAGTAAAATGGGGTTAGTTCTTAAGAATGGTGCACCAAACTACACAAA

Table 3

184/1077

TTTAAGGGCTTAAACCACACT

>Sequence 975

CCGGGCAGGTACTGGACTTGCCTAATTTCTAGGCATGGAGTTGGGGCTTG
TAACAATGGTGGGAGATGGGCAGTGCTTTGGGAATGTAGCTGACCACTGC
ATGGGTGCTAACTAGCCAGGGATCTTAAAGAATTTGTGTAGGCCATGAA
GGATCCACTCCAGCCACTGAATAGTCATAGAATTGAATCTAGGACATCAC
CGTATGCTACTACCATGCAGTTTTATCCCTTCTAAGAATCCAAATGCCCT
AGTTTAATTTCTAAATTTTGTGTTTGTGTTATTTTCACTAAAGCAACATGT
TAGTGGACTGCGGAGGGAAGTGAATTCATGGCTGGTCCTCATTTTGATA
TCTTTTAATAGGATCATGAAGCAGTTGTGGTTGGAAGAAAACCTTTGTA

>Sequence 976

CCGGGCAGGTATCTTCTATCTAAATCTCATTTTTATTAATAGTTTCATTT
TATTAAATTTCTTGACTCATGTTTCATGCATTAACCTGGATTCCCTCCTCAA
AGGACGTGTGCACCTGATCCACATCATCGTAATGCCTGTGCCATCTTAAC
TACATTTTTCTAGCTTGAAGGTCAGGATTAGGGGGAGGAACACCTTCCGA
GTTGTATTAACCGGGTTGGTGAGGTGGTTCGTCATGATATCCATCCTGTG
TTTCAAAATCAAGAAAAAATGAAAATCTCTTCCACAAGCAGTAGCAGAA
GATATTGTGAGGGCAGGGCTGTCGCAAGAGTGTCCACCTGCTGTGAGCTC
ATCACAGATAACCGTCACCTCTGCTCCATCTCCAGCCTACTGTTCAGTCT
GGAGAGCTGAGCAAAGTTAGGAGTGGATGCTGGTCACTGATGCAAGCAAA
TTCTTCCAAAAAGAGATTTGGAAAGGCAGCAAGCAGATTCTTCCAAAAAG
AGATTTGGAAAGGCAGTAAAGAAAAAGCAAAGTTGGAAGGAGCTCTAGATA
TTGAATGGGCTCTGGCTACCAAGGGCTCCTTGTTTCATGTCTTTAGGCCAT
CTTCCTGACATTGGGAACCTGGCTTTACTGTTTTCTCTATTTTAATAGTGA
GGACATTAAAACTCAATTAACCTCCTAAGAATATTGCTAGGAATTGTATG
TGATGGGTACAAATGGGAAGAAAATGCCTTTTACCTGTGGGGGGAGGCT
GGANAATGTAATGGATTTATAGGCCACTG

>Sequence 977

CCGGGCAGGTACCCAGCACAACTCACACAGTTATCAACCCGGGCAGTTG
GACTCTCGAATCCATGCTTGCGACTGTGATGCTACACTGCCCTTTTACCC
AGCACTTAACTTCACACACAGAGGCACCTCATAAATATGTATTAATAAAA
AGATTGATCACACATTCCTTTTTACAATCCTGAAAAAGTCATCTCCGTGT
TTGGATGAGGGGAAATACAAAATCACTCCTCTGGGAATGAGGCAGCAGAA
TGAAAGAGGTTGTTCTGAAAAAACAGAGTTTTCTGGAAAGAAGTGTCTT
TTTCAGACAGCAGTGCTTGACTCTGAAGAAAAATGCCCCATACATGGTTC
ACACAAGTCCTAATGTTTTTAATTTTCTGAATGCAGAAAGCCGTATGGA
ATG

>Sequence 978

CCGGGCAGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCA
TTTTCTGTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGGTTACAGAACAAA
TAGGATTGTGTTTTATGTTTCCTATTATGCATATTGGCAGTTGAATTAT
GACATTAGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGA
GGGGAGCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGT
TCTGTTTAACTTCTTCTTCCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATT
GGCAGTGGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCA

>Sequence 979

CCGGCAGGTACAACACCAATGTAGCCTCAAAAAAGAACACAGCAGAGCAC
CGCAGGGGATCCCTTTCTGAACACAGTCTTCTCCCACTTCCCTCAGTCAC
CACTCAGTGTTTATGGTAATGACTTCCTCGATTTTCTTTCCTGTTGATCA
TTTAAGACAAAATACGTCCCTAAGCAGTATCACTTGGTTTTGTCTGTTTT
GAATTTTATTTAAATGGATCATGCTTCCTGAATTTTTTTTTTTTGTGTTG
TTGTTTCGAGACAGAGTCCTGCTCTGTCGCCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCG
TGATTTCACTCACTGCAACCTCCGCCTCCCGGGTTCAAGCACTTCTTCT
GCCTCAGCCTCCCTAGTAGCTGGGATTACAGATGCCAACACCATGCCTG
ACTAATTTTTGTATTTNTAGTAGAGACAGGTTTTACCATGTTGGCCAGG
CTGGTTTTGAACTCTTGACCTCAGGTGATCCACCTGCCTTTGGCCTCCCA

Table 3

185/1077

AAGTGTTAGGATTACAAGTGTGAGCCACCGAGCCTGGCCAAGATAGTTTA
AAAAAAAAAATTATATCTACATTAAAGCCCACAGTCACCCTTTGCTGAAGT
CAGTATTAGTAGTTGGAAGCCGTGTGTTATTCTTGACCCCATGAAGTGGC
ACTTATAAGGTAGCTTGCTTTTCCAATAATATGGCCTAACTTTTAAACC
TACTATGAACACCACAAGCATAAGTTTTCCAAAAGTCAAGAAGGAAAGGA
ACCAATATTCTGAATACGTAGATCTTAACCGAAAAAATAGATGTTTAATA
GCCTTTATTAACCTTTTCCAGAACAAAACCTTTGCTA

>Sequence 980

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTAAATTGTTGT
CCCAGCCCATTCTACTTGCAGCTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTCTGCTGCTGCTCCACTGCCACCTGTTTCTTTT
CTTTTGGTTGCTGGTTCACCAGCCATTGAGATTCCAGCCGGACACACG
GGATTCTCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATCCTCTTCCCCTGGCCACA
TCCAGTGGGAGGACCCCCGCTCCTCCCTCGTTCACCTCCTGATGACATAAA
TTCTTGACCGTGGGCTCTTTGTATCTCACCGAAACTTCTGCGCCCGCATA
TTCCCCAACTGGTCTCCTTAACCTTCACTTGTG

>Sequence 981

AGGTACAGACTTTCATTCAACAAATATTTATGCATCAGCTACATGCCAGG
ATCTGTAATAGATTCTGGGTGTGCAGTAGTGATTACTGCAGAATGCAGAC
ATGGTCCCTGCATTCTTGAGAGGGGAGACAGCAACCAATAAACAATTAC
AAAAAGTATGTAACATAAACAAGTGGGAGAAGGGAGTGGGATTACACA
GCATAAGTGAAGGAAGGGCCCACTTAGAGTGGTCAAAGGCTTCTTGAAG
GTAACATGTAAGCTGAGACCTGAAGAAGGATGCAAAAGGGCCAGCATGTA
AGGAACAGAGAATAAACATCCCAGAAATAGAAAATAACACACAAAAACCT
AAAGTCATTAAAGAACATGATCATCTTTCAAGAACTAACCTTGAGATC

>Sequence 982

AGGTACACTTAGATTGATTTTTTTTCTACCAGAAGAAATTTCTATGTAAAA
TGCTTAAAAACCTGTCATCAATTTGATTCTGTAGCATTGGATATAGAGT
GTGAGCTTTTAAGGTTTTTAATGTGTTGCCAAATGTTATTTCCCAAAAGG
CTTCATCGGTTTCATACCCTGCTGGTGAGCTCTGTCTGTTTACTAGCT
TTCAGCATGTGTGTGTGTGTGTTTGAGATGGGGTCTTGCTCTGTACC
CAGGTGGAGTGCAAGTGGCGCAATCTCTGCTACCGCAACCTCCGCCTAC
CCCAGTTGGAGCAATTGTCTGCCTTAGCCTCTGAGTAGCTGGCATTACA
GCTGCCTGCCACCACACCCAACTAAGTTTTGAATTTTAATGGAGATGGG
GTTTCCCGGC

>Sequence 983

AGGTACTTCAGGGCTCTGGATTTCTTTTCTGTAATGCTGAAGTCTCAAAG
CTTCACAGGAAAAATTTGGAAAAGTATGACAGTTCTCTGTCTGGCATCTG
CTTCAATGTCATTTCTACTAGGGATACCCCTGAGCATTCTAATGCTTATA
AATTACCTTACAATATAGCCAACAAAGCTTTAGCTATTGCCAAACTCATG
TCTCAATCGCCTGAATATGAGTCTAGTAGTCACAATTACAGAAGCTTTCT
AGCAATCTGCAAGCTCTGGAGAAAGTAAATTTCCAACCCAAAGAAAAAGG
ATGCCATCTTCCAGAAAATACTGCATAATTACACTCTTATTCAATGATCAT
TGTTTTTTTTCTCTAAAGGTTAAATTGTCTTTCCCTAAAACCTGGATG

>Sequence 984

CCGGGCAGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAA
CAGTCTTTATAGTCAGTAACAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAA
AGACAGATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTATAGGAT
GAGCATGTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGT
GGTAGTGTTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAAC
TGGAAGCAGGTGGGATCCATGACATAGGAAGGGGAAAGAGCTCTTGGGTC
AAAGGTGATGACAATCTGCAGTGAGGGAAGGGAAGTGAATAGAAGGGAAA
GGTGTTGCAAAATGTTGGCAATGAAGGAGTTTGTAGTTAA

>Sequence 985

CCGGGCAGGTACAGTAAAACCTGTTGTAATGTTGGTTACTGAAAATGGTC

Table 3

186/1077

TTTAGAGCTAGTGTGGTTTAAATGGAGTTTTGTAATTATTTGAGCTGCA
ACTAGAGTGACAATTCTCCATTTTTAGAATCTGTGCCTCTTGTCTGGCAG
CACTTTTAGTTATTTCTTTCTATTGCTTTTTGTTCACACTCAATAAGC
TTTGGTTGGTGTGTGCTTTATCAGACCTTCATGTTTACTTGCCAAATGAA
TATGGGGTTTTGTTACTAAAGTTAGTATTTTAATCTATTTATTTTATTT
TTCTTTCTTTAGAAAACTCAGAATGGACTCGTTTTCTAGTCCTGAA

>Sequence 986

CCGGGCAGGTACATGAAAGGAGATTGAGGGCAGGGAGCTCACAGAACCAA
GACAGCAGGACCCAGGATTCAGACCTGGAAAATTTTTATTTCTGGCTGG
TTTGTGTGCCCTCATGCATGTTATTTACAGTGCCATGTTCTTTCACATGG
GAACACTGACACAAGTGGAATGGGAAGGTTCCATAGGGATGATAAGTGC
AAAAACATTAAATGAACAATCCTAGCAGTATGCAGTTGAGTTCAAGGGGA
GGAGTCCTTGTTGGAGTAACCACGAAAGGGCCTGTGTTGTGATGAGATTG
TAATGAAGAATCTAAAATGCCCTGCAAGAATAGGTTGAGCTTGTCTTGCA
AACTTAACCCACAAAAGGCAAAAAATCCATGGGGCCGAATAAACTTCCCC
CCAAGGGTTAGGGGATTCTTGGGGCCTTGAAGGCATTTCCCCAACTTGGG
GAAGAATGGGGAAGGGTTGAATTGGGGCCTTCTTGTAAT

>Sequence 987

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGCGGAAAGGATTCTTTG
TGATAGTGATACCTCTGAGGTAAGAGAAGGGTGGTATGAGATTTAGAATT
TTTTCACTGGTTGTGTGTTTATTTGCGATATTGTTTAGGTTTGATTTGT
ATGATTAATAGTATTCTAGTTGTAGAAGTAGTGGATAAATCTTTTATAA
GTTAGTTGAGTAAAATATTGTGATAGCTGTCATCGTTAAGTGTTGTTAT
GGGAGGTTGGTTGTAATTGGTAATTTTATTTAAGAGTGAGTGGTTTGG
ATTTTTTTGTAAAGTATATGAATGATAGGTATTGATTGTATCAGTTTTTG
TAATATATCGATGGATATTTGTGCAATATTCTATTTAGTGATGGGAATAT
TTTTTTCATATTCTTCTTATAGAGTGTTATTGTAGTTGTGGTAGCTTGTG
ATTAAATACTATGTAATATTATATAATCTTATTTCCGGTGAGTGGTATATC
TATTTTTATTAGACGCGTTAGACAGCTGATTCATGTACTAATTTGTGTAC
TTACATATCTTGTGTCTGCGAATTATTCTAGTAAGTATGTTTAATTATA
CTATTCTTAGTTTTTAGTTAGTGATTATTTAAATGTGGTGTAGGACTG
TTATAATTGTGAGATTGAGCTAGTTGTTAGTGATATAGTCGAACGTATAT
TGTAATATATAGATGTTTAGCTGTTGTTGGTGTACTTATATATTAGTCTT
TCGAGATTTTGTCTA

>Sequence 988

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATTT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTTATGTAGAAAAATCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTGCCATCTCCTTTCTCCTCTTCTCTTTGTTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAAATTGTGTTTTTAAATGGTGAAT
GTTGCCATGCCTAAAGTGATCTCTGAGATATCCTCCTTTTGGGTATAAAC
ATTTCTGTTAAATGTTGTAAAGAGCTTTCTATAAATAGACACAGTAGACTG
TATTTAATTTTTTCTCCCTTCTTGGTAGATCTCTTTTGGTTAAAAGAA

>Sequence 989

CCGGGCAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACTTTTTTTTTTTTTTTT
TTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCAAATTGACCAGGTTGGTCTC
GAACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCCACCTTGGCCCCGCAAAGCGCTGA
GATTACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACTTCTCAACATT
CTGAGTTAGTCACTTTCCCTTTGGTTTAAAGCCAGCTCGGGTTACTTGCAA
CCCTAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACCACCTAGAATA
AAATTCATTTTCTCCTTTNTTTTTTTTTTTTTTAAATGGAAGGTGGGGAA
T

>Sequence 990

AGGTACACCCCACCATCTTGGTATCAGGTCCACCTGGATATGCCGAATTT

Table 3

187/1077

CATCTATCTTTATTCATCTTGAGCAGAGCCCCTACTATATGTAAGAAATC
AAAAATCTTAGCCAGGCACAGTGGCTCATACTGATAATCCCAGCATTG
GGAGGCCGAGGCAGGCAGATCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACCAGCCT
TGCCAACATGTCGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATTAGCTG
GTCATAGTGGTGCACGCTTGTAAATCCCAGCTTACTCGGGTGGCTGAGGCA
CGAGAATTGCTTGAACTGGAAGGCAGAGGTTGCAGTGGGTTGAGATCAT
GCCACTGCACTTCAGGCTGGGTGACAGAACAAGGCTCTGTCTTCATAAAA
ATAAACAACTTAAATAAGTACCTGCCCCGGC

>Sequence 991

AGGTACCCCTGAACCTAAAAGTTAAATTTTTAAAGTGGGTTTAGTATGAC
ACATACACATACACACATTTATGGTTTCAAATTAATGTTTCTGGTCTCT
ACTTAGTGTTNCTTTTCAATTTTAAAGTTCCCCCTAAAACTCACAAATT
TTAAAAAAAGGCCAAAAAGCCCAAAAAAAGAAGCAAAGGATGTTTTT
TTTAAAAAATTAATATCCTTCAAAGGTTATTCTCCAAAAAACAAATTTA
CCCCTGGCTTTAACCATTTTCAAAACAACTTGAATAAAACCATTAAGTT
TTGAAAAAAGATAATTTTTCTTAATTTTTTAAGACCTTGGGTGGCAAAT
TTTGGGTTGGAGTCCTTCCAAGTACACCTTGTTTAAAATTCCTTCCAAG
ACCAACCTTTTTTGGGGGGGGCCTTGAAGTGCCCGGGGGGCCAAGGTA
ATCCAACTCCTGGTAAGGGCTTCAAGAGGGAAGTTTTTCCGNAAGTAA
CCCCAAAACCCCTTTGGGGCCCCAAAAACAAT

>Sequence 992

AGGTACGCGGGCTGTTTGTTCACTGTCATCCACTGAGTGCTTGCCTCATG
TTCTGCTGAGCACATTCCCTGTGTGATTTCTTCTTATTCTCAAACTGCA
TTTGGAATACCTTGTTGTTTTAAAGAGGAGGGAACGGAAGCATTGCCATT
TGCTCAAGATCTCACGGCTAGTGGGTAAGAGAGCCCACTCCAGCACCACC
ACTGCGTGTGTCATTTTACAGACATTTGGAGGTGGGATGGAGAATGGA
TCTGAGGAGCAAGACTGGAGGTGGAAGGAACAGCATATTTAAGTTCTTT
TTCTGTGNGAAACTCAGAAATTTGAGTCTGTGGGGAAGCACCTCGAGGA
CAGAACATGTTGGGATGGGTGGAG

>Sequence 993

CCGGTCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTTGGTAGAGATG
GGGTTTCACTATGTTGGTCAGGCTCGTCTTGAACCTCTGACCTCAGGTGA
TCCACCCGCCTTGGCCTCCCAAAGTGTTGGAATTACAGGCATGAGCCACT
GTGCCCAGCATACAGAGGGTTTTGAGTGCCTTTCAGAAGGACAGGAAACC
CTGGCCACTTAGGGGAAAAATGGGGGAGGGAGAAGGCTAGAGGCTCAACAC
ATGACATTTGGTTCTTTCAAATTTAGGGATTTTTCCAAAACCTTACCTCC
AAGAAGACAGATGGCCTTTCTCTAACATCGAGAGGGAAGACAATACCCTT
CCCAGGTAATTCTGCAAAATAATTTTTT

>Sequence 994

AGGTACGCGGGGCAGACAGATTACCTCATTTTCAGCTCAATAAAACATCAC
CAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTCTTGAAGGAA
TCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCC
TCTGTGAATTTACAACACCCAACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGA
AAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATA
TCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTT
TTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCA
GAAGAATTCAAACCTGCGCTCACTGCAAAAATA

>Sequence 995

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGGATNGGGATTGGATNGATGGNNTGGGGT
TGATTGGTTTTTTTTTTTTTTCATTTTGAGTTATGGCAAGGAAAAGAATG

Table 3

188/1077

>Sequence 996

AGGTACAAGGGGACTGGGAAATGTGGGGAGGCTTCCCACAGGAGGTGAAG
CTGGAGCAGAGGCCTGAAGGGTGAAAAGTTGGTATTTACAGGCAGGCAAA
GGCAGGCAGTGGAAGGAGAGTTGATATTCTAGGACAGGAATTCTTTCAG
CCTACCTTCCAGAAAGATTTTCATAACCACTTGGCTCTCACTGGTCAGCA
TCCCTTAATCATAGCTAGTTACCCAAATTGTAGCACATAAAGTTAGAAGTT
TGAGATCTCTATCGTGCTGTATTATTCATGCTTATTTTTCTAATGTTTGG
CTTTATTCTCTAAGAAGATGAAGTCAGTGGTGCAAAGTGAGAGCAATTCC
TACCTGTGTAATATTGGGTAAAGAAGTTCACCTATTTAAGGCTTACCTTT
TTATTGAAAAGGATTGCTGGGAAAAAT

>Sequence 997

CCGGGCAGGTACACTGACAGAGATCGACCACTAAAATCTTCTGAGGCGCA
TTTATCTTTCTCTTTGAGAGAGAAACCCCATTTTCTTAAGAAAAGGCAA
AGCTGTTCCAGCATGTTTTAAATGATTTCATATTATCTGACAATGGAAA
GGGTAATTCTCTCCAGGATTTAGGGTATAATTCTCAGCCATCTGAGAAT
TCTGTTTATCCACCTTGCTCCTTGCTCAGAGAATTACAATTAGATGGA
AACATCTAATGTCAAGGCATCTGATAGCTCCAGCATAGGATACTGTGACT
GCTCCAGATAGATTTTCTCCATGAAAACCAAAGTTGATGGTTAATTACCA
TGTCCTTCTCATTATGGCACTATCA

>Sequence 998

CCGGGCAGGACAGCAGCCGGATCTCAGCTCACTGCAACCTCCACCCCCTG
GGCTCAACCGATCCTGCCACTTCAGCCTCCAGAGGAGCTGGGACCACAGA
CACGCACTACCAAGTCAGGCTAAGTTTTTGGTTTTTTTGGTAGAGAGGG
GGTTTCATCATGTTGCCAGGCCGGTCTTGAACCTCCTGAGCTCAAGCGATC
CTCAGGCTCCCAACGTGCTGGGATTATAGGCATGAGCCACTGCACCCAGC
CAAATTGCTTCATTTTTTATTACTCCATACTTCCTACATAAGATACTTCC
TACACCTGGCCAAATTGCTTCATTTTTTAAAAATATATTTTATTTAATGT
GAGTCTCACTTCTGTTGCC

>Sequence 999

AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACCTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACCAGTAAAAGTTAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAACTCTGCGGGAAGTGTTAGCCGCT

>Sequence 1000

AGGTACAGAGACTACCATTAATATTGCAGTGTGTGCTTTTGTATTAAGT
TGGTTTCTGAAAATATCTCTGACAGATGCTGCTAGGCCAAAGTGCCTCCC
ACAGCTGCAGCTCTAGAGAAATCCGCGGTGGATGTTCTCCTCTAACAGTT
TTCTGGTCCCTGTGACAGTGCCCACTGCTTCACTACTGCTCTCAGGTGGT
GTGCTTGGTGGCAGTGCCGTGGGCATGGGAGGTTGCGGAGGGGGCTGGGC
TATGCAAACCTGCTGAGCCAGAACCATCCCTGTGGTTGGAGCCTGGGACCC
CAGCACCCAGCACACAAGCATCCAGCCAGGAGCTGGAGCTGGGCAATTGG
AGAAAAGAAACCGCTGAAAGGGGAATGTTTGCCTTGCCG

>Sequence 1001

AGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTGTCTTGGTAGCAGAAAGAACTTCTCA
AAGTAAGGGCTTCACACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCAGCCATG
GCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGCCACAC
TGAAAATACTGTGGGGACAACCAAAAGGGATTTGCAAGTTACCACTATCT
CTCACCAGCTGTAAGACCCTGGGCACATTGTTGATCCTAAGCCTCAGTTT
CCTAATCTGTAAAAGGGTGATATTAATTGTTCTTGCTCACAGAACTGTTA
TGAGAATTAACAGAAATAGCATATTCAGACTATAGCAGAGTGTCTGGCAT
GAAACAGAGACTCAATAAATACAGGAACAATTGGTTATTGGAAACAGTG
AGGCTTGGCATGGTGGCTCACACCTGTAATCCT

Table 3

189/1077

>Sequence 1002

AGGTACTCCAGCCTGGATGACAAAGTGACACCCTGTCCGGTAAAATAAAT
TACCACGGGCAGATAAAGTGCTCAGCGAGCCCACACTAATTGCCACAGA
AGGGTGGAAGCAAATTCAAGGCTGAAATCTAGCTCTTCATTTCTGAAAT
CATTCATGCCCCTCTCTCCTGGCATGAAATGCTGATAACCTGGTTTCAA
TTTTAAGCTTAAATTTACAGCAAACAGTGCAGGTATCTCAGTTCAATGCC
TTGGAACCTCCTCTAAAGATGATTCTACTAACACTCATTTCAGAAGTGAG
TGCAAAATAATTTTTACATAAACAACCAAGTAATCCCACAGCGCCTGCAT
ACCTATTATAACTCAAAAACCTACCCTGCACACCTGAACATGATGTTTAA
TACCAAGCCCCCTGGTATGTCTGGA

>Sequence 1003

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAAGAAATT
GATGTCCTGGGAACCTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTTTGAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAACATAATAAAATATCACATTATTGCTCTACC
CACTAAAGGCAGCCCTGAAATTTTTACAAAACAGTCTTTCTGGGGGTC
GTTCTCGATGTGTGAGTATTATAACTTGCCCTTTTCATAATTACTAGTAA
GCTTCTTGAGACTAGAAAGAGGGCCTGGGTACACCAATCTTGGAAAT
TTGTGCTGTTATGGTTAAAATTTTTGTTTTGTAGCTTGGGGGGCATGTCG
TTTGTGGACCTTGCTTTGATCGCAAAAATACACCAACCATTTGTGTCTTG
AGTTCCCGAGGTTGTTCTCCATTTTGTATTATTTGGGTGCCCTGGGGAA
CTTGGCCCTTGCCCTTCCCTGATTTTCCCTTGGGTTTCATGTG

>Sequence 1004

CCGGGCAGGTACAAAAAGCAGGGACCAAGATAAAGCATCTTGACTCAGTG
AGCTTACAATCTTTGAAAGCTAGGGAGGGGAGAAGCACTTAGATCTTATG
CTGCCCCACGCAACCACTATAGCAGGATGTCATTACAGCAGAAAGCACTT
TCAGATTTCATCACCACAGGTGTGTGGCAGTGGTGCTTTTTTTTTTTTTT
TCTAAATCCAATGATCAAGGAAACATTTACTTGTAATCTTTCCGCCTCT
TTTCCACATCACTAACTGCATGACTGCACTTTTACCCAAATAAAACCTG
TCTTCCCTAAACCACAGGTTTAGACCTAGGATTTATGATTAGGGAATCTG
ATAACAAAACACTGATTTTTTTGAACAATTCACCAGCCTTTCAAGG

>Sequence 1005

AGGTACACCAGTTTGAACCTTAGTATTATCACTAATGCAAATATGAGCCT
AGGCTCAATTTTTCCAGTTATGAAATGGGGCTGGCATTATTCCGTGATGT
GCATGTTAAGAGAGGGGAAAGCTCACATTTTGGAGTCTCTTGTGGGTT
CTATTTTGGGTAGGAACTCACGCTTTGTTTATTACGAATCATTCCTCCA
GAAATAACCTTAATAGCAACAAGAAAAAAGAAATAGGTGTTTTTTGAGCTC
TATCTGCCAGTTTCTCTATATATGAACATTATATATTGCAACATAACACT
CACAATGCCTTTAAACATCATCCCCGTTATACAGATTAGAAAACAGAATT
TTCAAGAAGGTAGGGGACTTGCCCAGGGATACATATCCTAGCAAGTGGCA
GCGC

>Sequence 1006

CCGGGCAGGTACAGAAAGCTACTATTTATGTAAAAAGCTAAAATATAAAA
AAGGTATACTCACACATAGAGTTTGGTCACAGTGGCTATCCCTGGAGA
GTGAAAATGGTAGGAGGGAGACAAACATTTCACTACATTATTGTTAAAA
CCTTTTATAAATTGTTGTCATATTTTGCATATTATTTATTTTGTAAAA
AATATAACATTATTTACAACCTTATGACTACACTACTACACTTCTACAAT
CATCACACCACTTCCAACACTTCCTAAAAGATTATACCAATTTTATGT
TCTTCTAGGGCTTTGTTTCACTTTTCTGAAGGTCCTTTACCAAAAAGTCT
TTAAATTTTTTACAAAATAATTTCCCAACCCCTTGTTCTTATACATTG
GCCACTTGAGTTACCTTTTGTTTAAAACACCCTTCTAATAGTGGATATTA
TCAAGAAACCTTCCAATATAATTCTTTAAACACTTTTAATTTTCTACT
CTAATACCACTT

>Sequence 1007

CCGGGCAGGTACTCTGGCTATCTGGGATAAACAGAAACAAGATGCTGGGC
ACCAGCTGTCTCCAGCAGGCAGGAAGGAGGGGCTGTGCGAGGATGGGGA
TGTGAGAACTACCACCAACAATGGGGTCAAGGCTACCTGCCCCAACCTC

Table 3

190/1077

CAGTCTCCATCCCACATGAAAAATTTAGGGGGAGGCCCTCAATGGGATG
TGCAGAAGTAAGGCTTGACAATGCAAGGGCAGCGGCCCTGGGGTTCCATG
CAGTCCTCTACATGATGGTGCCATTGAAGGCAACACTCTGATGCATGAAC
TGCTCCCGTGGTTGAAAGAGGAACAGGCTCAGAAACCAGTACTGCCTGGG
TCCCACATTCTGGCACCACAACCTACTAGCCCTGGGCAAAGCATCTTCTT
TCCTGCACCTTAGTCTCTCTTTTATAAACAGGGAATCACAGGAGTTCTT
ACCCTATAAGG

>Sequence 1008

AGGTACAGTTCAGTAGTGTTAAGTATATTCATATTGTTGTCCAACAGATT
TCTATAACTTTTTTCATCACGCAGCACTGAATCGCTATACCCACTAAACAC
AAGTTCTCCCTCCTACCTCCTCTGGGCCCTTGGGAACCACCTTTTCTACTT
TCTATGATTTTGACTACTTTAGACACTTCATATGAGTGGAATCATAACAGT
ATTTGTCTTTTGTGACTTTTATTGTATACTTTTATTTCACTTAGCATAA
TGTCCTTGAGGTGCAACCACGTTGTAGTATGTGACAAGTTTCTTCTTT
ATTAAGGCTGTATAATATTCATTGTTAATTCATTCTTTTAAACGGCAA
CATATTTCAATTGTATGAAAGGCCTAGTAACCTTTTATTCA

>Sequence 1009

AGGTACAAATTCAATCACATTTATTGGGTAAATATTGCACTGGCTCCAAG
AGACAGCAATGTAATAAGTCCCAAGCCTACTCCTCCTAACACTCTAATGG
AGGTGGGAGACACCCCGCAATCATCCCTAACTCATACTTAATAAAGATC
AGCAGTGCACATGGTGCCAGAGATTGGCGCCACTGCTGTAATTATCTCCA
GGGAACCTTGAGTTTCTTTATGAGGGGAGTAATCAGAAGGGTTGTTGAATG
AGTCTCCTGATTTTGAGAAGTCACTTATTTGAGCTTTAGTTTCCACATTT
GTCAAATTAATTTGCTAGAGTCAGTAGATGATCCCCAAGCTCTCTTCCAG
TTCTGAGAGTCATAGAACATGCACATTAACAGAGATGGCTGCAGACAATG
ANCTTGACCTGCCCG

>Sequence 1010

CCGGGCAGGTACAATAAATGTTTGATAAATACTGGTTGACTTAGTGACAG
AATGAATGAGGACAGTTAGGATCTAAAATAGGATAGAGAGCACCATGGAG
AGGCAGGAAGGGCCTGAAAGGAACCACTTTCAGCTTTATAGTTTCCATT
AGTCTTTAAGTTGAAGGCAAAGTAGAGGGTATACATATATGGTTTTGTCC
TCTGCAGTTATAAGCTTTATTAATAAGAAATATTGCCCTTGAGCTCTCTG
GCCCAGGACAAAACCTACTGTATGTAATTGAAAAACATTTTAAATCTAAG
TGACAGAGGAATTTACTCTGTGAGGATGGTTAATGGAGAAATCACTACA
ATCTAACTAGGAATTTCCCATCCTTCA

>Sequence 1011

AGGTACGCGGGAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCC
TTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTG
TGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGNTCCTTAAGAAGGAAAA
TTTGAGCAAGTATTTTAATTGGTTTGGAACATTTGCATTAAACAGAGGTG
CCATATTTCCAGGCTAACCTCTAGAAAATTTTATGTCTCCAAACTTTAG
TTTGCCCTCTTTTTCTTCTGTCAAGAGGGACCCATCTTNCTTAGTGG
GCAACCTGGGGGAAAATTCTTTGTGCAACCTCATGAAGGAATTTCATACC
TTGCGCCTTACCTGGCATAAATATACCAATGGGGCCTTACCATTTGGCA
TTTTTGGTAAGAGGGAGGAAAGGGAGCCCTAGTTATTTGCTGGAGAC
TGTTGCCTGTTGCAGAAAAA

>Sequence 1012

AGGTACAATGGCTTCATTATTGCCAAGTTGGAATAAGAAGTAGCAGAGGC
TCAAAATAGTAATGTGAATGCTCAATGTTACATAATAATTCAATGGCGAG
GCCAAGATTGGGATTCCAATTCTCACATTTCTAGCCACTGCTCTTCTTTT
ACACAATAAAGATGGGGAAAAAACATTTAAGCAAGTTTGACAGGAGAGTG
CCCTCTCCACCAACAAAAATTATTGAGGCTCAAAAGTTTCAGGGATTGCA
GAGACCATTCAAATGGGAAAGGGCAAGTCTCTTCAACATGGTGGTGGA
AACTGGATATCCACATGCAAAAGAATGAAGTTGGACCCTTACCTTATACC
ATATACAAAAATTAATTCAAAATAGATTAAAGATCTAAACAGAAGATCTA

>Sequence 1013

Table 3

191/1077

AGGTACTTGCCCCCAGGCCAGATAATTTATTTAAAACTTTTTTGTAG
AGACAGGGTCTCACTATGTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCTGGCCTCA
AACAACTCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTACAGGCATCAGC
TGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAATGTTTTCCCATGGCTACTTTTTCT
GGCGTTCTTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGATCCTTTCCCT
AGGCTCCAGTGTGTTAGAATTAAGAAAGAGGAAAGAAACACAATGGCTT
GATGGTCGAGGACAGGTTTATTTTAAAGAAAACAAACCCACAGTGGCTT
CTGGCTGAGTTAGATCAGAGGCATGCTCTCTTACAGACTAAGAGTTTTTA
AGGAT

>Sequence 1014

AGGTACCAGTTAAGATCTAGCTTCTCGGTTACATTTCCCTCCTCCATTTAC
AGTGACATTTAGCATACTTTGTTGTTTGCCCAGTATGAAAGCCACCAAT
CTTGAAGCACATAGGCAACCTGAGCTGCAGTGTTTAGGAGAATAAGGAAA
TGGAGACATCCCGTGAGCACCAGCTCTGAAGTAATTCTTATAGGCCTGAA
AACCAACTTTTCCTTCAGAACGGTTCTCCTCTGATAGTGTAAGTGGGACA
TTCTCTGTATCTTGCTCTCCAGAGCACCATCTTCAAGGAGGGTCTAGA
AGATTGTTGAGACCAAACCGAAGACTCTGAGAAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 1015

CCGGGCAGGTACTGAATCCCTCAAACGAGATGATTCCTTCCATGTGTTTC
TTTTTGCCTGCTCATTCCCAAATTTAGTGACAAGAACACCCAACCTTTTCA
AGCCAAATAGATATGGATTTGAATCCCAGATTGACCACTTATCAGCTAAG
TGATTCTAGAGTTACTGAACAAGGCTTCATTTTCTCATCAGAAATACAGT
AACCACTTTGAAAGGCTAGTGTGAAGATTAACAATAATATGCACAACGCA
TGCCTGCTATCAGCATTATTATTCATTATGTGCCTGACACATTCTTTTTT
GATGTTGCTGCTGTTTGTAATATCACTATTAATAGCATAAGAAGGATAC
TCTGTTTCTCACTGGCAAATTGGAAGCCGGCAACAAAC

>Sequence 1016

AGGTACTTTGCATACAGAAACATTTTTTCATCACTTACTAAGTGAGAATAG
GACCCTGGCCTAGGGGGGAAAAACAACCACAGACAAACCATACTTCCCTGA
GAAGCAGGAGCATAGTGCTGGCTAGTGAATTGCTTTCACAAACCGACCTC
ATAACTCTGTGCCTTAGAAAAATTAGAAATGGGAACATTTGGAGATCACT
TGGGAAAACCTGAAATTATGAATGTTAATCTGTGATTGCTAAGGGAACGT
GGTATTTCCCTGCCTATTTTGGCTGTAGTTTGTCTCTTTCTCTTCTAATTC
ATTTTAAAAACTCTGCTAGATTAAATTTTGCTAAAATAACCGTTTTGCA
CCTCCTCATTTTCTGGTTTAAAAACATGTAGGTGAACTCACCATT

>Sequence 1017

CCGGGCAGGTACCTTCCATGATGTTGAGGAGAGACTCNNTCCTATCCTCA
CCACACCAGAGAGTAGGTATGCAGGTTGCCACCAGTGTTCTCCTCCCTAC
CCACTCCCTCACTTTTCTTTTTCATTGGTTCAGTAGAAGGAGGGGCTGTGC
AGTAAGTCTGCCGCTTGAGCACAGGGACAGCCGTCAGTGCAGTGCTGGTC
TCCTGTTCTTGAGGGCACCTCAGTCTCCTTGACCTCTTAGACACCCTCCT
ACCCCCAAGGTGGGGAAGGAGCAAGCAGAGGGCAAAATCCCAGCCCTCCTT
GTTAAGACTACAGTGACTTTCCTCCTCTCCCTTCTCCGTGTCCGTAATGC
ATAGCTGGAAGGAAGTGTCTGGGTGGGTGATGCCAGTAGCTGGGCTGGTG
CCATGCCCGGTGC

>Sequence 1018

CCGGGCAGGTACTAAAAATACAAAAAATTGGCCAGGCATGGTGGCACATG
CCTGTAATCTCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACC
CAGGAAGCGGAGGTGGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCATTGCACTCCAGAC
TGGGCCACCAGGAGTGAACTCCATGAAAAAAAAAACCAAAAAACAAAAA
AAATGTGTATCTTATTACAGTTGAGTCCTTTTGTGAGACGAACATTCAGT
GTTTGCTAGATTATTCTAATTAGCTACCTTTGTATGGTTAGGTTAGCATG
GAGCTGAAGATAAATGTCCCGTTTGAAAAAATGACAGCCCTTCAGAAAAAC
TCTGGCAGTTTACAGAAGAAATACAAATGGCCAATAGGTATATAAAAGTT
CCTAACAAAGTGAATA

>Sequence 1019

Table 3

192/1077

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTTGGCATCT
TCAACTTGTACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCAGAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTGAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTTCATCCAACCTCCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCC
TTGGCAACA

>Sequence 1020

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTCACCATGTTGCCCAGGCTTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATC
TGCCCACCTTTGGACTCCCAAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCAT
GNCCTGGCCCTTAAATCCAACCTTAGAAGTCAACAATCTCTTTATTTACT
TGGAAGCTTTCTGGAAGAAAACCTTCCATTCAACGGTGGTGGCTCTCTTT
TCCTGGATGGTGTGTTTTGTGCCCCAAAATGGGCTTTGTTTCGTCCATCAA
GATGGACCTTTT

>Sequence 1021

AGGTACGATACTACATCATGTGTGGCTTGAGTAACAGCTGGCATAGTTGG
ACTTTTCCTTCTTTGTGCCACCAACTCCATCTTTGGATAATATTCTTTAA
TCTTATTGTTCTTTATTTACCTTTTTTTGTTTGTGTTTTTGTGTTTTTCT
TGAAGAGTGCAGGCTTCTGAATCTCTGCTCTCAAACCACCTGAAATTTTC
TAAACTTTTTCTAATTAGAGCATTTTGAATCTTTTTTTTTTTAAGTAA
GATGTTGCTGGGTGTGGTGGCTCAACCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGT
CTGAGGCAAACAGATCACCAGGTCAAGAGATCCAGACCATCCTGGCCAAC
ATGGTGAAACTTCCTCTTTACTAAAAATACCAA

>Sequence 1022

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATAGAGATGGGGTCTC
ACTTTGTTGCCCAGGCTGGTCTTGAACACTACTGGGATCAAGCAATCTTGCT
ACCTCGGCCTCCCAAAATGCTAGGATTACAGGGGATGAACACTACTGTGCCT
GGCTAATCAACTATTTTTGTCAATCAACTCTTTGAGTTATTGAAGATAA
CCTGATATGAAGATTATCCAAAACCATCTACATGTTCTGATGCCTGCTCC
AAGCATCCAGTGCAATCCCCTCCCTCTGGAGACTGAATTCCTTTTTAA
ACAGAAGCAAAGCATGCACAGCCATCCCCCTGTTTCTAACCCCCACAGA
GCTTATTCCTCCAGGTGAAAGATGGGAAGCTGGATCTCAATGTGAAAAAC
TTTGAACCATTCTGAGAATTTAA

>Sequence 1023

GCACGTGATTCTGAACCGTTCGAAAACGGCAATGTTGCTGCAACACGCTGG
CGGCCGCCCCGGGCAGGTTCAAGTCAGTGCTTTTTTGGTTTCCCTATGTCA
GAGGCTGCCTCCAGATGTCCCATATCTCTGCAAGGACAACCAACCTTGGG
CGACAGAGTGCTCAGAAGCCCAGCCAAGTGAGGGAGGAGCTCATCCTTCA
TCTCACTCAAGCCACTGCTGGTGTGTTACATGGCACATCTGCTGACACCCG
TGGGAAGAACAACAGAATGGAGTTCTCTGGGAGGGTTAAAGGGGCCTGGCC
ATCCACAGCAGCAGTTCTGGCTGTGGCTCTACTACAGGTGGCTGGAGCTA
AATTGGCCCTTCTGAGCTTCAGTCTCACTGTTGGGAAAATGGGGAGACTG
TGCTGAATCACCTCGTCACTCTTTTTCCCCACAACTTTTTGCACAAAAA
AGTGAGGCTGGTTTAACTAGC

>Sequence 1024

AGGTACTGTGTTGTAAGAGATGCAGGTTAGCAGAAACCCTCCACATGAGA
TCTGCTTTAAGACTGACCCAAGCCTGAAACGCTCTCTCCCTAAGTGATCC
ATGTCCCTGCGGTAATACCATAACCACTAAGCTAACACACTCACTGTAAA
AGTGTGCTTCTCCATGAAGCACCAAGACTTGATGACCATTGTCAGTTCT
CATTAACCTCCACTAAGACCCTAAAGGCTAAATGACAACCAAGCCTCTGTC
ACTCTGCCTGAGTGGATTTACCACAAATATCAAATCTGTTCAATCTATTA

Table 3

193/1077

TAAGAGCTAAAAAGGAGAAGCACATGAAATCACATTCATTCTTAGCTCT
TTTATTTTCCCATTTTTCATTTAGACATTGAATACCATT

>Sequence 1025

GCCCCAGTCTTCNCCNCTTCTACGCAATTTCTGAATATCGGGCGAATTGT
AGCTCCACCGCGCCGGCGGCCGCGGCGAGGTTCCCAGAGGACACAGTT
GAAATGAGGCTCTTTTAGGAAAACTAGGCTGTTAATATCCATATTGAG
TAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACA
GAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTGTTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATC
TTTATAATTTTAATATTCCATTAGAATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTC
CATCTCAATCACATCAATAAATTGATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTT
GGATAGAAAGGAAAATCCGAAGACTAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAA
GGAGACATCTTTTAAGAGGAGGACAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGA

>Sequence 1026

AGGTACTTCATGTCCATCATTCTATTTACATTTGGATCTTGCTGGGTT
GAAAAGGATCTGTCAATCTTTTGAATTCTTTAACAGTGGTTTCGATTTCA
ACTTGGCCTACTGAAATCAAAGCCAAGTGTCTGCAGAGACAGCGGGCTCT
TTCATGACTGTGAAGGGATGATAAAGGGAAACCTGTCATTTTACCTCTTA
TAAATGGAAAAAACAGATGAATCTGGCCTTCTCTTGTATCCATTCTTT
CTTTTCATTCTCACGTCCTTTTGCTTCACTTCACAACCCAGGAATTCCT
TTCCCTAAAGGGGAAAGTGTGATCATGGGAGACAGTGTTCCTGGGGGT
CAGGATGGGATCTCTGGAGACAACTGTTTGGGTTCAAGTCCAGCACGCC
TATTTAC

>Sequence 1027

CCGGGCAGGTACAATAATTAGATCATGGTATCAATTCAAACAAAGAAATT
GATGTCTGGGAACCTGGTTATACAAATACATTATTTCTTCTCTTTGAAAT
GAGTAGAAGGAAAGGGAATAATAAAATATCACATTATTGCCTACCC
ACTAAAGGCAGCCTGAAATTTTACAAAACAGTCTTCCTGGGGTCGTCTCG
ATGGTGAGATATAACTGCCTTTCATAATACTAGAAGTACTGAGACAGAAG
AAGAGGCTGGGACCCATCTGGATTGGCTGTAGGTAAATTTGTTTGTGCTG
GGGGCTGCGTTGGGACTGCTTGACGCAAAAACACAACATTGGTCTGAGTC
CGAGGTGTCCCATTTGATATTGGGGCCTGGGACTGGCCTA

>Sequence 1028

AGGTACCAAGTGGAGAGATGGGCAGCTATAGAGCTATTTTAAGCAAAACA
AAGTTTCCCTCCAAAATGTCCGCATCCTAATCTGGAACCTGAGAGCGCGT
TATGTTATAGGGCATAAGGAATTGAGGTTGCAGATGGAATTAAGTTGC
TAATTAAGCTAACCTTAAGATCAGAAGAGGAACCTTGGATTTTCTGAGG
TGGAGCCCAGGCTAATCACAAGGGGTCTTTGTAACAATTAATAGACAAGA
CGACCAGAGCTGTCATCTAGAGTTCAAAGAAAGGGAGGGTGCTGAATGTG
CAGGAAAAAGGGAGAATTTGGTACATAAAATGGGAAAAGATGTTGCACAA
AGCTTTAAATCACTTCCACCTGGCTGAGCAACATGCCTTGTCACACGAA
AAAGAGACCTTTTAAGAAGGCTTGCCAAAAAGGGCCAAGGGAAAAAACAA
ATTACCTCCCCCTTGGGAGCCCCCTCTAAGAAAAGGGGAAAGTTAGGTCT
CTTGCTCGA

>Sequence 1029

CCGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATGA
CTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTCATCTCTGAAAAGCTACTCATCCAC
AGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGAGGAGATCTGCTTCTCTCCC
CAACTCTGAACAGATGGGATCAGAATAGGGCCCTTCTACATCCCTAGCCA
AGATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCAGGACATAGACAATGGGGTCTGA
TGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCCTGNGCAAGGGGCTNTTCCTGAGG
CTGGCAATGCCATTTCTTCAGACTCAGAAAAGGGATTAGGGAGAGGGAA
ATGGTGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTACCCTGGAAAACATATG
ACACAGCTTGTGGGAGCCCAGCCAGCAGCTCTGCCATCTGACCCTTCTT
CTGCCTCTGCCAGGACTACCTGTCTGAAGACAGGCAGGCAAAAAATGCCCA
GGACACTGTTCTCTGGGTGCTGAAAAAGAAAGACAGGGTCTGGTAAAG
GGGTAAAGAAATGAAGGGAGAAAGGACAGGTTTCTGGGATGGGCCACGTAC

Table 3

194/1077

TAATCGGGAATTTCTCTTTTGGGAAGCCAGGCTTTGGGGATAGGCCGGA
CCCGGTACCTTTTTAACCCCGCCCCCTTGAAAGGATTAACCTTAGGTTT
GGGAAGAAGTTTATGCCCATACATTTTAGAACCCACCTTAAAAAGTGAG
GGGTCTGACCTCAAAGGGCTTTAGGTGCGTTGCCCCACCTCGGCCTTG
AAAAGATAATTTAAACCCCCAGGTGGGTCTGTGACAAAATTTTCATTTT
TTT

>Sequence 1030

AGGTACATGTCACCCAGTAATTCCCTGCACAGTTAAGATTGCAGCAGAAG
AAGCCAGGGCTGAGACTGGGCCCTCTGAGTATCTGCTGTGGGACACAGGC
TAGCATGCCCATCACACCGACCCAGACAAATGCATGTATCTTTTGTGAGA
CATAGTGAGTTTGAGGGATTCTGTGGCATATCCAGGTGATGTTTACTTAC
TAGGCCACTGGAATAACAAGAATAAAGCCTATAGTAGATCTTTGAGTGAA
CGATGTAAATTTGAAATCATCAATATATGAGAGATAGGTAAAACAGTAT
AAGCAGAGGAGACCACTAGGGAATAAATGATAGAATCAGAAGAATAGAAA
GACATTGCTTAAGGCAAAACAACCTTTTAGTGGATAGAGAGAGAAAAAGAA
AGCTCAAGAAAGA

>Sequence 1031

AGGTACCTCTGGAAGTGTGGGTGAAGAAGGCAGCTAAAAATAAGGAAAGCT
AGTTAAACCTATTTAAAAGCCAGTCAGATATAATAGTAAAATTGTATAAT
TAGTATACTCAGAGATAAAAGATCACGTATCCATGAAGCAAGAACAGACT
ACTTTAAAATAGAAATTCAGGGTGGGCGCAGTAGCTCATGCCTGTAGTCC
CAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGGAACAAACACTTCAGCTCAGAAG
TTCAAGACCAGCCTGGTCAAGGTGGCAAGACCCCGTCTCTACAAAAAAA
GAAACAAAGAAAGAAAAATAGTAGGGCATGGTGGTGCTTACCTGTGGTCC
CAGCTACTTAGGAGGCTAAGGTGGGAGGATCACTTGAGGACAAGAAGTTG
AGGCTGCAGTGAGC

>Sequence 1032

CCGGCAGGTACTAAGATTCTATGGTAACTGCTTGTATTTAAGTTTTTCT
CCCACCTGAAAGAGTATAAAGAAATGTTGGCTCTAGGTTTATCTTTTTGC
TGATTATATCATACACTCATTCATTTAAAACATTTTAAACAGTATACATT
GGAGCACCTTATTTTCTGCCAGACACCTTTTAAATTCTTCAGGTTCTTCA
GTGAACAAAAAGACCAAAATTCCTGCTCTGGTGATGTTTGTGGAGGCAGA
GAAAAAACAACACTACAGGCCAGGTGGGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCA
CTTTGGGAGGCTGAGGTGAGTAGATCACAAGGTCAGGAAATCAAGAGTAT
CGTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTGCTAGGAATACAAAAATTAGC
TGGGCATGGGG

>Sequence 1033

AGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTATGAGGCT
GGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAAGTGCAGAGGAAAGAAGGCTGCCCTACC
CCTGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTTCTCCTG
CCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGAACCGGG
AGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAGCATTTTCGGCGGGGCCTC
GTGCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAAAACAGCC
AGTAGTTCCATTTCCCACTAACATCTTATAGTGACCAATAATACTCTACCA
TAACTGTGCGAAAATCCTAAAAACTCTTTCAACCCTGAGATTCTACTTCTA
AGAGTTCTGGGCCAGGTTTCGGTGGCTCACATCTGTAATCCCAGCACTTTG
GGAGGCTGAGATGGGTGGATCACCTGAGGTCCGGAGTTCGAGCTCAGACT
GACCAACATGGTGAAACCCCGTTTTCACTAAAAATACAAAAAATTAGCTG
GGCATGGTGGCGGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGACAG
GAGAATCGCTTGAATCAGTTGCAGTGAGCTGAGATCATGCCACTGCACTG
TAACN

>Sequence 1034

AGGTACTGATGCTATTTTCGTGCATATGTCTAGTGTATATGTTTTAAGGC
AACTTTCTTTGTGTGTTGGGTGTGTATGTGACACGAATGGGGACAGCAT
CTGTATTTCTGAGCATGGATTGATGTGTGGTGTCTGTATGTATCTTGGAA
TGGAGGAGGGAGATTGAAGAAGTCTGGTTGTGAGCAGCAGAAATAATTTT

Table 3

195/1077

CAAAGTTGAGTGACATGACTCTAAGATGCCAGTTTCTCGGCCTGGGGTC
AGCCTGGGTGATAGCTCAGTCTGTCAGAATGAAAGGAAACACGGTGCTTC
CTTGCTCCACCTTTTACAGGCCAGACCACACCTTTTTCATCCTGAACAC
AAGGATTTCAAGGGCTTTTGTTACCTCTTCCTACATTTCTGCCTCTGCT
TTCCGAGGC

>Sequence 1035

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTGTTGCCGTGTCAC
CCAGGCTGGAGTGCAAGTAGTGATCTTGGTTCAGTCAACCTCTGCCTC
CCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAAGCAGAGCTTGCAAGTGAGCCGAGAT
TGTGCCACTGCAGTCCGCAGTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGAGACTCCGT
CTCAACAAAAAAAAAAAAAAAAAAGATGAAGGGTTTTGTAAAGATGTTTAC
TTTAAAGAGTGTTTCTTTAAAGGTAGTTAACATATTAGTAACAAGGAA
ATTTTAGTAAGACTTAACCCAAAGAGTAATAAAAAATTTTATTGGAAA
CATTTCCAGTCTATCTTAATTAGCTTTTACCTTTAAAGCCCCCTGCCCTA
CATAGTTCCTGATAGAATGAATAGACTGCA

>Sequence 1036

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTTCAAGTATATGCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAACTTCTAATGATTTTTCTGGTG
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTTCTTAAAAAATCCCA
TAAAAATATTCATTATCAATACATCATATTGATGATATCACTCAAGAAGG
AGATGTCCTCACTCTAAGCATTATTATAAAAAATTCACAGGCCAGTCCACTT
TTCTANGAAAAATATNGCCNAGTGATCCTTCTAGCCTTTTTGCATTCC
TGGGATTANTTTAAACCAGGCTTGCCCTGAGCAGGCCCTTGACAACCTGCC
TCTGTGGAACCAATGCTCCCAGGCCTGTTTTATTTTTGGG

>Sequence 1037

CCGGGCAGGACACATACATGTCCTTACTTTACAGGGAGACTTTCAGCATA
TTTGTTAGCCAATGTAGCACCTCATGATACTTCAAAGTAAAGTAAAT
ATGCTAGCACTTTTATATCTATGAAATGTTTTGTGCTTAAAGTAAAGTAA
CTGAATGTTTATAAACAACAAAAAGTTTCAAGTAAAGGGGTGAAGATCCT
ATTGAGATGTCTTAAGCAATTAAGAATATGTCTTTCAGAACACTTCAAT
TTTTTTTTTTTTGTAAAACCGCGACCCGACTTAAAGTCAATTCTCTCAT
AATGCATTATCAATAGATTGTTACTTGTACTCGGCTCTCCCTTAATAA
ATATGGGATGGGATGGGGCTTTTCTCAACATCACTATATCCCTCATCTC
CTTGTACATTAACAAACC

>Sequence 1038

CCGGGCAGGTACTAAGTTTCAAGGAGACTGATTTGTATATTGAAAAATAA
AGTATTATTGTCTACAATGGTAGTTGTGAAAGTTGGCAGCTGATTGGAAT
CACTGAGGGCATTTTTCAAATAGTGGTGCCTGGGTCCGAGCCCCCTTCC
CCTCCCAATTTGATTCTTATTGGCATTTCAAACACCTCCCCACGGTGG
ATTTTTTGGTCTAAGTCCTGGGTTTGGGATATCCCCCTCTTCAACGG
ATTTTTTGTATTATAACCTTTTACCCTTTTCTTTAATGGGACCCCTTTAT
TTGGACCACACCATAGGGTTTTTTTAAAAATCCTTTTATTACCCGGGGT
TTTTTCTCCACATAAAAAAACCCCTTTTCTGCGTGTTAGAAAAAA
ACATCACCTTTAACAATTTGATTACCTTTTCCCTCTTGAGGGC

>Sequence 1039

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC
AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTGGGGCCAGTTCCCTTGGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTGAGAC
TTAGGCTCCACATCTGTAAAATGGAAATACTTATTTTTCAGAGTTGTCAT
AAACACTAAATGATTTGACTTATATCAACCTAATTCCTACTGGCTCATTG
AACTCAGCTCAGCTGTCCCTCTGTTCCGATGCCTTCCCCAGTGGGTGCT
TAGTTAGGTATTCCCTGCTTGGATACCACTGCCAAGCTTCTTACACAATT
CCCTTCTGCCATTAACACTCATGTCTTTTGTTAT

>Sequence 1040

CCGGGCAGGTACATCATTAGAATCCTACCTCAAACATGCAATGGTGGGAA
AAGATTTACAATTTAAATTTAAATAGTAGTTAAGCTAAATTTATTTGG

Table 3

196/1077

AATAATTTAGGTTTCCCTGGATAATTTTCCACGTTTCATCTCAACATTAT
ATAAATTCATTCACAGTCACTCAGGATGAGTAAGTAATGCCTCCAAAACA
GCCTGGTTCGTGGGTTCTTCTGAGTCCATCTGGCTTCTGGCTAGAAGACTG
GAATGACTCATAAAAATGAAGCAACCTGAGGTCACCTACTCCAGGTCTTT
TAAACAGAATTGCCAACTGCTTACCAGGTGGTTCCAATTTCCGAGAATAC
TAAAATAAGGGGAGAACTCATTCTAGATACACCATTTTATTTTCATATT
GTCTCTG

>Sequence 1041

CACGATGCACGTACTACTACGTCATATAGGACCAACAGCGCCGTGGCCG
CGAGGTAATCTATGGTCTGTTAGTGTCTCTGTGTTTCCTATTGTGCT
GATGTGAGCTTGCAGTCTTTTGTAAATTAAGGATAAATTTATTTATGCA
TTTATGTATTTATGTATGTATGTTAAAAAATAAGGGTTGATTAAAAA
TAGTTATTAAGTGGAGACACTTAAGAATAATACACACTTCTCTAAATAAA
ACGGAAGAGCCTACTTGCTGCTTGTGTTGCAGGTAGAATTGACCCGAT
CCCCTGCAGAAATCCCTGCCCTCTCCTCTCTGTCCCAGGAATGCCACGCT
GCCCTTCACGCTGGCATGCTGCCTGTCGGTTCTGTGCTATTCCTTAGTGA
CCTGTAGATTTCATTATCTGTGTCGCCACAACCTTGTCCTTTTAGATTGTC
ATATGCGTTAAGTCCAATCATTAAATCCAGTGATTTTCAAATAGCAAA
AGTAGGTGTATAAGTTTCCAACATGTGTATAATTTGAAGCTGAGGAATGA
CTAAGAATGAAAGAACTCAGTTTGTTCCTCAGTGGGCTGCATGTGCC
TATGGAGTTTCACTTTGAGCANACTCTCTCGAGGCAAACCTGCTGGCCTC
ACCACCTCAGACCCCGCCTTGATGTTTCATGGGAGAGAACTGGTGGTGGGT
CCAGTTTGTAGCTTTTTTGAAGGACANGGAGAAGCCTTGAATATGACTTN
CTTTAAAAACAAAAGGAANTGGTAGGCAAGGCGGGTTTTTTTTTGATTTT
CTAGAATAAAATTTATATTTTTTTAGATATAAACTGCTTTTCCTTGAGGG
CACCAGTGACTAATTGACTGCTTTGGAAGTGTGCTTAAACATGCACACAG
CTTGGTTGCTATTAAGCTGCAGAAAT

>Sequence 1042

CCGGGCAGGTAATACGTCAGGTGCTAAGGTTAAGATAGTATTTTCCTTCA
CTGACTCCTCACTCCGAGAATCCATTTTACAGCTTCATTGGTTTGGGTTA
TTCCAATTTTTTGATGTGAGTAAATAAATGACTTCTATTTGCCCAAAATA
AAGCTTATATAGGCCTTATAACCATGCAAATGTGTCCATTAAAGTTGGACT
CGGAATGAGTGAATGAGTATTACTGCCAGTGTGTGTGTGTGTGTGTGT
GTGTGTGTGTGAGCCTCTGTCTGTTGGATGGCTGGTACTTCGGCCGCCT
TCCTTCTTGCGGTGCCCTCCTGGCTGTCTGACTTGCTTGTCTACCTGTCT
TGATACCCTGTTCTCTTAGTGTGGCCCCTGAGCTCGATTTCTGGGCCCTT
TATCTGGGG

>Sequence 1043

AGGTAATGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGATGGGTTGGAGGGAATGGATGGATAGATTGGATGGATAAGACAGTG
TACCTATGTGATTCAAGTTTGGCAATAG

>Sequence 1044

CCGGGCAGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAG
AGTGGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAA
TTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACA
GAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCAT
AGAAGCCAAGATGAAATAAACTTTAAGGAGAAGGAAGTACTCAATTGTTT
TGAATGCTTTGAAGAAAGATTGGAATTGGGTAAAAAGGCCCTTATATTTG
AATAACCAAAGGGCAATTGGTGGTTCTTGATTGAGGGGGTTTTAAATAAA
AAGGGGGGGGAATAATTTACCCCCCCCCGGAATTCACCTGAGGGTAGGG
AAGGGCCTTCCAAAAATTAAAAAACCGGGCCCTTTTTTAAACAGCT

Table 3

197/1077

>Sequence 1045

GACCAGGTTCGTCCATCTCTATTATCGGGCGAATTGTAGCTCTCACCGCG
GCGGCGGCCGAGGTACTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGAGATG
GGGTCTTGCTGTTTTGCCCAGGCTGATCTTGAACCTCTGGCCTGAAGCAA
TCCTCCTGTATAGGCCTCCCAAATGCTGGGATTATAGGCATGAGCTACT
GCACCCTGCCTCTTGTTTTAAGATAGATTCTCATGCTAACAGAATAAG
CTATTAGCCACATTTCTACAAAGGGGATTTTAAGTCAGGTTTATTCTCTA
AAAATGAGAGGCATTAAAACAAAGATAGTTCTTTAACAACAACAACTAA
TAATTTAAATTTTTTGCTGTTTACTTTATGAAAAGGGGAGAATGTCAAC
ATTTAATTTTTATGGCTAATAGTCTATGGAATTAATAATAAGAGAT

>Sequence 1046

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGCTCCTGGGGTGGAGTCCAAATCACTCATT
GTTTGTGAAAGCTGAGCTCACAGCAAACAAGCCACCATGAAGCTGTCCG
TGTGTCTCCTGCTGGTCACGCTGGCCCTCTGCTGCTACCCAGCCAATGCC
CAGTTCTGCCCAGCTCTTGTTTCTGAGCTGTTAGACTTCTTCTTCATTAG
TGAACCTCTGTTCAAGTTAAGTCTTGCCAAATTTGATGCCCCCTCCGGAAG
CTGTTGCAGCCAAGTTAGGAGTGAAGAGATGCACGGATCAGATGTCCCTT
CAGAAACGAAGCCTCATTGCGGAAGTCTGTTGAAAATATTGAAGAAATG
TAGTGTGTGACATGTAAAACTTT

>Sequence 1047

CCGGGCAGGTACCTCCTTTCTGTGGGTTTTCCCTTGACTAGAATACCCTT
GCCCTAGCTTCTTGTCACCTTGCCTGGATATGTGGACTACTCATTCTT
CACTTCCAGGATGCTCCTACCCAATAAACTGACAGCAGTTGTGCCTGTTA
AACCCTCTCACAGCACATGAACCTTTCTTTCAAAGCATTATACGAGTTT
GTAATTGTCATTTTGGCTCCATCATTAGATATAAGCTTCACGAAGAAAG
AAACCATTTTCATTCCACACTGTCACTGCAGTGCCTACACGGTGCCTACAT
CCCACCACCGTAACCCTGGTGCCTACATCCCACCACTGTAATCCTGGTGC
CTACCCAGTGCCTACATTCCACCACTGTAACCCCAGTGCCTAGCAGGGCA
CTTGGCATAACATCTACCACTGG

>Sequence 1048

AGGTACACAGGCCGGGCACAGTGGTTCACACCTGTAATCCCAACACTTTG
GGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGG
CCAACATGGTGAAACTCTGTCTCTACTAAAAAATACAGAAAATTAGCCAG
TCATGGTGGCACGTTCTCTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGA
AGAATTACTTCAACATGGGATGTGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATCGCGC
CACTGCACTCCAGCTGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTTAAAAAAAAAA
AAAAGTTGTATGTGACAGCTAACCATATAAATAAAAAAAAAAGAAAGAAAAA
AAGAGAGAGAAAGTAGGGACAACACTAAATCATTAGTAATTTGAGCACAT
TTCCTCCAAGGCATATGCTATTTTTCAACT

>Sequence 1049

CCGGGCAGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGC
TAGACTGGAGAATCATGAGCATGTTCAAGTGAAAACATGTGAGTGGATAA
GAGCAAGAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTT
CAGTATTTGGGTATGGAACCTTGTTTTGCTACTTGCTAGTTCTAAGACCA
GGCTCAGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGATAGCACTTACC
TTATAAGATTTTACAAAGATTAAATATCATATATAACAGCACTTAACAC
AAGTAAGAATTGAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTT
ATAAGTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAA

>Sequence 1050

GGTCCGGCGACACGACNCACGAAGGGGGAAACGAGCTCCACGCGNGGCGG
CCGAGGGGGGTGCGACGCAGCAGTAGTCCNACACCCGAAGNCCANGANNG
GGCCACACGAGATTGAAAAGAAAAACAGCAAGGCCAAAAGANCGAAAG
ACGANNGAGAGGGGGCCAAACACCNCACAAAGAAGGTTGAAAAAAAAAAGC
GTTTGCAGGAGCGGCACCCCTCTAAAAANAAAANGAAGNNGGGGAGGG
AAGAAAGAACCCANACANAAGAAAAAGGANAAAGGAGCAGGGAAAAACCC
NACACCNNGNAAGGCACCNGAGGNGGAGCGAGGAGAGACCCNANCGNAG

Table 3

198/1077

GCAGCCCCACAACAANAAACACAGGGGACGCAGCGCACC

>Sequence 1051

ACGTACACCTAAACTCCACCGCAGAGCAAGCAAACCCAATCTGGCACACA
GCTTTTGGGGGTTTCCTCTCCTACTATGGCCCCTAGCCCTGTGCCCAGGA
CATAGTGAAGGGTCAGTAAATGTTTGGCTACATTGATCTGAAAAATCCTC
ACTAACACTCCTCCAGCACATGCACAGGTCTGTTGAACAAACATATCCCA
TAGAACCCAACGGATCTGCGCCTAAAGTCCCATAGAGCCCTTGGGCCCCG
TCACCTTATTTTGGGAATCATTCTTTTCCAAAAAATTACCACTCATCTT
TTCAATAGGGAAACTTCACTCCTGGAGAAAATGGTGGGCTGGGTAAAGTT
CATCAATTGCCATATTATTTTCTGCTTCCTGGCCTATTGGTTTAGAAAC
GTATTGGGTATTAAATGGCCATCTTATCTTG

>Sequence 1052

CCGGGCAGGTACAGGCCAGGTGAGCCACCGCGCCCGGCTACACAGTTTG
CATTTTAAAGATTACTTTGTATACCCCTAGAGAGGTTCCCCCCCATGGA
ATTCTATATTGTCTAACTGTTTTCTGATGACATAAAATTTCTTCCTGAGT
TCTTTGGAAATTCAATTTGAAAGTGAATGGAAAGAAATTGTCAATGTGCC
ATCAAGATATCCTCTTCAACCATTTTGGTATTAGGGATGTGTTTCTGTA
CCACTTTTTAACCATTTTTTATGTTTGAATTCTGATTCATGAGAGAATG
ATTGGCATGATGGAATTTAGTTAAACAAGAAAAACCCTGGTATATAACTG
TTAGGTTGGGACCTTAGTGTTTAAAGAGGCAAGGGACAGGTAGAAGACCA
TGAACCACCTTGAGTTTTTGGAAATTCCTGGCCTTACAACCTGGTCTAAAT
TCTTCTGTTGCCTTCAGTTTTCCCTTTTTCTTGTAAGAGG

>Sequence 1053

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGGTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGG
AAGGATGGGTGGAGGGATGGATGGATAGATGGATGGATTGATAGATTCTT
AATATCGTTCAGCTTTCGCAGGAGAGATGGAGCCACCTACGCATTTTACA
AAGTGCTAATC

>Sequence 1054

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTTTTGTA
AGATGGAGGTCTTGGTCTTGCCATTTTGCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCT
GGCCTCAAGTGATCCTCTCGCCTTCGTCTTCCAAAGTGTTGGATGGGATT
ACAGGCGTGAGCCATCATGCCTGGCCTACGCATTAATATTTAAACTGTTT
TTAGTTCTGTTGGTCACTTCCATAAAGATTAAATATGGTTGTATCTATAGC
TCATGAGATACCAGCTTTAAGAGCTCTTAGTTCCCTTTCTTCCAACTT
TTATTTAATTTAATTCTTTTAGTGGTTACCTTCGTAACATTAGATATTAT
GTTTTCGGCCAACAACAGAATATCATATCAACAGTTTTCTGGCAGTCCA
GCTTCCATGCCTATTTTTTCCCCGCGTACCTTGG

>Sequence 1055

AGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAAGGATAT
GAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGACACATGA
AAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAAATCAAAAACCAC
AATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCTGGGCTTCCGGGCAACGTGCT
AGAGCTTCTGGGAAGCAGNTCGTGGCCCCCTTGNGAGATTNNACGGCT
TCGGATTCTACCCTGCAGGANNTGCTCCACTGTTGTCTNNGCCGGCCTN
CTGGCGNNTTTTGCTTGAGGGGNTNNAACCTCGGAATGGGCTTTAGAAAA
CAAGAACCACTGNNAGATNNGGCCAGTTCGTGGCCN

>Sequence 1056

GTCGGACCCCATTTCTGACTTCGGGCGAATAGTAGCTGGCAACGACCGCG
GTGGCGGCCGGCAGGTACGCGGGAGAATAACAAAAGCACTCGTGTTACT
TTTAAACAAGGTAAACTTAAACAGTTTTTCTCCGTTCTTTTTTTAT
GGAAATAAGAGGCAAGTGATAGCAAGTGGGTAATTCAATGGCAGTGGTAA

Table 3

199/1077

CTGAAGCACTGACCTGTTACAAGAGAGACGGAAGCTTCTACTTGAGCAGA
TACAAATACTGTCATCCGTGGAGATTTGAAAGAAGTCTTTCTATCACTGG
GTAGTTTGAGAGCTCATTAGTCTTCTTTAGAATGGGTTTAAACTTGGAAA
CATCAAAGCCAGTTACAAGGAACTTAATTTTACTGTGTTGGCAGCCTAA
GCGCCAGAATTTTGTTATTAAAGTGTCTGAAAGTGGCACAGGTT

>Sequence 1057

CCGCCCAGGAGGTACTTGCCCCAGGCCAGATAATTTATTTAAAACT
TTTTTTGTAGAGACAGGGTCTCACTATGGTGCCAGGCTGGTCTCAAAC
CCTGGCCTCAAACAATCCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTAC
AGGCATCAGCTGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAACGTTTTCCCATGGC
TTCTTTTTCTGGCGTTCTTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGA
TCCTTTCCCTAGGCTCCAGTGTGTAAGAATTAAGAAAGAGGAAAGAAAC
ACAATGGCTTGATGGTCGAGGACAGGTTTATTTTAAAGAAAACAAACCA
AGAGTGGCTTCTGGCTGAAGTAGATCAGAGGCCTG

>Sequence 1058

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAAGATAGTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
CAGCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
TAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAATACTTTTCTCTG
TTTTCTTTTAAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAA
CGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGT
GTTAAG

>Sequence 1059

AGGTACGCGGGACAGTCACAGTTAACATCCTCATTCTCAATCCTACCCA
TGATGCAGACAGATTGCCTCATTTAGCTCAATAAAACATCACCAAATTC
CCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGGCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTA
AGTGCACGTCTCCCGTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGA
ATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTTCAATCCTTAAGAAGGAAAATTGA
GCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGC
TAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGT
CAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAAT
TCAACTGCGC

>Sequence 1060

CCGGGCAGGTACTCTCAGGCTGGCCACAGTGACTCATGCCTGTAATTACT
GCACTTTGGGAGGCCAAAGGAGGAGGATCACTTGAGCCAGGAGTTCGAG
ACCAGCCTGGGCAACATATAGAGACCATGTCTCTACAAAAACACAAAAA
GTAGCCAGATGTGATGGAGGCTGAGATGGGAGGATCATTGAGCCTGGAA
GTCAAGGCTGCAATAAATTATGATCATGTCACTGCACTCCAGCCTGGATG
ACAGAGCAAAGCTCTATCCCCAAAAAACTCTCAAGACAACCACAAACATCT
CACACCATCTATATATGATGAAGTAATACATATAAACCAGTTGTTTAAAA
CAATTTCAAATTTTGGGTAATCTCTGATTGCCTGGATTATTTCCA

>Sequence 1061

CCGGGCAGGTACTGGTTTGGGAGAACTTAGTTCTCTAGTATCATCTTCATC
ATCCTCAGTTACAAATGCTGACAGAGCATCTACAACCTGTGACATACCAT
CCAAACACCAATCCCCAAAAATGTGCTATCCCCAAGGATATAAGACACGGTC
CTTGCAAACCTAGGTAAAGAGACAGGACTTAAACAATGATGTAGGCCGGAC
ACTGTGGCTCACACCTATAATCCTACCACTTTTGGGAGACTGAGGCAGGAG
GATCACTTGAGGCCAGGAATTTGAGACCAGCCTGGGCAACACAGTGAGAC
GCCAGCTGTATTAATCCATTCTTACAGTGCTATAAAGAATCGCTCAAGAC
TGGGTAATTTATCAAGGAAAGAGGTTTAATTGACTCACAGTCCACATGG
CTGGGGAGGCCTC

>Sequence 1062

CCGGGCAGGTACTGGAGGGTAGACTGCTATAACAACCTTTTGGTTTGGAT
GGGAATAAACAGAAAAAGTCTCATCTCCAGTTCATTTCTGGGGAGGGTCA
GGAGGTGGGGGGTGCTTGGCTCTACTCCCTTCATATGATTTTCCCTTCTT

Table 3

200/1077

TATCTCCAGGATCTTCCCCATTTACGGAGAGACATGGATGAGAATGAAG
GCTGCTGAGTGGGACGGGCTTATGGGGCCAGTTTTGAAGAGGCCTCATAC
CTTTTGGCCACATTCCATTGGCCAGAACTTTGTCATATGACTGCCCCTAA
CTTCAAGGAAGACTGGGAAATGTAGTCAAGTTGCCTGTCCGGGTAGAAAA
GGGACCCTTTTCTGTGGAATAACTTGCCTGTTTG

>Sequence 1063

AGGTACTTTTTTTTTTGTCTCCAGCTGTCAGGACCTGTTTATTGTTGAA
ACTGGTCAGACTATCAGTCTATGGGTAAATTTCTCCAGCATTATTTAGT
AGCTCCAGAAGGAGAATGGATAAAGTAGGCATTGAAATAGGCTTAACTT
TGGTTCTGCTGGTGGATTCAAGAAAAGGGAAAAAATTGGAAGAGTTGAGAG
AATGGGCAAGAAGGAGGTCCAAACGCTGGAGCATAAACAGAGAAAAAAGA
CAGAAGAAAGAGGGGGTGTGGATAAAAACAAAGGGAGCAAAAAATTGTAG
ATCCTGATGAGGTTGAGGAATAGTGGTTGTAAAACTAGAAGGATAAGAG
TTTGTGATCCAAAAGCAGGTTGTAAATATTTAGAAAAGGGACACTTTCT
GAAGAAAACATGGTCTGGGTTGGAGGTTGGGAAGTTT

>Sequence 1064

AGGTACCCCAAATGAAATGGCTTTAAAAAGATAAAGGACAGAAATCATGT
GATTTGCTGGAACAACCTTCCAGGGCAGCACAGTCTAAATATGGCCAGGCA
GAGTGCGCCAGGTCCCCAGCCATGAACACCAAGGGCTTCCAGGCACGCTG
GCTCCCTTGGCTCCCAGGGTGTTTTATGGTGAGAAGGCAAAACCCGAAAA
GAAACAAGAAGAAAAACGACACCCGACCTGACTTTACCTTCCCGGGCATC
TTTTGGTCCCTATTGTTATACGTGGGCCCCAACACCATTGTGCTGCTCTG
CTTCTATCCTCCCATTTCCACTGGAGAATACTGAGGCAATTATTGGGCCCCA
AAAATGGTATGAGGAAAATCCTTTGGGGCCTAATACCGCCTCCTTGCCCCA
CAACAATTTCTATTAGTCTTTTTCCGGCCTTCCCATAGGGAGACCCCCC
CAAATGTATTGAAGGGGTTAATCCTTTAGGGCCACCTTTGGGCCACCAG
GGCCACCAGACGAGCCCA

>Sequence 1065

AGGTACCTTTAGGTATTTGAAGAACTGATGATATGTAGCTGTGACTCTGT
TTCTGAAGGTTGAGAACCTCCTTTTTCTGAGGACAATTTCGTGCCCCCTTT
CAAATTGTAATTGTAATCACCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTCAGCCA
CCGTGCCTGGCCGTTATTTGTCTTTCATTCATGATATTGGTTAATCTGT
ATTTATCAAGTTTGTTAATTTTTTTTTTTTTTGTAGATAGGGTCTTGCTGT
CACCCAGGCTTAAGTGCAGTGATGTGGTCATAGCTCACTGTAACACTCCA
ACTTCCTGGGTCTCAGGCAATTCCTCACACACTAACACTCCTGAGTTAGC
TGGGTACTACAGGGCGCACACCAATGTGTGCCTGGGCTATTAAG

>Sequence 1066

CCGGGCAGGTACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCTCAATTAGGAAAA
ACTAGGCTGTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACA
AACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAAGATTT
GTTTTTCTGGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATT
AGAATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAAT
TGATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAG
ACTAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTAAGAGGAGG
ACAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCCTACACA

>Sequence 1067

CCGGGCAGGTACAAAATTATCTTTATTCAGAAGATCACATAGCAGCATGT
TCATAATCAAAAACATTTTACCTTAGCAATAAACACCAGTCATTTATGCA
AGAGCTTCCCAGGGTTGGTAGATATTTTTATTGCTTCATTTTGCTCTAGT
TAAAGAAATGGAAGAGATGCTTTTAACTTATTATCAATCCTACTTCANGT
GTCAAGAAATGCAAAGCATTAGAAAGAGAGAGGGAAAGAGGGATCTTCAA
TATTCTCTGTAAAGGAGCAAATTCTGACATGGTCATCTCAGACACCCTCT
TTTAATTCCAAAGTCTAACCTTACAAAAGCAGAGAAAGGCCGGGCACGGT
GGCTCATGCCCT

>Sequence 1068

CCGGGCAGGTAATCTGCTACTGAACGATGAACCTTAGGGCCTAGGTTACA

Table 3

201/1077

CCTATCCACTTTATCTCCTCAGACCTAATTCTATGCCTTATGATATACAA
GGGCTCAAATAACTAGAGTGTTCATATATGAAGAGCAAATATAAAGCACTC
AAAAAAGCCAAGCGCTACCTCTTTAGAACTTGGAACACTGCTGTGATCTT
TCTCCATTATCAGCCATCTGAGAACATTTGGAATAGAGGGGTTTTTCCAT
GTTGGCCACGGATTCACAAATCTCCCATCTTTCCCTTTCTTGATTTAGT
TACATCTTCTTCTAGTCTATAATCCAGTTTGAAGCTTTTCCTAGAAAACC
TAGAAGAATCACTTGCTCCGGAATTCCGTGCTGAAATTTGACGGTTTCTT
AATGCTTCTTTAAGATATTGGCTGGCT

>Sequence 1069

AGGTAAGTGTGAGGCACTCTTTCCCACTCTCCACAAACCCTCAGCTTAAC
ACAAGTGTGGTATTGCTTTGTCCGTTTTCCCATGAGGACCCTGAGATTT
CAACAAGGTTTCACTAAGTACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGTGTTGC
CAGGAAGTGGCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCATCTTGTCTTAATCT
CTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCTGTTTCTTCACTGTTTT
ATGCCATACAGTCTCCCTTGAGTAGATGTTCTGTATAGGGGATATCACAG
CTTCTGTTGAGAACTGGGTTAAGTCCAGCAGGATGCCCCGGGCTTAGTGG
CACTGGAGTTGTGGGTGGCCTTGAGCCCCAAGCAGTCCCCTGAGAGCCCT
TTCCGATGGATGTTTGAGTCACTGAGTGTGTTCTTCTTCTTCTGGTCA
GGTGTCTTGGCCGCTGCACTTACAATTGCACCCCATCCCCCTACCCACT
CTGATCCCAGAGGAGAGTCTTCTGCTTGAACCTCTAAGGCACAAGTGGG
CCCCAAAGTCTTAAATATGGAAGGATGTGGNGAAACAATGGTGAAGATT
GCAGCCATAGGGTTACAGGCAACACTGGTTTTGTTGTAGGTACCCTCATC
TAAAGATTCTTTATATTCTTTCCAGATTTATTTTCTAAAACTAACTGGG
TTGGAATTTACCAGCTTGAATTTTCTTTAGGGGATTTGGACATTCCG
ATACCTACATACTTGAGCTGGTGGAACCACCAGAGGGTTTGAACCTTTAA
GTGGTAATTT

>Sequence 1070

CCGGGCAGGTACAGTAGCTCTAGCATTTTCATCACAAAGTGTGAGGGGAGA
GAATAGCTTTTCACTTTTTTGTTCATCCCTCTCACTTTCTGGCCTGTCTTTA
CGGATGCTGTCTTACAGCTGCTTATCCAAAGATAAGTGGGTTGTGGTGAT
ACTGATTACAGCTGCTTATCAGAAGATAATGGGTTGTAGTGATACTGATT
AGCCTACGGCATAAATTAAGTAAAAGGGGGAGGAAAAACAGTTTTGTCAT
GACTCAGGAGGAAGATGAGGCACACTGTCACTTTTGAGCTCTGTGTTTTG
GCAGGTCTGCCATGACCCACGTGGGAAATAAAGGGCTCCCTTCCGCTTGT
GTTTCAGGACTACTCACCAGGGGATTCTCCACCAGGGACACCGCCAGCGT
CCCCACCGTCCCT

>Sequence 1071

AGGTAAGTAAATTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAGCAGAGATGGGGTTTCGCC
ATGTTGACCAAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTAAGGTGATCCACCTGCC
TCGGCCTCCCAAAGTGTGGGATTATAGGTTTGAGCCACCACGCCAGCT
GTGTTATGTTTTAACACATGTGCTATGTCGCTAAGTGGTTGGAAATATGA
AAATGAGTTGATGTGTTCTTATAATAAGACATCTGCTTTAGTATACATTA
TTAGCATGCTCTTCCACTTTGGAATTTTTATTTTATATTTTCACTTAGGC
AAAAATACTTTCAACCATTAAAGTGGGTATAAAAGCAACAGTTGCTTTTA
GAAATTTACTCTTTTCACTTGCTGGGCTGGTTTGGTCACTTGTTAGACTA
TAAAAGTGATAAATTA

>Sequence 1072

CCGGCCAGGTACATTTTATTCATCCGTCGTTTGGGTCAGGGTCTGCGGGC
AGACACAGGTAGCTACTGCCCTGTTGTGAGAAGCAATACCTCAATTGGTG
CCCCATGTGAGGAGAGCTGTGTGAGGACAGTCAGGGGTCTGCAGAAACAG
ACCTTCCGCAGTCGGAGCCCCCTTTGTAAGGCAAGCTTTGAAGGAAGTGTA
AGGACCGCTTTCATGAGGAAAGCTGCAAAGGAAGCCTGAGGAATGCGACG
GGCCCCCGGGAACAAAGGTGAAGAAAAACCGCGTGGTCAAGTCAGTGAG
TAACTAGTAAGTCATTGGTGCCCACTCAAGGTTACCAAGTTCTGGGGAAA
GTTGGTTCAAGCTGAGATTTTATTATGGGACAACAGTTATTAGCACAGCA
GAAACATTATATAAAAGGTT

Table 3

202/1077

>Sequence 1073

CCGGGCATGTACTTCTCTCTCTCCCCAAAAGCCCTGTATGAGTGTGTC
TCTGGCTGCGCATATTTAAGTATTAAGTGAAGATGAGCTCAGCA
GGGGCTTTCTAATGGCTAATCCACAGTAACCCATTTAAAAAATCTTTTTT
TTCCCACAAGAAAAAGAACTAGTAGGGAAAGGACATTTTGGTGGTTGTTT
GAAAGAAGTGTCACCTCGGGTATTTGGGGGAGGAAGAGTGGTGTCTCACCA
TTGAGTTTTTTGTGGTGGATGCCTCTTTTCCAGGTCCAGTTGCTGAAT
CCAGGACATGGAGTGGAGACAGGGAGTGGGTACGGAGGTGCCATTAAAGT
TCTAAGCAAGTTCAGCAGTGTTTAAAGAATTTAAACCCACTCTG

>Sequence 1074

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCAGCTCATT
TTTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCGATCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGG
GATCACAGGCGTGAGCCATCACAACTGGGGCCCTCTAATTTAATTCCTC
TTAAAAAGAGTAGAGTAAAAACTATTGATAGGGCCAAAAATTATTTAAG
TTAAATCTTTTTACCTTTAATCGACAAGGGCAAATAAAATGGTAATTTT
TGCCTTAAATATTAGGTTGATTGAAAGTCATTACCACAAATTGGAACAAG
TAATATCATATCACCATTTTTTAGGTAAAAAAGGCCAATAAAATTTTGA
GAACCTTTATAAAGCCTATTATGGGTAGGCTTTATTTTTTTGGGGTGGGG
GAAAGAAAATTGAGTAAGAAGAAATATTTAACAATCTCTTAACTGGGCA
ATGAACACCATTTTTTGATG

>Sequence 1075

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACGGAGTTTGCTCATGT
TGCACTGAGCTGAGATCATGCCGCTGCACCCAGCCTGGGTGACAGAGCA
AGACTGTATCTCAAGCAAACAACGAACAACAACAAAAACCTCTAA
GTAATAAGTCTGTAACCTTACACCAAAGGGGATTTTTCTTCAGTAATTCT
ATAGGATTTTTGGGTTCTTTACATTAAGTTGAATACAAACATAACATGAG
TTACAAAAGATTAAAAACACAGAAGTAATATTAAGGAGCAATAAATGTCAT
ATGAAATCCCTAAGTGGAATAAATAGATATTCTATTTTACCATTATTTT
AAATTAGAAATTATTTACATTAAATTATTTTAAAACAATTATTACCACTA
CCAGTATGACTCGACTGCCTATGATCAGAAAGGACAGAAAAAAGATGTCT
GAAACAACCTGCTGATTTAGACTTCCATTCTTTTGGAGTTATATTCCTGCT
AATGATATGTGTTTAAACATTATATGAGTAAGAATAAGGAATTTAATCTA
AGAAATGGAAGTTACAGGTGCATTAAAGAAATTAGTAGGTGTTTTTCA
GCCTAAAAAAAAGGCCTTATGAGATAAGTTATTCGGATTTTATTTGGT
TTGG

>Sequence 1076

CCGGGCAGGTACACACAGTGGCAGGGCAGCCGGAAGGAGGATGTGGTTT
TCCTTTTCCTTTTGAAGAAAAGGGCTCAGTCAGCCTAATTGTCCCTGA
AGTGCTTCCAACCTTTTCTTTACGAGCTTTAATTGGTATGTTTGCATGCA
GCATCTGGGAGTTTCTTTAATATCTACATTTATGTTGGACTGTCTAATTA
TAGTCCTCTGAAAGTTTTCATTTTGGTGGCTCCATTAGCGCATCTTATG
AATTATGTGAACCTTTTTCTGAATTTTGGATCTATGTAGTATAAACTTTA
TTGTTTCATCGATAAGCTTGTGAAGTATTCTTTGACTTATTCTATCAC
CTGTTTTTGGTTTTTCTCTATTTTATGTAATTATTGTTATACTCATCTA
TAATGTCTCCTTTTCTGAATGCCTATCTTCTTTA

>Sequence 1077

AGGTACCTCAGGAGGTCTGCAAGTGTGTGGTTAGGTAAAACTGAGCTGT
GCAAACCTCAGTGATCCAAGCTCTTCTCATGAGAGAGCGGAACAACCTGG
CAAGCTTAAAGGCAAGTGTTTTCGTTCTTTTAAATTAAGGGCTTTGAC
CAAATTTTACCATTTAACTTAGCCCCAGAAACCAACCAGTCCCGGGTAA
GTGTTCTGTTGCAAATCTTGCAAGTTAACAAAAAGACCATTCTGATAAGAC
TACACGTTTGGTCTCCAGTCCTAGCAAGCGTCCCATTTCTCTCCACATTCT
TATCAATTGTAGCTTGACATGTTATCTCCTTGGCACATTCCATAGGGAAG
CCAGCCTCTTTCTCCATCTCGTAATCGTTCCCCCTCA

>Sequence 1078

Table 3

203/1077

AGGTACACTTGAGGAAGCTTGGGCTCAGAGGCTTTATGTTAATTCCAACA
GTTTTTGCAACAGGAGGAGGAGAATATCTGTCCAGGAGCCCTAATCAAGA
CTCAGCAGGAAGCTGGTGGCTTCCTTTCCTTCCTTCTTTTGCTTCCTTCC
TGTTCTTCCTGTGCTTCCTTTCAGTCCTTCCTTCTACATATGGGGCCCAT
CGCATTCCCACTGACTCAGATGCTGAGGGGCCAGACTGAAGGGACAGTGG
CCATTGCATCAAGTCAGAGAACGGATCTGACCCATCTAGTAGAAGCTTAT
TGTTTTGGCAGAAGCACAAAGCTCTTAGAGGTGCAGCTGCAGGGTGTGACC
TATTGGGGACATTGAGCTCAGTGACCATGGGCCCTGAGAGTC

>Sequence 1079

CCGGGCAGGTACACAAATCAAAGGAATACCATATTTAGCACCATAGGTGA
CTAATTAGGCAAATGAGCAAGTTTTAAGAGTCTGGCCCAATTTTTAAAGT
GTGTGTGTGTATCACAATCTCTCTAATGCTATATGTAGTCTAGGCAATCT
GGCAACAGATTTCCTAACTATTGTTAGGAAAATGCAAGTATGATCCTGTTA
TTGCTACTGCTTTCAACCCAGAGGTAATGAGGAAAAGTCCAAGTTCCTTA
ACATAGACTTCATAGGCCTGCATGATTTAGGACTGGTTATCACCACCACC
TCAGAGAAACTCCTGACCTTTAATCAAAATGTGCCTTGTGGTAAACTACT
TTTCATTTAAGCCATGATTGCGATTTATAATTCCTATCTTGTGATAAAT
GTCCAT

>Sequence 1080

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTCTTGAAGGA
ATCCCTTA ^GTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCC
CTCTGTGAATTTACAACACCCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGG
AAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCAT
ATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTT
TCTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGNNGAAATCTTGGCAN
CCCAGAAGAAAATTCAACTGCGCCTCACTTTGCAAAAATACCAATGGGGC
CTACATTGGAT

>Sequence 1081

GGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGGAATCGACCCCAGCTC
TTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTCC
TCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCATCATCCC
TACCCTGTCTTTCCTTCTCCACCTTCTACTTAGGCTGGATTTCAGTCCTAA
TTATTTACCAAGCAACAGTGATGATGAAGCTAATAATCATCATACATGTT
TGTGTGTAGCCTAGTTCAACCTTTAATTACTGCTCTCTCCCAGCACCTA
GAATAGTGCCAGCCATTATTGGGCTGATAAATATTTGTTGAATAAATG
AATACATGAATATATTCGTATGCCTTTTGACAGACCCCTCTTCTCCCCCAG
TAGGCCTTACTCAGAACAAGAGGAGCGGTAGCTAAATTAGGGGAAGGAAT
GCCAAGGGCTGAAAATCCTCTGGGTTGGCAATTGTAATCCTGTGGACATT
GGTAATACCCGAGGATGCAAAATTTCCCCAAAACAAGCGNAACATTTTCC
ATGAATTGCTGCTATAAAAGCTTAATTCCTGTCCCCACCCCAACATTTTAT
AAAGAGCCAGTGACTTTTACAGCCCTTGGTTATTGCCCAATAGCGATCTG
GAAACAGGCCGCTCTTCGTTAAATGACTGGACACACAGGTGGGGATCTGG
TCTGAAAGGTGGAGGGTGCCCGGCTTGGGAATAGGGACATTATAAATTCT
TGGACAATTGTAAGGCATATTTCTGAAGTGTAATAATGTTTGCATTGGAAT
AAAAAAACCCATACGGCCCCCTGGAAGAAATTTTCTTCCAAGTCCTTACT
GAAAAATGTCCCCCAAACCTGGA

>Sequence 1082

AGGTACAGTTTTGTAAGTAAGATGATTGAAAGATCTACTGAGTGCCGTGG
AGTCACAGAGAGGAACAACCTACCCTCAGGCTATGGAGTTCAGTGAAGGCT
GCCTAAAGAGAGGATGAGTTGTGACGTGAGACTTACAGAATGAAAGAAAT
GTCCTAGTTGTTTAGCTTGACTGTAAACAAATGGGGCTTATTACAGGATT
CTGTATGCATTTTTAAGTCTGACGTATTTTTCCTCAAAAGATGAGGATGG
TAAGGATGATATGGGGGGAAGGGCACTAAGCAGAAGGTTCTTATTCTTC
TACTGCCCTGTTTCTCCCTGCTGTCTTATTTATAACCTCTTGTTTAAT
GACAAGAATTTCTATAGAACAAATTAT

>Sequence 1083

Table 3

204/1077

TGGAATTGACCCTAACAATTCATATAGGGAAATGGGCCCTCCCCGCGGGG
GGGCCCCGCGGTCCAGGTCCGGTTGTAAGTGCCTGTTAGTAGGTAATTCAG
CCGACCTTTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAAGAGTTGCCCT
ATACTGGCTTTCAGTCACAGCTTGATGTAACCACTGCTTGTTCATGCA
TCCCCATCAATTTTCAATTGGCTTCTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGA
AGCAAAAGAATCAGGAGCATTTTTATATGATCAAAGATTTATATAAGGCC
AGCTAGAATCAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAAGGGATGGTAAAAAGGC
TCACAGAACTTGTGGCTGCCATAGAAGTGAGTGTTCTTTAAATTAAGAG
GGTTCAGCTAGCAGCGGCAACTCTGACTTTGCATTCATATTGAAGCAAGC
TCTCCAGCCATTCTGGGCAGGCAGAGCCTTAAAATTAGAGGTGAC

>Sequence 1084

AGGTACTATTGATGTTTTTTTTCAGTATTTTCAGTCAACCTTTCTTTCTTC
CTTCTCTCTTCTCTCTCTCTCTCTCCAGCCTGGGCAACACAGCAAGA
CTCTGTCTCAAAAAGAAAAGAATTTCCATCCCCTAAAATGTTTCCTTGTG
CCCTTTCAGATGATCTGTGCCACACGCTATAGTTTGATACCACCTGTA
GTGAACACAGCAATATGTGTTTCGCAAAATGAAAAGGGTGCAACATGTAAA
CAAAATGGAGAAAAGGCCAAAAAGTCAGTCAGGGAATGGAGGACTTGAGG
TAGGAAAACCTTGTGTGCAGGCCAGCAAAGGACGATGGCAATGAAGGCAGA
GTTGAATAGCGCCCAGAGGAATGTGGGAGGCTGCTGCATACACAGAAAGC
AGTGATCCTCAATGGGAAGGAG

>Sequence 1085

AGGTACAAATTTGATCATTTTTATTATATCTGAAACAGACTAAAGGCAGGT
TGACTGTGAGGGGTGGCAGGAAGCTTTTGGGTGATAGATGGTGAGTGGTC
TGTAAGTGCTGGTTATTCCATATAGACTTTTGTCAAAGCTCATGGAAGTGT
TTGTTTAAAATGGGTAAATTTATTACATATGTTATACTTCACTAGTGA
TCTTTAAAACTATGCTGGTGGCTTCCGTGCATCTTCTGAATAAACCTG
ATTCTTCTTTTTCAAGGTAAACAAGAACTTCTGGTGTGCCTTCCACCTTT
TCCATACCTCCCCCATCCTCACCTCTAACCTCTCCACTTCAAATTGCCA
TCTGCACCTCAGTTGCGAGCTGCCCCCTACTCGTGTGCTCTTGCCCTCTG
GTCTAAAGTCTGCAGCGCCCTCA

>Sequence 1086

TGGGAAATATCCGCGCCGTCTACCGACTACTCTGTACGGGCGAATTCTAC
CTCGCGGGGGCGGCCGAGGTACTGCCTGTCTTCTATTACAGCACATGT
GGCAGCAAACCCCATATTACAGTGATACATCCCTGCATCCCTTATAAGAA
TATATATAAGCTTTGCTTCCCTCATTGAAGCAACAAGACATGGTTTCTCAC
TCGTCTTATGTTCCCTCATAGCTCATATTATGCTACTGTGTTTTAGTAG
GAATGGTTGCATATGGTCAAATGTATGTCTGTGTGTTCTTATGTATGCAT
ATATATTTGGATGGCTGGCGGATGGCTGGCTGGGTGAGTGCACCTGCTTAG
TGATGCTTCTCCAAAGCAGTTTGGAAATATGGTATAACTCAGTCTTTTGT
TTCTGAAATTTTGGCTCTCTCTTGCAATTTCTGCCAATTCTAACTCTTTT
CTCTCTCCCCCTTCTCTTTTAAATATAATAAACCTTTAACCTT

>Sequence 1087

AGGTACTGTGAGGCACTCTTTCCCCACTCTCCCACAACCCTCAGCTTAAC
ACAACCTGTGGTGATTGCTTTGTCCGTTTCCCATGAGGACCCTGAGATT
CAACAAGGTTCAAGTAACACACATCGACACTTCCAGGGAGCTGTGTTGC
CAGGAACTGGCCAGGTCTTTCCCTCCTGGGCCCATCTTGTCTTAATCT
CTGCTGACATTGATGGGTTTAGTTACCTTGTCTGTTTCTTCAGTGTTTT
ATGCCATACAGTCTCCCTTGAGTAGATGCTCTGTATAGGGGATATCACAG
CTTCCTGGTGAGAACTGGGTTAAGTCCAGCAGGATGCCTGGGCTTAGTG
CACTGGAGTTGTGGGGTGGCCTTGAGCCCCAGG

>Sequence 1088

GGGGGGGGGTGGTAGGACGCGTTTTAGGACTATCGGGCGAATATTAGCTGC
AACGCCGTGGCGGCCGCCCGGGCAGGTATCTGTTCAATTCTTCTGA
ATATTTTAAAAATTTTAAACATAAAATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGAT
GCTAATAGCATACAAAGTGCAGTCAGTGTGGAGAACAGAAAGAGAAAGATG
AATTTCCAATGAAGAGATTTCAGCAGGTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAGC

Table 3

205/1077

AGAAACTTAACAGATTTGGGCCTTTTAGGTGGAGGAGACAATATAGGAAA
GGCACAAACCTGGGGAAATGCACAATGTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTG
GCGGGTAGAGTAAGGCTGGAAGAGACTCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTC
CCAGGGCTCTGAACCAGGGCAACCAACAGAAAAGGAAGGACAGA

>Sequence 1089

AGGTACACATTAATCCAATACAGACACCAAAAAACTCATCTGGTCTGAGT
CTACTTCCATCTCCGGAAGCACAGGTGGCTGACCTTAAATGGGACCAGCT
GTCAGTAGGATGTTTTGTGTGCGAACCCAGCAACAGAATTAGAGAGATGC
CAGAGTTAACTTGCACTGAGGATACTTTCCAGCCAGGTGTCTGGCTGGAA
AGTCACAGAGCTACGCATCTAGCAAGAATCAAAGCCTGGCCTGTGAGAAC
CACGCACAGTGTGGACTCAGGTCAGGGACACTGCATGATGGACAAGGGCT
TTCTGAATTCCTGAATTCACCAGGAATTATGTCCTTAGTCCACCTTTCCC
ACACACAGCAAGGGAGGGAGTTGGTGAGCTGAAAGCACAGCTACTCACCA
GCCCCGCCAGGCTGATTGCAATAAGTGTCT

>Sequence 1090

AGGTACACCCAAGATACTCAATAAATGCTTCTCAGGTGGATGAAGATAAA
GCCTCTATCTTTTCCACCTCTGCATACTCAGCATATAGTAGGAGCTCAAT
AAAAAGCTGGTGGGAAAAAATAAAAAAGGAAGACATGTAATAAGAATG
ACACGTATTGGCCAGGCGTGATGGCGCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTT
GGAGGCCGAGACGGGCAGATCACTTGAGGTCAGGAGTTCCAGACCAGTCT
GGCCAACATCGTGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGACAG
GCGTGGTGGTGGGTGCCTGTAATCTCAGCTACTCGGGAGGCGGAGGCAGG
AGAATTGCTTGAACCCAGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCGCCC
CACT

>Sequence 1091

GTGCTTGTGCGAATTCGTAATTCGGGCGAATNGTAGCTCCAACGCGCTGG
CGGCCGAGGTACGCGGTCTGTTTGTTCCTGTCATCCACTGAGTGTGTTG
CCTCATGTTCTGCTGAGCACATTCCTGTGTGATTTCTTCTTATTCTCAA
AACTGCATTTGGAATACCTTGTGTTTTAAAGAGGAGGGAACGGAAGCAT
TGCCATTTGCTCAAGATCTCACGGCTAGTGGGTAAAGAGAGCCCACTCCAG
CACCACCACTGCGTGTGTTGCATTTTACAGACATTTGGAGGTGGGATGGA
GAATGGATCTGAAGAGACAAGACTGGAGGTGGAAGGAACAACATATTTAA
ATTCTTTTCTGGGGAATACTCAGAAATTGAGTCTGTGGGAAGCACCTTGA
GGACAGAACATGTTGGATGGTGGAGCACCTTTCTATACGACTTACAGGA
CAACAGATGGGGAATTCATGGCTGTTGGAA

>Sequence 1092

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATTA
ACCCACAATTCTGGAGGTCTTGGCCAAAGAACCACCTTGGGCCTTTCCG
GGCAATGGTGCTAGAAGCTTTCTGGGGAAGCAAGTCGTTGGCCCCTTTTG
GAAGAATTCACGGGCTTTTCGGAATCCCCTTACTTGGCAAGGATGGCTT
CCAAGTGTGGTCTGGCTTGGGCNCTTCTTGCNGCGTTTTTGGCTTGAAG
GGGGGTAAACCTTCCGGAATGGGGCTTAGAAAACCCAAGAAACCACTT
GGAAGAATGGCCNCCAAAGTCCGTTGCCCCCAAGGCCAATTTTCCCGC
AACAC

>Sequence 1093

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCGTTAGCTGTGTCTCGATGCAAAAGAGAAT
TTAAATTTAAATTCTTTTTATTAAATAAAGATCATTCTATTCTTACATT
TTCTTTTATTAGTCAATCTGTTCAAATGACTGACTTTTTATTATTAGT
CAATTTTTTAAAAAATCTTCCATTTCAAATATTTGTCTCCTAAAGCTTA
TAGAAAAAGGCAGGCCAGGCATANGTAGCTCATGCCCTATAANTCCCAGC
ACTTTTGGGAGCCCCAAGGGTTAGGAGGATTTACTTTAAGCCCCAAAGAA
ATTCTGAAGACCCAAGCCTTAGGCCAACAATAAGTGAGGAACAGTTATCCT
CTTACCCGGAAAAAATAATAAATATTTAAAGGTTACCCTTGGGG
CCGCTTCT

Table 3

206/1077

>Sequence 1094

CCGGGCAGGTACACCAATTTTGTATTTCATTCATTCGNTCGGTGGGATG
CCTGGGTTACTCCTAGGCCATTTTAAAGTAGGTCTTCATTATTCTCTTAG
AAATATCTTATTTTCTTTAAGGCCTTTATCACAGATTATAATTCTAATA
TCAAGTTGTTTCATATCTCTTTGTTCATATTTTGTAGTCTCTATCT
CTCATCACACTCTCAACAACCCCATAGCTCCCTGAGGGGAAGGGCATGT
CTGCTTTGCTCCTCACTGTGTTTACTGCCAGCACCTGGCAACGTAGTGGG
TATTTAATAAGTAATTGTTGAATCACTGAATGAAAGAAAATCACTAGGCC
ACCTGAAGGCCCTTGTCTTTAGAGTCCACTGTGGACCATGTA

>Sequence 1095

AGGTACGTTCACTACCTACTTTGCACTTGGATGGAAGTCCTAGATTGGG
TCTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTTCCTGATACTGT
CACAAGATTTTTTCCCTTAATTCTTTTAAAATCAGGGCCACATTTCAAC
TCCCTGCCCGCTGCCATTTGATGATATTTTGTCTCTTTAGGTATCGT
CCTATTTTCTTTTCTTTACCACTGACAGCGGCTTATTTCAATATGAATAA
TATATTAATAACATATGCATTTAAAATATTGTTTGTATTGTTTGCATAT
TGTCTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAATGAGTAATTTTTCATATCCT
GTTCTTGCAAGGAAGATTTTAAATCGTTTCTCCAAGACATTGGA

>Sequence 1096

CCGGGCAGGTACAGGGGACAAACAGAAGAGGAGACATATGTATACTCTCA
ATGTGTTTATATGCCTTTGTGAGACATCGAGTCATCACTGTGAAGTAGCT
AGAATAACAGATATGAATGCATAAATATGGGAAGGGAGGTAGCAAAGGGG
AAAGTTTTTGAGAAGGGTGGGTGGTGATGAAGAAAGGCTGAAGTGTGTC
TTGTAAAATGGAGACATATTCTCGGGAAGCTAATATTCTAATAAAGCAGA
AAAAAAGAGCAGCAATCTAAAGGTCCCATCCTTGCTTGTAGGAAAGCT
ATCCCCATATCAGCTAAGAACACACCAGGCAACCAGTTTCCACTCAATGC
AATCTGAAAATCAGCATTAT

>Sequence 1097

AGGTACTAAAAATTCTATTTAAAAAAGATACTGTGATATTAGTATCTTAA
ACAGCCATTATGTATCAAATATCTGCTATTCACAGACCCCTGACAAATTA
TTATTTGTTTAGTCACTGTAACAATGAAATAACACCGAAGCCTGTCCTGT
TTTCAGTATGCTACTTTGCTTCTATATGCACATAAAGTGTATTGAATATT
TGTCCAGACAAATGCTATAACCTGTAACAAATTAATATAAACCAGAGAAT
TGTATTTATTTGTATGAACTAGGGCTGTTTCTTTGAGTTTACTGGGGGAA
AGAACCTGAGTTTCAATCAGATACAGATTTATAATTTATGTAAGAGACAC
TTGATCTTGGACTIONAGCATCCCTTCTCAGCCTGAGTTTCTTCATCTGTG

>Sequence 1098

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTGTATTTTGTAGTAAAGATTGGGGGTTTTAC
CCTGTTGGCCAGGCTGATCTAAAACCTCCTGACCTAATGTGGTCCACCCAC
CTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGC
CTACAAGCAATTTTAAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTG
TTTAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGAAAAAGTATTAATTTTTTTTAAA
TACAATTAATTCTGTTAATTGATAAA

>Sequence 1099

CCGGGCAGGTACTTTCATCCTCCAATGGCCTCCCATTACATATGGAATAA
AACCCCAAACACTTACCATTGCCTAAAAAGCCCTACATAATTTGAACCAT
AGTGCCTCTACGAGATCATTTTCTCTCACTCTTGCTTTCTTATACCACT
GCCTCACAACTTCCCTGCCTCCTTGCTGCCCTTTATTATTGTGGTAAGAA
CACTTGAGATCTACCTCTTACAAAAATTGTAAATGCACAATACAGTATT
GTAACTATAGGCATGATGTTGCACAGAAGATCTCTACAACTTATTCATC
TTGCATAACTGAACTTTATTCTTAAATAGGCTAAGCAAATGCCCGTGT
CATGGCCTTTGCCCTTTATTCTGTTGGAATACTCTGGCCTTATATACAAA
TGGCTCACTGCTTACTCATTTAGATTTCTGTGCAGAAATT

>Sequence 1100

Table 3

207/1077

AGGTACAGTAGTGCACCTCTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCGGGGGCTC
AAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGGCACACA
GCACCATGCCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGGTTTCAC
CATGTTGCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCTGCCAC
CTTGGACTCCCAAATGCTGGGATTATAGGCGTAAACCACCATGCCTGGC
CTTAAATCAACTTTAGAGTCAACCATCTCTTATCACTGGGAGCTTTCTGG
AGAAAACCTCCATCAACGTGGTGGCTCTCTTCCTGATGTTGTTGTGCC
CAAATTAGCTTGT

>Sequence 1101

AGGTACAGACCATGAAGGGTCTGAACAGCTCATGAGCTGAGTCTGACAAA
TTCTGCCAAGTAACAAGCTAAGTTACAGGCAAGCTACCCACCCTCTTCAA
GGACCAGTTTCCTAGTTTCTATAATGGGGTAACACCTACCTTATAAATTG
TGAAGAATTAAATCATATAATCATGTCTGCCTCGAACTGGGTGGCTCGTC
AATGCTCTGCTCTGTTCCCTCCTCTTCCCTCTCCTACATCAAGCAAGAAC
GTCCGCACAGACTTGACCTGGGCACCTCATTATTACAATGCATCCCTTTG
ACATGATTCTTTATGAAAAAGGGGACCAGCAATTCAAGCCTTTTTCAGCA
TTCTCCTTGACAGAAGACTACCACTGCAGAACCCT

>Sequence 1102

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTCTCGAGTCCGGGCCGCAAGTCCCAGACGCT
GCCCATGGAGGCGTCCAGCGAGCCGCGCTGGATGCTAAGTCCGATGTCA
CCAACCAGCTTGTAGATTTTCACTGGAAGTGGGTATGGGCTGTGAAGCT
TCAAACACCTTGAGATCTCTTAAGTATCCTTACGTTGCAGTGATGCTAA
AAGTGGCAGATCATTACAGCCAAGTAAAGACCAAGTGCTTTGAAATGACG
ATTCCACAGTTTCAGAATTTCTACGGACAGTTCAAGGAAATTGCTGCAGT
TATTGAAACGGTGTGAAGACGGATTCTTTGGTTGATAAATTGCTATCATT
CTAAAGGCATGGACTTCACTTTCGGCAACAA

>Sequence 1103

AGGTACGTAAATCGTGCCAAAAGGAATTGGATGTTGCATGCCTTCAATCT
GTTTTTGAATTATTTGTAGATACAGGCAACATCTGTTCCACTGGACAGAG
ATATACTACAAGTGCTAATAACTTGGAAAGACCTGACTTTAAAAGTTTGT
GCTTGGGAGTTAAATATTTTAAACATATACATTTTGAAGTTCTCTTCTA
CATAAACTTAAAAATTTTAAATTGCAAAATAATAAAGAAAATATTTACA
AAGTAAACCAAAGTCTGAAACTTAAGGAATTTTTTTGAATCTATTTAATT
ATGTGTTAAGTGTGCCTACTGGCAAAATATATTATTGCAGCTCCACTCTG
TTAAACATAGATGGGGAGGGGAGAAGAAGAACTAAGAGACCTATCTGTAA
CTATGTAAAAAGAAATTCATTTGGGGCAAAAGCTGTGTAGTCTTGTGAGG
AGATGAATATAAGTAAACTAAAATCCGNNTNAAAAAATTTAAATATTT
ATAAAAGGTCTCGCCGGGCGCGCCGGGCAGGGACGCGGGGACATCA
ATGCAGAGTCCCTCTGGGAATTTACAACACCCAACACCCCATGAGTTCAT
TCCTTAAGAAGGAAGATGGAACAAGTGTTTTAATTGGTTGGACAATTGAA
TAAAAAGGTCCATTTTCAGGCTTACTCTAGAAATTTAATTTCTAAACTTA
GTTGGCCTTCTTTCTTTTGGGAGAAAACCTTTTTTTGGGGCACTGGGGAA
AATTTGGCCCCCTAGAAATTTAA

>Sequence 1104

CCGGGCAGGTACTAGAGCCAGTAGGTATCTCAGCAATCAGAAGACTGTAG
ATCCTCAATATGTGTTAAAATGAGAATAATGTAGCTCCCAAGAAAACATA
AGATCTAAAATGTAGGCTCATTGGCCATATTAAATTTAGAATATTCAGTG
GCACTTTGAAAATGCCAAAATCCTTCTCTGGCCCTAGATATCAAATTATT
TGTTACATGGGTATATTCTTCTCTGGTTGAATTCCATGACTGAAAAGAT
TAGATGGCAAATGCCAGCGTATAGCAAACATCATCTGTTGCCAAATCATA
ACTGATTCATTTGTAACATATGGGCTTCAAAGAGGAAGGCAGGTGAAGGCT
CTCATTCAATTTGAAGGCAAGCTCTTTGTGCCTTTTTTTCTTTTAAATCT
GAATTGCTTACCTGTTCTCTTACCTGTTTCATCT

>Sequence 1105

CCGGGCAGGTACAGCACACCTGCAGTAAGGAGGCAGAAGTGGGCACAGGA
GTGTGCTGCCTGATGAATGCTCACTTGCACATAAGCTCATGCAACCAAGT

Table 3

208/1077

CCCAGATGGAAACGGGGAGCATGCTGTCTCCCACCCACGACATACTTATG
GATAACAGTCGTGTTGCTGGCCACTCAGTTCTCAACTCCTTACTGTGCCA
GCATTGGCCTGTCCACGGCATCCATGCATTCCCAACCCTGTTGGCGCCCT
CTTGGANGAATCTGTTTTGATGCATAATTTTCATGATGTTTTTCTCAGCCC
TCTAGCCCTACAGACCTTCCAGGGCTGGGATCATTCCGGGATAGCCTTCT
AACCTCTCTACCTTACTTCCTTGAACCTTCAAGCATTGTTGTTTCAGGG
GCACTCACAGTAGACTAGACATGATAGGACACGCATGTCGTACTAGAGAC
ATGACCAGATGATAGACTTGATTAGTGGCACTGGAGACTTCCCATTTCGTA
CTAGGAGACGTAACAACTCATGATGACCTGAGACCATAACCCTCTTGGACA
TCATGGTATCACTTAAGGATCAGCTACTAAGAACTATGATGTGATTCTC
TCCGTGGCCAGCAATGGAACCTTCTGAATATTCAAAGCTTGATCGGATACA
TGGTCAACACTTCTAAGGGGTGGGGCACC GGTTCCCAAACACTGTTAG
TTTCCCGTACTAAGAGAAGGGAATAAATAGCGCGCTCTTGTGGCACAATA
CGATGGGATAATGATATGTATTGTCTGGAGAAGATATTATGTTGTAGATG
TGTACAACGAAATGACATGACAACATGATGATAATGTGTGAAGTCTTAAT
TGATTATGACGATATGGTGATGCGATGAAGTAAATGTGAACGTAGAAA
TGATGATGAGATTGGTACGTAGATGTCGATGATGGACATGATGTACATGA
CGATTTAATAATGTGGCTATCATGAGTATATATATATTA

>Sequence 1106

AGGTACCAAGAAAATTAGCCAGCCATGGTGGGACACGCCTGTATTCCCAG
CTACCCGGGAGGCTGAGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCCGGGAGGCGGG
GCTTGCAGTGAGCCAAGATCCCACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGT
GAGACTCTGTGTCGAAAAAAAAAAGGCAACTAGTCACAAATAATTTGTT
TTCTTCTATTAAAAATTTAAGACCATTATTGAAATTGAGAGTATTATTC
TCCTAATCCCTTAATTGATCAGTTAAGAGTTCCTAGAACAACTTGATAT
TCCGATTAATAATCTTTGGGTAAAGTCCTACCTTTTGAAATAGGGATAATG
TTTTGAAATA

>Sequence 1107

CCGGGCAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAA
AAGAAAATATGCCGTCATCAAACTAGAGCGTGTTGGGGGGCATCTGGTTT
ACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCA
GCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAGTCTCCTTGGGCAAATG
TTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTT
GGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCT
TCTTGCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGG
CTTGACTGAGGTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGCTGTTGCCAAG

>Sequence 1108

CCGGGCAGGTACTTTATGATATTCTACCAATAGGACAGATCCCATTTATA
GTATTAATAATGTGAAAAAGTATATATTACTAGCTAATAAAATTTCTAAT
TATTTTCATCCCTGAACGGTCTGAGAAAAGAAGGAAAAATTCCTAATATTT
TTATTTGCTCATTGCAACTTTACTGGAGTTTAATCTTTAGAAAAAGAAA
TTTAATTTAATATCAGAATACAATGTTTAATATATTCAAGTTAAGTTTT
TGACAACTTGACAGTTTATTTTAAATTCATGTGTTTCAGAGAAGTTTTTG
TTACCTAGGCTTGGGCTTTTAACATAATATCAAATTTTTATATATGGATT
TTATATTTTTTTACTTTAGGAAAATGGGTATAGATTGCACATCTAGCAC
AAAT

>Sequence 1109

CCGGGCAGGTACTCCAGCCTGACAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACCCTGT
CTAAAAAACAGAAAAGTAAAGAAAAAAATAAAATAATTAATTAAGATGGC
TGAGTGCTGGCTGGTGTGTCTCCTCAGCAAGACAGAAGCTCCCTGAGGG
CCAGCGCCACCCTGATTTATTCCTCCTAGTGTCTTGGGTCCCCAGCTG
CCTGGCACAGAGCTTTGGTCCTTGGTGCTCGGTAGAAGTGTCTGGCTGAT
GTATAGGAGGGAGCCTGAGTTACAATCCCCCTCCCCTGCCACTCAGTCT
TCGTGTGACATTGGAATGTGTCAACTTCTTTCTTTCTTGGGGCTCTGGGG
CCCATTGAAAACCGGGGGGTCTTGGGGCCTATGAATGGTGGACCCTTTT
GAATTTCAAGAACTTCTCTGCCTGGTCATGGGTGCACTCATGGAGTTCAAG

Table 3

209/1077

TGTAGAAA

>Sequence 1110

AGGTACCTTTTTACATTCCCATCAACAATGCACAGAGACTCCAATTTCTG
CACATCATTACCAACACTAAACTTTCTGTTTTCTGATAGTAGCCGTCCT
AATGTTTGTGGTTTATAATTTGATTAAAGATAGCATATCTGAATATTTTCT
TATTTTTTCCATCTTTGAAAATTAAAATAGACTGAATTTTTGTTACATTG
TCTTTAATAACTAAGTTGCTTGCCTTTTTACTAAGCAGATTTTTTTTGA
GGGATTTATGTGATAGTCTCTGTCTTTTTATCTTGCTGGAAGTTTGATCC
ACTCAACTGACAGCTTTATTTTTCTTTCTCAAAAAGCTN

>Sequence 1111

CCGGGCAGGTACAAAAATTAGCTGGGCATAGTGGCACTTGCCTGTAGTCC
CAGCTACTCAGGAGGCCAAAATGGGAGGATCACATGAGCCCAGGGAGGTC
GAGGCTGCAGTGAGCTGAGATTGCACCACTGCACTCCAGTCTGGGTGACA
GAGTGAGACCCTGTCTCAATAAAGAAATAAAGAAATAGAAGACAAAATCG
TGGTGTAATATTTTGTCCCTCCCTATGCAATTTACCTCTTCTCATATAC
TGTATATTATTTCTCATAGGAGTCTAAATCAGAGGTCATATCTCTGCTCT
TTCAAAATTCAAAACATCTTGAAAACAGCCAGATTTCTTCTCAAAAAGT
TACATGATTTGGCCAGATGTGGTGACTCATA

>Sequence 1112

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGTCTGCTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCAA
TGCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTGTCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTCAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCTTTTAGCCTCTGCCTTCTCACCATGCCAGGGATGCTT

>Sequence 1113

GAATCGAGCTAATTGCANTACTGCGAATNGGTGCTCCGCCAAGGTGCGCG
CCGCCCCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGTTGCTTACATCTGATGNGAG
GAAATCCGGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTT
AGCCACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAG
CCATTGTGGTTTCACATACACAGATGTATATTATTTGTTAGCCAGGTAA
TGACAGTCATTGTCAAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTTCAT
GCCTTGCTTTGTCAATAGGGAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCT
CTCAGTACTGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGA
GGGAGGGAGGCTTGGACAGCACATCCTCCCCGATTAGATC

>Sequence 1114

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTAG
AGATGGGGTTTCATCATGTCAGCCAGGTTGGTCTTGAACCTCTGACCTCA
GGTGATCCATCCGCCTTGGCTCCACAGTGCTGGCATTACGGGTGTGAG
CCACCGTGCCTGGACTGATAAGCACAAATTTAGACAGTGGTCATCCCTG
TGGGAGGGGGACAGAGGATAAGGATGGACACCCAAAGGAGTGAAAGGTGT
GGTGAGTTATAGACTAGGTAGTGAGGGTCCACACATATCCACTGGATCTT
GAGTTAACTTTAAATACTTTATGCATATCCTTTAGGATCAACTTAAAAA
ACAAAACAATACAAAAAGATTATTTCTCCATTTTT

>Sequence 1115

CCGGGCAGGTACCAGCTAGCTGGAAAAGCACCTACAATGATCTAGTGGAT
TTGGCATGGATATGGCCTACAGATCTGTAGTGGGGACGGAGAAAGGGACG
TGGTGTCAGTGTGAGCTGTGTGGAAGCTGGGGCTCTTCACTTGCTCAAGA
AGTCTACCCTACTGTATGTTCTCTTATGTGATGTGAGCTGTACTTTTTT
TAAAGATGACTATTCTTACTTCATTGCTAAGAATTGGACACAATATTTTC
ATTTCTTCACTCATCATGATGACATGCATTATACTAATAAGTTGTAATTT
TTGATTTATTAGCAGCTTTAAGATTTATTTATCATTTATAATGCTAAGTA
GGCCATCATTAGGTGAATTGTTTTATGTGTGGCCACGGTTTTTTTTAAGC
T

Table 3

210/1077

>Sequence 1116

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTTTTCTGGA
GTAACCAGTGTGACATAAGATCTGTTTGTGTTCCCCCATTTTACAAAAGA
AAATTTAAGTCTGCAACTTCCCCTAGGCATCTGCAGCAGAGAGTGGATTT
GTCAACATGCAAAGCTGCTGATCTGCCCTGCATGCTGCTCCCTGCCCTA
AGTGTGAGGAGGATGAACTGCCCTCTTTTCACCTGCACCTCCCTGGATGG
AACAGAGCATCTCCATAATACTTTATGCAGAAGTATCACTTTTATTTAAC
ACCAGAAACCCAGGCACCAACTTTAAATTTTAAATAAAGGAAAATGTGG
ACCACTTGCAATGTTACAAAGCAAAAAGAAACACAAGAGGCCAATATTTC
AA

>Sequence 1117

CCGGGCAGGTACAGCATTATTAGCTGGGGCTTTCCTGAAAACCCAGGG
TCTCTTTCTATTGTCCCATATGGTTGGAGTCACAAGAGTGGGAGAGATG
GCCAAGCTCTCTGCAGAGGATCCTGGCAGCAGCCTGAACCCTCTTGCTAC
TTCCATCAAAGGAAAAAAAAAATCAAATATTTACCCACAGAGCTTATAA
TATTACAGAGAACTCCACCATCCTGCCCTGCAAAATATCCTGGGATTGA
CTAATACTAGAGCTGCTTTTCTAGTCCTTGAGTGACTAGGAAGGAAGAAC
CAAAAGCTTGACTCCCTGCAGCAGTGAGTTCTCTGGCTTTGGTTTGCAC
AGGAAACCATAGGGTTCAC

>Sequence 1118

AGGTACCTGAGAATAATCCATGACATTTTTTCCTCCCTAGTCCCCATAGC
CAGTCCATCAACACATCCTATTGGTTATTACTTAAATAAATTAGATATAT
TAAATATCTATAAAAAATGTATCTTGAATTTTCTACTACATTTTGGACTG
CCCCCATCTACTTCAAACCCATGGTCACTTCTCCCATGGTCTATGAAG
GCAGCCGTTAACCCATCTCTTTATTTGCATTGTTACCTGCTTTTCATTAA
CTCTTTGCCACATCCCTATCCTTTTTATAATCCTCCAGTGGCTTCCCTTG
AACTTAAAATAAAGTCTGAAGTGTATCATTCTGGCCTGGGTAGGGCTTGA
AGGATTCTGATTTACCTCCTTTTCTGCCATGCCACTCCCTTCTCCTA
CACTTCAACTATGACACATTTTCACTTTTCTAATTT

>Sequence 1119

CCGGGCAGGTACTTCTCTGCAGCCTTAAACTCCTGGGCTCAAGCAATCCT
CCCACCTTAGCCCTCCAAATAGCTGGGACTACGGACATGCACCATTAAAT
TAAAAAAAATATATATATATATACACACACACACACACATAGTGGA
GGGGGTCTCACTCTGTTGCCAGGCTGGTCTCAAATCCTTGGCCTTAAGC
TATCCTCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCA
CTGTGCCTGGCCTGATAAGGTGATATTTGAGCAGAGACATTTAAAAAGTG
AGAGAAGCAGCCATGTGGTTATCTACAGTCCAATATTCCAGCACAAGGGA
CAGAGGGGAACATACTTGGTGTGTGTGAGTAACATGG

>Sequence 1120

CCCCATGTATGAGCTACATCNGCTATACGGCGAATTGGTGCTCCACCGAG
GTGGCGGCCCGCCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTTAGCCACCGCGT
CATGCCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTT
TAAAGCTGGATCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTCATAGAT
AGGGAAAAGTGAGTCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAAGCT
AAACAGTGAAGTGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAAT
GTCTTCTCACTAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTGGAAGGCTCAAACCC
CATGGATGGATGGAGGGAAGGATGGGTGTGGGAGAGTAACCATAAAAAAGT
GTCTTTTCTCCATGGGAACCTATTTTCAAACCTTTCGTTGGGCATTTTCT
CTTTGA

>Sequence 1121

CCGGGCAGGTACCGGGCCTTGTGCCAAACACCTTAGATGGGTTATCTCTG
AACTTCACATCAGTCATATGAGGTGGGTAATATCATTATCTACATTTTAC
AAGTATGGAAACTGGGGATTACTGAGGTTATTTGCCCAAGGTAAACACAGA
TGGTAGATTCTGGAGCCAGAGTTGGAAACTGGGTAGTTTGCTCCAGACCC
AATGATCTAGCATCCTAGATGTGGTCCATTAGGGCTCTCTCTTTTCATCC
GTTTGTAAAAGAGAAGTTTTCACTTTCTCTCAAACCATTGAGAAACAAC

Table 3

211/1077

TTGGAAGTGGGAAGTGCAAAGGGAAGAATTCTAAAGAAAGCCGTTTTAA
AAGGGAGAAAGAACAAGAAAGCAGGACACCC

>Sequence 1122

CCGGGCAGGTACACAATTAGTAAAATTCAACCTAAAAAAAAGTGTGATT
TTATTGTATATAAACTATACCTCAATAAAAATAGATAGGGTAAAAAAAT
ATGACACTAGAATTTTCATTCCCATCCCTTTGGCCATGTTTCAGGCAGAGGT
TGGGCAGTGTATCAATACACAACCATAACGCTAAGAGATGATCTCCTCAG
GTGCATTGAGGGTGGGAAAGGGCAAATGTGAGAACTAATGGTAACCAGCC
CATGTGCCCTAGAACAAAAATGGCTCCTGATCCATGTTTGATACGTGTCC
CATAGGTGGCTGGCCCTCTGCTGCGATGCACAAGCGGCACTATCGGCTTC
GTGACTCAACGCAAATGAGAGAGAACTAAGTCAATGAACCCAGGGAAA
G

>Sequence 1123

CCGGGCAGGTACTGCTGTTAGTGGCTGCTAGTAGGTTATTCAGCCGACCT
CTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAAGAGTTGCCCTATACTGG
CTTTCAGTCACAGCTTGTAAACCACTGCTTGTTCATGCATCCCCATCAT
TTTCATATGGGCTCTTTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGAAGCAAAAGA
ATCAGGAGCATTTTTATATGATAAAAGATTTATATAAGGCCAGCTAGAAT
CAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAGGGGATGGTAAAAAGGCTCACAGAAC
TTGTGGCTGCCAGAAAAATCAGTGTTCTTTAAATTAAAGAGGGTTCAGCT
AGCAACGCCTAACTCTGACTTTGCATTCATATT

>Sequence 1124

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCCC
TGTTGCTGAGTCTGCTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTGCCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTGTCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAACTTCTGA
GCTGGTGTCAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAACCTCTTCCTTCTACCATGCCCAGGATGCTTA
TT

>Sequence 1125

AGGTACACTTCTAAATAAACCCCTGGGTCAAAGAAATTAAAAAGAAAATG
AGAAAATATTTTAACTGAATTATAATGAAAACATAGCATGTCAGTATTT
GTGGGATATACATAAAGCAGTATCTAGAACTTACGGCTTTGTAGCTTAA
ATGTTTATATTCCATAAGAAGAAACATTACACAAAATCCCTATCAAAACA
TTGGCAAAAATTAATCCACTAACATATGTAAAAGGATAATATATTATGG
TCAAGTGGCATTTATCCCTGGAATGCAAGGCTGGTTTATATTTGAAAAA
TCAGTTATATATAATTCTTCATATTAACAGAATGAAGGTGAAAAACCGTAT
GATTATCTCAGGGACCACAGGAAAAAGCATTTGACAAGATCCAATGTGAT
AAAAAAAATCTCAGCAAACTAGGACTAGAGGGGATCTTCC

>Sequence 1126

AGGTACTTNNTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTAGCCAGGATGGTCTGGATCTCCTCTGACCTCATGATCCACCCACC
TCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCC
GGGTCAGGCTCTTTCTAATCTGTTTAAAACCATATCACCCAGAAGGTATT
CAGTATATACTTATTTAAATGAATTGAAAGTCATATGAGCAGCATGGACT
TACTACTTTAAAAACCACTTATTAGAAACCTAACACCTTGGAAGCTCTG
CATATTCTGAATGAAGAATATACTAAACCACTCAGAGGGAAATAGTTATT
AACCATTTTACCACAGACGACTAAACAACCTACCATGGCCCTTCCCTGTT
TCAGCTGGTCTGGGTCTTAAAAAGACTTTGGAAAACCCAATCTACCCTCC
TCTAGCAGCAAATCAATTCCCACAGTCAGCCAGGAGGTTCTAACCACTGC
CCTACCTCTTTACCAAGGAACAAGCCCTAGATTTTTGCTGTTTCTAAAA
ATATGCAGCTTTTAAATATATCCATCATTTTGGTGCTCTCTACTGCAGAG
CTTAATAAAGCAAAGCCACTTGAATTCAGGAGATGCCCAGCTTAAGTACC
TGCCCGGGCGGCCGAGGTACTCCGTGAGAAAAAATCCAGTGCCGGAACCT

Table 3

212/1077

GCATTAAAAAACGAAGGGAGATTGTGTGGTTCCCCCAAGGAGAACCAGAG
AATTGTTGGCGGAGGGCACTGTGAATCAAAGGGAGAAAAAAAAGGTTGT
GTTT

>Sequence 1127

CCGGGCAGGTACCATAATTTAGTTATTGCTCAGTGGTTGAACATTTAGGT
TGCCTCTAGATTTTTCTATTTATTAGAAACATTCAGGGTTTCTAGATTTT
TCAGTTTTATAAGGAACATTCAGTGAACACTTTCGTGGAAGACTTTTGC
AGGAATTTCAACACCTAATTTTGTACAACCCTAACTTTCTCCATTTGTT
TTGATGAGTAGTAAATTTTATTTTGAAAAAGTCTTAAGGCAAAATAAAT
GTAATGCACTTATATTTCAAAAATATAATTGCCATATACTACCTATAAAA
TAGGAGTATTTCAAGGAAATCAAACAAAAACAATGATTTTTCTCAAGCATA
AAGAATATGCCTGGTATGACCTGCTCCTTTGAATTATTAAG

>Sequence 1128

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGCAATAATTACTTTTATTGT
ATACTGCACAATATAAACAGCATGTTGCAAAGAAATATATATATTTGTGT
GCTTTGTGTATGATATAAATCCATTTCTGCAAAATAAAATACAAACCGAT
TTATCTTACAAATATGAACTCAATGAAAAAACAAATCCCAAAATAATAC
TATTTATGTAAATATAGAAGCTAAACAATAAATTAATAATACATACATA
AATAGCAAAAGAGTAAAGCATAGTAAAAAATAATAAGCACCCAAGTAAAG
AAAAGAAATAACGTAAAATTTGGGATGGAGTGATTTCTATGACGGGGAAT
AGAAAAGAGATGTGGCCACGCATGAGAATATTCAGGCTCATTGGTAATGT
TCTGTGTCTTAGGCTTAGA

>Sequence 1129

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCAACTACTGATCTTGATGAGGGGGTTTCAATAAGAATGGTGGGGATT
ATATACCTTCCCTGGGATTCAACTGAAGTTAAGGAAGGGATTACCGAT

>Sequence 1130

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTTGAGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAAGTGGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTCT
TATGTAGATTTTAGACACTTTCTCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTTGGTGA
CACGTGCAGCTTGAAGCTTTTGAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTG
CCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAGGACTTGGCTTTG
ACTGGGGCGGTGTAGCCTGGGGTTGCAGGGGCTGTTGCCAA

>Sequence 1131

CCGGGCAGGTACTTTTTGTCTGTTAGTGTTTCTCTGTGTTTTCTATTG
TGCTGATGTGAGCTTGCACTGCTTTTGTAATTAAGGATAAATTTTATTTA
TGCATTTATGTATTTATGTATGTATTTAAAAAATTAAGGTTGTA
TATAAAAATAGTTATTAAGTGGAGACACTTAAGAATAATACACACTCCTC
TAAATAAAACGGAAAAGCCTACTTGCTGCTTGCTTGTGTCAGGTAGAATT
GACCCGATCCCTGCAGAAATCCCTGCCCTCCTCTCTGTCCCAGGAAT
GCCACGCTGCCCTTCACGCTGGCATGCTGCCTGTCCGATCTGTGCTATTCT
CTTAGTGACCTGTAGATTCAATTATCTGTGTGCCACAACCTTGTCTT

>Sequence 1132

AGGTACATGCATCCATGGCTCACCTGGGGTCCTACCTGTTACACAGTAAT
GACTCAAGCAGCCAAGGTCATGGGGGGCTGTAGAGGGGGGCTGCACTAGC
TGCTCAAGTTGATGTTACAGAACCTGCTCCCGTCTGAGATCCGGACTCCA
CAGCCCTGCATGAGGGCCGCTCCTCCATCTCAGCATCCTCAACCTGGTAG
AAACCGGTCAGGTGGTCTCCTAACCAAGGCTAAGGCAGGCTCAGTCCCTG
AGAAACCTGTGGGGTATTCTTTGAGTCCTGGCACCACTAACCAAGGGGTC

Table 3

213/1077

TCAAGAGGATACCTGTTAGCAAGCTTGTCCCCAGCGCCTATGGACTGAAG
GCAGAGATTAGAGGGACGGTGCCTGGGCAGC

>Sequence 1133

AGGTACATTCACCTCTGTGTTTTATTAAGTTAAACATTAACAACGTCACCA
TAAAAAGCATTTGCTAGCATAAATGCTGATCTACCATAGGAAAAAATATT
CACTTTTCTTTGTTATTGGCCAAACCACTTTAACTATATGTTAAAAAAG
GCCTTTCAAAGTTAACTTTGTGAAAAAACATTTGCAGGTTTCCCATTTGCA
GAAGGACATAGCAATCCAATAAGGACTGAGATATATACTAAAATGGTCAT
TTCTTGGGGGCTACTGAGCTACAGATCCCAGAGGAGCTCAGGCTTAAAGT
CATGAAATGGCTTCCGTGGAACCAGGCCTCAATTTTATCCTGATTAAATT
TACTATATCTGAGAACACAGGTGGACTGAGTGGGAGGCCACCCAGAAATG

>Sequence 1134

AGGTACACCACCAGGCTCTGAGTTGGTTAACAATTCGCTGAGAAGACAGC
TCTAGAATTGCTTCTGCCTACGAAGGGTGAGGATGGGTATATATAAGAGA
TTTCCAACCTGACAAATCCATTTGGGAAGGCTGAATTTGCAGTTTGAGGA
GGGAGTTTGTTCAAAGAGCATCTGCATGAACATTCTGCTGGAGCAGCCTG
TGGGCCGAAATCCACAAGGCTGGCACTTTGAGGTTCAACTTGATTCTACA
GGCTCTGCGGTCTCATCCCAAAGTCACAGCCACACAACCTGGCATTTCCT
CTGGTGGTTTGGATTAGACAACAGTCCCCAAGCTCTACTTTGGAGGCAAG
ATTTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAATTTGGGGGTGGGGGCC

>Sequence 1135

CCGGGCAGGTACTCCCTTTCCTGACTCAGTCTTTTATTGATGAAGGCAG
GGATGGGATGGGGAGAGCTCACCTGGCAAAGACTCCACACAGGTGTGCAG
CACACCCTGATGGGGCCAGAAAATGTCACTGTGAGCCCTAGGGGTGAAAG
ACACAGTGATGGGCTGCTGGGCAACTACCAAGTGTAAGATCCTGAGTGC
CCAGAGAGTTACCAACCACTTCCCTTCCCTGTGCAGATCAGTGGAGGCAG
ATACATACACAAAATGGGAAGGGGAAAGAAAACGGCTTTCAGAACTCCCC
ACCATAGAGACTATAAGATTATTCCAGAATGGCCCCAATTTTTTCTACTGC
CCACTCTGGGCCAAACAGTGTCCATACACTACGTCAATTCTTAT

>Sequence 1136

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATAGGAAAGTGAGTCCAG
AAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTTCAAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGATG
TATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAAG
GCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGGGA
AGGATGGGTGGAGGATGGATGAGATGAGTGGATGGATNGACAGNNTACTN
ATTCATACAGATATGCAAGAGAGATGGAGCCACCTTCCCATCAGACAGGG
GGCTTATTGCTAGCATTGCATTATGACAGCTGTTTATAGTGCCTGGATCT
CATTTTGTAAAGGCTTCCTTACCTCCGGTGAATTCAGGGAGTGTTATTAAT
CCAGCATTTCTTTGAAACCCCTTCATTCAAACACTTGTGACCCTTTGTAT
TAAAAATAAGGGCAATTGACCGATTACAATGTTCTTCTATGACGTTCAA
ACAGATGGACACATTCCTTCTCCTGGAGAATATGCAATTCTGGGGTCCTA
TGGCTTCTTTTCAATCCAAAGACCCCCACCTGCTGGAAACTCTGTTACT
GGTTACCTTGCGCGCCTCCACCCTTGGTGGGAGACTTGTACCATGTTGA
GATCCCTCTGTGATCGCCACTAATGCGCTTTCTTTAACTGCAGACAACC
CTTTAATGGTTTAATTTAATTTACCCAACCCAATAAATTCTCGCCCCGGC
CTGGCGAGAAAAACAA

>Sequence 1137

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAAGCTACTAAGCCAACCTGATAATATAGA
CGCAAACCAATTGTAAAGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAA
CAATCAGTGATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCT
CAGGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATT
CAATTAGACAAGGCTTTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTA
CAAGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTAT
TGTAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCA

Table 3

214/1077

TAAAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAA
TATTGTGAAGGCTTGTGATGGGAATGGAGGAACTN

>Sequence 1138

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTG
TTTGTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAGAGGAGGAC
AAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCCTACACAAGGCAACTGGCT
TCAGTGCTACCTACAATT

>Sequence 1139

GCCCTGCTTCGATTCCATTTCGAATAACGGGCGAATTGTTGCTCCACCGC
GGCGGCGGCCGAGGTACTGTGTTAATCACTTTACATAAATTATCTCATT
TTTCTCAAGACAACCCAAAGAGGAAGTATAATTTTTGCCTGTTACTGGT
GAGGACCTCATGCTCATAGAGGTTAGGCAGCGTGTTCGTTAATACACAAC
TTTTTAATGAAGGAGGGATGTCAGCCACGTGAGCTGTCTGCAGAGCC
TATGCTCTGATATTGCTCCAGCTACCCTTTTAACATTTAGTGTTCTGAC
TTACTATTATAATGGAAGCCCTACCCTATCTTCTGTGATTTGAGAGGAT
TTGTTTTTTTATTCATATCTACCAATGTCTGTGAATGACTCTGACCTCAA
TCCTGTGTGTGTCTGGACCTCTACTAGAATGCATTTGGCATATGGGTTGC
TTACCCAACACAAGGATT

>Sequence 1140

CCGGGCAGGTACAAGAACTACAAGTCCTAAAACCTTCTGTCCAAAAGAGAG
TCAAGAAGCAGCTGGACAACTTAGGGTTAAGGATGACTTTGTTTTGCC
TATCCCTTGGCTCTATCCTTTTGCTTAGCAAGGGCTAGCAGTCAAATCTT
CCTATTGCCCTTTCTGAGTAGGGAAACACCCACATGCAATAAACAATGTA
AATACTTCAGGCATGGACATTTTTAAGTTTTCTTCAAAAACGCCTTAGCA
AATCAATCATTATAATCAGGCACCTTTGAAAAACCTCATTTTTGAGTTTT
CCTCAAATACTATATTTCACTCAAAAATATTAAGGCGGCCAGGCGTGGT
GCTCATGGCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCAGAGATG

>Sequence 1141

CCGGGCAGGTACACCTTTTTGAGGCAGCAGCCCAGAGCTATGAGGTATGC
TGGTTGTGGAACGCTGTGAAGCTAATGAGGGTTGAAGCCGTCATTAGGA
TCTAATGAACACTCCGTTTGATTCAGCTGAGCCCAGCTGACCACCGGAAG
CCCAGTCAGTATCCTGTGTTACGCCCCGATATTGCTTATGTAGGAGAACC
AAATGAATCTACTTCTGAGGTTTGAATTTTGAAGGATTCTCTGAGAGAGG
TAAAGGAATCTACTAGAAAAGGACATGGGAATTTTAGTGCCAGGCTGACC
TGAATTTGAATTTCCGTTCCATCTCTTCTGGTTCCTACTTATACTGTGC
ATAAGTAACTTCCTACTAAGTTACGTCCCC

>Sequence 1142

AGGTACTTCTCTACTACTTTTACATTTTAGAAAAATAGCAACTCTTATAAG
GGTGAGTCTCTGTGCCATTTCTAAATTTCTAAATTTGAGTTTGCTGCAGTG
AAGAATAACTACTAATTAGAAACCAAATATAGTGTTCTATCAGTTACTAA
TTTTCATAGGGACGCTTAATTTACATTCTAGCAATGGCCAAACCTACTG
AATACAGAGTTTAGAAGTGAAAACCTTAAATAAGTCTAGGATTAGACTG
TATTCCTAGGAAGAAGTCACATTAATAACTAAGTCTGACTCCAAGTCTAAA
GATATTATAAACCTCAGAACACTTATTTTGCAAAAATATATTCCAAAACCT
TAAGTTGTCCCCAAGCCTGATTCCATTAAATAAGTGCCCCTTCTTCTGAC
TATAC

>Sequence 1143

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCAATTCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCACTGAGTAGCTGGGTGATTCTGGGAAAAACA
AATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTT

Table 3

215/1077

CCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAA
TTCATATGCACAACCTCTTTCCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAA
AACTCANAATCCTGTTATAGCTTCCCCTAACCTCATCTATATCCACATC
TTTCCAGACCTCTNTCCTGTCAGGTTTCCAGAGGATTTTTCTCTGCTTGCT
CTTTATTCTATCCCTAGGGAGACCCTCTGCACCTCTGCTCATCCCCGCGT
ACTNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNNGGGAAGACCACTCTGCCGCCC
TTTTCAAATGTTCACTTTTGCACCATTACAGGAAATAGCAGGACCTTTG
TCATTAAGGGGACAACCACAAAACAGATTCTTGGTGATCATTAAAAACGGG
AGACTACTTATGCAATCTTAAAGGTAGGCCAGGATTATTTGAAAAAACC
AGTTTGAAAAAAAGGCTGCAATTTTATTAATAAATATTTGAGAGGGAATA
TTTTTTGCCATAGAAAAAAGTTTCCCCCTTAAAAAGAATTGGAAATAATC
TCCTGCACCCCTTGATAAAATTTCTTTTCAAAGTCCTAAGCCAAGGC
TGCTGGCCTTTTGTTTAAACGAAAAATTTGCCGTTTTATGG

>Sequence 1144

CCGGGCAGGTACCACTCACACTTCAAGGAGAGATGGAAGAACTAAGTCA
AGCCGACAGGAGCCATGTCTTTCAAGCAAGAAATACAGCTGCCAGAGAAC
ACAAATGCGGACTTTATATAAGCGTAAAGCCAGCAGGGTGTCTGAGGACA
TCAAATTTTCATGCTTTTGTCTGTTTACTACAAGATGTAAAAACAGTCAT
TTGCCACCGGGGAGATGTTTCATGAATTGAATGTTATAATTTTATAATCA
GATACTATGACTTTAGGGGACTAAATGAACTTTTTCAGGAAGATTATTTTT
TTTCATCCTGTGTTCTAGAACAGGTTCTAGTTGTCTTTCAATAAGTGAA
TGTTAATTGCTTAAGTAGCTCCTGTTAGTCCTTTCTGGCCTC

>Sequence 1145

AGGTACGCGGGTGCTTCTACTTATTAAGCCATCCATCTACCCATCCTGCT
CACGTATGTGTCAGACTTTTAGTGCCCACTGCGTGTGTGGCTCTGCACTG
TGTCTTGGGGTCTAACATAATGTAGGCAATCTGAAGGTTACTGTCCAAG
GGGGGAAAGCAAAAGGAAATCACGGTATAAGTTTTGCTTTCTTTAATAGC
AGAAGGGGCTACATCCTACTGTGGGAATGCAGAAAAGGGAGTGATAAGCT
GCCTTCATAGACTGTGCTTTTCAATTTTTTGCAAAAGTAAATGTAATCAATA
TGAATTTGTGGAAGGTGTAGCATATATTGCCATGTGTTATGACTTTGAGC
TTATTTTAAATAAAGATGGATGCCTGTTTCTGCCTAACATGTTAGTCAG
TGTTATCAAA

>Sequence 1146

CCGGGCAGGTACTGCTGTTAGTGGCTGCTAGTAGGTTATTCAGCCGACCT
CTTCTGATTCTGCTTTGCTGCCTGATTTCAAAAGAGTTGCCCTTACTGG
CTTTCAGTCACAGCTTGATGTAACCACTGCTTGTGTCATGCATCCCCAT
CATTTTCATATGGGCTCTTTTTTTTCTTCTTCAAGTTAGGAAGCAAAA
GAATCAGGAGCATTTTTATATGATAAAAGATTTATATAAGGCCAGCTAGA
ATCAAGCCAAATGAAATTCAGCTGGAAGGGATGGTAAAAAGGCTCACAGA
ACTTGTGGCTGCCAGAGAAGTCAGTGGTCTTTAAATTAAAGAGGGTTTCA
GCTAGCAGCGGCAACTCTGACTTTGCATT

>Sequence 1147

CCGGGCAGGTACAAAGAAAGACAGACCCAACTCCTATCACAGACCCAAA
TTCTATCACTCTCTGATTAAAGGAATCCTTTGAGTAAATAGGATTTGAA
AACCAAGGCTATGTCTACTCTTGAATATGTCATGATTTTGTGAATTTAA
ATCATATTGACTCTTGGTCTTGTCTTCTCAAACAAGCAATCCAGACTTT
TTGTGCATCACTGGGATATATCAGTGAATGTTAGTTTAAAGACATTGCAA
ATTAAACCTGGTTTTAGAAATTAAGTAACTAATTTATGGGCATTAGATTA
ACCTGACTATCTAAAGCATCAGTTGCTCAAAATATTTTATCCTTAAATAA
AATGCTATATAAAGATCCACAT

>Sequence 1148

AGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAATCCAGA
GATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCCACTCAA
TCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCATTGTGGT
TTCACATACACAGATGTATATTATTTGTTAGCCAGGTAATGACAGTCAT
TGTCAGTGGAAGATCTAATCAGACTGAATATTCATTCATGCCTTGCTTT

Table 3

216/1077

GTCAATAGGGAAAAAATTTCAAGGACAATCGGATATTCTCTCAGATGAC
TGAACCTTTCTTTCCATCTACCTGAAGGCGAGGAAAGGAGGAGGGGGGA
AGGCTTGGGACAGCACATCCTTCCCGATTAGATCC

>Sequence 1149

AGGTACGCGGGGGTAGCTGGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCT
AATTTTTTATATTTTTTAGTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGA
TGGTCTCGATCTTCTGACATTGTGATCCACCCGCTCGGCCTCCCAAAGT
GCTAGGATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTCAGGTGCT
GGTTCCATGGCTCTTCTGAGCCGAAAAAATAAGGAACTCCATAGACCTTG
TCCACTGGAACCTCGTCCCCTACTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGGA
TCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGCCCCCAAGGTTATATCCAT
CTAGAACTTCAGCACGTAATT

>Sequence 1150

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTGTTCAGGCCTATATGGCTG
ATGCTCAGTAAGCAGTGAGATGAGCTGCAAGATGAGTCAGGAGCCAGCTG
ATATCAGACCTTTGCAGGACACAGAAAGATCTGGATTTTATCCTAAATAC
AAGGAGCGTCCATTAAAGAATTTTAAACAAAAAGAAAAGAAGGGAGCAGA
CGCACACAGCGAGAGTGGAACGTGCACAAGGCCCTCAGAGAGAGACAGAC
ATAGACAAGGAGATGTTCCGGTCTCCTGGCCTGCTGGGTCCCATGAGGC
CTGTGTTTCTTTAGTTTTCTTTATGTCTCCATTAAACTTCTTTCTCTA
CTTAAGATTCTGTTCTTTATAACCAAAATATCT

>Sequence 1151

ATGTACTAATATTCAGTGTCTTGAACCTTTCATATAATAAAATTAATCGAA
TTGGTAAGAACAATGAAATCTTAATATTTAAAGATATATTTCTCATAATT
TATTGTGTTTTATTTATTCCTTTGTAGGAGTAGGCCCCATCACAAATCTG
CATATTTTATTTATGTTATACTTTTAAATTTAGATTAAAAAATAAAAT
TACTTTTAATGTCTATAAAAGGAATATGCTCTCCCACCACTGGCAACTCT
GTAGATCTTAGCAGTTAGTATACTCACTTCTCTGTTTCTTTTCTTACAAC
CAATAGTAATTTGAGCTCTATGGGAATATAACAACTTGATATTGTGCCAT
GATATTTNTATGGATCATCTGCTTCCCAAATGCCTCAGCAATTGCTGTAA
CTATTTGCTGGTAAACCTTTTTCATCACCCTCTCATTAACCTACATACAT
CACTTGGACTTATCTTTCTTTTAAATAAGTTGCTTAAACCCCATGA
AGATTTATTAGGCTTCATTTCCCTAACCTTTTAAACCTTCAGAACTTTAT
CTACATGGAACCTATATTGGCCTCCTTTCTTATATTCTAATAATTGGGTAG
GGTGGCCATGAAAATTTTTTTCTAACCTAGGGACACGCCCTTTATTTT
GGTTAACCCATTTTTTTGGGCCCCCACTCTTACCCTAAATTTAAATAATT
AATTAAACCCGGAAGGGGCTTGCTTTTGCCCAAGCTTGGTCTAAACTC
TGCTCAACACATTGCCCACCAATTTCCCAAACCCCTGCCCGCGGCCACC
GGGAAAGACTTTTCTCTATTTTTGTTTATCCGAAAAAACTTCCGTCTAG

>Sequence 1152

AGGTACAGCTGAACTAAGTTGGGCTAACAAGGCAGATGATGGGCTCCAAA
CTGTGCTGCATCTGTCTTTATGGTGGCCCTCTTTATTACACCAAGATCCC
CAGACACAACCTGCTGGCCAGAACACTGCCTGCTGCCAACTAGAGCATA
ACCTGCTCATTCTCTCCACCACCAAGTGCTTTATGGGCCAGGACACAGCC
TCCTGGGCAGTGGTCCTTGACCTTGGAATCTGACCTTGACACTGACATCA
CTGGAACATTAGGAAAAACCCATGAGCCTTGGACTCCCTAGAGACCAGCT
AAATCAGAATTGCTGCAGTGGTGCTGGGGCATTTTCCAATGACAAAGTCT
CTTTCTACTCAAGAAATAAACTCAATTCTGACTGAGTCAGGGTTTCATGA
ATCAAGCTTCATGAATACTTATCCCAAATTATTTCACTTATATGTTGTAA
GATGTTCCCATTTTGTGAGTTTATATTATTAAGTTAATGGGAAA
TGAAGTGTATCTGTTAAACCTAATCAATATTAACCTGTTATAAATATTC
CGCAATCTAACTGCTTTTACATCATTGAAAAGTTATAAAAAATTAGCAAA
TCTGATAGCACCAATTCAATAAAGCAATTTAAATACCTAGTAGCACAT
TCTGTGAAACTTTGACAATATGATGTTACTTGGCTATGATATAATCATGT
ACCTGCCCC

>Sequence 1153

Table 3

217/1077

AGGTA CTTGCAGGTGGTTTGGCCTGGAAAATCTAGATGAGTGGTTTTTAA
ATTTAGTTGCTTATTAGACTCAAGAAAGAAATTTAAAAACAATACTGAT
TACTGAGACCAGCTTTTCTAGATTCTTCATTGAGTAGGAGTAAGGAAAGG
CCAATGAATGTGTATTGATAAAAAGGTTTCCTGGCCGGGTGCGGTGGCTCA
CGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTGGATCACCTGAG
GTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCATCTCTAC
TAAAAATAGAAAAATTAGTCACGCGTGGTGGCAGGGGCCTGTAATCTCAG
CTACTTGGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTGGAACCTGGGAGGCAGAGG
TTGCAGTGAGC

>Sequence 1154

AGGTA CTTGATTTATGAGATTTAGTAGGTGGAAGGAAAGCAGAGACTAACT
TCTGCTATTTTCATCTACCATGCAGAGGGTTATGGGGATATCTTGTTGCTT
TGCTTTCAGCACTGGCACAAGTCCAGGGCCCATTTGCTAGCAGTGTGGGT
GTTAAGAGGCAGGATGTAAGGTATCACCTGTGCTGGTGAGGAACACAGTG
AGGAGTGTATGATTTGGGAGCTGAGAGCAGTAGCAGTGGGGTCAGCAGCT
TCCTGATTGGGTGGTCCCAGGATCAAAGTGGTTAGTGATCCGCTGGCTTC
CTTGCTGGGGTTTGCTTTCTAACTGTGGCAAAGCACTGTGGTTATGGAAC
TGCCCGTGACCCAAGGTGGCAGGGAGCTTCCTGATCCCAGAAGAAGCAGC
AGGTTTCA

>Sequence 1155

AGGTACACACTTGCATGAGGGATGGGGCTGGTTTACAGGAATGGAACCAG
CTTGGAAGAAGACAGAAGGTGAGAAGTGAATACTTGTTGGTATCATGTA
AGAACAGAGTGAAGAAAAAGGACAGGCCGCCCTTGTTATTTTTAAATT
TCAGGAAAATGGATTGGCCAAATAATGGGGATCAAAAATAAAGGGTGT
TTATTATGAGCCAAGTGAAAATTAAATTAAAGATAGGTATGTTGATATGG
TTTGATTGTGTCTCCAAAGTTCATGTGTAGGAACTGAAGCGCCAGTGC
AACAGTATTGAGAGGTAGAACTTTAAGAGGTGATCAGTGCTGGGTGCAG
TGGCTCACGCTGTAAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCCGGCAGATC
ACCTGAGGTCCGGAGTTTGGATCCAGCTGATCAACATTGAAAAAACCT
GTCTTTACTAAAAATTCCAAATTAGCTGGGGGGTGTGGCACAATCCTGGA
AATCCAGCTTACTAAGGAGGCTGAGGGCGGAAAAATACCTTGACCCACA
AGGTGGCGGTTGCAATGACCCCTAAATTGCGCATTGGACTTCAACCTTGG
CCAACAGAAGGAAAATTTTTTTTTTCTAAAAATGCATTAACTTAGGTC
CTTGCCGGCAGGCCGTTTTTAAACTTTGGATTCCCCGTGCTGCAGGATATT
GATTAACTTATCGATCCCTTCCCTCGGGGGTGGCCGGTCCCCATTTT
TGTCCTTAAGGAGGGTAATGTCCCTTGGCAAATAAGGGCAAATGGTTT
CTGGGTAAATTTTTCCCTAAAATTCCCAAAAACAACCGGGAACAAAGGG

>Sequence 1156

AGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTTAGCAGAGACAG
GGTTTACCATTGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTAGGTGAT
CCACCCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGCCACTGC
GCCCCGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGATTTGAGT
GACTAACAACTAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTATATGATACATTTGCA
TTTTAGAAAATGATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAAATGGAA
GGGGGAGAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTCATTTAAGTAATCTGGACC
ATGAAACTGAAAAAAGTATAGGGACTCCAAAAGTCATAAAGAAGTGAAA
GCAAGATTT

>Sequence 1157

CCGGGCAGGTACATGTGGCAATTGTTTGCCATTCCCTTTCCATCATTA
AGGGCCACAAGGAAAACTTAGTAACGGAGTGTGAAATCCAAGCTTTTTTA
CAAGGAATCCTGTGCAAGAGCTCAGGAGCTACTTGTTTTCCATATGTAGT
TAATCCTGTCTGTGCAAAGAGGTTGTCAATCTGATCCCAGTTCTCTGCCA
ACTCGTTTTTGTGATTTTGGAGCAAAACCCCTTTCTAAAGCACAAGGGATCT
ATCTACTGTGGGCTGAGCTCTGGGACTCTTCTTCTCAGCAGGCTGTTCA
CTTTGGCTCAAGAGTGCCTCCATCCATGTAGGGTGACTTTGCTAATTTGC
ACAAAGTCGCCCTATGGGCTAGCAGCGGGCCTATCCCTTCCCGTTTCTGA

Table 3

218/1077

GCTTCAGT

>Sequence 1158

CCGGGCAGGTACTCTGGTAAGCTTGTGTGTGTCGAAGNNTGAAGCTCCCT
TCANNATGAAGCGTGTGGCCAGAGAGCCATTGTCAACAGCAGAGAGCTG
TTGAACTCAATCCCACTTACCAAATATTCAGCCTTTAGCTAGCTGATCAC
TTTCTGATTTGTGGCATCAGATGTAATTCTAAGGGAAGG

>Sequence 1159

CGCCCATGGTCGACGCAATGCTGATATCGGGCGAAAGTAGCTGCAAAGCG
CTGGCGGCCGAGGTACTCAGTTTACTGAGCATGTTTTATTCTACTTTATA
ATAACATAAGTCAGTCTACATTTTATAAGGACGTTTACATATTAGGTAGT
ATACCTTGTGTGCTTGACGCAAATGTGGCCAATTTAGGGTGATTTAGTGG
AAAATGGAATCATCTGGTATAGTAAACAGCTTTTGTCTTCTGTTACAGAC
ATAATGTTAGGAAAATTGAAATAAATACAAGGGGTAGTTATGGTGAACCC
TGTTAACTACTGTTTTAAAAACAGTGAATTTTCAAGAAAATCTCATCTGT
TCTGAGTGATTTTATTCTTTGAGAAGTTAACTGGCTCTTTTAAACA
AATGCATCCAGGCGTGCCTGGTTATTGCTTTATTTAAAGCTGGAAGCAAG
GCTCCTTTTCGGTTCTT

>Sequence 1160

AGGTACCATGTCTATATGACTATATGGGCAACAGAAATTATCAACAGCAA
CAGGAAATCAAAAGAACAGGAAAGGAAGATGATAAATTTAACTGGGGACA
TGCTAAATCTAAGTTCATGATGAAACATCCAAGGGGGACTAATAGCCAGA
AACACAGGATACAAGCTGGGAAAATACGAATTTGATTTAGAGGGGAGAGG
CACTAGAGCTAATCATTAGATTCATGAGTATAGATGAATTCAAAATGTGA
ATGCTCAAACAGAAAAGCCAAGGATACCAGTGAAGGAATATTTACATTTA
GGTTACAAGGAAGGAAGAGGAAGGCCAGGCATGGTGGCTCATACCCTCAA
TCCCACCACTTTGGGAGGC

>Sequence 1161

AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGA
GGTCACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATAT
ACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATAGAGACAGG
CCCTA

>Sequence 1162

AGGTACACGATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCTGCAGCTCAG
GGGAGAGCTGGGTAAAGAACCGCCAAGGCAGTAATCATCTGCATTTAGAT
GGCGAGTGAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCAGCAAGAATAAATCA
AACCATGAGAAACACATACATTTAAGAATAAGGAGATGTGGTCAGGCGCG
GTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCGGAGGCGGGTGGAT
CACTTGAGGTCAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACCTAGTGAAATCCC
GTCTCTGCTAAAAATACAGAACTTAGCTGGGTGTGGTGGTGCCTAT
AGTCCAGCTGCTTGGGAGGCTGAAGCACAGAATCGCTTGAACCCGGA
GGTGAAGCTGCCATGAGCCGAGATCACACCACCGTACTCTATTCTGGGC
AACATT

>Sequence 1163

CCGGGCAGGTACTACTGCAACCACTAGCAGCTACCATTATGAAGCACTT
ATGTGCCAGCTACTGTGAAAGGGACTCTCTTTAAATTACTTTGCTTACTT
CTCACAAAATCCTGCAAAGTATTATTTAAGGAACTTACCAGTGTAGC
CATTCAGTATTTGGGATGAATAATAAGAACTTTTTAGAACCATTATATAA
AGCACTCTAGGTCATTCTTTGAGAAATGCTACAACTAGGGAACCAGGAG
ATTAGAGATGGGCTCACGTCTTGATTTTCAGAAGGAAAATGTAGTGGATT
GTGAATGCTGTATCATTAAAGCTTGACATGGATTCTATGCAAAATTCAAA
GGATTTTTTTTTTTTAACTACTTCTTTCCATAGTCTTACCAGCA

Table 3

219/1077

CTCACTGGTTGCCTGCCATGGATTCTTTAAGAACAGT

>Sequence 1164

CCGGGCAGGTACCTCATTCAATCCCTCTTTGTTTCGGGCCTCTCTGCTTTT
CGTTAATTTTCTCCTGGCCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTATA
GGAAATTATCCGTGCAATGAACCTAATTTAGAAAACTCTGCTGCATAAA
GAGGTGGCAGAATTATTCTTCTCATAGTCCAGTCTATGTTGACTTTTCATG
CTACAGCATTTCAACAGTCATTGACATAGAAATAGATGCTTAATTTAAAA
TGTTTTTGCAAAAGTCATTGGACGATTGATAAATAAGCCGAGGTTAGAC
TCCAAATAAAGTGCTTAAAAAAGTAAAATTCTGGCATTTCATCTTCCTTAT
CCCTTAATGGGGGAAAAACTCTCATG

>Sequence 1165

AGGTACATCAGCAGTATGTAATTATATTGTGAGAACAAAGGAATATTGGGC
AAAAAGCAAGTGGTTAAACATGCAACAAGCAAGGGCCTGATCAGAATT
TTCATTTATTCAAGTCCTTAAGAACTGCAGAATGCTGAAGTCTCAAGGGGC
CCGGTTACAAGGCTATTGGAAGTTTCGTCACCCCTTTAAATGCCCTTAA
ATAGCTTTTTTGTGTTTTTAAAAAATTGTTGGCCCGGCGCGGTGGC
TTACGCCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCGGATCACCT
GAAGTCAGGAGTTCTAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTC
TACTAAAAATACAAAAATTAGCCGGGCGTGGTGGCACGCGCCTGTAATCC
TAGCTACTCGGGAGGCTGGGGCAGAAGAATCACTTGAAC

>Sequence 1166

TTTAGGTACACAGTGTTTAGCACACAAGTGTTTAGTAAACATTTTCCTTTT
GATAAATGCATGAGCAGACGTTCAAGTCTGAAGTGGAGTCAGGAGTAGTCA
TGTTTCTGCTTGCTGCCGTGCACAGGGAGCTTGGCCTGCATGCATGAGGC
ATTTAATTCTCAAAACACTTAATGATGGGAGGAGGTCCATGCTCTATGGG
GAGGTCAGACCCTAAGCGAATCTCCATGCCACACTTTTCTGCTTAAATC
CGCCACCTTTTGGGCAGAAAAATCAGTGACTCTAGTCAACAAGGATGACC
CAGTTCCTTCTACACAACCTATTCTGTGATTTTCCCTTGAAGAAAAATGG
GCTTTACCTACTGGGACCTCACTGGCCTTGCACTGGAGGGTATGGGGTTT
CTTTATTTTCTATAACGCCTTCAGAAACCAATTCCACGAAATGGAAAAA
GAAAAACCTTTCTTTTAGGGTTGTAGGCGGTTTTG

>Sequence 1167

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATAGTAGGGACAGG
GTTTAGCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCCGACCTCAGGCGATC
CGCTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCATCGT
GCCCAACCAATACATTTGATTTTGATCTATCAGCAAAGAGGCTCCAAGGT
TTAGTATGTTTCCATTTTGTATTCAAGGTTTCATTTGTGTGCTAGGTGCA
ACATCTTTCTGTATTCAAGCCGAAGTTAGAGATCCAAATTGCTAAAGGAC
TTCAGCAGGCCAGAGCTCAGTGAAAGGAAGGTCCACAGAAGGGCCACTAA
TTAGTAATGAATGGCTAAAAGACAAGGGACTTTTTTTTTTTTTTCTTTC
TGAGATGGAGCTTCGCTCTTGG

>Sequence 1168

AGGTACTGGGATTACAGTCCTGAGCCACCACACCGGGCCCTTCATTGTGT
TTTCTAAAAACAATTTCTGATCACCTGGGGATTATTACAACAGATCTAAC
TTTAGGAAAAGTAAGTATTAATTTGAATAAGATTATATAATAGGGGGATT
TAAATTAATGCCTAACAGAGTTTCATCCAAAATTTTGAATGTGAATTC
AAGGAACTCTTGACCCTTCTGAAGTAAATTGATAGCATTTCACAGTGTT
CACACTAGGATGTAGCTAGCCAACTCACAGCTGCCTGTCCTCTTTTAGCT
TCCAATGAAAATGCTTTGGAAAACATACACATAGAAAAAGAAATTCTCAC
AGTAATACTTAAACCTAAGAGGCTAAGCAATCAGGCTTT

>Sequence 1169

CCGGGCAGGTACTGTATCTTTAAATTAAGGAGTTTTAGTTATAATGAAAT
TGATTTGTAGTCTGTTTTGCCGTAAACTTGTTTTCTTTAAATTGTTCTT
ACAGTGATATCTTACTATTTTTAACTGTCTGGGGTTTCTGATATGGGGAT
TTCAGCCCTGGTTAATCAGTCTTGTCCTACAAGTCCCTGATGCAGTAT
GTTTATTTGTGATGTTTAAAGAACATTTCTTGGCTGGGCGCTGCGGCTTG

Table 3

220/1077

CGCCTGTAATCTCAGTACTTTGGGAGGCTGATGTGGGTGGATCTCCTTG
AGGTTGGGAGTTTGAGACCAGCCTGACAAAACATATTGAAACCCCGTCTT
TACTAAAAATACAAAAATTTTCTTTTGCCTGGTGGTGGTGTCTGTAT
TCTATTTATTTTGGCTTGTGCATGGATAATTTATTTAACCCCTTTAGT
CGTAGGTTTAAATAATTTTATCACTCTCCTTTTTTTTCTTCTTT

>Sequence 1170

CCGGGCAGGTACATCTGTCTCCTTACTCTCTATACCTCCTGAACACAAAA
ATTTTAGTTTATTCTCATTATATCTCCAAATCTTAAATTGTCTGATCAG
AAGTAACTAAAATAAAAAATTAGGTTGTTTCTTTTAAAGACTTTTCTG
AACTAGGTTGATCAAAAAATACAAATGTTTTTCCATGATTATTCTCAGT
AAGAGTCAGTAATTCAGGCCAGGTGCAGTGGCTCAAGCCTGTAATCTCAG
CATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGTGGATCACGAGGTCAGGAGTTCAAGATT
CAATAATTGGCAAGGTATAAGCTCCACTAGAGGAGAAAAAAAAGTATTAT
GCTAAAGATGGACTATTTGGGTTCCATTTTCACTCTA

>Sequence 1171

CGCCTTATTCGAGCACTTCTGCATACGGCAATNGATCTCCAGCGAGGTGC
CGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTAGTCGAGACAGT
GTTTCACCGGTTAGCCAGGATGGGCTCGGTCTCCTGACCTCTTGATCCG
CCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATC
CGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGGTCATTCAATTG
CTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACC
ACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTTTGAGAGATA
AACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGG
CAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGATACCTAAC
TAAGG

>Sequence 1172

AGGTACATGGCACAGAGTTTATTTAATTCATCAAACTCAACATATAACTT
TAAAGTAATATTGATATTTAATATGCTCTGAATTCAGAGGTAAAGTTGC
AAAGAGGGAAGGCAAGCATTAAATGTGTTTTCAAGTGAGGGTATCTCTTA
GTAACGTGCAGTAGACCGCAAATAGTTGCTACCTTTTTTTAAAAAAGGG
AACTTTTATAACTCAGTATTTGAAAAGTGGTCATCAGTTTTTCATATTA
TTATGGAAGTTGAGGAGCAGCTTAGCCACAGTTAGAACTTAAGTTTCTG
GGGAAATTGGAGAGTTTTGTTTTTATTAAGTGGACAGAAACCATATCCCA
TCCTTATACTCTGATCTGAGTATAGAGAAAC

>Sequence 1173

AGGTACCATACTACCCCTTTCAGAGTCATATTGCACAGTGGATGGATCAT
GGCATTCCAGAGAACAGAGTGCTTACTGGGACCAGTTACAGAATCGTATG
GAATGGACCCTTGTTAGGGACCCACAGGCTTTCAGTGACCGTCCAGAT
GACCAGGCTTCAATGGGTGTCCCGCCCCAGCTGGAGGCGATCAGCCCGAT
GGGATACTGCAGAGTGTCTATAAAGGTGACGTCCAAAGAGCCAGCACACTG
CTGACATGTACCTGCCCGGGCGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TGGTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGTT
TAAATTTAGTTTATTTTATTTTGAATTTATATATTAATTTGATTATATT
TTAAGTTTATTTTAAATTTTATTTTATTTTATTTTAGGGTTTAAATTTATG

>Sequence 1174

CCGGGCAGGTACTTGACCTCCACAGCAAGAGCTTGCACACATTAGACTAT
CTGAAACAAATGCTTTTTTGGAACTAGTTTCTTCTTCACTCAACTCAATGCC
TGTAGGAATTATGATGTGAACATAATATTTGTCACTAAATTAGTTTCTT
GTCTTCTGAGTTGAAAGAGGTTACCTAGGATGGCAAAGTTTGGTAGTTC
TAGACTGAACATTCTTGATTGTACCTTCTTCTTATGATTGATTTCTGTGA
CATAATACCTCACCCCTGCCAGTCCGTTCCAGCCTGCCTGCCTCCCTGACT
CTCTCCCTCCCTGCCTCCCTCCCTCTCTGTGCAGCTACTGCTTCTGGTTG
TAGTCTTTTGTCTCTCCACGTTTTGAATTACCTTTGTTCAGCCACCTGCAC
TTTTCGTATAGTTGG

>Sequence 1175

CCGGGCAGGTACCGTATTATTTAGCTTTTATTAGGTTACAGATTATTCT

Table 3

221/1077

CAAATATCTCATTACCTCTTCAAAATCCTATGTAGTTGGCATTGCTGTTA
TCCCCAATAGACAAATGAGAAGTGACAGTCTTAAAGGTGAACTCATGTTC
AAACAACAGAAGAATAATGGGCCTATAAGCCATGTCTCCTGACACACAGC
TGAGTGATCTTTTCATGTCACTATGTTGCTAGTGTGCAGCCTAAGTCCCA
CTAGCTGGATATGAAAACAGAAATAGAATCTGTGCGCTCTGATTCTTCAA
TCCATTGCTTTTTTTTTTTTTTTGAGACGGAATCTTGCTCTGTTCCCTGG
CTGGAGTGGAGTGCAATGGTGCAATTTTAACACACTTTAACCTTTTCCCT
TCAAGCTTAAATGATTTTCA

>Sequence 1176

CCGGCCAGGACCCGGGGAAAGTCCTAAGTAAAATACTGGCAAACCTAAATC
CAGCAGCACATCAAAAAGCTTATCCACCACAATCAAGTCGGCTTCATCCC
TGGGATGCAAAGCTCATTCAACATACCAAAATCAATAAATGTAATCCATC
ACATGAACAGAACCAATGACAAAAACCACATGATTATCTCAATAGATGCA
GAAAAGGCCTTCGATAAAATTCAGCACCCCTTCATGCTAAAACTCTCAA
TAAACTAGGTTTTGATGGAACATATCTCAAAGTAATAAGAGCTATTTATG
ACAAACCCACAGCCAATATCATACTCAGTGGGCAAAAACCTGGGAGCATTC
CCTTTGAAAACCGGCACAAGACA

>Sequence 1177

TAATCCTATCAAACCTAATATGATTATTCCAATTAACAAAAGACTTAATTT
TATTCATATTAAATATTCACCTAAACTAATTTACCTAATCTAATCTTATT
TATAATCTATCAATTTTCTAATAATAATAAGATTATATTGCGACCTC
TNTACACTTATTATACGGCGAATCGAAGCTTAACTGCACCGCGGTGGCGG
CCGAGGTACACATGCTGTGAACATAGCTCAGTGCAGCCTCAAACCTCTGG
CCTCAAGCAATCCTCCCGCCTTAGCCTCCCCAAATGCTGGGATTACAGGC
ATAAGCCACCGTGCCTGGCCTAAGAAAAGCTTTTTATTGTAAGTCAACTA
ACCAAGGAGACAGGTATTCCACGCTTAAATATGTACTCCCTGTCGTTGGG
CATTACGCGGCAGATCCTTTTATTAGAAAAGGTTTAAAGGGGGCCCAGA
GTAGTGC GCGGCTTCAACAATCTNNATAATGCCTAACCACTTTTGGTAGGC
TCAGAGAGCAGTGCCAAAGAATCAACTTCAGTGTTCAAGGAGGTTTCGAAG
AAGCAGGCAATGGGCCAAACAATGGGTGAAAAATCCCCATTCTTCTTTCT
AAAAAATTACAAAAAAATTAAGCCTGGTCTTTGCCTGGACATTTTTTCAA
AAAATTTTTGTAAAGGGATTTTT

>Sequence 1178

GTGAGCCTAATACCACTCACTAACTGACTATATGGCAGACATCCACCGCT
GTGCCGGCCGCCCCGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTC
TGGCCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTT
AAAGCTGGATCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATA
AGAAAGNTGAGTCCCAGAAAAGCACCTGGTTTGGACANAGTTGCAGAAAG
GGCTAAACAGTGACTNNGGTGGATGTATGATNNTCTGTCTCTTAACCCCTC
CTAATCCAANNATGTCTTCTCACTTAGATGAAGGCNNTGTGCCTTCTACA
NTTTGAAGGGCTCAGNAACCCCATGGATGGATGGAAGGGAAAGGATGGGT
GGAAGGGAATGGATGGATAGATGGGATGGGTNGATAGTATGACTTCATTC
ATTTCCGATTTGCAATGAAAGGATAGAGCCAAATTGAACATCAAAACAGG
GGAGCTAAATAGCTAGGAATTGCTGGTAATGAGAAGCTGCACAATACAGG
CCCTGAGAGTTGTTATTGTATGGCCCGTCCTTTACCTTCCCCCGAAACCA
CAGGAGGTTATACAACCGCCACCCATGCATATTGGAACCCCGGCAATGC
CAATCACTAGTTGACCTTCGGGTATCAACCTGTAAGGGACAAATTAACC
CTATCCTTAAAATTACGTTAATAGGCAACCAAAAGCCAGGGGAATCACCT
TCCATACTCCCTGAATTCTCAATTCAAAAAATAGGGTTCCATTGGCATT
GTTTACATTCAAAGAGACCCCCACCTTTCTAAAAACCGTCACTGTGGGG
ACCTTAGGATGGGCTCTCCCCCCTTGTAAGAACTTCAAACAAGAGACA
CCCCCCTCGGGGGGGGCACCCAGGGGCATATGAAAACAGCGGAGCCCCA
AAGGAGGGGATATAGTTTGTGCGCGCCCCCACT

>Sequence 1179

CTACGTAATCGCTTACGTTATTTCTCTCATACCACTCTATCTACTTATTA
CTATCATTTTACGTGATCATCTANCATTACTACTTTTCTTTTCAATTATTA

Table 3

222/1077

TATCAACGTTATCTACTCTATTTTTTTGCTCTTTCCTCTTCTTTCATAAG
GTGTGGCCGCGTCTCACTCACTATACTGGCGGAGTGGGAGCTCCACCGCG
GGGGCTGGCGGCCGAGGTACTTTGTTCTTTTACTACTCAATGAGACTGAG
AGCCTGCTGGATTCACTAAGACCAGGTGAACCCGGAGGGCTCTCGGTCTC
ATTGACTCAATTGGGTTTGAATCTCAATTCTGCAACCTACGTGGCTTTGG
GCAGGTTTCCTTATTTTTAAAATTTACAATTATATTTACCTTTTAAACTT
ATTGAAGGATTGGAAAGCTGTAAACACCTAGCATGCTGTCGTGGCATAAGG
TGGGGGTTAAGTAAAAAGTAGCTACTATTAACATTTTTGAAAAAGTGCTT
CTTCATTTTCCCTGCTCCCTTTCATACTCTTCATCCTACTTTCCTGGTAG
TTCATTTCTTCTTAGTTGGGCTGTTGACTTTCTCTTTTCTTCCAAGAAT
TTGGCTTATGCCAC

>Sequence 1180

AGGTACTTCTGTAAAGCTAATCATAAAACGGAATAAAATTTCTCTTGAAA
ATGCATTCAGAGTTCCACCCTTGAATGCATGGGGGGGCATGTCTTTTTTA
CAATAGCCATTTGCCACAGGAGTGGGAAATTCCACTTTTCTGATGGATA
TCTATGGGAGCTGCTCCTCCAAAGTCTGGAAGTAAGAATGTGACAAAA
AGGGGAAATAAAGGAGAGAAAAAGAGGATTGTAAGCCATCAGCAGTGCAA
GTTTTCCACCCCTCTTCTCCTAACTTTCTGCTTACCCCAAGTAGCAAC
TGTAAGTTCTTCCAATACTACCATCACCTGGGTGAGCTAAAAAGTGGA
AGAGAAGACAATGCC

>Sequence 1181

AGGTACTTAACACTATATTGAGATTGTTATTTTAACTGGAATTCTAAGAT
TTGTGAAGTGTAAATGAAAAACATACTCATTAAATTTTATTTTTTCTTGA
TACTCAAAATCATATTTATAAAAAAAGGATTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
GGAAATGGAAGTCTGCTTTTGTACCCCAAGGCTTGGAGTTGCATGTGGT
CCCGATTCTTCGTGCTCACTTGCAAAGCTACCGCTCTCTCCGGTGTTCAC
CGCCCATTTCTTACCTTCCCTCAAGCCTTCTTGAAGTATGCTTAGGGAAC
TAACAAGGCGGCTTTTGCTCAACCTACGGCCACGGCATAAAATTATTTT
TTGGTATTTTTTTAAGTTAAGAAAGAATGGGGGGGTTTTTCAACCCAAT
GGTTTTAGCCCCAAGGAATTGTGTCCTTTCAAATTTTCCCTGGACCCC
CTCGTTGAATCCTTGCCCCACCCATAAGGGC

>Sequence 1182

AGGTACATTTCTCAAGGGTAAGGACTATGTCTTATGTCTTTGAACACCCT
TAAAGGAACCTAGGCTAGTAGTTGACATTGAATAGTTTCTAAGTAACTC
TTGCCGACTGGAATTGTATTTACGGCAAAGCTACTTGCAAATTACTTGCA
TTGAGACCAATGTAAACACTAGAGGAGCCAGACATGGTTTTCTTTGGAC
ACATCTTTGGACGTGCCTGATGTCCTCCCCACCTGCCTTGGGCATCCCTTT
ATGATAAAACTTTAATTCAGTCAAACCTGGTATCACTGCATGTTTTTAAGA
GACTTGCCCACTTTCTGACCAAAATTATCCATCTACCCAAGGTTCTTAGTC
AGGGTCGGTGTCACTCTATCAAGGGGCTATATGGAAATAGGGAGGGTTTG
GTC

>Sequence 1183

GGAAAATCTGGGACCATATAGTACTACTGGGCGAATGTGAGCTCCACCGC
CGTGGCGGCCGCCGGGCGAGGTACTAAAGCATATCATCAGATTGGGGGTT
CCACTTGTTGTTTTCAATTTAATAAACACTTATTGAGCTGCTACAGGAAC
TGTTTTTAATGCTTTTCAAAAAAAGTGACCTTCTCAACATGATAGAAAA
CATTTCCGAAAAACTGATAGCTAAACTATACGCAGTGGAGAAAGATTGA
AGGCTTTCCCATAAAGATTAGGAAAAGACAAACACACTAAAATCACACAC
AGCTAGTGATAGTTGTGTTTCTTACATTAACAATGAACAATCCAAAAAA
GAAATTAAGGAGCAATTTCACTTACAATAACATTTGTATTATTCCGTTTT
CACACTGCTATGAATAAATACCTGAAACTGGGTGTTTATAAAGGAAAGA
ATTTTGATTGACTCC

>Sequence 1184

CCGGGCAGGTACACTCTAAAAGCCAAAAACAGCATGATCTGAGGCAATAC
AGAGCATAAGCTGGTATCACCAATGCATCCTGGAAATAAAACCTGTGCTA
CCTACTATCTTGGAATTTCACTGAGAGTATAGAACATTCTAAATGAAAA

Table 3

223/1077

AAAGAAACGAAAAGGAATGGTTATAAATTGTTTAAATGTGTAACAAACA
CAATAGATGTAAGTTACAAAAATGTTTCAGAGTAACAGAATGCACTGATAA
CATTTAAATTAAATATAAAGAAAAGCAAATCTACTTCCAACAAATACATG
GATACATCTTTGTTTCATACAGCAGATGCAGAAATGTAGCTTCTATTTTA
AAAAGTCTGAATGTCCATAAACTGTTCCCAAGATTGT

>Sequence 1185

CCGGGCAGGTACCTCAGACTCCCAAGTCTCCATATTCTGTAAAGTGCTCC
TATGGGTGTTGATTTATTCAGCTGAAAACTGAAAATCCATTTTAGGATT
GAGTTGATCTTCACTGAGGAAAAATATCAATTTTCAGAGCTTTGTCTAGG
ACCCTGCAAAGAACTTAAGAATTCTTAACAGAGGTTACGAATGGTCCCA
AGGAGTCCACAAGTACCATGAAATTGTATGTATACAAGTGAGAGGGAGAG
AGGATGAGAGCCTCTGAGAATGTAAATTTTTTGGCATGAAGATCCATAAC
TTTCTCAGATCCTTATGGGGTTCTGTCTTTCCCAAACCACAAAGAATCT
GAGCTGAGAGATAACGCAAGCCTCTTGTTTGTGTGCAGCCAGCTTTCAC
AGCCATGCTGGCTTAGCCAGAGAGGCAAT

>Sequence 1186

AGGTACCAGTGCCTCCAGTCCGGGTGACAGAGCGAGACCCTGACTAAACA
AAAAATAACAAAAAAGGAGGCAGGGGTTAGAAAAATACCATGATTGTAA
CAGGACCATCAGATTTTCAATTTTTCTAAAAATATTAGATATTGTCAGTGTG
GTTTTATATAGGTGCTGATTCTGTTCTGCTCGTCTTCAAGTAACAAATG
CCTGCAGTGGAGATATCTTATTTTGATGATTAACAGGAAGCTTTTAAGCT
TTGAAGAAAGCAAACAACATTTTCCATGGACCTTTAAGAGCTGGGCTAAT
ATTTTGGCCACACAGAACTCTAATTCATTTTCAGAGTCAAGGGCAACAAT
AGAATACTTTTTCAAGGACCTTGCATTTGTTAATACAGGTTTTTCATAATA
GAAAGCAATTTAAATATTCAGAACTAACGT

>Sequence 1187

CCGGGCAGGTACTTTGAGAAGGAAATACTGGGTTGTAATCATGGATAAAA
TATGCAGGGGAGGGGAGGAGATTATAGATATTAATATAGAGTTTAGGGTG
GCATTAGGCAAGGATGACATCTGAATATCTAACTTCCATTTTACATTGCC
ATGTAAGTCTTTTTGCCCAGTGGGTTTGGGGGACATTGAGGCAGAACTCC
TGGAAAATAGAAGGAAGTGAAAGGTCACTGGTCTCTCCAATAATCTTGAT
GGGAAGGACTAGACAACACCATTAGCAAAATGTGCCTCTTAAAACTCAA
GACACAAGCATTATCTTCATCTCACTGAAATAACAGCTACATCCTTTATT
AACATGAGAAAAAT

>Sequence 1188

CCGGGCAGGTACCTCATTCAATCCCTCTTTGTTCCGGCCTCTCTGCTTTT
CGTTAATTTTCTCTGCGCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTATA
GGAAATTATCCGTGCAATGAACCTAATTTACAAAACCTCTGCTGCTTAAAA
AGGGGGGAGAAATTAGATCTTCTCATAGTCCAGTCTATGATCGACTTT
TCATGGCTACATCAATTTCCAACAGGTCATTTGACAATAGTAAATTAGAG
TGCCTTAATCTTAATAATGGTTGTTTCGCAAGAAGTACCATTGGTACCGA
TATGTATAGAAAATAGAAGACACGAAGGGTCTACTATCATCCAATAATTT
AATGTTGCGTTTTAAAAACAAGGTTAAGAATTTCTTGCGCCATATCCATT
CTTTTCTCTTTATACCCCTATGAATTGGAGGAAAACAAAACCTTTCTTTAT
AGTAAAACCACTCAAACCCATTATTAGTGGTACCC

>Sequence 1189

CCGGGCAGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTAAAGAATTTTAATTTTCCTAGT
TCCTTATCTTTTAAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACGTGAGC
TTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTATGGGTTTTATCCAT
TTGTATACTGTTTTTTTTTTTAAAGCTATCTTCAAAAATAGCCATAGGAGG
TAGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAACCTGAGTTTTAAAGT
GTTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAACTAAAGG
TTGTTAGCATAACAATTCAACCAAAGATGCAATTTGAAACAATATGTCCT
TTGGCTGTCATGTTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCT

>Sequence 1190

CCGGGCAGGTACTACATCTTAACTAGACTGTTATCAAATAAGCTAATAA

Table 3

224/1077

TACTTTACAAATAAGGACGGTATTTCAAACCTCAGGAACCATCGTTTTTA
AATGATTCATGTAGTATTTAATCACTTGGCGGTCTTCATAATTTAACCCT
GTCATAAAGGGAACCTTTTACAAAGATTAAAATAGAATGGTTACAGGGGAC
ACACAATTGCAATCTAAGTGCGGGATGTAGGCTATTCAACAGTATCCAGA
CTTTATCTACAACATATATATATATATCCACACATAAATATGCGTAGGGA
AAAAGACTTGTGGGGGTTTGGGGGTGGAGCTAACTATNTGCTGTGTAAG
AGACATAAACTAGAAAGAAGGGCCTGAATAGGACAGATACAAATGGAATC
AATTAGCTGGGTGTGGTGGCGTTTGCCCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGG
CTGAGGTANGAGGGTCTTGGTAGCCANGAGTTGGAGGCTACAGTAAGCC
GTGATTGCACCCTGTGCTCCAGCCAATGTGACAAAACCAGACCCTTGTT
TAAACCANAANGAGAANNAAAAAAAAAAAGGAACCAGAACAAAGACAGGA
CCCCCTNTTCCCTTTGGTTTGGCACCTACTCTCTAAGGAAAATGAACTG
TGACCTATTTTCCCTTATCTGGCCCTTATCATTTAAGGGACCTGGGAGGT
AAACCTCTTGGTATTATTGCCCGGAAATTGCCCAATACCAGGCTGGGCCC
TGTTAAAAAGGCCTGGTTTCTGGTTCCCTTAATTTAAGGTCCCTTGCG
GTTTATAATCTTGGATCCCCGGCTGGAGAATTCAATTCAGCTTTTTTTTC
CGCGACC

>Sequence 1191

AGGTACCAAGCCTAGAGAGCACTAAATAAATGTCAATTATTATTTTTATC
CATTCTGGCATTTAGAAATAAAAAGTTACAAAATTCATTAAAAAATACC
ATTGATACATACCATATTCCAGCCACACTGGCCTCTTTTCTGTGACAAAA
TGCCCTTTGCTTCTTTTGCCCTCAACACCTGATCCTCCCTATGCTTGGA
TTTTCCCCCAACTCCTGCACGGCCAACCTCATTATGGTCCTTAAATCTCAA
GTCCAATACCTCTCAATTCAAATATTCCCCCTTAGAGAGCCTTCATTGA
GACTGCTATCCCCAAAAGTCTAACTTTCTTATAATCTTGCTTTAATTATG
TCATAGCTTTTACAAACATCTGTAATTGTCTTATATACACTGGTATGGAG
AGCTG

>Sequence 1192

AGGTACATCAGCAGTATGTAATTATATTGTGAGAACAAGGAATATTGGGC
AAAAAGCAAGTGGTTAAAACATGCAACAAGCAAGGGCCTGATCAGAATT
TTCATTTATTCAGTCCTTAAGAACTGCAGAATGCTGAAGTCTCAAGGGGC
CCGGTTACAAGGCTATTGGAAGTTTCGTCACCCTCTAAAATGCCCTTAA
TAGCTTTTTTGTGTTTTTTTAAAAAATTGTTGGCCCGGCGCGGTGGCT
TACGCCTGTAATCCCAGCATTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCGGATCACCTG
AAGTCAGGAGTTCTAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTTT
ACTAAAAAG

>Sequence 1193

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTGTTGGTTTGTGTTTGTGTT
GTTTGTGTTGTTGATGCCGTTATCAAGTAGAGCAGACCTGGGAAGACTGG
TGCATCCTTATTTCTGTCATCTTAGAAAATAACATATATAAGAAAATATT
TATATCTAGGGCAGAAGAAAATTAGAGATATATTTTTTTCCTTTCAGCCT
CTTCTCTCCTCCATTTTTACTACTGAAAAATTATCCAAAGGCATGAAAAT
ATTTCATAGAAATGTCTTCTGAGTTGTGAGGGAATTCTTGCCCATTTGAA
CAAATGGAATAGACATTGAAAGCAAATCAGAATGCCCTTACTGCTTGG
CCAATGTGCAAGGATTGAGGCTGCTTATCTGTGCTGCCATGTCCTTAT

>Sequence 1194

AGGTACTTCAAATGGGTCACTGAATATCTTCAAATTGTATGTAAATTTG
GAGGGGAAGTGGTATATGCAGATTTTTTTTTTCTGGAAAGAAGACCAATC
ACTTTTGCCAAATTCTCAAACAGGCCCATATTTCTCTCACACACATGCGT
GCGCATGCGCACACGCGCGCACACACACACACGTTAAGATGCGAAG
AATCACTGTCATAAAATGTCATATTTCTAATTTCTGTAAATGGGGAGAAT
TCCTCAAGCTTATATAAAAGTGATGTAAATAATTCAGTTACAATTATAAA
AGAAATGGTATCACAGCAAATCCCTTTGGCACCCCACTGAAAATTTCTCT
CTGATGTTTAAAACACCATTTCTATGCTTACTCTTACAGCTGTATTAATA
ATCAGATAAGGGGTTTATTTCTTGCTATTTT

>Sequence 1195

Table 3

225/1077

CCGGGCAGGTACTGTAAGGCCTCTAACTTTGTTGTTCTTAAAGACTGTTT
TGGCTACCTCTTTTGGTTTTCTATAGAGATTTTAGAATCTGTAAAACCAT
TTTCTATAAAAATGTCCTGCAGGTCTTTTGATCAAGATTGTGTTGAATCT
ATAGATCAGGATGAGAAAAATCGAGATGTCAACACTATCAAGTTTTCCAA
TTCATGAACGTCTCTCCATTTAGTTAGGTTTTAAATTTCTCTCAAAGATG
TTTTGTAATTTTCATTATACAAGTCTTACACTTCTTTGGCTACATTTATT
CAGTTTTTATGTTTTTATGTCAGTTTAAATGGAATTGCTTTTTAAATCT
CATTTTCCAATTGTTTTATTGTTGATAAATGGAAACACAATAGATTTTTGG
TTATTGACCTTTATAAGTTTACTTACTGATTCTAGTAGT

>Sequence 1196

CCGGGCAGGTACAAAGCAAGAGGAGCTATCAGAGTCATGGAGTAGGTCAG
GGCACTTCAAGTTCATAGAATCTTTACACGAAAGGATTATTTTAGAGCTC
ATCTACCCACTCATATTGCAGCAGAAAGAATTGAAGCTCTGGGGGATAAA
TGACTTATTCAAGGTCACAGTGAGCCAAAGCTGAGATTTCCAGATCCTAA
CCAGCGTTAAATTTCTAAGCTGCATTTTAGCATTCCACTTTTCCTCATT
TGCCTATTAAATCCTCCAAGGCCTAGTTCAGGTTCTTTCTGGTCCAGAAA
GTGCCCCCAGTCTTCTCCAATTCTACAGAGATGCCTTCCTTCCCTGATGC
TACAGAATGTATCATCTCCATCACTCATTGGCACCAATAAATAAAATGCC
CTTTGACATCCAAGAGTCATGAAACTTTGAGCTGGAAGGGTCATTGGATG
TCATTTAACTCATATTTTCAGTTTCAAACCTTACATAAGTCAGCTCACCAAG
GTAGCTGAAGTTCCTTTGGAGAAAAGCTCTTGTCTAACAATCTTGATGAT
TGGTATCCCTCTCTATTTCAGCACCATAACTGCATAAACTTCATATTTGG
TTCAGAAATCCAGTTTAGCCACCTACAAGAATGTAGGTGTCTGGCAGACC
GGGATTCCAGGTCAGGTCTGCCATGGATTCCGGCATGACTTTGGATACGC
GTTGGACCTTCTAAAAATCTTCTCATCTGGCAAAGGGAGTACAGTGAGCC
CACTCATTATGTGTGAAATTAATAAACCAGGCCGGAAGAAGTTTAGCTTA
CCTTAAGGAG

>Sequence 1197

TGGGCGGATTGCGCGCTCTACTACTACTAGTCTAAGGGGAGCTGCACCT
CCGCGGCGGCCGCGGGCAGGTACCTTGAATTAGAGCCTGAAATGGGGGA
AAAGCAGCCATAAAAGACATTCTCAGACAATTGGAGACTTTCCTGAGTTG
TGATAATGGAGTTATGAATATGTAGGAGAATGTCTACATAGATTTTATGA
AGATGCATGTGGCAACATATCTGCAGCTTATCCAAAAAAGGTCCAAGAA
AAAAAGGAAGGGGAAAGAAAATAGGATTACAGGTGTGAGCCACCATGCCAA
GCCTCACTGTTTCTAATAACCAAATTGTTCCCTGTATTTATTGAGTCTCTG
TTTCATGCCAGACACTCTGCTATAGTCTGAATATGCTATTTCTGTTAATT
CTCATAACAGTTCTGTGAGCAAGAACAATTAATATCACCTTTTACAGAT
T

>Sequence 1198

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTGGCTAAGTTTTGTGTTTTTAGCAG
AGACAGGGTTTCGCCATGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAACTCCTGACCTTA
GGTGATCCACCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAACTAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCATTTTAGAAAAGTATCAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAA
ATGGAAGGGGGGAGAAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTCATTTAAGTAATC
TGGACCATGAAACTGAAAAAAGTATAGGGACTCCAAAAGTCATAAAGAA
GTGAAAG

>Sequence 1199

AGGTACGTACACCAATGGTCTCAGTGTGGTCTTAAACCAGCTGCAGCA
GCATCACTTTTCCCAGGTGCCCATCCCAGACCTGCTGATTGGAAACTGA
CTATGGAGCCCAGGAAGCTGTTTTAGCAAGCCCCCTAGGCGATTCTGACG
CAGTTGATGTTTGAGAAACACTGCACTATCTCAGACTCTTTTAAATCAGA
GATCTGGAGTCAAATTCAAACCTCTACTACATCTCAGCTATGTGACCTTTG
GCAATTGATACACCTTCTTTCTTTTCTTTGCTTTTTTTTTTTTTGAGA
CAGAGTCTTGCACTGTTGCCAGGCTGGAGCACAATGGCACGATCTTGGC

Table 3

226/1077

TCACTGCAACCTCCACCTGTCAGGCGATCTTGGCTCACGGCAACCTCCAC
CTCTCAGGTTCAAGCAATT

>Sequence 1200

AGGTATCTTTTACATACTCCATGTGTTCCACCTCGTGTCTAACAAGAA
TTGACTGTGAATATCTTATGCACACAGTTTTTCAGCTCCTGCTTTGCTTCA
GAAGAATCAGCAGTCTGTTGTGCAAAACAGTTGAAGGAACTACCAGGATT
TGTAAGCCATTTAGTGGTTGTTGTTGATGACAGAGGCTGACCTGTGGAG
GAAATGGTCGGTGAAGCACTGGGCTAGGAGATTGTGGCTGCTGAAACTGC
ATTTCTTGACTTTTTCTGCCTCACTCTGGCTTAGTCTTAAGTATGGTGT
TAATAAGTTTCTTACAAAGGTTATCTGGCCTTCAAATGCTTGTCTTCTTA
ACACTAGCTTATATTTGGATTAAAGGTGTTAATTGGTTTTTTTTTGTAAAG
CTGTTATTCTTGT

>Sequence 1201

GCCGGGCAGGTACTATATGGACACCAACATGTAGCAGAAAATGATTGCAG
CAGTGACCAATCTCATTCCAGGGGAGAAGTTGCACAGTGTCCAATAGGTG
CATACATCACCTTAGTAAGTAGTTGTGAATTAACAATGGAAATACAAAAT
GAAAAAAAATAATTTAGTCTATATAATGACGCATATATAATTTTTTCAAG
GCAGCTAAATAAAGGTTGGATAGGAACAATAAATATTTTAAATTACGCTT
GGGGGGACCCTAAATTAATTTAATAAAATTTGAGAATGGATATAGAATAA
TTATCCTTTATGGCCCTAAGACCCACCCATTGTAAAAAAAATCACCTT
GAGGGTCGCCTCAATGGGGAAAACATTGGAACCTAAATGAAAGCCCCTTC
CTGGAAGTACAACCTGGATTTTTCTCCTCAACTTGGTATAGTAATGAAAAGA
AAACCCCTGGCATCCACGCTTTCCCTTTTTTGCCGAAATAGGTTTGAAA
CCGGGCAGTAT

>Sequence 1202

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCCAAGAACCAACAAGGGCAGCACATTGTGG
GTCTGATGATTTGGTGCAAGATGGATAACTGGACAGGATATGCCAGAATT
ATACTTTGGATAGTGACTAAATTCATGATCAGGGCAGGTATGGCTCTCAG
ACTTGTGGACTCAGATATCTAAATTTTCACTCAGAAATGTTAATGTTTCA
AGACAATTTACATCCTCTGACCAGTGTCTTCTCTTCTAGAGTTGAATTG
CCTGAGAAGCCCAGTTATACTGAGGTTACTTGGTAAGCCTAACTAGAGCA
TATATTCTTTAGATGTTTAGGACATCAAGGCATCGAGCTAAAACAGCCTG
ATGTAAATGTCAACACAATAGGGATTCCACTGCCCTCAAATTAGGATAAA
TAAGTGTCTTGGCTAGGACCTCTCCCAACTGTCATAAC

>Sequence 1203

CCGGGCAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGGAGAGAC
AGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTTTGAT
CCGCCCACCTCGGCCTCCCAAAGGGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCC
ATCCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCT
TTGCTTACTCAGCTGTGCCGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAA
ACCAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAG
ATAAACAAATGAACATGAAATTATAANTTCAGTACCAAAGAATGAGTGTT
AATGGCAGAGGGCAATGTTGTAAGAGC

>Sequence 1204

CCGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAAC
GAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATC
TTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAGTGAGT
CCCAGAAAAGCACTGGTTTGGGCAAGTTCAGAAAAGCTAAACAGTGACTGT
GGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAG
ATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGATGG
AGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGCTGGCTTNATGGATGGATAGACAGTC
GACTAATTCATTTAGCCAGGCAAGAAAGATAGAGCGCCCAAACGCTCAGA
CAGGGGGCTTGTGGGTTGAAAGCCTTTAAGGGCGCTGAATAACAACCTCG
TGGTTATACAGGGCCCAAAGTTAACTTCTGGGAAACCACAGCTGAATGTA
GTACCACCATTTATCCGAGACCCCTGGTCAAGAACACGTAAGAACCCT
GGTGCCAAAGGTCGGGGCTATGCCCCGAACCCTAACTAAGGTCCAATTGC

Table 3

227/1077

TTGAAAATATTTGAATACTTTCCCCCGGGAGGGCTATTTCAAAATGGC
CTTCTAAGGGAATAAGGTTGTTGTACAAATGTGCCGGCCTTTTTGATGGA
AAACCCGGCGGGTTATTTTCGCACTCCGCCCTAAAAGAAGGATTTTTGGT
GGCCATTATTTAACAATGCGTCCCACCCGCT

>Sequence 1205

CCGGGCAGGTACTGTCACGATTCAACAACCTCTTAAAAAATACAATATAT
GCTTAACAAGGCTTCTGTTGACCTCTTTCTGGAAGCCTGATTTCTTTCCCT
CCACTTATGTTAACAGATTAAAAATTTAAAAAATAACATAATTTTTTTTA
AGTAAACACAAATTAGGGAATTTGGCCCCCAAAATGGTAAAATCTTCC
AAAAAATCTGAAGTGGCGGCATTACAGCCCAAAGTGAATGCCAATTCC
TGGCTCTACTTTACTACTTGCCCCCTTCCAACCTGAGAACCAAGCAATCT
TCACAACAGGGCTTCAGGGGCATTAAGACTATTGTGTAAGGGGTGGTTCC
TAAGAAATTGTTTGAGAAGCCCTGGGACTTCCTAACCTTCCTTAAAAGGA
AAAAGGAATGTTGAAAAACTTGCACATATGGGATTATTCCACCACTTCTT
CATCAATGCACCCTTACTTGCCACAAAGCCAAAGCTTTGCTTCAAAGTA

>Sequence 1206

AGGTAAGTGTGTTGCTTCAGGATTAGGGAATGCTGCTTTGATCATGTTG
AAAGGAAGATAGAAAAAAGATTGAAAAGCTGGGTCTCTAAGGTAGGAGGT
CTGGGATCTGTTTATTCTACTTAGTTCAAGTTGGAATTGATGCTGTTAAA
CATGTGAAATGACCCTAACTACTCTTCAGGGTTAAGGCAGGTCTGAGGC
AGATGGATCATTACGCAAATGGACTATAATGTGTAATCTGTGCATGTCT
GTAACAATAAAATACAGTTCTATCAAGATTTTGGTTGAGAAAAGTTAATG
ATAAAAGGGCTGGGCTGGAAGACTGGGTCGAGGAAGGAGAGTGATACTTA
AGGTTTACTCACATCTTATCTAGGCAACTTTTCTGGTCTTGATTTGGGCT
TTAAG

>Sequence 1207

AGGACACTATTTTTTTGCTTTGGAAGAAATGAATCCTAGTTTTGGTTGAG
AACTGTCAACAGCATTGTGCCTCTTCTATGACTACTAAATTTCAAGCAA
AGAGAGCTGAGTTGGGGGTAAAAGCAGGGCTATTCCCCGCCTTCAGACAA
TGCTGTCCCTTACTCAGGGCAGACTGCTGTCTGGTTTCCTGTCTCCAGCTC
GGGCATGACTGCTTAAGATGAGAAACATGGTCTAAGAAAGGAACAGAGTG
GTCTTGAAAATGAGAATGCTAGCGACCACCATAAACCCTCTTCCAACCTCAC
TCCCAAGAGGAATTCTGACTAGAATATCACATACTAGCAAACCTAGATATC
AATTGTTTTAAGATTCTAGGGATTTGCTTTTTTAAAAAGCTAGAACCAA

>Sequence 1208

CCGGGCAGGTACTTTGCACATATCATAGTGGACTTGTCTAGGAGAAATCA
GAACTCTAGCCGAACTCATGTAATCCTTAAAGCTCGTACTGTGATTATTG
ATTAAGAGAGAACAGCTGAGACCTTTGACACTTCAGAGGCCAGTGGTCTG
TGCAGTCAGTCTGGCTTCTCTAACAGGGAAAGGCATGTAAGGAAAAGGAA
ATGAGACAGCCTGGGACACAAGTTCAAGTATGAACAATACTATCACATGT
TCCATAGTGCCTATCAAACAAGTGTATGTCGTCATATTAGTCGCCTCCTT
AGCCTCTGGCCCTCCCATAACTCAAGCCATCTGGCTATCTGCTCTTA
TTTGCAAGTAATCAGGAAAAGTAA

>Sequence 1209

CCGGGCAGGTACATATATTTTAAAGTGAAAGTGACAGGAAAGTGGAATGAG
CACTTATTTTTCTTTATCATTTAAATTATTACTTTAACATTTTAATACTT
TGAAATTAATTTTGTTATATAGTAGAATGTAAGGTCTACTGAAGTGTATC
ATTTTCTAAATGACAGCATTTTTCAATACCATTTTAAACAAATGCTTTCT
TTTAAGGACACTCTAAAGATAATGTGCACTACACTAGTTTTTCGTAGAACT
ATTCATGTGTAGGCACTCACCTTGAGAAGTAGGATTTTTTTTTTACTTAA
CGCTTTTGTCTCTTAAAGTATTATTATATATAGTTAACTGTAAAAACATT
GAGATATATTTAAAAATATTATAGGACAGGTAATACATATTTCATGGTAGCA
AGTGAAATAATACAAAGGTTTATGAATAAAAAAGTTACTACTCTCCTAGGT
AGCCAATGTTACCAGTCTTGCATATCCTTCTGCTGCTTTTTTCTCTGCTCA
TACAAACATGAACTTACTCATGCATACACATAAGTGTTTCAAAGTTTTAT
TCTTGATACATCACGAACACAAAGTGGTATAATTACATATATCAATGTAA

Table 3

228/1077

TATATAAACATGTTATGAATATAAATGTTAAATGAACCCTATTTAAACAT
CACTAAGCCTAAGACCCAGACCTTACCCATGAGCCTGGATATTCTTATGC
GTGGCCCCATCTCTTTTCTATTCCCGTCATAAAAATACTCCATCCCAAAT
TTACTTATTTCTTTTTTTACTTGGGTGCCTAATAATTTTACTATCCTTAC
TTCTTGCCTTTATGATGAATAATAAATAATGGTAAGCTCTATATTTACAT
AAATGGT

>Sequence 1210

AGGTACATCAGCGCCACACCGCAGGGCTGTCCACGGTGAGCTATGAGGCT
GGAGATGGTTCTGGAGCAGTGAACCTGCAGAGGAAAGAAGGCTGCCCTACC
CCTGGGCCACCAATCACTAGCAGTGTGACCTCCGGCAGCTTCTTCTCCTG
CCAAATGGGGATGTTTGCTTCACTGACAGAAACACAGTGGGTGAACCGGG
AGTGAGCGGCCCACTTGGCTGACCACTTACCAACATTTTCGGCGGGGCCTC
GTGCTGAGACCTCTCCCCACCCTGACGGAACAGTCAGTTGGAACACAGCC
AGTAGTTCCATTCCCACTAACATCTTATAGTGACCAATAATACTCTACCA
TAACTGTCN

>Sequence 1211

CCGGGCAGGTACAAAAATTCTGTTATGAATGACCTGNGTCATTCTCCCTG
CCTGACTGACATCCTGGAGTGTGTCAATTGAAAACCTTCACTTTGCTGGCA
TCTTCCCAAATTTCTCAGACACCCTCTCTTTGAACCTGGAGCCTCCTGGG
GAAGTATTAAGAGCCAACCAGCTATGAAAACAATGTGCTCTTCCCTGTGC
TAAGTGCCTCTTCTTAGGCAGTAAAATGCTTCAGTGGTATGAACATATGG
CATCAACATGGCCTCTGAAAACCATGCTGGGTGTTTAAACAAGCATGGAGG
GATGTGGACAGGCTGTGATGAGCTCTGGAGGCTTACAGAACAGGACCTCC
CCTCCCCCAGGAGCAGAGGTTCCCTCAGGGATCTTGACTCCACATAGACCA
AGGCTATGTGGGAAAGAGAGCTAGTGCCTTGAAGCTATTGCATTTTTTTT
CCTTTAATAAAAACACCCTGCAGACCCTGACATATGCCACAGACAGAAACA
GAGCAGCCATGTGACCCAGTGCCAGCTCTTACCTCTGACTCCAGACAGGC
ATTCTGCTGAAGTCCAACCTCTATTANGTAAGAGGATGTGGGCAGCTTCC
CAGTGGACCCACTGCATTCTGTGTGCATTCCCTCCTTCTGAGGCAGGG
CCCATCACCTTGAGAGGTATTGGGCCAAATAAACAGCCTGAACATTGGGC
ACAAACCGGTGTTAGGGTGGTCACAACCCGGTTAATAATTCCAGAACCAA
AGGTTAAAAGACACTGGGCTATTTTTTAAAAAGGACCGCCCGGAATTTTA
AA

>Sequence 1212

CCGGGCAGGTACCATTTGGAACCTATTTTTATTTAAGTTTTAGCTCAAGG
TTCTCCAGAATCTGGGAGTTGAGAAAATGCCAATGGAAATAGGAAATATG
AAATATCCAGGATCAATGGTAGACTTTTCTTCTTACTGTAACAGTGCTCT
GGGGCACATTTCTACCTTGCTATTTTTTGGGACCAAGAAAAATATTGCA
TCTATGTCCATCCCTACATAGACCTCACAAAGCATAGGTCAAATTCTAAT
AGGCAGCCATGATTCTCCAATTTTTTGTTCACAAATAAGTCGACTGACTT
CCTAATTGGAGTCATTGGGGGTAAAGGAGCAACGGACAATGTCAGAGAGGA
CCACCTCACAGGTGGACTTGTGAGGGGCTGGGAAAAGAAAAGACATGTTC
AT

>Sequence 1213

CCGGGCAGGTACTTATTTCTTTTTCTTTTTTTTTTAAGTGGTGGATTTCT
TTAAATGATATATGTATACAATGGAGTAGTGATATAGGCTACAATATGGA
TGCATCTCAAAACATTATGCTTAGTGAAAGAAGTCTGATGCAATATCCCA
CATATGGTATGTTTCCACTTACAGTCCAGAAAAGGCATATACTAAATTAG
CAGTTGCATGGGTCTGATGTGAAAACATGGATTGCCTGCAGATGGGCACA
AGGGATCTTTTGGGGGTGACAAAAATGTTCCAAACTAAGTTGTAATTTT
TGCACAACCTTTTATGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTGAAATGGG
AGTTTCACTTTTGTGCGCAAGGCTTGGAAATTTTAAATTTTTTCCAATTTT
GTATTTATT

>Sequence 1214

CCGGGCAGGTACATTTCTGCATTTTCTGAATTTCCACAAGTTGGGTCACT
CTAAAGGCTCATTCTTCACACTCCCACAACTATTTATTACTCTATGCCC

Table 3

229/1077

TTTCCAAGCAAATCGAGATAGGCAGTTATCAAAGCAGATGCATTATTTGG
GTCCACCTGAAAACAACTGGTTCTGCCCCCCTTTCTCCCAATCTGCAA
GCTTCTGTTTCATCCCTGTGAATAAAAATGCAGAATGACAAAAAGTCTGGG
TGACTTACATTATTCTCCTTATCTCAACATAAATGTGAAATCTGGGGGTG
TCAGCTAGTCAATCTCCAGGTCCCTCGTAAAAGATAATGTGCCTGGTGGTT
TTGTTTTGCTTTTCACAAACATGGAAAAGGG

>Sequence 1215

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATTCCCAGCTCATT
TTTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTCTATTTATTCTCTTTAAAG
AGAGAGAAAACTATGAGAAGCCAAAATTATTTTAATTAATAATCTTAACCT
TAACACAAGGGAAAAAAATGGAAATTTGCCTAATTATAGGTGGATGAAAG
CATTACACCAATGGAAACAGAAAAACAATCCCCATGTTTTAATAAAAAGGC
AAAAAATTTGGAGGCTTTATAAAGCTTATATTGGTAACCTTAATTTTTGG
GGTGGGGGAAGAAAATTGAGAAAAGGAATTTTAAC

>Sequence 1216

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTAGAACACCAATGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCC
TCAGCCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGGATTCTTACTTG
TGTTAAGTGCTGGTATATATGATATTTTAAT

>Sequence 1217

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGGGAC
AGGGTTTAGCCATGTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCCGACCTCAGGCG
ATCCGCTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCAT
CGTGCCCAGCCAATACATTTGATTTTGATCTATCAGCAAAGAGGCTCCAA
GGTTTAGTATGTTTCCATTTTGTATTGAGGGTTTCATTTGTGTGCTAGGT
CGAACATCTTTCTGTATTCAAGCCGAAGTTAGAGATCCAAATTGCTAAAG
GACTTCAGCAGGCCAGAGCTCAGTGAAAGGAAGGTCCACAGAAGGGCCAC
TAATTAGTAATGAATGGCTAAAAGA

>Sequence 1218

AGGTACTTCTCCAGTTGAGCCTCTCATTTCTTTCTTAAATGGCTATTGAA
TTCTGCCTGTTCTCCTGCATGGGCTTTGACTTTGTCCAGCTTTGCTACAG
ATTAACATCACAAAGGGTTTCTGAGTTGGTTCTCAGCCATCATCGTATCCT
GACTTGGCACAACCTGCTTCTTTTACAAGGCCTTTACACCTCCATTCTCT
TTAGAACAACACCTTCATTGTCCACATTCATTTGTTTACGGATCCTGTTG
GGAACAGCTGCTCCTTCATCTTTGCTCTAAGAGAAATTTCTTCAAACCTC
TCTTATTTTACTATATTATCCTGAAATTCCTTACATCTTTATCTTATTAT
CTATTTACCTTTATCTCCTTGCCATGGTAACCAACACAAAGTAGCACCA

>Sequence 1219

AGGTACTTCAGTTGAAAAGTTGACCAAAGCCAAAAAATGTCTATCTGGTG
GTCAGTAGTTTGATAGGTTCAAGGAGTTGAAAGAAGCCTAGGATGGCTGG
GACATGTAGATCATAGTGCTAAGAGATGGAAAGCACCTTGCTGCTATTTGG
CCGTTTCAGTTGTGATGTTTTTAAAGTAGAGTGTTGTGATCAGAAGGGCC
CTTTAGAAAGATTGTGGCTAGAATATGGAGAACAAAGAGGAGACCACCAG
AGTGGATGTGGGAGGCCAATATGTAGGTTATTCTAGTAGCCTTTGCAGTG
GACTTACACAAAGGGCAGTTTTTATGCGGAACTTGGTTCATGAAGTTCCC
TATTGAGGATTAATAATTTGACAGGGACTTTGTGCAA

>Sequence 1220

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTATGTTTGAGG
GGGAATGCTGGAAATTGTAATGGGTATGGAGACATATCATATAAGTAATG
CTAGGGTGAGTGGTAGGAAGTTTTTAATAGGAGGGGGTATTAATTTGT

Table 3

230/1077

TCATAAACGGAAAAACAGGGGGTATCACCTTTTCCAAATTCATAAGAAACA
GGGTAGGTTTAAAAAATAGGGTTCTTGGTGAACAAAAATATTTTGTGTAA
AATTAAGGGGAAAGAGCATAAAATATTGTTCCCTAAGAAAAATGTAATGTG
AAAAGGTGTTTATTATAAAAAAAGGATAAATGAAAATTAGGGCTTATTAA
AAAAATAAGGGTAAAAAAAGGAAAAATTCCTATAAAAAAATAAAATTATTA
AAAACATTTAAAAATTATA

>Sequence 1221

AGGTACTTGAGGGCATCATTAAAAATCAGCCAGTGTTTCAGTGAGAGACTTA
ATGATGGATTTAATAGTATTAAATGGGCAAAAAATGCCCTTGGCCTTTACA
TGCTCATTTAAAAACATACAAAAGAGCAGTAATTCAGGCAGTTATACTTC
TCTCAAAGATTTTGTCTCTAAATCACAGATGGCAGCGGGAGGCCACGGCTG
TGTGCTGGCTCACACCCCACTCACTCCAACCGAAGCCAGAAGTGCTCGTT
GGGTCATAATTAGCAAACCAACCCGCAAACCTCGACTCTTTAAATCAGAGGC
CAGTGACTGCCAGGCTGGGGCATAGACGGGAGAAAACAAGCAGAAATGGT
CAAGGTGCTCTCTGGAGCCTGCCTTTCGATAGCTGTGACCCCCACGTTAG
GCATCAAGAC

>Sequence 1222

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGAATAGATGGTCTTTTCATTGATAGTCT
TTTCCATTTTAATCATTTTAACTTATTTCTTTTATTGAGTTTTTAACCT
TTTCAAGTTTGTGGGG

>Sequence 1223

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGGA

>Sequence 1224

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTTATAGTAGA
GACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTTTT
GATCCGCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCA
CCCATCCGGCCTAACGAGAACTTATTTTACCTCAACTAGATGGCGTTCAT
TCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTC
CAAAACCAACAAGACATTTTCTGTATCAGGGAACCTCACAGCCTATTATG
AGAGATAAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGT
GTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGAT
TCCTAACTAAGCCCCACTGGGGAAGGCCT

>Sequence 1225

CCGGGCAGGTACATAAGGGGGCCCAATACAAGCAAGCATAAATAATCTTGA
AAATAAGAGAAATCTGAGAATGCATAATTTTTTAGTTGATGATAACAAT
AGTTTTAGAACTTAAACCATAATTTTCAGATGCTTGAAAAAATTCTGATC
ATCTTCAACCATGGTATTTACATGAACCACAAAAACATACAATAACATAC
ACTCTCCAAATAACAAATTGCACTCCTACTTACTCCTATTTCTCTACTCA
GTGCCATTTCTCTCAAAAAACTTTTCCCAATTAGCACCAATGAAGGACAA
CACTCAGACTACCTATTCTTTAAACAGACATGAATTTGTCCAATATACA
TATATGTATTTCTGGACTATTAGGTCCTAAAATACTTTAGTAAAGAAAG
CAATGACGGGGC

>Sequence 1226

AGGTACATCCAAAATCATTTACCATATAACCTGTAAAGACTGCATCATC

Table 3

231/1077

CCAGCTACTTTCCTGCTGACTTCCACTTGGGTTTACTCAATGGGTGACAC
TCACAGGACATAAGAGATTAGAAAGAGGGATAAGGTTTTTATATATCTG
CTGCCTCCTTACTTAAAGCCATGGTTTTAGCAGAGGCCCAAGGTCGTGGC
TTTTTTTGAGCAGCCCCCTTATCAAAGGTGTGGAAAGAGACTACCTTCCC
CCTCACAACCTGAATAATGAGGCTTACTACTCCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1227

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGCTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCTTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAATT
TAGATGTTTAGGGATTAAAAATCATAGAGGGTGGCGCTAGGAAATATAGA
A

>Sequence 1228

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAATCTACA
TCGGTTGAAGAAGATGGGTTTCAAATCCAAGGGTCGGGCTGGGCCCTT
TGCCACGAACTTCCATAAATGAAAATTCCATTGGGTGAGTTGTTTACACA
GTTTTTCTGGTACCAATCCTTGCTTTAATTTCAAGGGTCTTCATTCATC
TCCATTCCACTTGTTATCAACTTTTTTTTTGTTTACCAGGGCTTTTACTT
CTTTTTCTACCCAATGGAAGAGGACTTAATGGATATTTATTTTTCTTCC
CATAAAGCTTTGTGAAAATATTTAATCAATTCACCCATTAAAATTTCAAG
CCCTTTCCTTCTGGTTAAACCTTTGGAAGAACCACTTCAGAGCTTTTTTC
TTAATTTCCAAGAAAAC

>Sequence 1229

CCGGGCAGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATAT
GAAGTCAGAAAATATAATTCCCTCCAGTTTTATTATTTATTTATTTTGC
TTAGGATAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTA
TAAGCCCAATTTTGTAGTTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTAT
GATCAACTCAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTTGTAGCTTTTTGCAAAAG
TAGCACTATTCCTTGCTGGGCATGGTGGGCTCATGCTTTATATTCCCAGC
ACTTTGGGAGGGCCAAGACAGGCCGTTTACCCTGATGTTTAGAGGTTCA
AATACCCTCTCTGTGTTAACATGGTTGAAACCCCTGGTCTTCCCATTAA
AAATTACAAAAAATTAAGCCCGGGG

>Sequence 1230

AGGTACAAAGAAATGAAGTAATGTCAAATATAGAATAATGGTTTCTCTGG
AGGAGACTGGAATGTGGGTATGCAATCAACAGCTTCTGGACTGTCAGTGT
TTCAGTGTTTATTTCTTAAGGTGAATTATTCATTATTCTTTATATTCTT
TAAAAATGTTATATACTTTATAGATCAATTAACATAATGTTTGGCTCCTT
TTATTTTAGAGATCTCCAGCATTTTAGGTTGCCTCATCAATAGTTGGCAA
AAAGAGGCCAGGCACGGTGGCTCACGCCTATAATCCCAACACTTTGAGAG
GCCGAGGCGGGTGGATTACTCAAGGTCAGGAGTTCGAGACCACCCTGGCC
AC

>Sequence 1231

AGGTACTTGTAGGTTGTGATTTTTTTTTTGTCAACCTGATTCTGTCTGTTT
TTTCTTAGGAACTCATCAAAATTTCCAGCCTACTGATAACACTCCATTAT
TTTCTAGCACAGCAGCACTGTTAGGAAATTTTCTTAAATATGCACGTAG
TAAAAGTATATATAATGTATATATACACTTAAGGACATATATTACATA
TGGACACACAGGTGTATATGTGTGTATACACACATGTATATATTTCCAGT
GACTTTCAGGTGGAGATGAGCTAGATATACACGTTTCAGCATTTTAATGCA
ATACTTAATTATAATTCATAAGTGACCACCACTGTATGCAAGCCATTATT
ATGATG

>Sequence 1232

Table 3

232/1077

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACCTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATAA
GGCTGTGCCTTCTACACTTGAAGACTTAAACCCCAAGGATGGTTGGAGGG
AAGGATGGGTGGAAGGGAATTAAATTTTTATTCTTTTGCATTGAAACAAA
CACTCACCTTTTTTTTTTATATCAACTTTTTTACCTATTCACTCTTTAAA
CACTTTTATTTTTTACCTCTTTACAAG

>Sequence 1233

AGGTACTGGTCTGTGGCCCAGGGGTTGGGGACCACTGGATTAGTCAACAA
GAGTAGTTGTTCACTTCTTCATCCTCCCTAGAGCACTAATTAGCAAGAAA
ATTAAAGAATAAATTTAACATTTACCCCTGGAGGTTCAAGGACAAGTTAG
AAGTTAATACCTTAACCTTCAGTTTCACTCAAATGTGCATAAAGCTCCAT
TAGTGCTGCTATTGGTTTCACTAACTCCATCCACAATTCTCCCGAAAAACA
GAAAACCTCATACAACAAAGCCAAACCTGAAACACAATCAGGTTTCCACC
AGGCAGAAGTATGGTGACTAAGCCTAGTGGCCTCGGCACTGCTGGACACT
GAATTGCAATGGGGTAAGTGAAGAGTTCCAAAGCCAAGGGAAGCCTCCCA
ACAGCATAGCTTGGAATGGAGTGATCTGCTGTT

>Sequence 1234

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTCTTCTTATAA
GACATCTGATTTAAAAAAGAAATAATAGATTTAAGAAGAAAAAATT
AGCTAATAATGACAGCAGGCTTGTAATATTATCATAATGTCATTTATCAT
AGATATCCTTATTCTCCAGGGCAGCACTTCTCAAATCCTTGACAGTATGA
CATTTTGGGCCAGCTAATTCCTTAGGGAGGGACCTTTCCTGAATATTCAG
GCCGTTGAGTGGCCTGCTTGGCCTTGACCCGCTCACTGCCAGTAGCACAC
CTCCCCCAAGCTTCAGCAGCAGAACACCTCCAGTCACTTAGTGGGGACTG
GGTAGGTGGGAGACAGAATCGCACCAAGTTAAGTGTCTCTGCGGCAGGGTG

>Sequence 1235

TGCGTGCCGATGGTATCTATTATGACTATGAAAACCTGTGCTTGAATTGT
ATTTAGACAATTAATCTCTATATTATATCGTTTCATAGAACATATTCCAC
TATAACTGTAAACGCACGTACAGTAATCGTACTCCCTTTTTAGTTGACCA
GGAATATATCATGAACTTGTATGTGTCTCACACGGATGCATATATTCT
AAAAATAAGTTGCTTTTGTTCATATATACTTACTTACCTATTTTCACT
TATGTAAAAGTACTGATTGAGTAGTTATATTCCATATAATTACTCAACGT
GGTTTCTGTGACTTTTCGTGGTCACTCTTCTAGTCATCATCTGCACCTT
ATTCTATTTAGAATTCGTAAAATAATATTCCGACTAATTGTGGCGGTATG
CTATGATCTTGATATATTAACCTACCAACGTATTTAATTCTCTATGGTGTA
TACAACAAATTNCAACTATGTTAGTCACTATATAATTATTACTAATACAA
AGGGGAGTAATTCATTATCAATTACTAATTATCTCCCCCTACTTACACCA
AACTCTTTGAGTGAATTATCCAACCATTTTATATTTTATTCTTGATTAT
CAACCAAAAGATGGCCATTCCATAAACACTCTCCCTTTAATTTTGCATCT
AACCGCCATATTGATGGGTAAATAAAAAGTCAATCATTCAACATTTCGGCG
ATTGTAAATTTTGTATTCTTAATATTCCCATTTCCACACTTAAATAAGG
CACTTGTCTGTGGTAAAACAAATATATTATTTTAGTATTACATAACATTT
CAACNTCCAACATACATAATAAATTATTCTTCATAAGTCCCCTTCTCTC
ACCG

>Sequence 1236

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTTCTCGTCCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTATAGTAGAGATGGGGTTTACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTTTAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTT
TAAAATTCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAAGTTTTTTTTTAAA
ATACAATTATTTCTTGTTATTGATTAAAA

Table 3

233/1077

>Sequence 1237

AGGTACGTTTCAGACAGATGGTGCCAGGAGTGTAATAAATTTATTGTCTA
AGGAATTTCAATTTTCAGTTAGTGGTAAGGATAATAGAATCTTTAATTTG
GTGCAGATTTTCAGAAAGATTCTGAAAAACAAAAAAGCCCTTAAAAATTA
AGAGTTGTAAGGATTGAAATTTGCAGGGAGGTGGATGACTTTATTTTTGA
GTGCATTTTAAATGAAAATTGATGGGTTTTTTATGAGGTCATGGGAACCTT
TTGCATGAGGTGGATAGACCAGTTGGCCACTTCAGGGGGCTGGCAGGGGA
ACCGCTGGTTGGTCATACCCGCATCTTGGTGCAACTGCTTTGCTGCCGTG
GGTACCTGAAAAAAAATAAAAAATTATAAAACGTTCTTACAGTAAACA
CTTGAGGGCTTACACTTAGTTGAAAAAACTCGATTATAAAAAGACATTT
AGCCGATATTTTACCCTTGTAACATTTAGGGGGGCACCAGAACACAACCTT
TTGTATGCCTTAAAGGAGGGTGAACTGCCCGTGCGGGCATTTAAATGGG
AATGGCTAGATACTCGGAGGAAAATTGATAATCGGTCCAAAGATTTCACC
TAACATATACAAACCTGGGGGACTAAAAGTTTTAAAGACCTGGTGTGCCT
AATTGAAGTGAGCTTAAATTCATATAATTGCGTTGGCGCCTACAGTCCC
GCATTTCTAGATCGGGAAACCATTGGTGCCAGCTTGGATTAAGAGATCGG
CCAACCCCGGGAAAAGGGGGTTGCTTATTGGGACCTTTATCGCATACTT
ATTAAATGAATCACTGACATCGGTGTTTGCAGTGGCGA

>Sequence 1238

CCGGGCAGGTACCCCTCACTGCCACTACGAGTATCTTAGCTCACATTGGT
TTAATCAGTCTTTAGTAACCCAGGGTGCTAAACATTTCCATGTCTAAA
GGTGTCTTTAAGAATGGGAAAATAGTCCCCCTGCCTTTCTCTTCACAC
ACACAGTATACCACTTCTGCAGTGTTGACTCTAGACCCATAGCCAGCAGG
GCATCTGCTGTTAAACCTGGACGCTGCTGGCTGTGGCTGAACTGAGTTA
TCTACTGGACAGTGTGTTTGTGTCTTATAGCAATATCAGTAGTTGAATCA
TGGGCCATACTTCAAATTTAGACTCCCTTTCCCTTGTGGTTTTGAA

>Sequence 1239

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTGAGACGGA
GTCTCGTCCCTCGCCCAGCCTGGAGTGCAAGTGGCGTGATCTCGGCTCAC
TGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCGTGCCATTCTCTGCCTCAACCTTCCC
GAGTAGCTGGGACCACAGGCGCCCCCACCAGCCTAGCCAATATTTTGT
ATTTTTAGTAGAGAGAGATGAGTGTATATAATGCCGTAGGAATAGGTAAA
ATTACCTAGAGAGCCCAAGTCTCTAGGAACCTCCAACCTTAGAAGTCAGGC
AGAGGGAAAAAGGTGTTCCAAATTTTTTTTTTTTTTAAAAAAGAGAGTATT
CAAAGTGGAATAAATAGGTTGAACTGTTGAGAGGTCTAATTAGATGAG
AACTAAAACATCCTTTGGATTT

>Sequence 1240

AGGTACTATGTGTGGTTCACCCACTGTCTTACTCTCTAGGAACACTGAAG
TGATTTGTTTGGTGCCCTGCAGCACAGTCCTTGGTCCCCTCTCAACATG
CCACCCACACGTTTTTTGTTACCTGAAAATTCTATTTGTATCACTTTCTC
CAAAATGGCTAGGTGCAGCCTAGGTCAGAATTAATCGCTCCCTTTCCCGA
GTTTCCACATCTTATTCTTTGACTTATCCAAATTTCTACCACTTTTGTTA
TTGCTCTGCTTACATTCTGTCCCATATTGAACATGTGGTATATGCCAGG
CTCTATGCTTTCTCTTATTATTTTATTGCCTTCTTATGTAACCCTACAA
AATGTTTTTTTTTTTCTTATAAAGAAATGGAAGCTTAAAGGAGGTGACA
TTC

>Sequence 1241

CCGGGCAGGTACAAAAATAAATTTGACACAGCTCTTGACCTCAAGGAATT
TACAGTCTGGGACTATTTGACAGGACTTTTATGGTCCCCTTTGTGGTTAA
GAAAGCATAAATAGGTTTTAAATATCATGTGCAGAAACACATAGCATGTT
CCTACATGACTCACAATTTGAGCAATTATACAGACATAATCCAGTATCAA
AAATGGAATAAAAAGGAAAGAATACAGAATGAGCTTCTCCAATTTTCAAT
TTCCATTGTTAAGTTAGGAAGTCCCAAACTACATCAGAAAAAATTTAGA
ATAAATGAATTCAGTATAAAGAGAAGAGAGAAAAAGAAAGCCAACACAAG
AACTTACTCTAAGAAAAAAGCAGA

>Sequence 1242

Table 3

234/1077

AGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCCAAATAT
GAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCGCATATT
AAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGGCCAGCC
AGACGAGGTCAATTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAGGCAAGT
CTTGATGGAGCACTTCTTGACAGTTAGAACTTTACCAGGCTCACAGGAG
AGCTCAGATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGGAGACCT
TTACTGTTGAGAGGTGGTTTTCATAGCCGCAAAATGACAAGTGCAAGTTG
AGTAGATCAGTGTTTATCAACCAGGTGCCCCATTGTGCCCCAG

>Sequence 1243

AGGTACGCGGGGGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCTAATTTT
TTATATTTTTTAGTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGATGGTCT
CGATCTTCTGACATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTAGG
ATTACAGGCGTGAGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTTCAGGTGCTGGTTCC
ATGGCTCTTCTGAGCCGAAAATAAGGAACTCCATAGACCTTGTCCTACT
GGAACCTCGTCCCCTCTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGNGATCTCT
GCAGTAAGTGGAAGAGTTTCTTCATGGGCCCCCAAGGGTTATATCCATT
CTAGAA

>Sequence 1244

CCGGGCAGGTACACTACGCAAGATAATACTCTTCAAAAAGTGCAATTACT
ATGAGCTATGAGCTTTATCTCATCTGCTACTTCCAGTTTATACCTTTGTT
ATTAATAACCATTGCTTCCCTCACTAGTTACTTCAAACCTATATTTCAA
ATCAGGGGAGAGAAAACGATGACTTGTGAAATCACCTAACAAAGTGAAAA
ATAGACTCAAAGTTTTGATTCCATTTATGTGTATTCACTGGATTTAAGAC
CTGCTTAAAAGCCTTAGAAAAATGATTTAAAATACTGACCTCTGACTATA
TGTGGGCTGTTGCATCATATAACCACCCACCATCATCAACTTATATTGA
ATAGTAATTTCTGTGCCAGCTAT

>Sequence 1245

AGGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTACCTCA
TTTCAGCTCAATAAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAAGGTGG
GGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGACAGTCTCCCGTTTTCT
TTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCA
TGAGTTCACTCCTTAAGAAGGAAAATTGGGCAAGTATTTAATTGGTTGGA
CATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCT
CAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATCTTAGTGGC
ACTGGGGAATCTTGGCACCCAGAAG

>Sequence 1246

ACCGGGCAGGTACGCTGGGAGTAGTAAGCCACATTACTCATTTGTGAGGG
GGAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAGC
CACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTTAGTAAGGAGGGTAGC
ATATTTTTTAAAAAACCTTTATCCCCTCTTTTCTAATCTTATTATGTTT
CTGATGAAGTGTTCACTCCATTGTAGTATAACTCCAAGATGGAAAGATCA
TTCAAGGTAAAGTTATGCTTGGGGATTGAATGCAATTTCTTTAACAGGT
CCACCTTAACAAATGAAAAGTGGGTCTTGTATTTCTTTGGTCATAAAAA
ACACTCATGTTTTAGGAGTAGTAGATTTCATTGTCATTACTTTATACAGA
AGCCTGAACTTTTGTCAAATTAATTAACAAGTACAGAATAATTTGGAC
TGGAAAGGGTAAACAGGCCAAAGGGGTAAACTCTTCTTGAG

>Sequence 1247

AGGTACGCGGGATATTAATAATATGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGA
GGTGGGCGGATTGCAAGGTGAGGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAATATGA
TGGAACCTGTCTCTACTAAGAATACAAAAATTAGCCAGATATGGTGGCG
CGCACCTGTAATCCAGCTACTCCGGAGGCTGAGGCAGAAGAATTGCTTG
AACCCAGGAGGCGGAGGTTTCAGTGAGCTGAGATCACGCCACTGCACTCC
AGCCTGGGCAACAGAGCCATACTCCATCTCAAAAAGAAAAAAAAAAGGT
ATATTCAGGTCCAGTGGATTATATGTTTTCTTGCTACTGAACTGTATGAG
TTTTTTTTAAAAATAAATTTTGGGTATTAACCCTTATCAGATATACAGCT
TGTAATATTTTTTTCCCAGTCTGTAGTTG

Table 3

235/1077

>Sequence 1248

CCGGGCAGGTACACCATTAGAATCCTACCTCAAACATGCAATGGTGGGAA
AAGATTTACAATTTAAAATTTAAATAGTAGTTAAGCTAAATTTATTTTG
AATAATTTAGGTTTCCCTGGATAATTTTCCACGTTTCATCTCAACATTAT
ATAAATTCATTACAGTCACTCAGGATGAGTAAGTAATGCCTCCAAAACA
GCCTGGTCGTGGGTTCTTCTGAGTCCATCTGGCTTCTGGCTAGAAGCACT
GGAATGACTCATAAAAATGAAGCAACCTGGGGTCAACCTACTCCAGGTCT
TTTAAACAGAATTGCCAACTGCTTACCAGGTGGTTCCAATTTCCGAGAAT
ACTTAAAATAAGGGAGAAA

>Sequence 1249

AGGTACATGAGTCTCTTTTTTTAAGAATTTTAATTTTCCTAGTTCCTTA
TCTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACATGAGCTTTTAA
GAGCAGCTGAAAATTATTGGTTGTTTACTATGGGTTTTATCCATTTGTAT
ACTGTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAAATAGCCATAGGAGGTAGATTC
CATTACTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAAGTGGTTTAAAGTGTAAAG
TGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAACTAAAGGTTGTTAG
CATAACAATTCAACCAAAGATGCAATTGAAACAATATGTCCTTGCTGTCA
TGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGGCAGCATATTTGCAGTGA

>Sequence 1250

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTG
TTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAAGAGGAGGA
CAAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTC

>Sequence 1251

CCGGGCAGGTACAGTGGAGACAGCATGAGCATTAGAGTCAGAATACTTCA
TCCAAATTCAAGTATTTGTTTAGTTATAAGGGACAGAAATCGAACTCAA
CTAGTTTAAACATGAAAGGAATTAGTTGGCTCAGCTGGCACACAGAATCCC
AAAGGGTGAGATAACTGAACCAGGAGGGTCCACTTTGCAAAAGGGTCTTT
TGTAGGCAACAAGGGCTTTAGCTCTCAAACCTACTTCCCTGTTTCAGAAAC
TGTAATATTTCTCTTCCCACTGAGTTAATCTTAGCACTTCAAACGCAGGA
GATTGATGCCCTTCTTAACTGCTTAACCCGACTAGAAAACATCCTGACTT
TCCCATCTCTCTGTTAAGTCACTAAAAATTTCTTTAACTGGGGAAA

>Sequence 1252

CCGGGCAGGTACATCATTCTGCATGATTACGGACTAGGAGTCCCTGGTC
AAAAACTTCAAAAACCTAAGTGATGGGTCCCAAGTTACTCAGTGGCAGAAA
CTTGATTCAAGTAACTGTCAGCTTGTGGGCTTGAAAAGTCTTAAGCGTCT
CTACTTCTCTAACCCTTGCCCTTCCCCGGGGACTTTACACAATTCCTC
CCTTCCCACTGGGACACATTGGTCAAATTTCCATGAGTAGTTATCGGGAA
GGTCTGTGTCATCCTCTTGATCAGCCATTGAAATACCTTGGTGCTACAAT
ATCACACCGCCTCGCAAGTCCGGGAGTATATCCTCACCTTTTTTCTCAA
CTTGATTATAACGACTGGATACACTGGCTGCACTATACTTACACTACGTA
GTTCCCTTTATGTCCTTTCCCTTTTCGAGGCATCACATTGATAGAACCTT
ATCGTGATCATCGTTGATAGAAGCAACATCCTATTTGGCCATTTTTTCAT
TTTCAATAAATGGGGGAG

>Sequence 1253

CCGGGCAGGTACACATCCCTGACCTCCAGAGCAGACTTAGCTGTCCCTTC
CTGGCACCTCTCGGAAACACTCTCTTCTTGGCCTCCGTGATTCTTCT
ATCTCCCTAACCAAGTTTTTGTCTCTCTTTTGGGACTTCTCTTCTACCAGC
TCTGAAAGAAAGTTCTGTCTTGTCTCAGGTTTCTATCTTCGGCCTGTTG
TCCTTCAACACACTCCCCATAAGGGACCCCATCTCTCCAAGCCTTCGTT
CATCACCCAGATGCTAATGAGCCCTTAACCTTTATCCTGACTTCTGTGAA
CTCTGGATCCGTTTCCAGTGTCTACAGGATTTCTCCACCTGAATGTCT

Table 3

236/1077

CATGACACTTCCATCTCAGAATATACAACCTTGAACCTCATTACTTATACCA

>Sequence 1254

AGGTACTTCTCCACCCTTCTTACATTTATTTATGCCTAGCACTGTTACTT
TCCAGAAATGAATTAATACAGCTATCATCACTGAGTCTCAATTACTTGAT
AGATGACAGGAACATCCTCTGATCTCTATGGGATGAGAAATGTAAGCTTT
ATTACCCCTTAATTCCTGCTGTTTTGCAACCAGAGAGTAAGCAAAGGCTA
AAGTCTGAGGGTGAGAATGTAAGAAACCCTTTGCCTACTATGTTGTGTGCG
GAAAAAGTTTAGTTGGCATTAAACCTTGTGAGAATTTTACCTTACTTTGT
AATGAATTGAGGAAATTATGGTGATTGAGGTAAATTTGGCCTCAAGAATG
GGATGAAGGAATGAAGATTTTCTGTAAGGCAAACACACTCAGCATTCTAA
TTCCTGAAAAATCACCTTTCTTGGATCCTATTTTTTATAAAGGTTGTTAC
CGCTCTGCGG

>Sequence 1255

AGGTACCAGGGATCGGCAAACCTTTAAAGGCCAGACACTAAGTATTTTAG
GTTTTGCGGCCATAAGGTCTTGGTAACAACACTACTCAGCTGTCACTGTAGC
TGAAAGCAGCCACAGATGCAATACATAGACAGATGAGTGAGGCTGCATTC
TAATGAAACATTTATAAAAGTGCGGAGGGCTGGGCGTGGTGTCTCATGCC
TGTAATCCTAGCACTTTGGGAGGCCAGGCAGGTGGATCACCTGAGGTCA
GGAGTTCGAGACCAGCCTGGCCAATATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAATCAGCTGGGTGTGGTGGGGCGCACCTGTAATCCCAGCTAT
TTGGGAGGCTGAAGCAGGAGAATTGCTTGAACCT

>Sequence 1256

AGGTACTGGGTAGCACAGAGATGAGAAATAATAGAAACCTTTTTGTTCCG
TTGTTTCAAGAGCTAACATTGTCAAAGCTCAATTCCTGTTTTATGTAAG
GTTTTGGTTTATATTTTCTCAAAGAAGTGAAGTGCAGAAAATAGAAAAC
AAACCAAATGGATGATCATGCAGAACTTTGTTAAGGGGCTGGTGAAATC
AGACTTTTCTTATACTAAGGAGTGCGGGGAGCAAACAGCAAATGATCCCTT
GATTAGACGATGTCAAGTGTCACCTGATACTTTGTGGGGCTTAACCTTGG
TGACTTCTTAAATGGAGGCCAATTAATAATTTTAAAAAATTCTATTTTTTA
TATTAATGTCAAAGAAGACAAAATTTTATTTGATACGCCATTATAATT
AAAAAAATGGCGTTTCTACATTGTGAAAACCACTCTTTAATTGGAAATTA
TTATCTATCTTTGGATAAAGATATTCAT

>Sequence 1257

AGGTACATAAATAGGATATTATATATTAGAAATAAATGACTAAATACGTAT
ATAGCAACATGGAATAAACAAAAGACATACAGCACTATGCCATTTATATA
TATAAAGTATATATACACAGAGATATGTGAAACCTTGAAAAACAGAGGAT
AATCTGAAGGATGTATGTTAAAAATTCAAAAGTGGGCCGGGCATGGTGGC
TAACACCTGTAATCCAAGCACCTTGGGATCACAGGCGTGAGCCACTCCAC
CCAGCCACCTCTTTCAAGTTACCCAGCCTCAGTATTTCTTTATAGCAAC
ACAAAGAACTAACCCAGCCATAAATTAAGAAATATGAACACTTTAGGGGT
GGGTGGATCATGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCCGCCAACATGGTGA
AACC

>Sequence 1258

AGGTACATTTTACACTGTCAGCTATGGGTTTCAGTCAGATATGCCCATAAA
TTCATTTATGAAGAAGAGCTCCCTAACTTCTAATGATTTTTTCTGCTGGT
GTTTTATTTAGCTCCAAAACTTATGTTTTTTTTCTTAAAAAATCCCA
TAAAAATATTCATTATCAATACATCATATTGATGATATCACTCAAGAAGG
AGATGTCTCACTCTAAGCATTATTATAAAAATTCACAGGCAGTCCACTTT
TCTAGAAAAATATGCCAGTGATCCTTCTAGCCTTTTGCATCCTGGGATTA
TTAAACCAGGCTGCTGAGCAGCCTTGACACCTGCTCTGTGACCAATGCTC
CAGGCTGTTTATTTGGCCTATAAACTCTCAAAGTTGATGGGCCCTGCCC
TCAGGAGGGAGGG

>Sequence 1259

AGGTACGTTTGAAGGTGTCTACAAGGCACCACCTTAGACCTTTCTGAATT
CTTAAAAGGTTGTGCAGTTTCACCCTGGGTTTGATTTTTGCTCTGAAACC
ATTTCTTGGCTCAAGAATTGTTTGATGTGTGGAGAGATTGGGAATGAGAA

Table 3

237/1077

ACAGGTTTATATTTAACAGTTTATTCTTTAGCTCATCTCTCTCTGCTCAC
ATCTTATAGGCAGTGAGCAGAACCCAGGTGTCACTTTAAAGTGGCTGCCTG
GAAATCTCTTTAGATAGATCATTGAGTTCATTAGGTGCATTTCCGCTTCC
CACTTTACTGTAGATGTCAGTGTTGCTAAACTCTCTGTCAGTGCACAACA
GGGTCCTCCTTTCCTCTAGCTTGCAGGAACATTTTCCCTCACTTTTTTTT
AAGCCCTCACTGGCAACCCTTTTTAAAAACAACAGTGATTTCCATTATCT
TGCACCTGTTGCTATTGTGTTAGGGCATTAAAAAGGGGCGTTGGGCTTA
ACTCCGGGGTCTTTCGTGCCTGCTGGTTAGACATTTTGTGAAGCCAGATT
TTATTGTCAAAAGGGTTAAATGGTGGGTTAAATCACATAAATTTAGGGGG
GATTTCTGTTCCATTGTTAAAAAGGCCTGGGAGGGATTACAATGCTGATG
TCTTTTACGGCCTTGGTATTCCTCAAATTCTAACACATTCTTGGTCTG
GTTTCAAAAATCCAAATATTTTATATTTTCCCTGCCCAACATGCCCA
CTTGAAAGCTTTTCATGGTTTCTCCATTGTTTTAAATCTAAAACCCTCGT
CTTGGGTAAACTACCCGGAGGACCCCGGGAAGATAAATTAATAATTCTT
TGCTATATTTGGGGGGGACCTGAAATATTTATCTGGGGCT

>Sequence 1260

CCGGGCAGGTACATTATTCATACACTGTAATGGCGTAAAAGAACCCTAGA
CACATGGACTCCCTTGCTAATAAGTGCACCTTCAAAGCGATAGTCATTAT
TTAGCATTTATCGGAAGAGGCTGGCCCCAGCTCTGGTGAAGGGCAGAGAA
GGTGTGGGTGGCCTCACGTGTTCTCAATGTCACAAAATGATAGCATTAAA
CAGACCCACTCCCTCATGGAAGGCAATTTGACGACCTTCTATTGATATTG
CAACATGTGTCTCTGGCAGCAGATCTCAATCCTTATGTAAGGGATATGGG
AAGACTTCCTCCACTTTATGTATATGCTTTCCTAAGCAGTATCCGTCTA
ATGCACCTGTTATCCATAGATAACAATCCC

>Sequence 1261

AGGTACTGGATATTTTTGCATATAAACTTGCAGTAATAGTTCAAAAATTA
ATAGTTTTTGACATTGGCTTTTCTGAGAAGAGAAATTGAAAGTGTACAA
AATAAAAAAAGATGAAATGAAGCATATATAATTGTCAATTTTTCAATTT
TCTAGCCAACAGAGAATCGAAGGATTCTGTTCAAATATTAGTAAAAATTG
AAAATAAACTTGTGCTTATATTTTGTGTTTGAACACACTAGTTAATTTAAC
CTGTGACTAGTTATCTCTACCGAAGGTGGATGTGTAGTTTCTGGTTTTAA
AATTCAAGCAAACCTGGAAAATAATCCATCTAATTATGCTTTCTTTCCCAA
GAAGTTTTTTAATGATATGCCAGCTTCCTAATTTGGAGACAAAAGCC

>Sequence 1262

AGGTACGCGGGGGATCGCTTCCTGGTCCCTCGCCTCCTCCGCTGTCTCCCT
GGAGTTCTTGCAAGTCGGCCAGGATGTCTCAGGCTGAGTTTGAGAAAGCT
GCAGAGGAGGTTAGGCACCTTAAGACCAAGCCATTGGATGAGGAGATGCT
GTTTCTATATGGCCACTACAAACAAGCAACTGTGGGCGACATAAATACAG
AACGGCCCGGGATGTTGGACTTCACGGGCAAGGCCAAGTGGGATGCCTGG
AATGAGCTGAAAGGGACTTCCAAGGAAGATGCCATGAAAGCTTACATCAA
CAAAGTAGAAGAGCTAAAGAAAAAATACGGGATATGAGAGACTGGATTTG
GTTACTGTGCCATGTGTTTATCCTAAACT

>Sequence 1263

CCGGGCAGGTACTCTGTGTTCCGCCTGCTCAAGTTCTAGACTTCTGGTGT
CCATAGCAACCCAGCAGAAAACATCTGCATAGCCTTTGGGCTGACGTGAG
TTAAACTTGAGCAGTGAAGCAGCATAAGTTTTATGGTGCAAGGCACACTA
CAGATCCTCCCTTACCCCTCACATCTGATCCCTCTGCCTATGCTCAGAGC
CACTGCTATTTCTACAAATCTACAAGGCCAGACTGAGGTGATGACCGGG
CCAATCTCTGGAATAGTGTGAGACAATTAGATACTCTTTCCTGTCTTCAG
GAGCCCATCTGGAATAAAGCTACTTATCAAGTTTCAAAAACAACAGAAAA
GAAATGAGATTGAGGTGGAAAAACAACCCAAGTGTTTCATCAACAGATGAAA

>Sequence 1264

CCGGGCAGGTACAAGGTTACCTGTTTGTTCAGTATGTGTAGGGAGGGGC
TGGGGGTTGGGGAGAGAGAAGGGTGGCAATTAGTCAATGACATTTATGAC
CCATTTATAAAATACAAATGAAATAATTGGTTACAAAATCATGACAAGCC
TTCATTGTCTTTTACAAACTTGTCTCAACACACTGTGAACTTAATGG

CCGGGCAGGTACAAATGGTTAAGCAGATCCCTCAAATTCTGCTAAAACAA
GAGGAAAGATAAGAAAACCAGAAATGTCGCCTCCATCCTGGCCAATGTAG

Table 3

239/1077

AAGAGCTAATAGGTGAATGACAGCATATTTTTAATCCATAACGGAATGTT
GGTTCTTTTCTTGTTTAATGGCTTCCTTTCTTTAGGAGAACCTGATATG
AGCAAGCAGAATTCTGGAAGGCAACATTTTTGAGAGCCCTGAAGTGACAA
TGGGATATCTGGGGAAAAGTCAATTTCTGGCAGCCCCAGTCCTTTTAAA
TTTGCCTAAACTAGTAAATATTGATTACTAAATGGAAACACTTCTTTCT
GGACTGCGTGGGAAGGTCTATTTACACGAGATAACACGTGGTCTTTAATA
ATAATTTTCG

>Sequence 1271

AGGTACAAAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCAGGCGCCTGTAGTCCCAGCT
ACTCAGGAGAGTGAGGAAGGAGAATGGCGTGAACCTGGGAAGCAGAGCTT
GCAATGAGCCGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGCAA
GACTCTGTCTCAAAACATAATAATAATAAAAAGGTGTTAGTGTAAGTG
CTGTGTGGAGAATGAATTAGGATGGCTGAAAGAGTGAACACTGATTTACC
AAATAGGAAGTTCTCACAGTAGTTGAAACACAAGTTATGGTGGCTAGGAC
TGGGAGGGGACTATGAAGATAAAAAAAGCGGTCTATTTTGAAATAGAAG
GGGATATGTTTTGAAAATAGAGAAACAAAAGTGACTATGAAGTAGGTTGA
TAAN

>Sequence 1272

CCGGGCAGGTACATGTATGTGAGGAAAAGGAGGTAAACAAGGAGTTAGAA
AGATGTGATGAGACCAGTGGTGGTGGACTGAATATAAAGCAAAGACATC
TGGATTTTTAATTCTGTAGGGAATAGCTGACCAAGTATATGATTACATGT
CTGCTTTTTAAACAGCTTTGTGATTTGAAATGCTGGGTTGTTATTGTTTT
TTTTTGTTTTGTCTTTCTTTTTAAAAAACATGGCTAACTCTGC
CAACCATACACAAATATGCATACTGGCATGTTGAGAAGGAAGACAGGAAT
CGTTAGAATGATTCAATATTTTTCAGCCTACCATATAACGAGGTAGTGT
ACGCCTAGTAATAAGAATGAGGAAGACCGACTAGATTCAATAAACATTTA
TCAATTATTATCTGCAAATTGTTAGAGGACAGTTTTAAAGATTATTGTAC
CTGAAATATGTGCCATGTAATTATATGTCGTTTAAATTACCTTACTAAAA
TTACCTCCAGTAGTATTATTGGTACGTAATATACACCTCATCCCCAATAA
ATCTTCGGAATATTATTCAGTATATCAACAGATACATATTACATAATGTC
GACTTATTATTGAAATAAAATCTCTGGAAATATATATTATAACGGGTAA
ACAATTTTCAATGCTATAAACTTATAATAATATCGCATACATACTGTTA
TAAATATTTGTTCTTGTAATCACTTGATTACTATATAACTATTAATTT
ACAATTGTTGTTTACACAAAATAACATCTAAGTCTTATAACTACGTTATT
CATTAATATTGTGATCTTCACGTATTACAATCTTATGCTTCTATTTAGT
AATTTAGTCAAGAGTTCATTTTCGTATTTTCAATTATCTAAACATTATATCT
CATTAGTATATTGATTTTCGACATCTGATGACTTTCAAG

>Sequence 1273

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
GATAGTGATACCTTTGAGGTAAGGGAAGGGTGGTATGTGAGTATTAGTCT
ACAGAATTATGGCAAAATTCAGTGACAACCAATTAATGTGTCTAAGAAT
TGACAGATATCAACAGATTTTACTTCTGTTGAAGGGTAATGTTTCAGGAA
CAAAAATTTCAAATAAAAACTATGAAAAACCATATCTTTTACAGGCTGAA
AAATCTTTTCCCTAAACCCATTGTTAATTTTCCAACCTTTTTAAAGTCCCT
CAAAGAGAATGGATAAAAAAGGGGAGGTTAAGGCCTTCCCTTATAACAAT
TTTTCTTGACAAATGAAAAC

>Sequence 1274

AGGTACCTCTTAATTAGCCAAGAATAAGTGCCGTGGAAGAAGGCAGGATG
ACTTTTTAGAACCCATTTTTAGCTCGAAGATCACTGAGGGAGCCATCAAA
TCCATCCACCTGTTCAATCAATATTCAGCCAGCAAGTGGGTGTCAAGGTG
AGCAGCTTACAGTGCTGAGCACACTGGAAACACAGGTGTGTAAGGGACAG
CCACGGTCTCAAATTACATTCTGAAAGGGAATACTAGGTAAGTGATCCCA
AACATGCAAAATATCATTCTTGGTCTGGGATGTGGGGGAAGCATTTTGG
AGGGAATTGACATTGATTGGCGAGGTCTTAAAATTTGACCTTGGTTTAA

Table 3

240/1077

TTATGAAAATTATTGGGTGCTTTTAGGTATTTGTGAATTATATGG

>Sequence 1275

CCGGGCAGGTACTATGCACTTCCCATGCTCCTAGGGTTAGGAATAGTTTC
AAACATGATTGGCAGACATAACAACGGCAAATACTCGGACTGGGGCATAG
GACTCCAGAGTAGGAAAAGGACAAAAGATTTGGCAGCCTGACACAGGCAA
CCTACCCCTCTCTCCAGCCTCTTTATGAACTGTTTGTTCAGTCCTG
CCCTAAGGCAGAAGATGAATTGAAGATGCTGTGCATGTTTCCTAAGTCCT
TGAGCAATCATGGTGGTGACAATTGCCACAAGGGATATGAGGCCAGTGCC
ACCAGAGGGTGGTGCCAAGTGCCACATCCCTTCCGATCCATTCCCCTCTG
CATCCTCGGAGCACCCAGTTTGCTTTGATGTG

>Sequence 1276

CCGGGCAGGTACATTACAGAGCATATGATCTTTCAAGGTTTTGTTCACA
TGTGTTATGCATAGTAACTGCTCATTCTATTAATAAATACTCATAAATTG
AATCACATTACAAATAAGTGCCATATACTTAACTGAACAATATACACACA
TACGCGTTCCCTGATAGGTGATACAAAGGCAAGAAATTCTGAGAAATTCTA
AGATTGTGATCTGTATCATTGGATGGTATATCAGGAGTGGCAGAGGGAG
GAACGTTCCCTAAGTTCTTCACTTACTGGCTCCTGCACTTAGGTAGGATC
ATGTCAGTAGTGCTGGCCAATGAGCAGAAGTATGGAGTGCCATTCTGGA
GTAAGGGAAACGTATGTGCAATACTCTAATTTATTTTTGTCTTCCATCG
ATACTGAGGAG

>Sequence 1277

CCGGGCAGGTACCATTCTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATAT
GAAGTCAGAAAATATAATTCCTCCAGTTTATTTATTTATTCATTTTTGC
TTAGGATAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTAT
TAGTCTAATTTGTAGTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGA
TCAACTCAGTGCGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTA
GCAATATTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATCCCAGCACTTT
GGGAGGCCAAGACAGGCGGATCACCTGAGGTCATAGGTTCAAGACCGGCC
TGGTCAACATGGTGAAACCCTGTCTCCAATTAATAACAAAATTAGCCG
GGGATG

>Sequence 1278

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTCATGTGTATCTTCTTATCACAT
AGGGAGTCCAAACATCACTTTCTCTGTGAGGGCTTCTCTCCAAAGCACT
GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACTGTCAACTCATACACAGGCAT
ACACATTACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAATGACCATTTTC
CTTATTTATTGTTATCATCTACCTCTCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
CAAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCTGTCTTATTAC
TGCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATAT
CTGTTTAACAAATAAACTCTCTCCTCTACTGAAACTATTGTTGGCAGT
CACCAAGGACCTATTCAAAACAGAATCTTTG

>Sequence 1279

CCGGGCAGGTACATTGTGACAATTTGATACATGCATACATTGTGAAATGA
TCAAATCAGGTTCAATTAATATATTCATCACCTAATATATTTGTCAATTAT
TTTTGGTGAGAGCATTGAAATCCACTATTTTATGACATCAGTAAGATAA
CCTAACTAGAAGCTCCCAATACTCACCACCACCTCCCAAAGATAGCCAA
AACAATAAGTAAGCAACTACATTTAGAAGAAAATAACTAAGGGAGGATGT
TAGAATACATTAAAGGTGTATTACAACTCTGTAGTGTGCAGAAACCCAA
GATGGCCACATAGACAACAGAAGGAAACACCTTACCTCCACCACCCTATC
CCTACATTAGGATCAGTTGGAACCAGGGGGAAATTCTCCTTGACAGGGAAA
AGG

>Sequence 1280

CCGGACAGGTACCTGAAGCTTGAATTCCTGAACCTTTTTTTTTTTTTTTT
TGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTACCAAATTGACCAGGTTGGTCTCG
AACTCCTGACCTAAAGTGATCCGCCACCTTGGCCCGCAAGCGCTGAGAT
TACAGACCTGAACCACTGTGCCTAACCTCCCTGAACCTTCTCAACATTCTG
AGTTAGTCACTTTCCCTTTGGTTTAAGCCAGCTCGGGTTACTTGCAACCC

Table 3

241/1077

TAGTTATACAGCCACTTTTCTACAACACAAACAAACCACCTAGAATAAAA
TTCATTTTCCTCCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATGGAAGGTGGGGAATT
CAGAGAGCAGAAATCTGTCCTGACCAGAGAAGAGTTCTTAACAGGTTCCA
CTGGTATCCAGGCAAGCTACCCTCCAGACTCAAGGTGTGAGGCTTACATA
GCTGCTCCTCCTCGCTGAAACCCATGATTGCCATGGCCTCCACGGTTCC
TGGAACATCTCATCATCCTGGGCTGCCGGGATGGGCACAAAGCCATTGGA
GAGGAAGGTGTANTTGTGAAACCCTTCCAAAGCAGGTCACTTCTCATCT
TCTCCTTTGCTTACGAATCATGTAGTAAAGAAGTGGAATGTCCTCTTC
GCTCTGGCTTGGCGAAATGGCCGTGAATTTTCTAGCACAAAGGTCTTAAT
GTTGGCTTCCACGAGGAACCCCTGACGTCAAATTGATGCGGTTAATTTGG
CCTGCAACAGGAAAACACAGTTAAGGCTTGCTGCCAACATTAGCCGTA
CCCAGCTGGGGCAACCAGAAGGAAAGGTACTTCGCCGTTTAAACAATGA
TCCCCCG

>Sequence 1281

CCGGGCAGGTACAAAAAGCAAAGACCCCTTCTCCATCTCTGGATTTTAA
AACTGGAAGAGGATGCTGAGAGGATTGAGCCAAAGAGCCAGTCCTGGGAC
AGTCACTGTGGCCAGCTAGTGGTGTGCTTTGTCTGGCCACGCTGGGTCT
GCTGCTCGCTCCAAAGGGGCAACATACTTGATTTGCAGCCCTGGCAGAA
CATATGATTAAAGTGTGGGAGGGCGGTGGTGAGGGAAGTATCTCCCCAA
GGAAAGAAGGGGTATGGAACAGGTAAAATTAACAGATGTTTACAAAATTG
TCTTAATTATTTTCCCCAAAATGCATAGCCAGTTTCCCAATCCTAGTTT
TTCTCTATTTACTTAAAATGCCATCTTTATTATTTATCATATAGTAAATT
ATCTGTC

>Sequence 1282

CCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGC
CACTGCGTCCGGCTAATTTTGTATTTTGTAGAGATGGGGTTTCACCA
TGTTGGCCAGGCTGATCTCAAACCTCTGACCTTATGTGGTCCACCCACCT
TGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCT
ACAAGCAATTTTAAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAAATTCTCTGT
TAAAATCCTATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTTAAAA
TACAATAATTCTGTTATTGATAAAAATTTAAGGCATTTTCATTGCCTTTG
CAAATTTACCTTATACTACCTAACAAGGGAG

>Sequence 1283

CCGGGCAGGTACTGCATGGACAGGAGATGCTTAGATCTGAGGTGAGGAAA
TCCAGAGATGAATGTTTTGTTTACCTCATGGGATTGTGGCATTGTTAGCC
ACTCAATCCAACCAGATTATAATGTATTAAGAATTTGAAACATCAGCCCA
TTGTGGGTTTTACATACACAGATGTATATTATTTGTTAGCCAGGTAATG
AACAGTCATTGTCAAGTTGGATAGAATCTAATTCAGACTTGAATAATTCA
TTTCATGGCCTCTGCTTTTGTCAAATAGGGGGAATAAAAAATTTTCAA
AGGAACAAATCCGGGAATATTTCTACTTCAATGGACATGTAAAACCTTTT
CCTATTTCCCATCCTTAACACTTGAAAGGGCCGAAGGTAAAAGGCAGTGT
AGGTGAGGTGGGAACGTCTTTTGGGATCCAGTCACCC

>Sequence 1284

AGGTACGCGGGAGAATAACAAGCACTCTTTGGTATGGGTAGCAGCAGTTT
CAGTGTCTTCTGTGGTCTGTGAAGAAGAGAACTTAACAACAAGAAGAG
GGAAAGGGAAGGTGCGCTAAGGAGAAGACACAGGAGTAATGAGAAGACAC
AGGAGGTAGAGCAGCACTTGCTGACTCAGAAGCATTAAACATGAACTTAT
TCCACTGATTGAAATCTGTGATACTTAATAGCTCTTATGTCTAATCATAT
CAATATGCAGCTGGATTGATACTCCTGCAGGTGGTTGGGGCTCCTTCA
CTGCCATGTATGTCCCTTTTGTGTCAGATATTTCAAGATTCAGCATCATT
TCAGACCCTGAAAAATCCCTGAAAATTGAATTCTCAATAGATAATGCAAC
TCCACATAATATCTGGA

>Sequence 1285

CCGGGCAGGTACCCAGTGTCTCATTTACAGGCCCTCCTCATCTTTATTGGA
CCATTGCAGCAGTCTCCTAACTGGGCTTAATGCTCTAGTCTCTCCTTCT

Table 3

242/1077

TCAGTGTGCCCTCTACACTGCAGCCAGTTTCAGGAACACTAATTGAGTCA
TCCCCCTGTTTAAAATCATTCAAGTACCAGGTGCTGTGGCTCACACCTGT
AACCCCAAGAACTTTGGGAGGCCGAGGAGGGCAAATCGCATGAGTCCAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGTCAACATGGCAAACCCCATCTCTACAAAAAAT
TAGCCAGGCATGGTGGCATGCACCTGTAGTCCCAGCCACTCAGGAGGCTG
AAATGGGAGGATCACTTGAGCTGGTGAGGTGGAGATTGCTGTGAGCT

>Sequence 1286

AGGTAATAAGTTGCCATTTAAGAACCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACACAACAGTTTTAAAAATTGCCATTGAGTGTTTTA
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCCTCTTAAAAATCATCATTAAACAATCTTCAAACAGTCA
AGTGTGTTGGCTCAATAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAAGTAGCTTAGAA
TGAAACAAAAGGATGGACATGGCCTTTGAACAGAAGAT

>Sequence 1287

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTT
TAGAAGAGATGGGGTTTCAACATGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAACTCCTG
ACCTCAAGTGATCCGCCACCTTAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGG
CATGAGCCACCATGCCTGGCCTGAAATTTGTTTTTAAATACTATATTGCC
AATTATTGCCATAAAAAGGAATAATCCTTTTACACATCTATACTGCATTG
CCCAATATTTAATGTATTATTCTTCAAGATGAAAGAAATATTATATTTGA
ATAAACTGCCTTATCTTCTGAGTATTTTCCAACCTTTTTCTGCTAATGG
GTTAAAGAGAAAAGCCCACAGCATTCAAAATTAAGTCTTCTAAGCTTA
TTTGAAATCCTT

>Sequence 1288

AGGTCCCAGAAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCAGTCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCAACACCTTCTAAAGTGCGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCGGCTGAATTCCTTCTAATTGTGACACAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTCATATCTGTA
ATGGTTTAGCTCTGCGGGGAAGTGTTAGCA

>Sequence 1289

NNCGCCCGCCCGGGCAGGTACCAGGATTATAGTTAGAATTTANCGGACTG
GGTAGGAAGACTGGATAGAAATCTAAAGATTGCTGACTCAAACACAATGT
GGTTTCTTTGCTTTATTGTACAGCTCTGAATTCACAATTATTAGTTAAA
TTCATAGGCACTATAACTTTAGAAAGCACCTTCCAAACCAAGTTTAGTGA
TTTATTATAATTCTTACTTTTTAGATTGACTTCAGTGTTATGAGAATATT
GAGAATNTGCTACATAGTATCATCTCAGCTGTGTCCACATGAGCTATCTG
T

>Sequence 1290

CCGGGCAGGTACTAAAAATACAAAAAATTGGCCAGGCATGGTGGCACATG
CCTGTAATCTCAGTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACC
CAGGAAGCGGAGGTGGCAGTGAGCCGAGATCGCGCCATTGCACTCCAGAC
TGGGCAACAAGAGTGAACTCCATGAAAAAAAACCAAAAAACAAAAAA
AATGTGTATCTTATTACAGTTGAGTCCTTTTGTGAGACGAACATTCACTG
TTTGCTAGATTATTCTAATTAGCTACCTTTGTATGGTTAGGTTAGCATGG
AGCTGAAGATAAATGTCCCGTTTGAAAAAATGACAGCCCTTCAGAAAAC
CTGGCAGTTTACAGAAGAAATACAAATGG

>Sequence 1291

CCCGGGCAGGTACACTTTATCTGTCTCTTTGCTTCTTTCCACCCCTCTTT
CCCAGCTCTCTCTGTCTCTCTCTTGTACCCTGACCCTTTTTCTTCCT
ATGCATACTTTTTCTTCCCTTTTTAATCTCTATATCTTAATCCTACCA
ATGGCCCTCTGAGAATTTATTAGCCATGATAGGGATTCTTAGGCCTGAGA

Table 3

243/1077

TTTCTTATCAAAAAATATTTTTAAAGCATTAAACCGTGTGCTGAGCCCTGT
GCTGGATACTTTACGAGATTCAAAAAATAAGACCAGTCTCTTCTCTCAGA
AGTTTCCAGTAGATAAAGGGGTAACATCACTATACTATATGAAAGAGTTT
TTAGTGGAGGTAAAACTACCAATGGTGAAAGTGTTTATAGTTTGGGGGG
AGAACATC

>Sequence 1292

AGGTACTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTT
AATGTTTCATGGCAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGC
AGATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGTCAAAATCTACA
TCGTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGA
CTTCATAATGAAATTCCATGGGTGAGTGTTACCAGTCTCTGGTCCATCCT
TGCTTATTTCAAGGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGT
TACAGGCTTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTTC
TCCATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATT

>Sequence 1293

GCCTCATGGAGCTCATTAGAACACTCGATCTCATCGCGGTGACAGGCCGA
GGTACGTTTCATCTACCTATTTTGCCTTGGATGTAAGTCCTATATTGTGT
CTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTTCCTGATACTGTC
ACAAGATTTTTTTCCCTTAATTCTTTTAAAATCAGGGCCACATTTCAACT
CCCTGCCCGTGGCATTGATGATATTTTTGTTTCTCTTTAGGTATCGTC
CTATTTTCTTTTCTTTACCACTGACAGCGGCTTATTTTCATATGAATAAT
ATATTAATAACATATGCATTTAAAATATTGTTTTGATTTGTTTGCGAATT
GTTTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAAATGAGTAATTTTTCATATCCTG
TTCTTGCAGGAAGAATTTTAAATCGTTTCTCCAAAGACATTGGACACTTG

>Sequence 1294

CCGGGCAGGTGGGATATGGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACCGCAAT
GAATGTGGCAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGGATACAGCA
GTAAATATGACAGGTGGGATACAGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACGG
CAGTGATTATGACAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGGATAC
AGCAGTAAATATGACAGGTGGGATACAGCAGTGATTATGGCAGGTGGGAT
ACGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATACGGCAGTGATTATGACAGGTGGG
ATACGGCAGTGATTATGGCAGGTGGGATTTGGCAGTGAATATGACAGGTG
AGATACAGCATGAATATGACAGGTGTGGTTCCAGTCCACAAGAGCTTGTA
T

>Sequence 1295

CCGGGCAGGTACACATAGCTCAGGAACACTGATGCACTGCCTTCCATTT
TAGTGGCAGTTTGAATTTAAGAATTTCTAGTTTGTCTTAAGCTTTTCTGT
AATCTCTCACATATATATTCTTAATTTCAACTGATAATTTCTTTCTTAAT
GTCTAAATAAATAGCCCTAATTTGCCCTTTGAAACAAGCATTGGAGAAT
GCTTGGAAATTTTAAATTGCCCAAAAAAGGTTGGCCTTTTGGTTAAGGGT
GGCTTTTTTCATTTTCTTGCAGTTAGAAACCCAATGGTTTGAAGGCTTAAT
GGGTTCCCATCCAAGCATTAAAGCAAGGCCCTATTTGGTCTATGTTGCAAC
AAGTAAAACCTGGCATTGTTTTTCCACCTAGTTAAAAAGGAGAATAACCC
CTCAACAGGTTTTTAGGGATTAAATGGCCTGAAGTTGTTAGTTGTTATCT
TTTGGGGATATTTACAGGATTTTTTTTTTCTATTAAA

>Sequence 1296

AGGTACAAATTGCTGAGGAGAAGCAGGAAACCTGTTTCCTTAGTGGCTTT
TATCCCTCGGCATGCGATGGGGCTGATGTTTCTATGATTGCCTCAGACT
TTCACATTTACTAGTGGGCTGAGAGAGGGCTTAGTGAGGAAGGAGATA
TTCAGAAATANAAACGGTTGAGAAAGCTGAGAAGACCATTGAGTTTTGATC
AGTTGTGAATAGAGTGCAAAGCCATGGCCAAGCTGTTTTTGGAAACGCTG
GCCGGCGTGTCTTCAGTGGA AAAAGCAAATCAAATGGAGCGAGAGCAAA
GGGGCGTCTCAGTCTCAACCTATAATCACTGTATGGAATCGGTCTCTGG
CAGCTGAACATAGGAAGTCACTGGAACAAGTGATAGTGCAGATTGGCTTT
CAAACATCCTCTGGCTTGAGTTTTATCAGCTACAATGTGGGTCTCTTT
TTGAAGCCTTAATTCACAACAGCAGCTTTTTGGGGGTGGGGCTGGGCGGG

Table 3

244/1077

TGTTGACATTGTTCTTTCCCTCCTGGAAATGGCGCTAGGTTGTTGCCTCG
AATATAAGTTTTTTCTCTGGTTTTGAGAAAAGGGACCATTTTTTGACCCC
GGAGGGACATTTCTGTTTTCCCTTGGGGGGCCTTTAAAAACCGCCTCAGAA
TTGTTTTGTTTTAACCAAACCCGATTGTTTGGTGGGATAATACCCCCC
AAACTCTACTGATTGTCGCAAAAATATTGTTATGTAGGGGGTGTAATGA
AACGAATAAGAGGGGCACCCCGCATTTTTATATCCGGGAAAGGCCTGTA
AAACAAATAGGCTATATATATAT

>Sequence 1297

GCCGCCCCGCCAGGTACCTTCCATGATGTTGAGGAGAGACTCTCCTATC
CTACCCACACAGAGAGTAGGTATGCAGGTTGCCACCAGTGTTCTCCTCC
CTACCCACTCCCTCACTTTTTCTTTTCATTGGTTCAGTAGAAGGAGGGGCT
GTGCAGTAAGGCTGCCGCTTGAGCACAGGGACAGCCGTCAGTGCAGTGCT
GGTCTCCTGTTCTTGGAGGCACCTCAGTCTCCTTGACCTCTTAGACACCC
TCCTACCCCCAAGGTGGGGAAGGAGCAAGCAGAGGCAAAATCCCAGCCCT
CCTTGTTAAGACTACAGTGACTTTCCTCCTCTCCCTTCTCCGTGTCCGTA
ATGCATAGCTGGAAGGAAGTGTCTGGGTGGTGATGCCAGTAGCTGTGCTG
GTGCCATGCCAGGTGCTCTTCATGAGCACCAAAGGAGG

>Sequence 1298

AGGTACGTGAAAGCGCTTTGAAGATCACAACCCATTTAGAAATAGGTGG
GTTGCTCTTCCTCAAATCTTTGAAAGCTGTCTACTACTATAAATTCATTC
ATTCATATCTTCCCTCATTCCTTTTCAGTTTTTTAAAAATGTATTCTATC
CAACTTACATGTAAGCACTTTGCAAACACTCACTCATTTACTATGAATAA
CAATCCTACTATATTCACAATTATCATTTCCCCGCTTTACAGAAGAGGAA
ACTGAGGCACAGAGATTAGACAGTGTAGGCAGGATTCAAACCTCAGGTGGT
CTGGCTCTACTGTCCTTGCTCTTAACCTAGGCCACCTACAGTTATCCAG
GTTTCTGTTTACTAATCCTCAGCCATCTTCCTCTGATCAGAATCAACATA

>Sequence 1299

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGGGGCCACATGGA
AAAGTN

>Sequence 1300

CCGGGCAGGTACCTAGGAGCTTTTTGACCCTGTGTTGAGATGCCTAAACA
GCTTCCTGATTGACCTCCTGATATTTCTGCAAATGTGGACTAAGAGGCCA
GGATTCCCTCAAGGCCAGGTGACTCAGGTATTCCAAAATTATATTTGGA
ACTACCAAATCCTTATGCTTGAATTTGGGATTGCAAATAGGGGGACATTC
TTTTCCCTAAATCACTTAAAGTTAGCTTTTTAAAATGTTCCCTCCCTCTC
ATTTAATGGTTAAGTAGTACTCTATTTTTTTTGTAGTACTTTCATTTTCTT
TTTCCCATTGACCTTTATTGTTTATTGGCTTTTGGGATTAGAAGTTTGTG
ATTTCAAGTACAGTAAAGTAGTCTTTGGCTTCATGGTGCATTTGGTTATT
TCTCAAGGGGGATAAAGTTGCTTTATCTGGAAGGGCGAATCTGAGTTTCT
TGTTCTTGCAATTTTACATGGAAAGTTACCTTTTGTCCGGTTTTTAGTT
ACATAAGTAGGTATCACTCCCGTGTTTGTGCCCCGGTGATTATAAGGA
TGG

>Sequence 1301

AGGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATA
GTAATCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCT
TTTGGCTTTGTGTTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAACTGAACCTGT
TCCCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATT
GCTCAGGAAGAAAAAGTGAATAAATTCCAGTCATTCACTTGGATGTTAG
TTTTCTGTTGTAGCACTCCAAATATGCTGAAGCGATTGAAAACAACTAA
GGTCTGCTTGAACATTGTATTCATTTCCCTCTATTGCCGAACCTGTAATAA

Table 3

245/1077

GCATTCCATACATGCCTCGATTTTAAAATTTCCAGTAATTTTGTTTAACA
CTTTCAAATATTCCCCTC

>Sequence 1302

GCTGGGTCCCGCACTCTTGATTCCCTTGCATTCAATGCCTTACCACTCTA
CAACTGTCTTCTAACAGAGCTCTATTCTTAATCACCAGTGTAATCTATC
CACCTTCTGCATCCCTGTCACTGAGTAGCTGGGTGATTCTGGGAAAAACA
AATGCTCAGAGTTGTCTTCCCAAAACCCAGCTGAGCTCCCAACACACCTT
CCAATCCCTCTCAGTTTCTTCAGCAATCATCATACCCTAATACCATGAAA
TTCATATGCACAACTCTTCCCCTAACTGCAGCCCAAGAAAAGCTGAAA
AACTCAAAATCCTGTTATAGCTTCCCCTAACCTCATCTATATCCACATC
TTCCAGACCTCTTCCCTGTCAGGTTTCAGAGG

>Sequence 1303

CCGGGCAGGTACAGGAACAAACGAAAATCCAACTTAATGGTTTCTTGG
AGGAAAGATGATTCTAGTTCCTTGCAGTTACTAGGAACTCAGGGGAGAGT
TGCCATGAAGTAAATTACACAGAACTAAAATCTGTGTTAGATAACAACAG
GGAGATGTCAGTTTGGGACTCTCCTCCAGGGAGCGGAAGGAGTTTAACT
TACTAGAATGAAGGCAATTTTGAAGAGTGAAGGGCACAGATGAGAAAATG
GAGAACGGGACCTTTGGGAGAACCTAAGAATAAGGAAAAAGAGAAGCGAAG
GAAGCCAAGGCACAGCGGAAAGTTCCAGGTTTACCCTGAGGGAAAGCCA
CATTCCATCACAGGGTGAGGGTGTT

>Sequence 1304

CCGGGCAGGTACCCTAGGTGATGCCTGTTCTTTTGAAACAGCAGAGATT
TATTTTAAAAATACGTTTTTGTGTTTATTACCTAAAGGAGCTATTCTGAA
ATTTTATGTAGAAAGATCTTCTTCTGCTCCATCCACAGAAGATTTTTTA
TCCATAGATATTTTGGCCATCTCCTTCTCCTCTTTCTTTTGTGTAGAT
GATATGAAAAGACTGCTTTTTTCAAAATTTGTGTTATTAAATTGGTGAAT
ATTGCCATGCCTAAAGTGATCTCTGAGATATCCTCCTTATGGGTATAAAC
ATTACTGTCACATGTTGTAAAGAGCTTTCTATAATAGACACAGCACACTG
GATTTAATTTTCTTCTCCTTCTTGGTAGATCTTCTGTTAAATAGAA
AATGCGGACTTGCCTCCTATTATAGAAGCTTGTATGAACTGCCAGGGGT
GCACTCTGGAGGGAACGCTTGGCTCATGGAAGTGAACCTTGGTCCAATGG
AGCTGGCTTAACTTCTTGTGGGGTTCCAGGAACACCAAGTGCTTTCCGCC
TAATGAGGTGAAAATAAGTGGGGAGAATTCACATATGGCGAAAATTTTGC
GGGAAAAATAGATGCTTAATTTTTCTTCTTAAAATTATGGAAAAGGTAAA
TACTTTGGGTAAATACATGATTGTTACCCTCTTAAAAACAGATGGTTAA
AATCGGGAAATAACACTCTCTTAGTTTACAGGGCCATGAATACATCTGGC
CGCATTTTGTAGTAAATCAAAGGAGAGGGTATTCTAATTGAATTACTGGC
CTTGGCCGTAAAAAA

>Sequence 1305

ACCGACGACCTGTTGGCCGGCGGCGCGAACGACGAGCAGTCCGACCGGGG
CTTCCAGGGCGGCGGCAACCGCCAGTCCGGTCTGCGGGGAATGGCCAGG
GCGAGCGCCAGGCCGAGGCGGGCGCAGCCAGCGCCGATGGCGACGAATAC
GACCAGGGGACGGCGCGCAGCCAGTCTGATCCCCAGGTCGCGCCCGGCG
CTGGAGGGCCGCGGCTGTTTATGAAACCGCGCACATACCGACATTCGTCG
CTTTTTGATAACTGAGGGCAAGTTTGTGTCAAAATGTGGCAATGAACCAT
GAGCTTTCCAATACCCCGCGCTCACGCGTCTACCGCGGCCAGTCCCA
GGAGCAGCGGCGCGCCGAGCGCCGC

>Sequence 1306

CCGGGCAGGTACATTATCTCTGGACCAGGAACACAACACAGCGGAACAAT
GAGTTTAGATACCCACAAAGGTGGGTTCTCTGGAGGCTGGGTATGTTGTA
GATGTGGCTCATAGAATCACAGAGTTAAAGGGCAACTGGAACCTCATCTAA
CCAATTCTCATCCAAGCAGTTTCCCTCCTATAACATTATACATAGCCAG
TCTCCTAATATCCATTTACATACTTTGAGTGACAGGAAGCCTGCCACTTA
ATGAAGTGATCCATTTTCAATTTAATAAAGCTCATTTTTATGTGGTAACT
GTTTCAATATCCCAGGTAAGCAGTAGCATTTGCACAGACCAAGAAAAAGC
GTGAGGATTGCGTTCAGAGTGCCAACCC

Table 3

246/1077

>Sequence 1307

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGC
TCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAA
GGAGGGAGCAGATATATAAAAATCCTTATCCCTCTTTCTAATCTCTTATG
TCCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGGAGTCAGCAGGAA
GTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGCACCTACAATGAAGTGGTTTGT
TTCTTGGCTAAAAACACCAGTTTAGAGAGAGTTTCGTGCATACTTCACGAG
CTGACTCTGCAATAATACACTGCAGATCTTGCTGGAAGGAACAGCAAAGA
TACCAGTAAAGATGTCATCTGGCCAATTTGTGTGAAAA

>Sequence 1308

AGGTGCTGGACATGATGGGAGACACTGGAAAGTCCCAAACCTAGTTTAGG
GTGTTAGGGGACTTCTCGGAATCGGGGACATCTAAGCTGAGCCCTAAAGT
AGGAGACAGTCAGATGGGAGAGAGTAAAAGAAGAAGACATTTTCAGGCCAA
ATGCCTGAATACCATAACCCTGGAGTGGTCAGGTTGGTTCTCTGGTGGGAA
CACGAAGATTCTCCTGATCTTCTCCTCCCTACTCTCAACACTCTCAACAT
TCGTAGTTTTTACCTTCACTAAATACTCTTTCCTATATTATAGTGATGTT
ACCCCTTTATCTACTGGAACTTCTGAAGAGAAGAGACTGGTCTTATTTT
TGAATCTTCTAG

>Sequence 1309

CCGGGCAGGTACAATCCCCAGATTTTTTTCATGTGTAGCTTCTTATCACAT
AGGGAGTCCAAACATCACTTTCTCTGTGAGGGCTTTCTCTCAAAGCACT
GTTCTGCGGTCCAACCCTACCACTGTCACTGTCAACTCATAACAGGCAT
ACACATACACAACGCATACACATGATCACTATTCAAAATGACCATTTTCC
TTATTTATTGTTTATCATCTACCTCTCCCACCTCGCCACACCTTCCCCC
AAGGCGAAGGTAGGCTTCGTGAAATCTTAACCTTGCCTGTCTTATCACT
GCTGTATTCTGGTATAGCGTCTCCAACATACTTACTGATGAATAAATATC
TGTTTAACAAATAAACTCTCTCTCTCTACTGAAACTATTGTTGGCAGTC
ACCAAGGACCTATTCAAAACAGAATCTTTGGCCAGGCACTGTGGGTCAGG
CCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAAGTGGGCAAATCACTTGAGGT
CGGGAGTCAAGACCGGCTGACCAACATGGTGAAACCTCGTCTCTACTA
AAAATACAAAATTATCTGGGCATGGTGGCACACGCCTGTAATCCCAGCTA
CTCTAGAGGCCGAAGCAAGAAAAATAGCTGAACTCCGGAAGCAAAAGTTG
CAATGAAACCAAAATGTGCCACTGCGCTCCACCCTGGGCAAAAGAACAAA
ACTCTGAGTAGAAATAGGTAATGTTGTGGAAGGTCCCTTGGCCGTTTT
AAAACAA

>Sequence 1310

CCGGGCAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAGGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACCTCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATGGATTGNTNNTTTGATAGGATTTGA
TAGTTTACTTATTTTATTTTCGTTTTTCCGTGATTGATTGCATTGATTCTC
CCTTATTTGTATTTTGTGCGCTCTTAACCAATTTTGTCTCT

>Sequence 1311

CCGGGCAGGTACGCGGGGATTGAAAAAATAATTGCTTGTTCTCTGTCAGA
TGCACTTCGTCTTAGTAACATGTGCCATGGGGAAGACGACCACAGGCCAG
ATAGTCAATCTGTTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAAGGGGACAG
TGTTCTAACACTTCCTGTGGGCAGGACCACTGCAGGCGATTGCAGTGACT
GCCCTACTCTGGATGGAGATAGGAATATCGTGCCTTGCTGGGATGGCAGT
TTCTAATCATTTCTCCTGCCCTTGCAAAGCTGTGTTGGGAAGTTGTAATC
ATCACTGAGGAGTAAACTGCAACTTTCACGGATGCCACGATCAGGACCA
TGAATGAAGTTATAACTGGTATAAGGATAAT

>Sequence 1312

CCGGGCAGGTACATTGGATATTCCTAAGGATACACATTTTAACTGTGGA

Table 3

247/1077

GTGTAACAATAGGAACTAACAATAAATAATTGGGTTGGCATTAAAGTTTTA
TGGGATTCACCTTTGACTTTAATAATTTTTTTTGAGACAGGATCTTGCTTT
GTTTGCCTAGAATTTCTTAATTTTCCTTCCTTAATAAATATGATATGAG
GAGAACCTTCTTCATTGCTTATATTGGATAATAGTATTAAAGTTAGAAAT
AGCCTAAGGGAAATTTACTTGATTTTTTTTTTCAAGGAAATATACTAAAG
AAAAAGCTGATATAGGATGCTTTAAATTTATAAATTGTTTCCTCATAAT
CTTAACAGTTATAGGAAATGAATAAAGAGTAT

>Sequence 1313

AGGTACCTATTTTATACCACTCAATGAAATCTCCACCTATCCATTGTTCC
AAGACAAACACACTGTCTTTGTTAGTTTCTCATGCAACCTTGTCCTCAC
ATAAATCAATGAGAAACAACTACAACAGGGACTTCTGATATAATGTGCC
CTAAAGAAAATTTGTTTCTGGCCTGTTTAAATAAAAATTAAATAGCTTCC
TTAAATTGTGAATATTTTCCATTATAGTGATATTGTAGGAACACCAGAAT
TTTTTTTTTTTGAGACAGTCTCACTCTTATCGCCCAGGCTGGAGTGCAG
TGGCACTATCTCGGTTCACTGCAACCTCCATGTCCCAGGCTCAAGCGATT
CTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTGCTGGGACTACAGAGTGAGACTCTTGTC
TCAAAAAAGAAAAATAAAAGAAAAAGAAATGCT

>Sequence 1314

AGGTCCTTGAAGAAGACTTAGATCTAGAAGCAGCTATGTTAGATGATCAG
ACCTCATACACTGCCACTTGGAAGATGAGGTGTGGTCATGGGGTTCAGTT
TCAGAAATGTGTTCTCTCTGTTGATCGTTTCTGGAGGAAGAAACATGGGG
ATGTGTTTAGAGGGGAGGATATGCCAGCTACTTATCATAGGAAGTCTAGA
AAAGGCAGCCATAGTGAGGTCCTATTTGAAAAGGAGTAAGAAGGAATGT
ATTGGGCAGGAAAGAGTGTGCATAGACTCTTCTAGGTGAATCAGGTGAGC
TGTGTTCTATCTGCGGAGAACTAGTGATGGTGGGGCAGACCAGGCATCTT
CCCCTCCACTTGTATAGGGGTCTGAGAAGGGAAACATGGGGCAGAATTG
GGAATCAATCTGTAACTGCTTTTAACTAAG

>Sequence 1315

AGGTACTAGGAACTGAGTAATTTGGAAATAACATTAACCACTTTTCATATA
CCACACACCTATCTGTAAAGTCCAAAATGTCAGTAGTAATAAGGCTTAA
TCATTAAGATTAAGAATATTGTTATATGTTTGAATATGCTAAATTTATA
TGCTCTTCTTTGACCAAATTCAGTGTCAAACAAATGTCAATCACGTATCT
GATTTATTCCCTGGTCGGCATTACTGAAAGAAAAATGTTTATTTAAATCA
GCATGTTTCAATTTATTTTATTATTTTTTTTATACTTTAAGTTCTGGGATA
TATGTGCAGAACTTGACAGGTTTGTTACATAGGTATGCATGTGCCATGGTG
GTTTGCTACACTCATCAACCTATCACTACGTTAGGTATTTATCCTAATGC
TATCC

>Sequence 1316

CCGGGCAGGTACCCCATATATGCTGGTGGTTTCTAAACCTATTTTGTTGT
CCCAGCCCATTCTACTTGACGCTCGGATGTGCCTTGCTAGCCTGGCTTC
TCTACCTGGCACCTCACACTCAGGATGCCAAAAAAGTTCTGTTTTCTTT
CCCCGAAATCCTGTTCTGCTGCTGCTCCACTGCCACCTGTTTTCTTTT
CTTTTGGTTGCTGGTTCCACAGCCATTTCAGATTCCAGCCGGACACACG
GGATTGTCCTGGACTCCTCTGAATTCCTCATCCTCTTCCCCTGGCCCACA
TCCAGTGGGGAGGACCCCGTCCCTCGTTACCTCCTGATGACATAA
ATTCTTGACCGTGGGCTCTTTGTATCTA

>Sequence 1317

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAGACAGGGTCTCACA
ATGTTGCCAGGCTGGTATCAAACCTCCTGGCCTCTAGTGATCCTACTGCC
TTGGCCTCCCGAAGTGTTGGGATGACAGGTGTGAGCAACCACACCTGGCC
AATAATTTTGATTTGACATGTATATATAATATCATGTTATACAGATATT
ACAACTGGCTAAGGGGCTGACTCCAGATTTGCTCAACGGTGTCTAAGAAG
GAAATTAAGTGAAGCACACAGAACAAACAAAGATACTGTCCAGAAGAATTC
AGAGAAGACAGACATAGCACAGAAAGACAGAAAACCAACTGGTGAAAGGA
TTACTAAATGGGTAATTTCCCGTATATCACACTTCTCTGTATTACATAT
TACAT

Table 3

248/1077

>Sequence 1318

AGGTACCACAAAAAGATAAAAAAAGCTAAACAGATAAATGCTTTCCTAA
AATTAGACAATTCCTAGGAAAGAGATATATAGGAGGCTATTCCTGGGAG
GAAATTTATACCACCATTCAGCCTGCTGTAAGGTGGAGATGGTAGACAG
CTAAATTAGGGTCCTCTCTATAATATTGACTGATGATGGGGGGTGTGGTT
TCTTACTTGGCTGAGTGCCTTGCCAATCATTTCTGCACCTGCGGGGCTG
GAGATTGCTGATGTGCTTCAGGCATAAGCAAACCACATCAAAGGCTCAGC
TCACTGGCATACCTGACGGTCAAGGACAGAGACCTGCTCTGACCAAGGAA
TACCCCAATGAGACTGGCCTGGAGGATCCAAGCCAGTTCGGCAATGTTTT
ATGGAGT

>Sequence 1319

AGGTACCCCGAATCTAAAATAAAAGCAGAAATTATATGAAAAAACTGGG
GTGGGAGTTGGAAGGAACTTTAGATATGTAATAAATTTGTTGAAAACTG
TTAATTTCTCATGCTTTCATTAATAAATAATTTTCTCAAGAAACCCCAA
ATTCTCCACCTCANGAATGAAAAGTGCATTTGAATTTCAAGAAGGTATGG
GCATGAGAACCTTGCAGTTTTCTAATTTGTGGAGACAAAATAATTTTTAT
AACACCAACCAGAGGTTTCTCTACAAACCCCTTGTAATTCCTTTCTGAG
CTCTCTTCTTCTAGAATCTTGGGGCATCTGAAAAACTCAAAGCTATGTA
AACACAACATAT

>Sequence 1320

AGGTACTAACCTTAGCTAGTAAGTAGGAAGGCTTGAATCGACCCAGCT
CTTCTGGCTTCAAAGCTCCTATACATGGTGCCAGGACATATAATCCAGTC
CTCCTATCTTCCCACCCAGTGGCTCTTTGCTGTTATAATGTCCCAATCAT
CCCTACCCTGTCCTTTCTTCTCCACCTTCTAACTTAGGCCTGGAATA
TCAGTTCTGAATTATTTACCAAAGCAATCTAGTGATTGATTGAAAGCC
TAATTACATCAATCAATACAATGATTATGATGTTGTAAGTCGCTATATTT
ACAACACTTCTAAATTCCTAGACTGCTCTTACCCCACTACCTTAGA
AAATAAGTTGCCCCCAGCCCCCATTTAATTTGGGGCCTTGAATAAAATAA
TTTTGGTTTGGAATAAAATTGAAATTACCATTGAAATATTATTTCCGTTA
TTGCCCTTTATTGCAAGAACCTCCTTCTTTTTTACCCCACTTGGGGC
CCATTACTTACACAAA

>Sequence 1321

CCGGGCAGGTACATGCCACCATGCCTAGCTAAGTTTTGTATTTTAGCAG
AGACAGGGTTTACCATGTTGGCCGGGCTGGCCTCGAGCTCCTGACCTTG
GGTGATCCACCTCCTAGGTCTCTCAAAGTGCTGGAATTACGGTGTGAGC
CACTGCGCCCCGGCCCTTAGTAGCATCTTTAATGGAGGTAGAGTTGAGAT
TTCAGTGACTAACAATAAAGGTATTAAGGTAGGGGTTTATATGATACA
TTTGCATTTTAGAAAAGTATCTAAGCTTCAATGTGAAGAACAGATTGAA
ATGGAAGGGGGAGAAAGACTAGAAGCAGAAACATTACTCATTTAAGTAATC
TGGACCATGAAACTGAAAAAAGTATAGGGCCTCCAAAAGTCATAAAAAA
GTGAAAGCAAGAATTGGCAATTAAGTGTAGGACAGGGGA

>Sequence 1322

CCGGGCAGGTACTTTTTGTCCCTGCTGTGGATGCTTCTTGGATAGGTTG
ATAAGCAAAGAAGTTCACGTTGGCGACAACACTTCCATTAAAGACGCGTG
CAGTAAATCCTATGATGCAATCTCCTGCAGCTTAACTAGCAGACCCAAGC
TGGTCTGGCATGATCTATGCACCAGCTTGCAAGCAGTCAGATGAGTCA
CTGTGTGGCCCTCCAGGGAGAAGCAAGTCCATACTCTAAAAAAAATATAA
ATTTTTATTCTAGAAAATACAAAAAACCCTGACCTTGCCTACAAC
TACCTTTTGTTTTTAAAGGAAGTCATATTCCAGGCTCTCCCTGTCCCTTC
AAAAAAGCTCAAAACTGGACCCAACACCAAGTCTCTCCCATGAACATTCA
GGCGNGTCTGAGGTGGTGAGGCCAGCAGGTTTGCCTCGAGAGAGTTTGC
TTCAAGTGAAACTCCATAGGCACATGCAGCCCACTGAGTGGAACAAACTG
AGTTTCTTTTATTCTTAGTCATTACTCAGCTTCAAATTATACACATGTTG
GAACTTATACACCTACTTTTGTATTTGGAAAATCACTGGATTAATGAT
TGGACTAACACAATATGCAATCTAAAGGACAAGGTTGGGCGCACAAAAA
ATGAATCTACAGGCACTAAAGAATAGCACAGAACCCACAGCCCCATGCCA

Table 3

249/1077

CCTTGAAGGCAACGTGCCTTCCTTGGGACACAAGANAGGGCCGGAATTCT
GGAGGGAACGGGTAAATCTACCTGGACAAGCAAGCACAGTAGGCTTTCC
GGTTAT

>Sequence 1323

CCGGGCAGGTACCACATTTGTGAATTTATGCCACAGACTTATTTACGTAG
TGCACTAAAATTATAAATAGAGATAATGATTGCAGCATGGTTTAGAGTAG
TAAAGGACTGGAAACAATCTCCATGGCACTGATAAGGCAAGATGTAGGGA
GGAGAAATGGGGAGTGACTGCTCAGATACAGTGCCTCCTTTGGGGGTGA
TGAAAATGTTTTGGAACCTTGATAGAGGTGCTAGTTGCACAGCTTTGTGAG
TTTTCTACATGTCACCTAATTGCACACTGAAAAATGTTAAATGTGGGCTG
GGGACAATGGCTCATGCCTGTAAGCCAGCATTTTTGGAAGCCAAGGTGG
GAGGATCTCTTGAGGCTAGCAGTTCAAGACCAGCCTGAGC

>Sequence 1324

CCGGGCAGGTACAACATTTAACCTCTAAGCCCCACCCCGAATTCCTTGA
GCAATGACTCATCTTGTTCTCTGGGCACCTTGGCTTCATGAGTCAGTCT
CAGATTTGGGTAGAGACGTAGTCATTTAAATCCTCTCCTAGGACAGTCTT
TGATAGCCAAAACCTTCCTGGTCAATTCGGACCCCCCAGAAATAACCTT
CTAGTTCAAAAATGGGCTCTTAAACACCCCTGACCCATTGTTTCTTCTT
CTGGGCAGCCAGTTGCAAGCCCCTGCAACACTTAAACTTGTTGCCCAAGG
AAGAGGGTGTCCAGCATTCCAGTTGGAAAAAACACTTCCTCAAGGGCTCT
TGCGGGGGAAGCCTTCAAGGGGGCCAAGGGGGCTTGGCTTTNTTTCAACCA
TTAAGGCCCAAGGTTTTAATTATTGGCCTTTAGGTGGACCCTCCCCCCCG
TTGAAAACCTTTTGGGGCTGGAAATTGGCCCAAGAAGAATTTCCCAAAAT
TTTTAATTTTTGATT

>Sequence 1325

CCGGGCAGGTACAAATCTAAAACACAAACATCACCTTTACAAAACAAAAT
TGTTGATTAATAATTATCTTTTTTCATAACTATCTCATAACTTTATGACTA
CAGGCCCACCATTTAACAACACAACTTCACATAAACTAACATGTGCTT
TTAATGCTGACCTTAGTTTAAAAAGCCTGCCAGTATGGAATGACATTCAA
ATAAAATAAAACCAAATTTAAAAAGAACAGAAATGCAAACTCAACAATAT
TCCCATCTTTTGAATCCTGACAATGTAGAAGTCAAATTCATAATCATCCT
AAAAACCAAGGGGAGTCATACGACCACTGTATGTCTCTTTCAGTCTAGGA
ATAATGCAAACAGCAAGAAGA

>Sequence 1326

CCGGGCAGGTACAAGCGATTCCCCTGCCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACA
GGCATGCCATCACGCCTGGCTTATTTGTATTTTATGATAGAGATGGGGTTT
CTCCATGTTGGTCAGGTTAGTCTCGAACTCCCAACCTCACGTGATCCACC
CACCTCAGCCTTCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTCAGCCACCACGCCC
AGCCCCAGAATACAAATTTTAAACATTTAGTATAATTAGACAGTCATGGC
ATTTTAAGGTCAGAGCTTCTTACTCAAATGCAGCTCTTTTCTGTAAGGAC
AATAAAATGTTAATTTTTACTCAGTTAACATTCTAAATTAGTGTTTTAAG
GTCATCTCTTTTACTTAGAAGACAGTTGTTGGCCAAGAAACGTTTACTGA
ACCAGCTTTAG

>Sequence 1327

GGCATGATCGAATAATCTGATATGCGANNGATCTCCGCGAGGTGCNNGCC
GAGGTACTTAGCAGTTTTGTGACCTAGAGTCAGTGCTTTGAGTATTTGAG
CCTTAGCTNCTGNGTCTATAAAATGGGGTTTACACAACCTCACCTTACAGG
GCTGTAAGATTAGATTGCACAGAAATATATTTTTTGGCTGTGGGGGCTG
GAAGTGTTGCTGATTAGCATTGAAAAATTCCATCCTGTGGGTGAGAAAC
CCCACCTTATGACTTGGTGGGAAACAAAACCAACCTCCCCTGATGAAGC
TGGAGGTAGCAGAACCTTGTTTTTACTGCCTTCCTTTGCAGCTTAGAGGC
CGGCACAAGGACTAGCCCGGCAATTGGAATGCAAATGCCTCCAGGCCCTT
GAATTCACAACCTTGGGGACTTTGGACCCCAAGTTTATTACTTATTGGG
CT

>Sequence 1328

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG

Table 3

250/1077

GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTTCCGATTTTGAA
AAGGAAGTTCCCAAAGTGAGCCTTTACCAATGGAGAGGAAAACAGACGAG
AAAAATCTTGATGGCTTTACAAGGCATGCAACAAACAAAATGGAATACTG
TGATGACATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACCACGGGGCAGAGG
GTCAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCAT
TTCATATTTCTAACCCCTCAAAACAA

>Sequence 1329

CCGGGCAGGTACAATGGAGGAATACAAAGAGGGACATGCTGCAGCCTGTC
TAGGTTAAGGTGTTTGTATGCTTATGATGTGGCCAGTTGATGCTGGTTCTA
GAGGCTTGTCCTGAAAGCAGCTTTCTCTTTATGTGTCCCACTTGGATT
TCTTTGAGCTAAACTTTTCATGAAGACAGGAGAAATGCTTACATCTTAATA
ACTTCAAGAGGACATTTTGGTTGGCAAGAGACATTGGGTTGATGCAAACC
ATTGGTTACTTCCGAGTATGGTAAGGAGTCTGTTGTGTGGTGTGCAGGTC
CCGTCACCTTGTCTTCACTGAAGGATTCCTCTTACTGAGAAATCTATA
ACATTACCTGCTGCAACAGCTGTGCCCTTTGTTTTCTTTGGATAATCC
TGGCTTTCTTTT

>Sequence 1330

TGTTNTTAGCAGCCGCGCACAGAATACTTAGGGCGGATTGGTTCTACCTC
CACGGGGCGGCGGAGGTACTGAGTTCATTAGATAGAATTAACATGAAG
AAATAAAACAAATAGTTTGACAAGCAGTGGGGGTCACTAAACACAACATT
CCTAAGTAATTCAGTTGTCAGAAGTGCAGTTCCCAAATGCAGTTAGTATC
TTTAGAGGAGTTAGAAGTTCTGATTATCAGGCTCTGTAGAATTTTTTTTC
ATCCTGAGAGAGATGAGGGTGATCCCATGATAGAGCAGAGAAAACTCA
AGAGGTGGAGTTCTAGCCTAGCTGTGCCTTTTACTAGCTCTTTGACTTTT
GGACACTTCGTTTAATGTTTGGGGCTTTAAGTTACTGGGCAGTGGAATGA
AAAGTCAGGGGGGAATAATCCCTACATTTCCTACCAGTTTCAAAATTCTT
TAATTCAAAATAATTTAAGGTCATTAATAAAG

>Sequence 1331

AGGTACTTTTTAAATGAAATTCATATAAGTTGATTTATTTCTCTTTGGCCT
TTAGATAGCATTGAGGGTTAGGTAATGAAGATAATCACTCAAAGTTTCT
GTAGAAATCTTTATTCTTACCAGTTGTTGGGTTTTTATTCATGAGGAAAA
TATTTCTCTTAATGTCTGATTCATCATCTACCTTTTCTGGTTGAATAA
CTATTATTCTAATTCTGGCCAACATCAAACCTTGAACATTGCCATCATTCT
GGCTGGCCTTCCTTCCTTAGTGCCCTCTTCTGTTTTGTTTCTTTTCAGATAT
TATTGTCAGTATAATTTTAGGATGATGAAATAAAAATGTTAATGCTAGAG
AGGATGTTT

>Sequence 1332

AGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAAAGAAT
GAGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAGACAAA
ATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCCTTACATGTAAAA
ACAGGCACCTATAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGATGT
TTTTAAAGTGAAGCTTGAAGTTATTTGGGAGACAATTCATTGTTTACAA
TAAAAACTTGCCAAATTCTTTTGGGATAAAGGAAAGCAGAGATTCCCGAG
CATGGGGACCAAATGGAAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACC
AGGGCAGAATGCATCTCTTCCTTTCTCTTGGCTTTCCTGGATAAGA

>Sequence 1333

CCGGGCAGGTACTAACATTTGTAGAGAATTTTGTAGTTTACAGAGCACTT
TTTCTCATTTTATTATTTGTTTTTCACAACCATCTGGTGACATTAAAGG
GTAGCAGAGAAATATGGGGAAGTGGGTGGGGGATGAGACTAATGGCAGAG
ACTGTGTGTGTTAGGAGGAGTGGTTGTCGGAGATACTTAAAGGGATTGTA
ATGCAACAGTTCATTCAATTTGATTGAACAAATTGAAAATTCATAAATATT
CTGGAACCATCAAAAGATTTCAAGTAAGGAAGCATCCTGTTCTCTTTTTG
GATGATCTTAACATTTTAAACTTGAGCATCTGTATTTCATGGATAATTTT
ATGAGCCATGATTGAGGAATGTAAGCTGGCGCTTTTG

>Sequence 1334

Table 3

251/1077

AGGTACCTAAAGTAGGATTCAAGCCCTATTAGATTTTGAGATCACATTTT
AAGAGAAAGAATACAAAATTAGGCACGAAAGTGAGTATTTATTCATGTAG
AGAAAATAAAACATAGCAAAATATGAATTTTAAAAAGTTAACAAATACCA
CACAAAATTATAAACTGCAGAAAAAAGTAACTATATTGGTGTTTTGTAAA
TAACATGATCCTCTAGAGTTTTTTCATTTTTTAATCCATTTTGGCTATA
TATTCTTCAATTGCCTCTGCACATGACTTCAATTTGGTAATATCACACAA
CTAATTACACGGTAAAATTATTTTGGGTAATAACCCCAAGTATTGTTCTCT
TCCAGCCCTGCAGTGAAAGCTGCCCATCAGACTCTGAGGAGGCTGCATAA
TTAAACTCTACTGTTTCA

>Sequence 1335

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAAACTTGGTGATGCTTGAATGATTACAGAACAAATAGGAT
TGTGGTTTATGTTTCTTATTATGCATATTTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGATTGGGACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACTGGGTAGGAGGAGGGGAG
CAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGTT
TAACTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAGT
GGCAGGGCAGGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATGTTTAGGGATTTAAAAATCATAA

>Sequence 1336

AGGTACCTTTGGGACCAGATGCTGCTTATCCAACAGCCCTTATCTCCTTT
CTTGCTAGTAGACATGACTGAACTTTCTAGTCTACACGACTCAAAGGATC
ATTCATTAATCTAAGCCACTCCTGATGGATGATCTTACTTGCTTTGCCAA
TGACAGGAGTGAGATGACCCATTTCTAGCAAAGCCATGAGGCCGTATCTG
CTGGAGCTTCCAGGGGAAGACTTCCTTGCTTTAGAAGGACACAGAAAAAT
CTGTCTCTCTTTTGCCAGACACGGTCTGTGTCAGCATTTCTTCCCAGAAT
TACAGTAGCCATATTGGGACCATGAGGCGAACTGGCCTGAGGATAAACAT
GGAGGATGGCAGAGCACAAAAATTTCAAGAACTGAGTG

>Sequence 1337

GGCGCCCGGCCAGGTCCCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTC
AAGATCGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCAC
CCTGTCCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGA
AGATACAGCGCCCGCTGCTGGGGTTGCTGGTGAAATTAGACGCCCTTCG
CTTGTGGGGTTGCTTGGTATTGGGTGCCCGTGTCTATTTTGGTCACAGGG
ACACTACCGCTTTGAGGGTCTTGTAATTTGAACTCTTCTTGAAGGGAGGG
CTCGATAACTTTGAAGGCTTCGGTTTGCCAGACCCGGTATTTGAATAA
AACTTACCTAGCGGTTTGGGGTCTTTATTTTTTCATACTCGGCCTGTATA
TATGGTGGGATACCTGTAATTCTTGAGTTTGGCCATTTGCCCCGGGATAA
GAAGACTCCTGTCCCCTTTTCTACTTTGATTTTCTCTTTGGGGTTTTGT
GGC

>Sequence 1338

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAATCATGAGCATGTTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTTCAATAT
TTGGGTATGGAACCTGTTTTTGTCTACTTGCTAGTTCTAAGACCAGGCTCA
GACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATAA
GATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGCACTTAACACGAGTAA
GAATTCAGTAAATGTTGACCGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAAGT
TTTGAAGACACAATTGCATAAACTG

>Sequence 1339

CCAGCGGGCGGCGGCCGAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTAT
TTGGAGAATAAAAGAAAAATATGCCGTCACTAACTAGAGCGTGTTGGGGG
GCATCTGGTTTACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGT
GACATCTGCCAGCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTCACACAAGTCTCC
TTGGGCAAATGTTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTTCT
CAAGGTCTTTTGGTGACACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGA
GTCTAATCTCTTCTTGCCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATG

Table 3

252/1077

TTAGGACTTGGCTTTGACTGAGGTTGGTGTAGCCTGGGGTTGCAAGGGG
TGT

>Sequence 1340

AGGTACCTGGCTGGAGTTTGGCTTCATCCAGAAGACAATGAGGTCATCTT
GTTTGAGAAGATGATGAGTGGCTCAGATGTCAAATCTACAGACAAGCCCA
CGCTGTAAAACCTGTGTCTGAACATTTTTTCTTTTTGAGATGGAGTCTCGC
TTTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCACAATCTCTGCTCACTGCAAGC
TCAGCCTCTCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCCAGCAGCT
GGGACTGCAGGTGCACGCCACCACGCCTGGCTGATTTTTTGTGTTTTAG
TAGAGATGGGGTTTACCAAGTTAGCCAGCTTGGGCCCAATCTCCTGACC
TTGTGATCTGCTTTGCTTAACCTCCCAGAGTACCTGCCGGTGCGGACGCT
GAAGTTAGAG

>Sequence 1341

AGGTACTTAACACTATATTGAGATTGTTATTTTAACTGGAATTCTAAGAT
TTGTGAACTGTAAATGAAAAACATACTCATTAAATTTTATTTTTTCTTGA
TACTCAAATCATATTTATAAAAAAAGGATTTTTTTTTTTTTTTGAAAT
GGAGTCCTGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCACGATCTCGGCT
CACTGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTCACGCCATTCTCCTTCCTCAGCCTC
CTGAGTAGCTGGGACTACAGGCGCTTGCCACCACGCCCGGCTAATTTTT
GTATTTTGTAGTAGAGATGGGGTTTACCATTGTTAGCCAGGATGGTTCTCA
ATCTCCTGACCTCGTGATCTGCCACCTAGGCCTC

>Sequence 1342

CCGGGCAGGTACCTTTAGACTAGCATCAGCCATACAGAATGCAGTAAAAT
ATGAGGCTGGCTATGTAGGATGAAGAGTAATTGCTTGACCCTACCTTACA
GTTATTCTTAGTCTCAAAAAAGTGAAGGTCTTATCGGTCTGGCAAGCTA
CTAGTAAGCTAGCAAAATTACAACTTTTTGTGCTGGATTAGTAAAAAAA
TGTTTAACTTCTTCTTAGGCAAGAAAAAAATCCCTACATAAATGCACAG
ACATCTATAATTTATAACAGAAAGGAAAGAAATGATTCAGTGTGTTTCAT
GCAAAATTTTCAAAGGCGTCTAACGTCTCCATTTAATAGAAGCCATAAA
ATACTCCTAAACTGAGATTTTCAT

>Sequence 1343

AGGTACATTGCTTCTGTTCTCTGTCACTCTGTTTCTGTGCCAGAAGACAC
ATTGCTTCTCCTCATTCTCTTATGCAGTGTCTGTTAAGTGGTGGTCCACA
AATTGTTGCTGGATGGTGATGAGATCGATTAGGAGTTTATACCTCAATGT
AAATTAATGCACTTCTTCTCCTTAAGAATGTCTTGCCATGAAAATAT
CAGCATGCCTGTGGATGTCATTGATTTAAATGAGGGCACAAGTTCGGTAT
TTCCTTGCAAGATGGGTCCAGACTGTTTGCAGACTGGCCATGGTCTTGGG
CCACACTGGAAGAAGAACTGGGCTAAGTATTTTTTATGCCTGTGATTTAA
CTTCTCCAATAAACCGCAGCTCTTGTAGGATATGATGGTCGCTGTCAGGC
AAGGACTAGATT

>Sequence 1344

AGGTACGCGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTGCCTCAT
TTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGG
GAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTT
TTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCCTAAGAAGGAAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGAC
ATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTC
AACTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGA
CTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGC

>Sequence 1345

CCGGGCAGGACGCGGGGAAAGTCTCAGTAAAATACTGGCAAATAAATC
CAGCAGCACATCAAAAAGCTTATCCACCACAATCAAGTCGGCTTCATCCC
TGGGATGCAAAGCTCATTCAACATACCAAAATCAATAAATGGTAATCCCA
TAACATGAAACAGAAACCAATTGACCAAAAACCCACATGATTTATCTCAA
TTAGATTGCAGAAAAGGGCCTTCGAATAAAAATTCAAGCACCCCTTTCA
TGCTTAAAAACTTCTCAATAAAACCTAGGTTTTTTGATTGGGAACATTA

Table 3

253/1077

TTCTTCAAAGTTAATTAAGTAGGCTTATTTTTATTGACAAAACCCCCACA
AAGCCAAATTATCATTACTTCAGATGGNGGCAAAAAACCTGGGGAGACA
ATTTCCACTTTTGAAAAACCCGGGCATCAAAGAACAAAGGGATGGCCTG
TTCTTCTCAACTAACTTTTGAATTCAAACCATAATTTGTTTGAAAGT
TTCCTGGCC

>Sequence 1346

CCGGGCAGGTACAGCTAAACTCCACCGCAGAGCAAGCAAACCCAATCTGG
CACACAGCTTTTGGGGGTTTCCTCTCCTACTATGGCCCTAGCCCTGTGC
CCAGACATAGTGAAGGGTCAGTAATGTTGGCTACATTGATCTGCAAATCT
ACTACACCTCAGCCAAGCCAGTCTGTTGAACAAACATCCCCATAAAAC
CCACCGGATCTGCCCTAAAGCCCAAGAGCCTTGGCCCCCACCTATTGG
GAACATCTTTCCAAAAATACCACCACTTTCAAAGGAACCTCCCTGAGAAT
GGGGGTGGGAAGTCTAATGCATATATTTTGCTCTGCTATGTGTGAAGCAT
GGTATATCCACTACTTTATTCAGCCTTTG

>Sequence 1347

CCGGGCAGGTACATCCCAGCTGATTCAAGTATCTCCTTCTCTTTGAAAAC
CTCACAGAACTGCCCTATAACTTCTACTGACATCTCATCTCAATGGCTA
GATCAGTGCTATATAACAAAACCTTTCTGCAGTGATAGAAATGTTCTATAT
CTGAACTATCCAAGAAGGTAGCCTACTAACCCACTTATGACTGTTTAGCA
TTTAAATGTCACTTGTGGAACTGACAAAATCAACTTTTAATTTTACTTG
ATTTTAATAAATTTAAATTTAAATAGATACATGTGTCTAGTGGCTACCAC
AATAAATAGTGCAGGGCTAGACCTTAATCACATCACTACCCCATCTGCAA
GAAAAGCTGGAAAATGAAAGTTTGGAGCTAAACACGTTGCTACCCTCCAC
AAAATTATGTTTTTCTTAGTAAGGAAAAA

>Sequence 1348

CCGGCAGGTACTTGGTTCTCGTCCTCAGTTCTCTTTGCACTCTCTCTCTC
TTTACAGATATATGAAGTCAACTTGCCCTCTTCTGATGCCACCAATACTT
CCAGTGCTAACCTCTCATGTAAGTCTGAGACCCTTGCTAACTGCTCCCT
ACCTTCTCCACCTGCGGGTCTCATTCAACCTTCATTTCAAAGGTTCTAAA
ATGGAACCTATAATTTCTACTAAACTTGTCCTTTGCCAGAGCCCTTG
GGACCTAGCTAATATCCTCTGCCACTCCAGGTCTTGTTGGACCCACGTTT
CATCAACCAGTCATTTGTTGTCTGCTTAGTCCTGATGTTTATATTGCCTT
AATTCTTCTCACATCCATCTCCCTCCTTCCCATCCTCATCTCTTACCTAA
GCCATTAATTACCATGTTTATCCCACCTGCAAAGTCTCCTCCATTCACTTA
TTCTAAGCAAGGTTAAAAGTTCAAATCATCCTCCTATTGAGAAGTCTTTA
ACAGCTTTGCATGGCCTGCGATTAGTCCGTTTTACATTGCTATAAAGAA
CTACCCTGAGACTGCGTAATTTATAAAGAAAAGAAGTTAAATTGACTCAC
GGGTCTACATGGCTAGGGGAGGCCTCAGGAACTTATTAATCAAAGGGGA
AAGGCAAAGGGGGCAGCCAAGGACCATTTTATAATGGGGGCCCGGGGAG
AGAAAAAAGCAAAAGTTTTTTAGGGGGGGGGGGGGGGGTAAAAATTTTT
TTAGGCCCCCCCCCACAATATAAAA

>Sequence 1349

CCGGGCAGGTACTGAAACAGGAGGCTGATACAGGACTTGTGCTTAGCTGA
CTGAGCAGCCCATGAAGCAGTGACCCGTGGTCTTCTCCTCTATCCCTCCCT
ATACTCAACTCCTCTCAAAGTCTTTTGTCTATGTCATTTTCTCCCTTCA
CTTTTCTCATGCCTTCTCCTCCTCTGCTCTGCCTCTGCTATAAGCCTGTC
TGTGCAATCCAGGCTCACTGCAAGGTCTTCATGTTGGGACACCGAGCTAC
TAGGGTTTCTCATCTTTGACAGAGAAAAACGGGGATGATTGACATATAGCA
ACTTTAAACTGGGGCCTCCCCAAAGTCCAAATCTGAATGCTTTAAAAAC
AATGAAGAATCAAGTTAATGAGTCAAGTCTGTCTAA

>Sequence 1350

AGGTACTATGGATCCACTCAACCAGAATTTCTAGGGTCTGGATAATTTGC
ACATTATCAAGTCTCCTGGGTGATCTTATACAACCCAAGTTTGAGAAGCA
TCAATATAGGTCATAAGGAATTACTAAGCTTTAAGCAGATCAATTTTGTA
TTTTAGGGTGATTATTGTAATAGCAGTGTGAAAGCAGTGTTAATCTCCCC
CCAGTCTCTTCATACAGCCTATTTATAATAGCACACACACAAAATTCTG

Table 3

254/1077

CTATTTACCTGACAATTTTACAGCAGTGTGGAAAGTAAAAGAGGAGAGT
AGAAAGGTAGAAAGGACAGGTAGGGACAGTAAAGTGAAATGAGAAAGGAAT
AAACTAAGGCAGTGATTATGAGAAAAGATGGGGCTAAAGTCCAGAGACAT
TT

>Sequence 1351

AGGTACACACTTAATGGGTTTTCAAGAAGATGGGATTGTTTTTCTTGGC
CATATAATATAAATGTATAATAAATTTGCTCTCTTTGTAATTAATAA
GAGACAGTAGCTCAGCTAGGCCTTTTAAATGTCTATATAACCCAACACCA
CCATAAGTCCAGCTCAATTTTTTTGTGACCTGTTTTTCTCATGGGCTAGCT
CAAAGATTTTTTTTTTAAGGCAGCAGCAAGATGAGGTTTTAAAAAGGCT
TTGTTAGGGCAATTAGACATTTTCATTTTTCAAGCTGATTATAGCATTTA
TCACTTACATTGAAATTTAGTATTTGCATTTTGCCTCTACGCTTAGAATG
TTACCCAACAATATGGTCACCACACAAGTTGATTCACAGGGTGTGTTTGC
ACATTTCTCCAGTTTTTTGATTAAAGATA

>Sequence 1352

AGGTACTTTAGGCTGAGAAATAAATAGAAGGTGAGAAAAAAGAACAGTCT
TTATAGTCAGTAAGAGTGAAAAGAGAAAGATGGTAGTTGGGGAAAGACAG
ATGGGGAGAAAGGTTGGCTGGTTGTTAATAAAACAGTAGAGGATGAGCAT
GTATTATAAATGCTGGTGGGAAGAAACCTTGTGGCAAGGAGGGTGGTAGT
GTTGGAGAAGAAAGAGAGGATATAGTAGAAAGTTAAAGAGGAACTGGAAG
CAGGTGGGATCCAGGACATAGGAAGGGGATAGAGCCTTGGGCAGAGGTGA
GAACATCTGCAGGAGGGAAGGGAAGTTGATAGAAGGGAAAGGGTGTGCAA
AATGTGGGCAGGAAGGAAGTTTTGAGTTAAAGTTTCCATT

>Sequence 1353

AGGTCCTTTTTCTTTGGGTAGTTTTTTTTAAATATGGAGTTTATAGATTG
CATTTTAAAAATTGCCTATTGTTACTACATTCCTAAGCTCTTCAATATC
TCAAGGATACTGATACACCTATGGAATCCCTTGATATCTCCTTGCAGATT
CGCCCTCCTGTAGCTCCTCTCTTCCCTATGTTGCCCTCCTGCTTTACG
AGACTGATTGCTTTCCACATCACTGCACAGTGGACATTCTGGCATTGACT
TTCAATTGTCATCCTGCGTTGGAGACCATATATCTCTTTTTTCTTAGTTA
ATTCCCTCATTTTGCTTATCACACTGTCAGTAACTTTGTATAAAAGGACA
AATTAAGGTTAAAAATTTTTTGGAGTTTTTTTTTTGGCCCCAGCTTTTCT
ATATATATTTTTTTCATGC

>Sequence 1354

AGGTACAGGTTCTTTGAATGCAGTATTTATTCACATAGTTTTCATTTTCT
GTCCTGACAAAACTTGGTGATGTTTGAATGATTACAGAACAATAGGAT
TGTTGGTTTATGTTTCCTATTATGCATATTGGCAGTTGAATTATGACATT
AGAATGGAAACATGGTGAGAGGGGGCAGGATACGGGGTAGGAGGAGGGGA
GCAAGTTACAAAAGGCCCCAGTTCCGGGAAGCTGGGCTGAGTTGTTCTGT
TTAAGTTCTTCTTCTTTATTCCTATGGTTTTATGATTGCAAATTGGCAG
TGGCAGGGCAGCTCTGACTATATTTGCTAGAAGCAGATGTCCACATTAAT
TTAGATGTCTAGGGATTAATAATCATAGAGGGTGGCGCTAGGAAATATAG
AAAATGCCAATGAAAG

>Sequence 1355

AGGTACTATGGATCCACTCAACCAGAATTTCTAGGGTCTGGATAATTTGC
ACATTATCAAGTCTCCTGGGTGATCTTATACAACCCAAGTTTGAGAAGCA
TCAATATAGGTCATAAGGAATTACTAAGCTTTAAGCAGATCAATTTTGTA
TTTTAGGGTGATTATTGTAATAGCAGTGTGAAAGCAGTGTTAATCTCCCC
CCAGTCTCTTCATACAGCCTATTTATAATAGCACACACACAAAATTCTG
CTATTTACCTGACAATTTTACAGCAGTGTGGAAAGTAAAAGAGGAGAGT
AGAAAGGTAGAAAGGACAGGTAGGGACAGTAAAGTGAAATGAGAAAGGAAT
AAACTAAGGCA

>Sequence 1356

AGGTACGCGGGCGAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTT
TTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAG
AGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACCATGGCCTACATTGGATT

Table 3

255/1077

GTGAGGAAAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTT
GCCCCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGGAAGACCCTTGGAGAAGTCATCAA
TGCGTTGAAACAACTTGGCATGTTTCCTGTTTTGTGTGTGTAGCCTGTG
GAAAGCCCATTCGGAACAATGTTTTCACTTGGAGGATGGTGAACCCTAC
TGGGAGACTGATTATTATGCCCTCTTTG

>Sequence 1357

CCGGGCAGGTACTGACACAATATGAACTGGAGTTTAGAAGGAGAGGGTCT
CATTCTGAATGGTGAAATAGAACAATAACTGGCTACTGAAAAATAGAGT
TGGAATTTGTATGTGATTAGGTGTGAATATTTTGGGAAATTAGTTCTGAA
ATAGGCCATCTTCAGAGGAACTGATGTCCTTTGGAGGCTTATTGGTGAAG
GGAGAGAAGGAAGTAAATGAAGGTAAGTGTCGTTTAAACAAGATATCAAAG
AATCCAAAAATATCCTCCATAAAGGTGTGTGATTTTTTTAAAGGAAATCG
TGATTTATTTTACAAATAAAGCACTGTGCTCCTGAATGAAAAAACAGCC
CCCCTACACTTGTCCATAAGATTGTTTACTATTGTAACGTGAATAGTTTA
TACCACATGTGAAAAAAAATCCACACAAATTTACTCTCAAAACGTTTCT
TTGAACATACAAAAACACGCTAGGCCAGGTGCAGTGGCCAGTTCCTGTAA
TCCCAACACTGGAAGGCCCAGGCAAGAGGATTGCTTGAGCCTAAAAGTTC
AAGACCAACCTGGGCCACATAGGAAGACCCCATCTTTACAAATTATTTA
AAAATTAGCCGGGCATGGTAGCACATTCTTGTGGTCCCAGCTACTTTGAG
CAGGAGGATTGT

>Sequence 1358

CCGGGCAGGTACTTTATAATAGTGATAGATCTGTTTCATTGTGGATTTTT
TTTTGGTTAATCTTTATTACTATTCAGTAATATTATCTGTGACTAGAATT
ATTCTTCTGTAGAAAAACATCATTGTGTGATAAGGGATCAAATAGTTTTT
TTGAAAAAGACTTTTTAAAAATTTAGTTTTAAAAAATATAACTTAAAT
GTGTAGACATTTAATGCTTATCTTTCTCCATATTCCTGCTGATCTGATAT
GTATGTTTTAATTTATTCATTATCGAACATGTGTTAATCATTTAGAGGT
GATGGAGGTTTACAGAGTTGGAAAGGCATCATCATAGTCTAGACAATGAAAC
CCACATAATTAATGTATAACCCAATTATTGTTAGTTTAGCAAATAGG
ATTTCAAGAAGCCAGTGCATTTCTCGTGACATGTTACTGGAAATCAAATA
CTTCCCTCATGATGGATATCCTTTCTAACGGCCAGGAACAAGAAAAAGAT
GGGGTATATATATACCTATATATATATATTTTTTTGGTGGAGGGCTGATG
AAGTTTGCCTGTCACCCTGGCTAATGTGCAATGGTGCGATTTTAGCCTG
CTGCAATCATTGGCCTATAGTGTTCAAGAATATTTGGTGCTATAAACCGA
ACATGTGGGTAAGGATAACGGGCTCCTCCTCGCCTGGCGTAGGTAATTTT
TGGTGGATTATAGGAGTACCGGGTCAATTATTAGTATGCACCACGTAGT
ACAGTTTGATCGACTATC

>Sequence 1359

CCGGGCAGGTACCTTTCTATATTTAGATTCTATCTTTGTCAAGCAAGATG
ACTTGTTTGACAGGGCTCTGGTTTTTACCTCTGAAAAGCTACTCATCCA
CAGAGCTTGGGATTGAGGGGAGAGGAAAGGGGGAGGAGATCTGGCTTCTC
TCTCCAACCTCTGAACAGATTGGGATCAGAATAGGCCCTTTTACATCCCT
AGCCAAGATGCCTGGGCCTTGGCAGTTGTCCCAGGACATAGACAATGGGG
TCTGATGGCAGCTTCTCAGACCTGGCTTTCCTGGGCAAGAGGCTTTTCC
TGAGGCTGGCAATGCCATTTCTTCAAGACTCAGAAAAGGGATTTAGGGAGG
GGGAAATGGGGACTGCAATGAGGCAACTCTTGACAGCTTACCCTGGAAAA
CTAGGACACAGCTTGTGGGAGCCCCACCCAGCAGCTC

>Sequence 1360

CCGGGCAGGTACATGAGTCTCTTTTTTTTTAAGAATTTTAATTTTCCTAG
TTCCTTATCTTTTTAATGATTATTCTTTAAGTGGACATTTAAGACATGAG
CTTTTAAGAGCAGCTGAAAATTATTGGTGTTTACTATGGGTTTTATCCAT
TTGTATACTGTTTTTTTTTCTCAGCTATCTTCAAAATAGCCATAGGAGGT
AGATTCCATTATTATTTTACTCTAAAAAGAGAAAAGTGAATTTTAAAGTG
TTAAAGTGGCAGGACCAAGATGAAGATACGAGGTGAAAGTAAGTAAAGGT
TGTTAGCATAACAATTCAACCAAGATGCAATTGAAACAATATGTCTTTG
CTGTCATGTCTAGACAATGAGATGGCCAGATTGCAGGCAGCATATTTGCA

Table 3

256/1077

GTGACTCTCCAAGGCCTGCAAGGTTAGAGCTGGTCTAGGTAGATGTTTGC
AGCTGGAAGTGGGAAAACATCCAGGCAAGCAGGGGGTTAATCCTGGTATT
CTTGCAAAAGTTCAGATCCATGGTATGAAGGCAGTATGAAAAGATATGGG
CAAGGATAGTGGCCCCAGAAAGGCTTAACAATTGTTTACAGGGCCCCAGTC
ATGGCAACTGTAACCTC

>Sequence 1361

CCGGGCAGGTACCATGGTGCCTTATACCTACCAGGTATCCAGTAAACAGC
AATGGCTGGTTGACTGGTTGGTTGGTGTGTATCAGAAGGTGAGGAGACGG
GTCAAAAGTCCCTCCACTTAAAAAAAACCTTTTTATTTTGAATATTAG
AGTTACAGGACAGCTGCAAAGATAATGCAAAGGTTTCCTATACAGCCTCA
CCTCCACCTTTGAAAATTGGTGATGGTAGAAGAAAAATAACCCTGAACCA
GTGTGCCCTTGGGCAGGTCACACCACCTTAGCAGGCTCCAGTTTTATCAC
TGAAAGCAAGATAACAGGGTTCGCCTCACTGTCTTAGTCAGCTTGAAGT
CTATAACAAAATACCATAGCTGGGCACGGTGGCTCGCCTCGCGGCGCCCC
CGTACCT

>Sequence 1362

AGGTACTGAGGTGGGTCTAGAGGATTAGTCTGTGAATTGCAGCCTGGATT
CTGCAGTTGTGGGTCTGCCTGGTGCTGAGTTTACTGTGGTGGACTCAG
TGTTGGGATCCAGCGGAAAATCCTGTGCTTACTTTCCTCTCTTCCTGCCA
AGTGGAGAGTATGTCTTTTCATGCTCTGCTGCCTGGAATTGGAAGAGG
TGATTTGGATAATGTAAACTGCCCTTCCTATCCTCTTCAACGTATCTTT
TATTATTATTGTGCTACAACCAGACACTGTGATCTTTCATCTGGTTTTCT
TAGATGTTGTAGAGATATTGTGTGCATGGACCAGGTATGGTGGCTCATGC
CTGTAATCCCATTTTGGGAGGCCAAGGCGGGAGGATTGTTTG

>Sequence 1363

CCGGGCAGGTACATTTTAATCCCATTAGTAGATATGTGGTGAATATCATT
TTTCTATTTTGCATATGCTTTATGTAAGATTATATAACTACAGATTTTAG
TGACTTAAGGAAAAGAAAAGGGGAAACACTAAAAAGAAAGGCCTTAAAGTC
AGAAGACCTGGTTTTAAATTCCAGTCCCTCCATGTGAGGTCCTCAATTC
CTCCTTTATAAAACACAGATGAAAATGAGATGTCTTCAAGTCTACAGTG
GATCTGAAGGGAGGGCTATTATTTTCTGTGAGACGAAAAAGAATGTCAT
GACATGGCCATGAATCCGCACAAAACAAAGCGCTGTGTGTACATGGGGGA
CATTGCGCAGTCTCACAAAGAAAATTCCACTTAAAGGGCTTAAAAA

>Sequence 1364

GCCGAGGAACTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACACAGACAC
AGTCTCCCTCTGTGCGCCAGGTTGGAGTGCAGTGCCACAGTCTTGACTCA
CTGCAACCTCCACCTCCTGGGTTCAAGCGATTCTTGTGCTTCAGCCTCC
AAGTAGCTGGGATTACAGGCATGCACCACTGCGCCAGCCTGCTTCACAT
TTCTTTATGGGATCTTTATTTTCAGTGTTGATGAATTGCAAGAGGATGTG
CTCATGGGCGGGGCCCTTCCTTCATCCTCTTCTGGGGTGAGCTGGTTCCA
ACTGAGCCTTACCTGCCTCAGCAAGGGCCTGCTCTTCCTTTCCTTGGGTT
GCTTTCCAGTCCTGGACTTCACAGACCTGTCTTCTCCCTCCTTCAACT
CTGTTTGCATATGTTT

>Sequence 1365

AGGTACATTTTCTTTTGGGTAGTTTTTCTTAAATATGGAGTTTTAGATTG
CATTTTAAAAATTGCCATTGTTACTACATTCCTAAGCTCTTCAATATC
TCAAGGATACTGATACACCTATGGAATCCCTTGATATTCTCCTTGCAGAT
TCGCCCCCTCTGTTAGCTCCTCTTTTCCCTATGTTGCCCTTCTGGCTT
TACGAGACTGATTGCTTTTTCACATCACTGCACAGTGGACAATTCTGGCAT
TGACCTTTAATTGGCATCCCTGCGTTGGAAAACCATATATCTTTTTTTTT
TCTTAATTTAATTCCCCTCATTTTTGCTTTATCACACTTGTCAGTAAACT
TTTGTATAAAAGGGACAAAATTAAAGGTTTAAAAATTTTTTGGGAGTT
TTTTTTTTTTGGGCCCCCAGCTTTTTTTTTATAT

>Sequence 1366

CCGGGCAGGTACGTGCCACCATGCCTAGCTAATTTCTTTCTTATTTTTGA
TAGACACAGGGTGTCACTGTGTTGCTCAAGCTAATTTCAAACCTGTTTATC

Table 3

257/1077

TGAAGCAATGTCCCTGCCTCAGCCTCTCAAAGCGGTGGAATTATAGGCAT
GAGCCAGAGCTCTATTATTCTAAGCTGCGGGCTGAATTAGTTGGATACAA
TAGTGATGACTGTATTCAGGGCAAAGAAGAAAGTAATTGCAGAATTATTC
AATAAAATTTTATGAAGGGTCTCATACAGAGATATCATGATTAAAGAGAT
GGAGAATTATCTTTACTATTAGTGACCTTGGCGTTTTTCCAAGGCTTGA
AAGGCATCT
>Sequence 1367
CCGGGCAGGTACCACATTGTTTGGATCGCCATAGCTTTGGACTAAACTTC
CCCATTAAACTTTTTCAAACTTGCCTAGTATATTGTGCAGGCCGGGCAT
GGTGGCTCGCGCTGTGATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGTGGATGGA
TCGCCTGAGATCGGGAGTTCGAGACCAGCCTGGATAGCATGGCGAAACCC
CATCTCTACTAAAAATCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTAGCTG
GCTGTGGTGATAGGAACTGTGATCTCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGCAG
TGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGATAGCACCAGCCTGGG
CAACGGAGCGAGACTCTGTCTCAAAAAACAGAAAA
>Sequence 1368
AGGTACAAAAGGATCCGCTACTGTGTGCCTTTCTCTAGCTAGCTCATTTT
ATTCTTGTTATGCATTTCCAGACAATGCATGCTGAGGGCCTACTATGCA
TGAGACACTGTCTAGGAACAGAGGTGGTTCCTGGTGGCCCTACTACGT
CATTATCATTGTGGATTTTGGATTGCAGAATATTGAACTGACACATTTTT
TGATGGCACATGTCTTGAGGGAGAGACTGCAGTAGGGCAGGTGAATCTTT
GCCACCTGTGCAGACCCTAATGTTTGCCACAATGTTTCGTATTTGGTTGAC
AGCTGATCGTGAGATTTGTCCTGGACATTCAGGAGAACTGGGTTATGTA
GCCTCTGGACTTTTAAAATGAGATGGCCAGTGGCGGATCCTTTTTTTCCT
TGAGAAA
>Sequence 1369
AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCAGTTTTTATTTATTTATTTATTTTGCTTAGGA
TAGTATTATTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATTCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCCAGATCACCTGAGGTCAAGAGGTTCAAGATCCAGCCTGG
TCAACATGGTTGAAACCCCTGTCTCCAATTAATA
>Sequence 1370
AGGTACTAGACCTCCCTGTCTCATTCTCATTGAAACATTTTCTTTTGGCT
TTCATAAACCTTTTCCAGACCAATCTTCCCTCCTCCTTCTACTTGCTCCTTA
AATGTCAATGTTTTCCAGGGTTCCTTCCCTACATTTTGTCTCATTCTCTCA
TCCAACCCTCATTGCTCTTGACTAAAATTTGACCCTCTCAGAATCAAGA
GGAGTTTGAGATCCTCTTTGCTACCCACACTTGTTTTCAAACCATTACTT
CCCCTCATCTTAAAAAGCCCTCTGGGCTGGGCACAGTGGCTCAACACTTT
GGGAGGCCAAGGTGGCAGATCACTTGAGGCCAGGAGTTTGAGACAAGCCT
GGGTGACAGAGCAAGATTCTGTCTCAAAAAAAAAACAAAAACAAAAACCT
TTGTTTCTTT
>Sequence 1371
AGGTACCTTCCTCCTTAAATCCACATTCCACATGAGTTTGTCTCTTTTT
AGATGTATATTTGGGAAGTTGCTCCTTGCTGACAATCCTTGAAAAGTGCC
CAGTTCTCAGGACCCAGTTGAAATAATTTCCGCCTGGGGCTGGGCGCGGC
GGCTCACGCCTGTAATCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCGGGCGGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAAACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAACTTAGCCGGGCGTGGTGGGCGGGTGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGG
CGGAGCTTGACAGTGAGCCCAGATCTCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGA
CAGAAGGAG
>Sequence 1372
CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATGATAGATTGAG

Table 3

258/1077

GGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCC
GCCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCAT
CCGGCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCAATT
GCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCAAAAC
CAACAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGAGAGAT
AAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAGTAACAAAGAATGAGTGCTATG
GCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGAT

>Sequence 1373

AGGTACCGGAATTGACGGAGGCTTTTGTGCTATTGTGCGGATCTGGAAGCAG
GTGGAGGGTTATGGGAAGGATGTAAGTCACTGGATATATCTTCATATGCA
CCGCGAAACCATAGAAATACAGCTGCACACGCGACGAGTCTTTTCTTTATC
AAGTAGAGGACCATCAGGACCAGGGAGGCGACAATAGAGTCCGCATTACC
GCGGCTGGATACTGCCATAGGCAGGGGGTTAAGAAGCCAAAAGACACAGT
AGCCACAAGCCTGGCGGCGCCCCAGCCCCTTCAGCAGCAGCAGGCGGTAT
AAGAGGAAAGCGGTGAGGAGGTTCGAGCTGATGAAGAGAACTTTCCAAA
GAGCTCGCTGAGGTAGAAGTTGGGAGTGAGGAGCCAACCCAGCAGCGGGG
TGTAACGGTACCTGCCCCGGGCGGCCGC

>Sequence 1374

AGGTACACAAGTAGAACTGTAAAACCGTGTGGCTTCCAAGTCTCTAAT
AACTTTAAGATTCACAGTCTTCAACTTTCTTACAGTGGAAGCCATGGGGG
CATTGCTCTGTGCCTTCTCTCTCATTCCTCATAATGAGAAAAGATGTTA
AGCTTCACTGTACGTAAGTCCAGTGAACGTCTTCTTCTGATACTCATAA
GGGCCATAAATAGAGAGACTAAGGGCACGAGGTGGGAGTTATTCACCATG
CGTTGACTAAACTAAGATACCTCCATAAGTTTTGTCTTCTGCAAATTATC
TCTAAACTGCGGATGTCTCTCGGGTGCTCCTATGTGCTTCCGATTCTTCC
TTCTCTTAATTATATCTCTACGGCTTATCTGATTGTATTTATGTCCTACA
TTCTTTCTTAATAAATACCTGGATATTTTTATTAATGAACAAAATTACG
CAAATGAATTTTATATCTTTATTTCTGTTCTCTCACTTTTACTCTACCT
CTTTATATACACTACTGACGAATTTCTCCTACACCGATAATTACTTTTTC
TCTTCCTCATTCTGTTATACCTATCGTCTTACTTTATAAATTCCCTATTTT
ATACATTATTCAATTCTTGACATTATTCATATTAGTTTNTCAATCACTCTC
ATTGTCACTTTGTTTCTCGGTTTCGTAGACATTGACCCTACACGGCTATTA
GCTTTACATCTTTTCTCTCACTAATATCTATCTTTATTTTCTTTCTTAT
ATATTACTCACATAGTATATTATTCAATATGTTTCGTTTTAACCTCCTTT
TGTAAGATTTTGTGTATATTCAACTGTCATTCTCTTATTCTCTAAATTCTT
ACTTCACACTACTTTTCGCGATTAGTTGTATTTCGATCACCTACTCACTCTC
ATATACCTCCTATG

>Sequence 1375

CCGGGCAGGTACATATATTAGAACGATATTTTTATATGCAAGAAAACCGA
GACTGAGAGAGGTTAATAAACCGGTTTGAAAGCACATAACTGGTAAGTGG
CAGCTCAGGATTCAAGAGGGGCCATGTTCTTTCTGCTACATAACACTGCT
TTAAGTCCTCATTATCCATGGGATTGAAAAAGTGAAAAATAGATCCTTTA
AATTACTCTCCACACTCCTCCACCCATAAATTTTTTTTTTTTTTTTGTG
AGATGGAGTTTGTCTTTGTTGCCAGTCTGGAGTGCAATGACACGATCT
CAGCTCACTGCGACCTTCACCTCCTGGTTTCACGCGATTCTCCTGCTTCA
GCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAGGTGCCCCAC

>Sequence 1376

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCC
TGTTGCTGAGTCTGTTGGGTGGGGAGCATAGGAAAATGGGGCAAGTGCT
TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCTCCTCTGCTCAACTTCTGA
GCTGGTGTGAGGTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGAAGT
CTGGCCAATTCCTTTAAACCCCTGGCCTTTTACCATGCCCGGGATGCTTAT

>Sequence 1377

Table 3

259/1077

AGGTACAGTGACAACAGTAAGGCCAGAAATCCAGTTTGAATCAATATGT
TGTTTTCAAAATGACTGATTATAATCAAAATATTTCAAAAAATTGATTC
TAATGTAGCTAACTAAGATTCTAGAGGATGTTAAGAAGTCTTTTTTTCT
TTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTGGAAAGAGGTGTCTTTGGCTTTAGTACGC
CCAGGCCTGGAGTTGCCGGTGGCTCCAATTCTCAGGCTCAACTGCAACCC
TCCCGCCATCCTGGGTTTGCAAGCAATTTCTCCTGGCCTTCAGCCCTTC
CCAAGTTAGCTTGGGGATTTCAGGCAATGTTGCCAACCAACAAACCCAGC
CTGATTTTTTGTATTTTTTAGTTATGAGAACAGGGGTTTCAACCATGTT
TGGCCCAGGCCTGGTCCTTGAACCTCCTGAACCTCAGGTTGATTCTGCCC
CGGCCTTTAGCCTCCCAAAGTGCCTGAGAATTACAGGCAATTAG

>Sequence 1378

AGGTACCGCAGTGCCTGAGTCAGGTATCCATTTGCATTGTGAAAGGAGCC
TGAGGTGTGAAACAGTTCTGGGTTCTTTGCGCACCCAGCTGGCTGGCTTC
CTGTGAACTGGCTGCATTTAGATTTCATTCTCTAGCCAGAAGCTGAAAG
GCAGGAGCCCTTTGAAGAGATACAGGGAAGCAAAGAGGGTTATCCAGATG
AGAAGGAAGGGAAAGGGGGCGTGACAACTCCTTGGAGGGAATTTCCCCAG
TGGAAGTGCCTCTGGAGGAGCTTACACAGGGCACATCAATGGGAAACCA
CGTCTGGTCTGCTCGGAAGCCCTGGGGGGCCTCTTGCAACATGCAGGCA
GGCTCCCCAACTCAACCCTCTCTCTCTACCAGAAGCGCATGGACTGGGC
CTGCTTCCCCCTTCT

>Sequence 1379

CCGGGCAGGTACACACACACGTGCACAAATACACAGCTAAAGAGGGGGAA
TTCATCAATGGCCTTCTGAAATACTTCGCACACCAAGAGGAAAGAAGAGG
CAGCCACAGCAAGGCAATGTATCTTCTCTGCCTTCTCTGAAGTTTGCT
CCCAAATCTGAAGGCTGACCTTGAGGAGGGCCAACCTCAAGGCTGTTTGT
GAAACCCAGGGAGGCATTCTGGGGGAAAGACAGGGCTCATAATTAGTGTT
CAGTGGGTCTCTTTCAAAGTCCAGGCCACAGAGGCAGTGTGGGGCCGGGC
ACTGGTTCTGCCCTTTTCCCCACTGATTGTAAACAACCGAGCACTGCGCG
TAGTGTACAGACCAGCTGCTGTAAAGTCTATTAACCTTAATTTCAAACN

>Sequence 1380

CCGGGCAGGTACATTATTTGCCTAATTACCTATGTCGTTGAGTCATTGAG
AAAATTAATGAAATGATCAGAACTCATCTTAATGACAGAGGAGACTCTC
CAACATAATGCAAAGAAGATATAATCCACTGATAAATAATTTTAAGGTG
ACTTTTATTTTTTTTTTAACCGGGAAGTATTTGTGGTTTTTTTGAATTGGC
ATTTGTAAATAAATACCCACATAAGGGGTTTCCTTTTACACATTTAATTA
TTTGAGGGGGGGTAATAGAACATATATCAGAAATATTGGCGTGGGGCTGG
ATTTGCATTATATGTGATATTTTACCAGAAGGGGAAAGAAATGGGATTTT
TTTTTGTGGTGGTGGTGTGAAGAATGGTTCTCTTCTGTTCACTCA
GGGCTTGGAAGCGCAATTGGTTGGCGAACCTTCGGGTTCACTTGGCAGCC
CTTCTGGCG

>Sequence 1381

AGGTACCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTCCGTCTCCAA
AAAAAATTTGCTTGTATATTATTTTGAATCAAGTTAAATTGAATAGA
CAGCCACACATGGGAAGAGAATGTTTTTAAACCATATCTCAGGTTAGGG
GGTTAATCCCAATAATTTTGTAAAGGAACCTCAAAACCCAGAAATTGAGAAAA
CAATGCTTTACTAAAAAAATAAAGTAAAGGGAGTTGGAATTAGGAACAT
TTTTCTTAAAAAAACATGAACATTACAATAAAGGGCCCAGGATTTTTTTT
ATTCAAAAAACATGGTTTGGATTAAACATAAAAAACATTTCAAACAATTT
TTCCTTAAATTTAATTTTCAGGAAGTAAATTAAGGAATTGGTTCCAAATA
AACACCTTGTGAAAGAAATTATTTTAATTCTTTACCCAAAGGAAAGGTT
TTACCCCTTGGGAGGGGGTTTAATTTTAATTAAAAAAAG

>Sequence 1382

CCGGGCAGGTACCTAAGATAGAGCTGTTAGAATTTAGATAGACATTAGAT
AGACAGTGAATAATTTTAGTCTACAGTTGAAACTGTAACAATATTGGTA
TTGTTCTCAACTACCCCTGGTCTAGTTAAGGGCTTTCAAGTATGTGTTTG
GACCCAGTATTTTCATGTCCACCATCTAGATAGTCCTTGGTCTATTTCCC

Table 3

260/1077

ACCCCATGTGCTTTCTGGTGGGATGATCACATCTGCACCTCTAGTCCCCA
AGCTGTTCTGAGCTCTGTGTCCTCACTGTCTCCACATGGAGTGTCCCT
TCCACCTCAAACCTTGACAAGGGATTGTGTTTCCACACCACCTGCTCCT
CCTGGATTCCAGCCAGTCTGTCCTTCCTTTTCTGGGTGG

>Sequence 1383

CCGGGCAGGTACAGTGACGTGATCCCGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCC
GGGTTCAAGCGATTCTTCTGCCTCAGTTTCCCGAGTAGCTGGGACTACAG
GCATGTGCCACCATGCCCGGCTAATTTTTTATTTTAGTAGAGGTAAGGT
TTCATCATATTGACCAGGCTGGTCTCGACCTCCTGACCTCATATCCACCC
ACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCAACGCACCTG
GCCTAAAAAATAGATTTTTAAAGAGCTGTTTTAGGCCCACAGCATCTGA
TTCCATTGTAAGCCTGATTTTCCAGTCTGCTCTGAAGCGGAACCAGGTA
ACTCTAATATGACTTTTAAATAAATGCATGCTAACAGGCCAAAAATAGAT
GTTGCTTTTGAAGCTAAAATTTGTTTACGTCTCCCTTCTAGACTGAAAG
CTTCACAAGGGCAGGGTTGCAATCTGTTTTAGTTACCCCTGAATCCCCAG
AGTTCACCTGTGCCTGGCACACAAGCACTCAGTATTGATGAATGAATCA
AAGTAGCAAGGAATTTTTTGTCAAAGACTCATGTTGCATAGCCTTCAAGA
GTACCT

>Sequence 1384

CCGGGCAGGTACTTGGAATACCTCTTTCCTCTAGAATACAGTGATCCTAT
TCCCCAAAGTGCAAGCTTTCATGTGGAAGCATCCTAAGTGATCGTCTGG
GTGATGCCATATTTCACTAAAGTGGGAAAAGAAGAGGTGAACCTTGCTCT
TTCAACAAGGCTTGCACTTTATACTTTGGGCAGTGCATGGGAGAAGGGGG
GCCCTTAGAGGTGAGCAGGATCACTGTAGCTAGAGGAGAGGTCTCACTGA
AACAGAACGCATCTGTGACTGTAGCTTGCATGGAGAGCCTAGACAGCCAA
CCATGGATTTGCCTTTATGTTTTGAATGGAAACATCTATTTCAATTGGGA
TAGAAACCTTTACCTATGTCATATCTGTAAGAGAATTTAGCTTATAGATA
TGTAAGATACGTGTGTGTGTGCTGGGTGGGGAG

>Sequence 1385

CCGGCCAGGTCCCGAAGGAAGGCCAGGTGCAGTGGCTCACGCCCAGCACT
TTGGGAGGCTGAGGTGGGAGGATCCCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGGTTAC
AGTGAGCTATGATAGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGATTTTGT
CTTAAAAAAGTTGATATGAGTTTTATTTCTGTCCGTTTGA
AATATTTGTAATATCCCTGCATTCTCTGTCGTCTGCCTTTTCCACACA
ATGTCCTTTGCTTTTATGTTTGTATCTTCTTTTCTGTTCACTCAGAGG
TCATCAATTTCTTTCTTCCGTCCTTAATTGGATTATTTTCTTTTGCC
TTTGGGCACAGAGTCTGACCTTTGGACCA

>Sequence 1386

AGGTACCAGCCGTAAGCATACAAAGATTCAAGGTTAAAAAATCCTCTC
TTCATTCAAAAAGTTCAGCGTCTAGTAGGATGAATAAATGAATGAATGAA
TAAACCAAGTGAAACACTGCCAAGTGCTATTGTTTAGATCTAACCAAGCC
TGCAGAGGGAACAGTGGACTCTACCTGGGAAGATTAAGAAGATCTTACCC
AAGTGGGGACAGGGAACAAGGTCTCAAGGTGTGAGATGTCTTCCAGGTGA
AGAAGCGAGAGAGGGCCATTCTAGGCAAGGAGAACCCCAGAGATGGGTCA
AACAAGAGGTTGGAAGTAAGTAGGAAAAAATAGTGAAGGGTGAAAAGATA
TCTGTCATTTTAAAATATTAATAAAAGACAGATTATGTTGGATTGAGAAA
TGGGTGACAGTTTAAAGATGTCGGGCAGGAAGTGTACGCTCCTCTTTTAA
AAACATGAAGTGCCTGTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAAA
ACGGCGTGAACCCGGGAAGCGGAGCTTGCAGTGAGCCGAGATTGCGCCAC
TGCAGTCCGATTTCCACCTGGGCGACAGAACGAGACTTCCTTTTAAAAA
AAAATAAAAAGAAAAAGTCCCTGCCCGGGCGGGTCGTTTATGAAATAGTG
GAATCCCTGGCCTGGCAGGAATTTCAATTAAGGCTTATTTTATCCCGT
GCCCCCTCGAGGGGGGGCCCCCGGAACCCCAACTTTTGTGTCCCATTTAA
GGAGAGGTTAATTTGCCCTTCTGTGCTGTAACCGGTAAAGCTGTGTAC
TGTGAAAAAGGTTTTATCGATCTAATTTCTGACCGTATTATCTATTGGA
GTGCATACGTGGAAAAG

Table 3

261/1077

>Sequence 1387

CCGGGCAGGTACATCTGGCAAGGGGCACTTTTACTCTGATGTCGGGTGTT
TTAGGGATATGAGTTCAGTGAATAAGTAGCTAGAGGGAGGAGCTAGTTAG
GTCTTGATTTTAGGCAAATGCTAAATCTACCTCATTTTCCATACCTGTCT
TTTGATTGGGATAGCTAAAGAATTTATACCAGATGAACCAAGCAAGCCAC
CTTCTTACGACATTAATTTTGGTGGACCAAGCCCCAGTAGAAGCGCTGG
GGCCCAGCACGGCCAGGCTCTCACCTTTTAGAGCAGCACCCCCGACTAAT
CCAGCGAATGGAATCTGGCTATGAAAGCAGTGAGAGGAACAGCAGCAGCC
CTGTCAGCCTGGATGCATCCCTGCCTGAGAGCTCAA

>Sequence 1388

AGGTACTCCTTTTATAAACTTGGAGTTGATGTAAAGGCACAGACAACAC
AAGTTACCTTAATAATAAATGCACTTTTCTTTGTAATTTTGGGTAATTCA
GTGTGATTTGTAATTTCTTTTAAAAGACACACAATCACTTGTATTTTGCA
TGGTTCCTTTTTTCTAATTTCCCACTATAGTGAAATATCTGTTTTTCCT
TCTCTATTGGGTTTGGATTGGAATGATCAGGTAGAATTAATGTAAAATA
ACAAAAGGAAAATACTTTATAGATCTTCTCAAATACTTTGAAGGGTATA
ATCTCTTTAAGATGGCTTTATTCATATTTAAGCCAAAAACAAAAGCAAC
CAAAACACTACTGTTTATACAAAAAGCAGCTTA

>Sequence 1389

ACGTACAAGGCTTCCTGGTTTTTTCCCATATGCCTGAAACTGTACATCATT
AAACACTGGAGAGAAAAAGGCTATTCACGTATCTGCCTAGTCCCTGTTGT
GATTTGCTTTTACAACCCCTGCTCAGAACATACACAATACACCCATTGA
AAATCTCCACGAAGGAGCTACATCGCACAGCAATTAGTGTTACTTTAAC
ACATTTAATACAACCGTTATTCCTCCAGCCCCGGAACAACTCATGGTACG
TCTGTGAACCATGCATGTAGGGAGCATTGTAGACACTGCGTGGTTGACCC
TCATGATCCACTCCAAATCTCTCCCACTGAGTAGAAACACAGGTAGAAGC
TTGGGGGAGTTAATTCATCTGCTTGCCACCTGAAAAATAAATATATGACA
AATGAATGG

>Sequence 1390

AGGTACGTGAAAGCGCTTTGAAGATCACAAACCCATTTAGAAATAGGTGG
GTTGCTCTTCTCAAATCTTTGAAAGCTGTCTACTACTATAAATTCATTC
ATTCATATCTTTCCCTCATTCCTTTTCAGTTTTTTAAAAATGTATCTATC
CAACTTACATGTAAGCACTTTGCAAACACTCACTCATTTACTATGAATAA
CAATCCTACTATATTCACAATTATCATTTCCCCGCTTTACAGAAGAGGAA
ACTGAGGCACAGAGATTAGACAGTGTAGGCAGGATTCAAACCTCAGGTGGT
CTGGCTCTACTGTCTTGCTCTTAACCTAGGCCACCTACAGTTATCCAG
GTT

>Sequence 1391

AGGTACCAATAATTTTATGCCCTCATCGAGTTACTTTAATTGATTTTTTA
TTGATTTATTCAATCAATCAATCAACATGTTTATTAAGTGCTTATTGTGT
TAAAGGCAATGAGTGGAAGTAGCTGAAAAATACCCTTAAACATATTTGAA
CTGCCTTGGGCCACATTCTATCTCTTGAAGTGTGCTGGGTCTCAAAGGTA
TGGCATGTTTCTCATAATGAAGTTAAGTAGATTAAGGGATTTCTGTTACA
GTTAACTTTTAGCCTTCAGAAGATTTGACTATGATTAAATGGGTGAGCAG
TATAAATTCTGGAAGGCAGAACTGCATAGTAAAGAATAAAAACTCTGGTA
TCAGAGACAACCTGGGTTTGAGTCCTCGGTTTGCTATTTGGATGTAACCTC
AGGTAAAACATTTATCTTTTTTAAGCACCGATTTCTCTGT

>Sequence 1392

CCGGGCAGGACCCAGAGGACACAGTTGAAATGAGGCACAATTAGGAAAAA
CTAGGCTGTTTAAATATCCATATTGAGTAGCTTTGCAAGTTACTTTCACAA
ACTTCCCTACAGAATTGGTTCTAACAGAACTGTTCAAGGCCAAGGATTTG
TTTTTTCTGGGTCTGGGGGAGTCATCTTTATAATTTTAAATATTCCATTAG
AATGCCTTGACGCTAGAAGGAGGTCCATCTCAATCACATCAATAAATTG
ATCCCAACCTTTATAAAAAATAAGCTTGGATAGAAAGGAAAAATCCGAAGAC
TAAGGTAGTCTGGTAGAATACTAGAAGGAGACATCTTTTAAGAGGAGGAC
AAGAAAAGGCATGAAAACAGAGAACATGGTCTACACAAGGCAACTGGCT

Table 3

262/1077

TCAGTGCTACCCTACAATTCTTATTG

>Sequence 1393

CCGGGCAGGTACAAATCTAAAACACAAACATTACTCTTTACAAAACAAAA
TTGTTGATTAATAATTATCTTTTCATAACTATCTCATAACTTTATGACT
ACAGGCCCACCATTTAACAACCTTCACATAAACTAACATGTGCT
TTTAATGCTGACCTTAGTTTAAAAAGCCTGCCAGTATGGAATGACATTCA
AATAAAATAAAACCAAATTTAAAAAGAACAGAAATGCAAACTCAACAATA
TTCCCATCTTTTGAATCCTGACAATGTAGAAGTCAAATTCATAATCATCC
TAAAAACCAAGGAGTCATACGACCACAGTATGTCTCTTTAGTCTAGGAA
TAATGCAACAGCAGAAGTTACTCAATGAGGCTTTACAGGAAAGGATCAT
AT

>Sequence 1394

AGGTACCTGCTCCCTTCACTGAGTGCTTCCTGTGTGCCTGGCACCATTGC
TCAGGGCTTTACATGGACTTACTCATTTCATTTTCACTGCAGCCTAGAGC
GTAAGTAAGTATTTGCTTTATCCCCATCTTATAGATGAGGCATTTGATTC
TCAAAAAGGTTTCATAGCTTGCCCATGTTCTAGCAGCTAGTAAAAGGAGA
AGCCAGAGTTTTCATTTAGGTGGGAGTCTCAACCTGCTTTCTTAACGTC
TGTGATCTGCATCTGGCATGAGAGTTTGTCTTAATGTAAATGCACATGT
AATAGCATTATTCACATTGCCTGAGACTGTGGAAGCTCCTTTGGCAACCA
GATGCCACAGGGGACTCATTTTCATGCTTTTAGAAGACTT

>Sequence 1395

GGGAATTTGACCCGAATCGCATACTTAGGGCGATTTGAGCTAACCTCGGT
GGCGGCCGAGGTACAATGTCACTAGGCTCACATTTAAAGATATAAATTAT
AACCAAACCTCCATACTTGTTCTTGAAGCACCTCAGCCAGTGAGGGACCT
TCTGTGTGATGAGTTTTCCCTCTCTCAACACCTATACACACACAGACACC
AAAAGCTCCTGGACCACCAAAAAACAGTTTGACTCTGAAAGTCATCTCA
ATAGAGGTGCCACTAACACTTCATAGCATGGAGAGGCAAGAGTGACCCAC
ACACACTCCTTGCTGTTAGAAAAGTGTGTCGCGTGTATGTGCGCATGCCT
GCTCATTTAGGAAGAAGGTGGCTTCAAGGAGGAGTAGGGAGGGAAAGGCA
TTGCAGGCAGAGAGAACAGCAGGCACCGCCTAAGGATGCTGTGTACATG
AGAGGACACCGAGTGGTCAGTGATGGCTAGTGTG

>Sequence 1396

CCGGGCAGGTACCTAGCTCTGGGCCGTTTTGCCATATTTGGTCAGAAGCG
ACCCTGCCAGATTCATCTCAGGGGACTCCAGTGGATTTTCTGCAGCCAAT
CTGAATTACTCCAACCATGTGCTCTTAATTTATTCGTATTGTAAATCATG
GTCTTCAGATTAGGAGAGTTAAATGAAACCAAAACAAAAAAGTATGCAC
ATACATGCATGCACACACAGACTTCTATAAAACATCTAGGGTCTTTCTGT
CACTTTCTTTGCTGATCAGGGCCCTCAGAGATCATGAGCTAAATCCTAGA
TTGTAATTTGTGCATTTTCAGAACTTAGAGTGTGACAAATACTGAACAAAT
AAAGAGGGATGAGGACCTTATTGTATTGAGTATGAGTCATAAACCTGGGT
GAAAATACAAA

>Sequence 1397

AGGTACTCCAGCCAGGGCAAGAGAGCGAGACCCTGTCTCAATAAATAAAT
AAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAAGTTGATTAAGAAA
GGAAGTATAGGCCAGGCACAGTGGCTCACACCTGTAATCCTTGCATTTTG
GAAGGCTGAGGCAGGAGGATCACTTTAGGCCTGGTGTGTTCAAGACCAGC
CTGGTCAACATAGTGAGACACTGTCTCTACCAAAAAAAGGAAGGAAGGGA
CACATATCAAACGTAAACAAATTAGAAATGTAATTATGTTCTAAGTGCC
TCCAAGTTCAAACCTTATTGGNAATGTTGAGAGGTGTGGTTACGAAATTA
CGTTAGGGAGGACAAAAGGAATGT

>Sequence 1398

CCGGGCATGTACCTGGAGACCATTAACTGGACCAACTTTATAGAAAAAAA
AATACAACCTTATATTTAGTCTTCTGAACAGTGTTAGTATTTCTCAGATG
TGCTGGTTTATCATTTAGGTATTGGGAAATTGAAAAGGAAGAATACCTAT
TACTTAAGTTTTGGGGAAAATTGAAAATTGAAGAAATGGAAAGAAAAGAG
GGGAGGGAAAAAAACTGTGTGGTGTTTTTTATTGGAGAACCAACCATTTG

Table 3

263/1077

GTGGCCCCTTGGACTTTTAGGATTTTCAGGTGGGGGACCCCTACAAAAAA
AGGAAAAAAATTGGAAGGGTGAAATTACTTGAAAGTTCTTAAAGGGT
GGGTGCTTATCTTGAAAAGATTGTGAATCCACTTGGGGTTGAAAAAAA
GAATTTTTTATTAAATTATTTAAGAATTGAACTTTTTGAAGGAGAAAAAC
CTCAAATTGGTGGAATTTAAAAAAGTCTTGGAACCTTTGGGCTTTTAAA
AAAAAAAATTTTAAACCACTCAATCTCAAAAAATTTTATTG

>Sequence 1399

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATAACAGGGATTTTTTTTTATGCCTTGGGG
TTCTGTTTCTGATTTTCTTCTGTGTGTTTCTCCATTATGTTGTTGCATT
TTTCTCTATTTACGTTATCTCCCTTTCCCTTTTTCTTCTGTCCCTCCCT
CCTTCTTCTCTCTATTCTTCCCTCCCTTGTTTTTATGCCTGATTATG
TGGACACAGACAAGGATTAACACAGGGCACCTGCCCTTGAGGAGTTTACA
ATCTGCTGGGCTGAGGATCAACACATGTTCAAAAAGAGAGGAAAGAAGTC
AAGGGAGATCATGCCAGATGGACTTAATTTCAATGAAGAACAGGCATTTC
CATGGAAAGAGACAAGT

>Sequence 1400

AGGTACTGTTCAATTCTGAATATTTGAAAAATTTTAAACATAAA
ATCTTGAGAAAAAGTAACTGTAGATGCTAATAGCATACAAAGTGCAAGTC
AGTGTGGAGAACAGAAAGAGAAAGATGAATTCCAATGAAGAGATTGAGCAG
GTTTGTGGAGGAGATGGGATTGAACAGAACTTAACAGATTGGGCCTTTT
AGGTGGAGGAGACAATATAGGAAAGGCACAAACCTGGGGAAATGCACAAT
GTATGCTGACCAAGAAGTGGTCTGGCGGGTAGAGTAAGGCTGGAAGAGAC
TCTGGGAGAGGAACATGAGAGGTCCCAGGGCTCTGAACCAGGGCAACCAA
CAGAAAAGGAAGGACAGACTGGGCTGGAATCCAGGAGGAGCAGGGTGGTG
TGGAGACACAACCCTTGTCAGTT

>Sequence 1401

CCGGGCAGGTACTTTGGCTTTTGTCTCTAGAACACCATTGAGTATATGCT
CATTAAGATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCCTCTATTAC
TGCATTGTAACTGTTGTCTACTTTGTCTTCTTGAAGTCTACACCTCCC
CCAGCCCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCC
CTAACCTTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTCCAGAACTACTTTTCTCT
GTTTTCTTTTAAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTCAAACCTATA
ACGACCCAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATCTTACTTG
TGTTAAGTGCTGTTATATATGATATTTTAAATCTTTGTAAATCTTATAAG
GTAAGT

>Sequence 1402

AGGTACCTCCTAATTTGCTCAAAGATGCTGTCCGTATGCCAAGCGTGCTG
CCTTGGGATGACATCAGCTCAGAGGAGCTGCCATTTCTAATTTTCCCACA
GGTGCCCTAGGGTCTAGCTGCAGCCCTGCCTAGTTTGGGAAGATTCCCCA
TACCCTTTCCCACTGGTTTGAAGAAGAAACATCCAAGGCCGGGCGTGCTG
CTGACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCATGGGGGGCGGATCACC
TGAGGTTGGGACTTCGAGACCAGCGTGACCAACATTGCGAAATCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAATTAGCCGGGCGTGCTGATGCATGCCTGTAATCC
CAGCTACTCTGGAGGCTGAGGCAAGAGAATTGCTTGAACCTGGGAGGCAG
AAGTTGG

>Sequence 1403

AGGTACCTGTCAAGTTCATATTTAACAACCTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTGAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTCTATTATCCATGTGCCCAACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTTAAATTTTCTTTCAATTGTCAATTTTC
TAATAATTGCATTCAAGTGAAGGAGAGAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GGCCTTTACCATCCTACACAGGATTATGACTTGATGACATGGATATCAT
ACATCTTAATGTTATAATCGTATAATTTTACAAAGATCCCTCAATAAT
ATCACCAGTAATTTTTTTGAAAAATCTCTTGTAATTATCAATAATATT
TGTTAAAATTATATTTTCTTTCAAATTTCAATAGTTTTACAAATTTTTTG
AATAATTTTATACCTTTTTTAAACATTTTTTATTTAATTTTAACTTTGT
G

Table 3

264/1077

>Sequence 1404

CCGGGCAGGTACATCAGAATTCAGATCTAGAGCCTACATCTCTGCATTA
TTTTTATGCAAAAAGATTTGTGATCTATTAATCTATTTTGAGTTCTGCCC
ATGAAGATATATATTTTAAATAAATATTCTTCTTTACATTGGAGTATCT
CCCAGATCCCCCACACCAAAAAGAGAACTGTGAGATATACCAGTTATTAA
TACCAGTTATTAAATCAACAACCTGGGCCAGGCATGGTGTCTCATGCCTGT
AATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGATCACAAGGTCAGGAGA
TCAAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCACCTCTACTAAAAATAC
AAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGCGTGTGCCTGTAATTCTAACTACTAGGG
AG

>Sequence 1405

AGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTGGAGAATAAAAGAAA
ATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTGGGGGGCATCTGGTTTACAGAA
CTAAGTCAAGGAGAAGAACTCTCAAGCAATGGTGACATCTGCCAGCTCTG
CAAAGTGGGCCCTGCCTTGTACACAAGTCTCCTTGGGCAAATGTTTTCT
ATGTAGATTTTAGACACTTTCCTGTGACTTCTCAAGGTCTTTTGGTGAC
ACATGCAGCTTGAAGCTTTTGCAAGGGGCTGGAGTCTAATCTCTTCTTG
CCAGCTTGGCTGCAGGAGAAGAAGGGAGATATGTTAAGACTTGGCTTTGA
CTGAAGTGGTGTAACCTGGGGTTGCAAGGGCCTGTGCCAAAGCTTTTCTG
GTGGCCTTCACATTGCTTTCAGGATTTGGATTAATTTTCTGGCAATCCTT
T

>Sequence 1406

AGGTACCTGACATGTGGGGCACTCAATGAACATTTATCAGAGGGGAGCAT
ATCAAACAGTATTGGGGCAGTGACTGCCAAAGAACAGACTGGATCTACGG
GTGGGGAAACCAATAGTGGTGGTNGAAGCACAGTTGGTATTGAACTGGG
TCATCATTGGCACACACACAAAAACAAAAACACAGGTGGGCACG
GTGGCTCAAGCCTGCAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGAGGATGGAT
CACCTGACGTTGAGAGTTCGAGACCAGCCTGATCAACAACCTTGCTAAAA
ATACAAAAAAAATTCGCCAGGTATGGTGGCGCATGCCTGTAATCCAGC
TACTCAGGAGGCTGAGGCA

>Sequence 1407

CCGGGCAGGTACATAAAGACAGATATATAGATTAATGAAATAAAATTCCA
TTAATATAGAATATAGAGCACACAAATAAGCTCATGAGCTTATACAAGTC
AGTCAAGTGATTTTTTTTACAAGGGTGCCAAGACACTCACAGGTGAAGGAA
CAGGCTGAAAGAAACAGTGCTATGTCAACTGGATAGTCACATGCAAAGGA
GTGAAGGTGGACCCCTATATCACACCATATTCAAAAATTAAGTGAAGAA
TGATCAAAGACCTAAATGTGAGAGCTAAAACCTATAAAACCCTTAGAAGAA
AACACAGGAGTAAATCTTTGTGACTTTGGATTACACAACGATTTCTTAGC
TATGTGATACCAAAGCATGAGTAAAAAAGA

>Sequence 1408

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGGAGGTCCAAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCCTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAGGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCA
GAAGGTTTTACAAGTAAAAGTAAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTCTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTG

>Sequence 1409

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTAGTAG
AGACAGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCT
TGATCCGCCCACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCC
ACCCATTCCGGCCTAACGAGACTTATTTTACTCAACTAGATGGCGTTCA
TTCATTTGCTTACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATT
CCAAAACCAACAAGACATTCTCTGTATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTTT
GAGAGATAAACAAATGAACATGAAATTATAATTCAAGTAACAAAGAATGAG

Table 3

265/1077

TGTTATGGCAGAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGT

>Sequence 1410

TGCAGGATTCGTTGTAACCTCTATTATAAGGCCAATTGGAGCATACCGCG
GAGGCCGCCGAGGTACACTCTACAAGTTGAAGTGGGGCATTATGGACTG
GGATGGCAGGTCAGGAGTAGCCCAAGGTATGCATGTGCAAGAGGAAAAC
TGATAAACTCAAGTTTATCAAGAAATTGTTGATTCTTGTTCAACTGTTG
ATTTGAACCAGGCTTCTGGTTCAAAGGGCCAGGCCATAGCTACAGCTGCT
CTGGTGGGCCAAACCAAAAGCATCACTGAGTTTGGGCACTGAAGTTTCA
GACAGCTGGGAGTCTCCATAGAACCGGAAGGGAAAACACTTCCAAGGATA
TGAGCATGTCTTGTCCCTGCCTTTGGGCCACCCATGCACACCAGCTCCAC
AGCAGCTGAAGCAGAGCAGATCCAGAGGAGGCTGTCGGAGGGACC

>Sequence 1411

CCGGCAGGTACTTTTTGTAGAGACAGGGTTTTGCCGTTGCCCAGGCTGGC
CTCCAACTCCTTGAGCTCAGGTAATCCGCCCCCTTGGCCTCCCAAAGTG
CTAGGATTACAGGTGTGAGCCACCACGACCAGCATCTCCATGTGTCTTCT
ACCTTTTACATTTATGTCTTTAATCTACCTAAAATGATCTATTGTATAGA
GACTGAGATAGGCATCNAATTAAATTTTNCATTTGCATAACTAATTGTG
CCAGTATAATTTATTGAAAAATCCATCCTTTCTCTACTGATCTACAATAC
TCCCGCTGTCATATATCAAGTGTCTACATATGTGGTTAGTCTGCTGCTGA
CTCTCTATTCTGTTCCATGATTTATTTGCCCAGATTTGTGCCAATATGCA
CTNTTAAATGTTCAAGTCTTAATTGAAGCTTAAGCAAAAAAATTNTTAAT
ACCTTGATTGAAATATTTACAAATAAAATCAAACCTTTTAACATCACTATT
TTCTACCAGTAAGATTTTAAAGTTTCTTTTAAAAATCCTATTTAATATCAT
TAAAAATTAATTGCCATGCCTTGTTAGGATAGTGGTTAGTAAAAGAAAAA
AATTAATTGCCACAATGAAAGCCTTTAAACTCACCTTTCTTTTCAGTAATA
TCATAGACCTTATTGGTTTGTAGAAATTTTATATTCTGGTTTGGAACC
TTGGG

>Sequence 1412

CCGGGCAGGTACAGAGGAGAAAAATAATAAACAGTAATACCTGACAGG
TTGGGAGAGATTGTGCTGGTGTACAGAGTCTGTGACGGCACTTGTAAGG
GAGTGCTGCATAAATGAGAGTGGCTGCTGTTGTTGTATTATTATTGTTT
TACATGGTTATAAACTTTCTCAAGCCCCGTTTGAAAAGAGAAATCAGT
AGTTGGCAAACAAATTCGAAGAACAATGGTTTCTTTCTTTTCTTTT
TTTTTTTTTTTGGGACAGTCTTGCTCTAAAATGCAGTGGCGGGATCCTGG
CTCACTGTAACCTCACCTTCTGGATTCAAATGGTTCTCCTGTCTTAACC
TTCTGAGTAGCT

>Sequence 1413

AGGTACCTCAATTATCTCTCATAACACACAGGGTCCCATGTTGGCCATTG
CCTCAGCACATAGTCAGGTAGCCAGCCTCTCTGAATGCCTGGTAGCCAGG
ATTAAAATAAATACCCTAGGTATTATCTGCATATCTCAGGGTCAGGATAT
ATCCCATGACTAAGCCCACAATCACAGTAAATTCTTTGAGCCAGACCACA
TTTTGGACTCACATTTAATGTAAATCCACATCACTCCAATCCTGCATGAT
GGCACAGGTAGATTTTGGGAGCTGGACAATAAACAACCTATTGAGTGCAT
CCCCACGGACCCCAAAATTCATTTTATAAGAAGTATCTCAAGGCATTAA
TAAGTGCATCAAAGATGGTCAATGTGGCATTATTTGGTAAATCAGAAGCA
GGGAACAACCGA

>Sequence 1414

AGGTACGACATGAGGCAGGGGTTAAGTTTTATTTTTGTCTCCACATAAAC
AGCCACCACCACTTATTGAAATGGCCACCCTTTCTCCAGAGCTCCATAGC
GCTGCCTCTGTAATGCATCAAGTGTCCATTTATGCCTGGGTCTGTTTTGG
TCTCTGTATCCTGCTTCATTACCTATTTTTCTCTATTTTTCTATCTGC
TATTTCTATCTATCTATATTTCTATATTTCTATATTTCTATTATTCA
CTTATCTATTTTTTATCTTAATAACTGCAGCTTTATAATAAATATTGATA
GAGCAAGTCTGACCACCACATTTCTTTTACAAGAGAAAATTGTCTATTCTT
CGCCTTTGGCATTTCCTTTTTCGGGGGGTTTGGTCTTGATTTTGAACCAA
GGTCTTGTTCT

Table 3

266/1077

>Sequence 1415

CCGGGCAGGTACCTAGGGGAATTTCTGAGTTCATGATATCGTAGGTGGTG
TGGAACAAGTCCCAGCATAAACCCACACAGCTGGCTGAATGAAGTTCAA
GTGAAGGTCATGCAGCATCAAAGTAGATGTGTGTCAGTAACTTATGGC
AGTGGAGTGAGAATAATTTTGAATTACTTAGATTGTGAGAAAATCTGGC
TGATGATTAGAAGTGTTGATATAAGAGGTCAGTTTGGAGTTCCTCAAA
ATTCATACTAATTTTAAATGTTATGGTATTCTAACTACTAGATGGGTAAG
GGGAAGTTTTATGATTCTGAACAATTCCATTTAGAATTAGGATAGGATTT
TTACTGTGGGGTCCAGAAGAATCATAGCTATCAAATTCATAAAAAGAA
AAATTTATTTCCCAAG

>Sequence 1416

AGGTCTATATGCTAGAACTTGGCTGAATGATTTGACATTATCCTATTTA
ATGTTTCATGACAATCCAATAACGTAACCACTCATATCTCCCTTTTGTGCA
GATAACAACTGAGGCCAGAGAAATCAAATATGTTGCAAAATCTACATC
GTTGAAGAGATGGGTTTCAAATCCAGGTCGGCTTGGCCCTTGCCACGACT
TCATAATGAAATTCATGGGTGAGTGTTACCAGTTTCTGGTCCATCCTTG
CTTATTTCAAGGTCTCATCATCCCATCCACTGTATCACTTTTTTTGTTA
CAGGCTTACTCTTTTCTACCATGGAAAAGACTAATGATATTTTTTCTC
CATAAGCTTGGAAATATTATCAATCACCATAAAATTCAGCCTTCCTCTGG
TAACCTTTGGAGACCCTCAGAGCTTTTCTTATTTCCAGAGACAGGCGGTTT
GGATGAGAATTATTCTCTTTTTTACACAAAATTGGCCAGATGACATCTTT
ACTGGTATCTGTAAAGACTGCATCACCCAGCTACTTTCCTGCTGACTTC
CACTTGGGTTTACTCAATGGGTGACACTCACAGGACATAAGAGATTAGAA
AGAAGGATAAAGATTTTATATATCTGCTCCCTCTTACTTTAAGCCATGGT
NTAGCAGAGGCCCAAGTCCTGGCTTTTTGAGCAACCCTTTATAAAGGTCT
GGAAAGAGTTAACTTGCCCTTACAACCTGATTATGTGGCTTACTACTGGTG
CAGGTCTGGGTCCCCGGTACTTGCCGGCGGGCGTTTTAACTAGGGATCC
CCGG

>Sequence 1417

GGGGNAGGTTTCGCTAATACACTACTATATGTGCGGTGGAAGCTAGCTCG
ACGGGGGGGGCCGAGGTACTGTAAATAAACAGGAGAGAACGGAGAAAAGT
CATGACTCAGGGGTCTTCTTCTCACAGGGCTGAGTAATCACAGGAGCTTT
GGATGCAGGCAGGCTGGCGCTCTGATCCTGACTCTTTCAATTACAGACTG
TGTTACCTTGGACAATTTGGCTAAGTCCTTATGCAAAAAAAGTATGATGC
CATCTACTTAATAGGATTGTGAGGATTAATGAGATAATTCATATAAAGC
CCATAGCGGAAGGCCTGGCAGGTAGCAAGGGCCCAGCAAATGAGAGCTAT
TCACGTTGCCATTAATGCATCATCGTTACAATTATCATCTTTTTTTT
TTACGTTCCAAAGATTCTTCCTTCTATCTATTATCTCATCATATCTCATC
TCATCATATCATATCTCATCATTTTTATCCAG

>Sequence 1418

AGGTACGAAATGTTTTGGAAGACTTGCTAAAGGTGAGTTCTTTCAAAAA
GTGTATGAAATTAGCTGTGGAAGAAACAACATAAATTATTTGGGGAAAA
ACTGAAAAATCAAGAAGTTTATGTTGATATTACTTTAAGGGTGTTTAAGT
CTCCATTCTACTTGGAAAATCACAATAATATTATTAATAATTAGAGTGTT
ACTTTAAATGGAAGCTTAGGGCCAGCCACAGTGGCTCATGCCTGTAATN

>Sequence 1419

CCGGGCAGGTACTAGACAACAGCTGTTTCCCTGGTGTATGATGGAGCCAA
CACCAGTCAGGGGTATATTATTACATCTGATTATCAGTCAGGATAAGGTA
GGCAATTCTCTGGTAACAAACCATCCTCAAATCTCAGTGCTTATATAGGC
ACTATTTCTTGCTCCACTAGATGGTTCATACTTGCTCACACTACCCATCA
TGGGTCGTTAGGAGATCTCTGCTTATGGTCACTCAGGAATTCATCTGACA
AAGGAGCCACCACCTTGAATATTATGGGTCACTGTGCCTTGAGGGACTGA
GGCACCTCTATCTGTGAGAAAGCTTGATTGCAACTTGGGCTTGGCCTTT
TTATTCTTCTTGGACCCACTTGACTTCTCACTTTACTTGTTCCTCG

>Sequence 1420

AGGTACCAAGGCCCAATCACCCCAAACAGTGACAGGAACATAATTTCTCTG

Table 3

267/1077

TTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGTTCCACA
TCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCCTTCCACTGGCC
CTTAAAAAGGGGTGACTATATTTTCCATGGGAAACCCTGAACTCGCCCC
ATTTTAAACAGGAAATGTTAATATTAGCTAGATGATAAGCCATAAATGTT
TTACGACCTCTGCCGTTGACTCCTATAGTTTACTCCCGGTACAAATTACA
CAGGACCAAACTCAACTCAATTCGTTTCGGGGGGAAGCCTGAAACAAAAG
CAATTTTACTTGTGTTGTTACTTGGCACCCGAATTGAAATCAATTTTCTTA
CCGCAACACTACCCAAAAAGGGGAAAATTCTGGGTTTTCCCAACATTGT
CTACCTTTAGGGAAAAAAGAATAATACTCCACTGTTTTGGGGT

>Sequence 1421

CCGGGCAGGTACCTTCAATTCCAGTCACATGGCTCGACCTATCCTCAAAC
TTCTTAAATGTGTAGCTTTCTTCTTCAATAGTGAGAAGTCTTGCTCCTAT
TGTCTTTAATATATTTATATGTTTCTTATTCTACTTTACAAAACCAATA
TTTTGATACACATGCCATAACCTTCTCAGCTTTAACATTGCTAGTCATCT
CTAATCATACCCTCAGATTTGACTCTGAATGGTCCTTGTGTCTCTTCAG
CCCCAGTTGTTTCTTTGGCACTGGCCGTCCTCCTGACCTCTACTGTCTCC
TTGGCCCTCACCCTGAAAGTCCTTCCAGACTCACTTGCTCTGGCTCTAT
AAGATCCTGGGTATCACCAGGGCCTCTGCTCCCTCCATAGAACCCGTGTC
N

>Sequence 1422

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTCTCTTATAA
GACATCTGATTTAAAAAAGAAATAATAGATTTAAGAAGAAAAAATT
AGCTAATAATGACAGCAGGCTTGTAAATATTATCATAATGTCATTTATCAT
AGATATCCTTATTCTCCAGGGCAGCACTTCTCAAATCCTTGACAGTATGA
CATTTTGGGCCAGCTAATTCCTTAGGGAGGGACCTTTCCTGAATATTGAG
GCCGTTGAGTGGCTGCTTGGCCTTGACCCGTCCTGACCTGAGTACACAC
CTCCCCCAGGCTTCAGCAGCAGAACACCTCCAGTCACTCAGTGGGGACTG
GGTAGGTGGGAGACAGAATCGCACCAAGTTAAGTGTCTCTGCGGCAGGGTG
AACGGAAA

>Sequence 1423

AGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAACGAGAT
ATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGATCTTAGA
GGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGTGAGTCCCA
GAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTACATAGAGCTAAACAGTGACTGTGGAT
GTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACTAGATA
AGGCTGTGCCTTCTACATTAGAGGGCTCAAACCCCATGGATGGATGGAGG
GAAGGATGGGTGGAGGGATGGATGATACATGGAAGGATTTTGATAAAAT
TTGAACCCCAACCCCTTGGAACCTAACATTTGCCACA

>Sequence 1424

CCGGGCAGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGGCCTCTAA
CGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAAAGCTGGAT
CTTAGAGGTTATCTAACTAACCTCTCCATTTATAGATAAGGAAAGTGA
GTCCCAGAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAACAGTGACT
GTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTCTTCTCACT
AGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCATGGATGGAT
GGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATTGGATGGATTAGATGGATGGATAGAA
TGTGTACTCATTCACTTGTGCAAGAAAGATTGAGCCACCTTCCCAT
CATACAGTGTGCTAATTGCTAGAATGCATTTATGAGA

>Sequence 1425

AGGTACAGTAGGTGGGGCCCTGATTACGGAGCATCTTGAAGGCTGGACTG
TGGTATCGATACTTTATTCTGTGGTATGGGATGCTGGCGAGAAGTTTGAG
CTAGGGAGATGTGGGGTTTGTGTTGCTGTGAACACATAAGGGCCAAAA
TATATATGTGTGGGACCGACTGGGCCCCATAGACCAGGATGTGGGTGGC
AGATGCTTCTTGTATCCAGCTGGGAGACCGTGGCTCCATGTAGGAAGGT
AGGGAAGGCAGGGATGAATGTGGAGACTGAGAATGAATGTGGGTGAATGG
GGACTGTTGAGAATGAGTGAATGTGTAATGTTTTGCAGGCAGAAAGTTT

Table 3

268/1077

AAAGAGAAATTCTGCATAGGCTCAGTAGTGTGACATTTGTCAAT

>Sequence 1426

CCGGGCAGGTACATGAGATGGGAGCTCGACACATTTTATTTTATAGAATAA
AAGAAAAATATGCCGTCATCAAACCTAGAGCGTGTGGGGGGCATCTGGTTT
ACAGAACTAAGTCAAGGAGAAGAAGCTCAAGCAATGGTGACATTTGCCA
GCTCTGCAAAGTGGGCCCTGCCTTGTGCACACAAGTCTCCTTGGGCAAATG
TTTTCTATGTAGATTTTAGACACTTTTCTGTGACTTTCTCAAGGTCTTTT
TGGTGACACATGGCAGCTTTGAAGCTTTTGGCAAGGGGCTTGGAGTCTT
AATCTCTTTTTTGGCCAGCTTTGGCTTGCAGAAGAAGAAGGGAAGAATT
TGTTTGGAACTTGGGCCTTTGAACTTGAGGTGGGTGGAACCTCGGGGGT
GCAAGGGGCCTTGGTGGCCCAAAGGTTTTCTGGGTGGGAG

>Sequence 1427

AGGTACTCAAGGAGAGAGTTTCAGGAGTGCAGCCATCAACACTCAAGATT
CCATGAACTTTTCAGCCTAACTGATGGTCCCCTGATTACTCACTCAGAA
CAAAACATATTTACCAAATATCACTTTCAGGACTTCATTCTGATCCTT
CTGGGGTAGAAGGTGCAAAAACCTGGTTTGTATTAGAGACATTAGGAATA
TTTCAATAAGGCCAACAGATTTCCATGCTGAAGGGCACAAGAAATGGAAG
AGCTAATCCCATTCCTTTGGAGTTCAGTTTAGATAGTTTAATTGTCATA
ATCCTATTTGTTAAACAGGTTTCTTCCCTAAATCCATAGTATACCCTTG
TTTTTTAAATCCCATGTGTCAAGTAAGAACCCAAAGGAGCCTTGCTTTCA
GCTTTAAATAAGCAATAACCAGGCACGCTGGATGCATTTGTTT

>Sequence 1428

AGGTACTTTAATTTTTTTTTTTTTTTAAGCAGAGATGGGGTTTCACCATG
TTGACCAGGCTGGTCTTGAACCTGACCTAAGGTGATCCACCTGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGTTTGAGCCACCACGCCAGCTGTG
TTATGTTTTAACACATGTGCTATGTCGCTAAGTGTTGGAAATATGAAAA
TGAGTTGATGTGTTCTTATAATAAGACATCTGCTTTAGTATACATTATTA
GCATGCTCTTCCACTTTGGAATTTTTATTTTATATTTTCACTTAGGCAAA
AATACTTTTCACCATTAAGTGGGTATAAAAGCAACAGTTGCTTTTAGAA
ATTTACTCTTTTCAATTGCTGGGCTGGTTTGGGTAAGTGGTTAGACCATA
AAAGG

>Sequence 1429

AGGTACGGAAGATACGGCAGTGAGCAAAACCAATCATGTTCCCTTGTCTC
ATGGGGCTTACAGTGGGGGGAGAAAATTATAAGCAAAAAGAAAATACAAA
GAAATACAACACAGAAAGCACAGGCATGAGGAAGGAGGGCACGGTTCTGG
GAAGGCTTCTTGGCCGAAGCAACCAGACAGCAAAAACAGGCTTGGCCAGGA
CAGACATGGGCTGTTATCCAGCTGGCTAACGGTGGAGCTACAAGTGCCT
TCGCCCTCCAGATCATGGAGGTGGGTAATGAGCCATTTACCCTCCAGTGA
AGCCCATCCTAAAATTAAGTGCTCTCTAACTAAACAAAGAGTTGTTTACT
TTTTTCTATAAAGAAAACAGAGGCTCCACCTGTTACTCACTCTCCTACCT

>Sequence 1430

GGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAGGAAGAAC
TGCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCAGCAGCAG
TTGTGTAAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAAGTCCTAAA
GTTTAACAGAAAGTTCTTAAAATGCCCAAGCCCCAAATTTTTGTAATAA
TACATTGGTTTTTACCCCCACACCTAATCAAATGTGTACCTAAGAATAACT
TGTAAGGTGGCAATTAAGACGATACTAATATTTCTAAATTCTAGCATTCT
AATTATGTTCCCATATTTGCATTTATTTCAACATTTTTTTCACATTCTCT
TTTAATGTTCTTCCAGCTTTCCCATTTACAAATTTTTTTGTATTTAAACA
TTCTCCCTATTTGGAATATTTTCAAATTTCTATATACTTTAAATTTGTTC
CTCATTTT

>Sequence 1431

CCGGGCAGGTACCACTGCACTCCAGCCAGGGCGACAATGAGACTCCGTCT
CAAAAAAAGATTATTAATTTAAAAATATTTAAGTGATCAGCTGTTAC
TCTACCCCAATCTCATTGGAGAATAAGATTCTACTGCGGTTCTAAGTCAT
TGTGTGCTGAGTAAAGTGGTTAACTAGTGATTTGAAAGAATACAGGAGAG

Table 3

269/1077

AGGGTAGGAGAGTGAGTAACAGGTGGAGCCTCTGTTTTCTTTATAGAAAA
AAGTAAACAACCTCTTTGTTTAGTTAGAGAGCACTTAATTTTAGGATGGGC
TTCCTGGAGGGTAAATGGCTCATTACCCACCTCCATGATTCTGGAGGCG
AAGGCACTTGTAAGTCCACCGTTAGCCAGCTGGATC

>Sequence 1432

GCGGTGGCGGCCGAGGTACTGGGATTATAGGCGTGAGCCACCGCGTCTGG
CCTCTAACGAGATATTTCTAAAGGTTAGGCCTTCAGTCAAGAATTTTAA
GCTGGATCTTAGAGGTTATCTAAACTAACCTCTCCATTTTCATAGATAAG
AAAGTGAGTCCCAAAAAAGCACTGGTTTGGACAAGTTCAGAAAGCTAAA
CAGTGACTGTGGATGTATGATTCTGTCTCTTAACTCCTAATCCAAATGTC
TTCTCACTAGATAAGGCTGTGCCTTCTACATTTGAAGGCTCAAACCCCAT
GGATGGGTGGAGGGAAGGATGGGTGGAGGGATTGGGATGGATAGAATGGA
ATGATATGATGTTATTCAATAAAATATTTATATATTATCCTGTATGGTTT
AATCGAACTATCTTTCTTTTGATCG

>Sequence 1433

AGGTACAGTTAATTGATCAATTTTAAAGGAGAACTGTTTTCTTGTAATAAT
GTTTCTAAGCCCAAAAATTATTTGATCGCAAAATGTTTCGTATTGAAATAT
AAGTGCTAATTTCAAAAAGGAAGCTCTTTAGCAACAAAGTTGTTTCCTT
TTTTTTCCAATTTAAGATATTTCCATCTCTATTTCAAATGCTTGCTTCTA
AAAAAAAGTTTAGTGAAATAAGAGGATAAATTTTATGTTTTTATTGATTC
GAATGACATTTTCCCTTGGATGAATTATGAAATGTCTGGTTAACTTTAGC
ATTAGTGAAGCTTGAATAGATTTTAAATATTAAGCAAGTGTTAGTTGCTT
GACATGATCAGTTTACACTATTGCAGAGCCTTAATTAAGTTTTATTAA
CTGTGTAAACN

>Sequence 1434

CCGGGCAGGTACTACTGGCTTCCCAGTGGTTGGGTTGAGTATAAGCCCC
AAATATGAGTAAAAGAAGAAAAAGTTAATTCAATCACCAAGTCTTGCTCG
CATATTAAAAATTGGATAGATGAATGTTCAATCATATGTTTTGGCTTTGG
CCAGCCAGACGAGGTCAATTTTTAGATTTGAACTGCTTAGAATTCTTCAG
GCAAGTCTTGATGGAGCACTTCTTGGATAGTTAGAACTTACCAGGTTCA
CAGGAGAGCTCAAATGAAGCGAACACCTCATCCACACTGGTTTCCTTTGG
AGACCTTTACTGTTGAGAGGTGGTTTTTCATATCCGCAAAATGACCAGTGC
CAGTTGAGTAGATCAATGTTTATTAACCAGGTGCCACATTGTGCCCCAGG
AAACATTTGACAATGATGGGGTGGT

>Sequence 1435

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACGGAGTCTCGCTCTGTCTG
CCCAGGCTAGAGTGCAGTGGCGCGATCTCGGCTCACTTCAAGCTCCGCCT
CCCGGGTTCACGCCATTCTCCTGCCCCAGCCTCCCGAATAGCTGGGACTA
CAGGCGCCTGCCACCGCGCCCGGCTAATTTTTTTTGTATTTTATGATAG
ACCTTGCTTTTTTATCCATTCTGGTAATCTTTTCTTTTATTCAAGTGTGT
CTTGTTCCATTAAACATTCAATGAAGTTATTGATATGATTAGATTCAGGCT
CTATTTACTTTTTGGTTTCTATTTGTTCTTCTGTTTTTTGTTCCTCCTT
TCCTGCTTTCTTTGGATTAAATGATCCAAAATGATTTTATAGAAATAATG
GCGTAATTTATCTATTAACCTTTTTTAGCAAGT

>Sequence 1436

AGGTACTATTAATTTAATGAGAGGTAACCCATGCACCGGCAGGAAGTTC
AAGGGACAGAAGGGGCTTGCTCCACTCTGGAGCCCTATCTCCTCTCACC
TCCTTCCTTCTAGTTTGACATGCGATCTTGCTCTCTCTTTTATAAAGTG
CTTGCAAGGCCCTTTTGATTAGGATGCTGTCCTAAATCCTTGCTAAAGAGA
GGTTTTGGAGCCACCAACACTGCTTCACTGTGGAATAAACTTTCCTTATT
AAGATTCTTCATTCACTCATACTCATCTCCTTTGATCCTCACTGCTCATT
CATTTATGGAGATACGCACCCATATCATAGCTACTTGGTCAAATCATGGT
GAT

>Sequence 1437

AGGTACATTTAAAAGTCTATCTTATATATTTGTTATGCAAATCAATAGAT
ATGTATCAGGTAAACTAGAAATTCTAGTTAGAAAAAATCCTTTTTGTGTC

Table 3

270/1077

TTGGTTTTTGAAGATACTTAAAAGGTGAAAGGAATTTCTGATTACCATTT
TAACATGTTTAGATATGGGCTTTTTAGTTTCAATAGAAACATCTTTTCCT
AGATTATCTTGCTGGTATTAAGTTGTTAAATTTTGCTACGCTTTATTTTG
AAGTTTTACTGTCTTGTA AAACTCCATATTTTACATAGTTTACTGTCT
TGTA AAATCCCTATTTCTTAGGTTGATAGAAATGGCAAACAAGTTAAC
TTGCTTAA

>Sequence 1438

AGGTACAAACTGGAGGTAGGGAATGGGCAGGAACACTAGCTACATTAAAA
ATAATTTTCATTAAACTTATACAGAAAACATTATTAATATACTTAGGATTC
CCAGAGTAACTTATTTCCCTTTCCAGTATTGGTATATCAATAATAAAT
ATTTTATTTACTTTATCGTGGTATTTTCATATTA AAAAATACTTTTAAAGC
ATGACTAAATAAACACATGTATATGTTTATGAACATAAACTACTGAAA
CAAAAGTTTCAGAAAACGTTTCTTACTGCACTCTGATATTTTTTATCA
TATTTCTTTTTTTTTTAAATGCTAGTAATAACTCACTAAATAGATTTTA
TCATGGAGTTATCAAATACTACCTTAGGTTATGTGATACTTAGTAAATAA
T

>Sequence 1439

AGGTACTGGACTTGCCTAATTTCTAGGCATGGAGTTGGGGCTTGTAACAA
TGGTGGGAGATGGGCAGTGCTTTGGGAATGTAGCTGACCACTGCATGGGT
GCTAACTAGCCCAGGGATCTTAAAGAATTTGTGTAGGCCATGAGGATCCA
CTCCAGCCACTGAATAGTCATAGAATTGAATCTAGGACATCACCGTATGC
TACTACCATGCAGTTTTATCCCTTCTAAGAATCCAAATGCCCTAGTTTAA
TTTCTAAATTTTTGTTTGTATTTTCACTAAAGCAACATGTTAGTGGA
CTGCGGAGGGAAGTGAATTCATGGCTGGTCCTCATCTTGATATCTTTTAA
TAGGATCATGAGGCT

>Sequence 1440

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGT
TTCACCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCC
CACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCG
GCCTAACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCATTTGCT
TACTCAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAA
CAAGACATTCTCTGTCATCAGGGAATCACAGCCTAGTATGAGAGATAAA
CAAATGAACATGAAATTATAATTCAAGTAACAAAGAATGAGTGTTATGGCA
GAGGGAATGTGTAAGAGCTTGGCAGGGTATCCAGCAGGGATACCTAACTA
AGCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAGGGGACAGCTGAGCTGAGTTC
AATGAGCCAGTAGGAATTAGGTTGATATAAGTCAAATCATTAGTGTTA
TGACAACTCTGAAAAATAAGTATTTCCAATTTACAGAAGTGAAGCCTAAG
TCTTAAAGAAGTATCCAACATCATCCAGAAGTGGGGGGATCCCACAATAT
TCAAGGGAACCTGGCCCCAAAACCTATGATCCTTCCCCATACCGGCCGG
CTTTTCAAGACTGGAAATTGGCCCTGAGGGGATTTGGTCAGGTACTTGGC
CGGCGGGCGTTTAAACTAGGGGACCCCCGGCTGAGGGATTCTGAATTAA
GCTATCATACGGCAACCCTAAGGGGGCCCCGGCCCAATTTTGTCCCTTAG
GGGGGTAATGG

>Sequence 1441

AGGTACTTTGGCTTTTGTCTTAGAACACCAATGAGTATATGCTCATTAA
GATAGTTTGATGCAATAAATCCTTATTTTACTTGCTCTATTACTGCATT
GTAAACTGTTGCTACTTTGTCTTCTTGAAATCCTACACCTCCCCAGCC
CCCACATTTGGCCTATGGAACATTACTTTATCCTGATTTTCCCCCTAACC
TTCTGGCAATGCCTCTCAGACTCCTTCCAGAACTACTTTTCTCTGTTTTC
CTTTTAATGATGACAGTTTATGCAATTGTGTCTTCAAACCTATAACGACC
CAGACAATAGTAATAACAGTCAACATTTACTGAATTCTTACTTGTGTAA
GTGCTGTTATATATGATATTTTAATCTT

>Sequence 1442

CCGGGCAGGTACACGCCACCACACCAGCTGATTTTTTTTTTATTTTGTGTG
GAGTCAGGGTCTCGCCATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTTTGGGTTC
AAGTGATCCTCCACCTTCGCCCCACAAAGTGCTGGAATTACAGGCATGA

Table 3

271/1077

GCCACTGCACCTGGCCATGTTGTCTTCTTTTCATTACCCACCTCTTAAT
CCTACACATGCACATGTCTAGATAGTATACAGAGATAAACGTGTATAAAA
CAACACAAATAGAAAAAGTATGCATATGTATAAGGGATCTACAAAAACAG
AAAAGTCAGAAAACCCAAATTAAGAGCACAGTGTGGCTCACAGGCTAATC
CCTGCAGAGGCAGCTTTGGGTTTCAGAACCAAGTGAAGCTGCCTATATGT
TCAACCAACTGA

>Sequence 1443

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCA
CCGTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCTTGATCCGCCCACC
TCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCCATCCGGCCT
AACGAGACTTATTTTTACTCAACTAGATGGCGTTCATTCAATTTGCTTACT
CAGCTGTGCCAGGAATTAAGTTGGGCACTGGGAATTCCAAAACCAACAAG
ACATTCTCTGTCATCAGGGAACCTCACAGCCTAGTATGTGAGATAAAACAAA
TGAACATGAAATTATAATTTCAAGTAACAAAGAATGAGTGTATGGCAGAG
GGAATGTGGTAAGAGCTTGGCAGGGGTATCCAGCAGGGATACCTAACTAA
GCCCCACTGGGGAAGGCATCCGAACAGAGG

>Sequence 1444

AGGTACAGACCATGTCAGAATTCCTAGTCTTTTACTTCTAAATTTTATTA
CATCGTGTGAAATTTAGAAAAATATAAGCTGTTTATTTTCTTGATCAAGA
TAGGTGAAGAAATACAGAAAAGAAAGAAATAATGAAAGCAAACCCCAACT
TTCAGATTTGGACACACCTTTGCTAAAAACTATCAACATTTTCCCCTTGA
AATTCTGAGTGGAAAGATATGTGCTTCCCTAAGTCAGGAGCTGTATATGC
ACTCCCCACCCCGAAACATTTTTTTGGGCAAATGGAATCATTAAGGAATG
AGAGGTATCTACTCTTCAGTTCCTTCTTGACACAAACAGAAAACGCT
ACTGCAGCTTTTAGAGGTGACAGCTACTGTCTTCAAGGGG

>Sequence 1445

CCGGGCAGGTACCTTCAATTCCAGTCCAAAGCCACATGGCTCAACCTAGC
CTCAAACCTTTTAAATTTGCCGCTTTCTTCTTCAATAGTGAGAAATCTTG
CTCCTATTGTCTTTAATATATTTATATATTTTCTTATTCTACTTTATAAA
ACCAGTGTTTTGATACACACGGCATAACCTTCCCAGCTTTAACATTGCTA
GTCATCTGTAACCATAACCTCAGATTTGACTCTGAATGGCCCTTGTGTGTC
TCCTCAGCCCCAGTTGTTTCTTTGGCACTGCCACCCTCCTGACCTCTACT
GTCTCCTTGGCCCTGACCCTGAAAGTCCTTCCAGACTCACTTGGTTCTGG
CTCTGTAAGACCCTGGGTATCACCAGGGCCTCTGCTCCCTCCATAGAACC
CTT

>Sequence 1446

AGGTACGGAAGATACGGCAGTGAGCAAAACCAATCATGTTCTTGTCTTG
ATGGGGCTTACAGTGGGGGGAGAAAATTATAAGCAAAATGAAATGCAAA
GAAATACATCACAGAAAGCACAGGCATGAGGTAACGAGGGCACGGTTCTG
GGAAGGCTTCTTGGCCGAAGCAACCAGACAGCAAAACAGGCTTGGCCAGG
ACAGACATGGGCCTGTTATCCAGCTGGCTAACGGTGGAGCTACAAGTGCC
TTCGCCTTCATAATCATGAGAGGTGGGTAAATGTAGCCATTTACCACTCC
AGGAGAAGGCCCAATCCTAAAATTATAAGTGCTGCTCTTAATAACAAA
GGATGTTGGTTAACTATTATTTCTATAAAAGAAAACN

>Sequence 1447

AGGTACTAAGTTGCCATTTAAGAACCCTCTTCAGGTTCCCCGTCTCCTTGA
GCTATGAAAGTTTTTCATGAACACTTCAGTTTTAATGGCATGCCAAACATT
TTGTTCCATGAGCAACGCAACAGTTTTTAAAATTGCCATTGAGTGTTCAT
ATAGAATTTAGCCAGTTGTTTTTAAATATATTTCTATGAGCCAAGGCTTA
CAAAAATGTATAAAGAGGAAGTGCCAGATATAAAGAAGCTTTGAAATGG
TTGCTGTTGCCCTCTTAAAATCATCATTAAACAATCTTTCAAACAGCCA
GTGTTTGGCTCATTAATTTAATCAAAATTTGTAAGAAAGTAGCTAGAATG
AACAAAAGGATGACATGGGCTTTGAACAGAAGAAA

>Sequence 1448

AGGTACCTACCTGCGGTATCTGATCAGTTTCTGCCTAGTCAGATGTGCC
TGTGCTGAGCCTGCTTGGGTGGGGAGCATGGGAAAATGGGGCAAGTGCT

Table 3

272/1077

TCATGAGGGAGCTGTTCTCAGCCGCCCCCTCTCCCAACTCCCCAGCTCTC
TCTCCTTGTTCTGTCTCCTGTTTCTGGGCTCTAATCCTGGTCAGGCCCAA
TGCCCCCTTGCTGTGATGCTGGGTCTGCAGTTTTGCTCGCCGTCCTCGCT
TTGCCTTCTTGCCCGCCACTTCCAGCATTCCTCCTCTGCTCAGCTTCTGA
GCTGGTGTCAAGTTTTCTACCTGCCTGGCCACTGAGCCACCTGAAGATGT
CTGGCCAATTCCTTTTAGCCTCTGCCC

>Sequence 1449

CCGGGCAGGTACAATGAAAGGTAAAAGTAATGCTCTCAGAGGAAATGTTT
CCATTCTAGTTCTATTTGGAAGTCCTTGGGACAATTTGTGTTTTGATTAT
ATTTAGAAATCTTCAGTATTTTGTCTTGGCCAGGTGTAGTTGCTCAGGCT
TGTAATCGCAGCACTTTGGGAGGCTAAGGCGGGTGGATTACCTGAGGTCA
GGAGTTTGAATCACCTGGCCAAAATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAA
ATACAGAAATTAGCTGGATGTGGTGGTGGGTGCCTGTAGTCCAAGCTACT
TAGGAAGCTGAAGCAAGAGAATCGCTTGGACCTAGGAGGCGAAGGTTGCA
GTGAGTCTTGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGTGACAAAGAGAACT

>Sequence 1450

CCGGGCAGGTACATCACTGAAGCATTGGTTCTTCAAGCTCACTTGGAAGC
CACTGCAAATCTCAGGCTTCTCCAGAAATCTCTTCTGCAACTGTCCTGAT
ATGTAGCATTAAAGTGAGAGGTTTGCAAAGGGCCACTTTAAAGCTGCAGT
GAATCTTATGTCTGCTCATGCATATGGCTGCATCTGCCTCTGGGAAATTA
TGATCTTTCCTTGGCACTTGTGGTCATCTTGTA AAAATGAGATGTATCCT
CCACCCCAAATTTGATTTGAATATCAAGACTAATGATATCCCAATTGCAG
GGTATTCAAGAGAGTATTA AAAAGGTTTGTTACATAATTGAGACTTTTTGG
AGAGAGCATGGCATGCTTTCCAAGCAATATCCAAAAAATTTGCTTTGAAG
GAGAATAGAGACTTGTTTGGCTTTTATTGTGGTTAGGAGGTA

>Sequence 1451

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCACTATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTTG
CCAGCCATGCCTTTAGTCCTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGT
CCAAGAGCTGAGGACCTTACATTTATTGTTCCAATATTATTGGCTATAA
TGATTTCTGTGGAGCAGTCAGCTGTCAGAAAATTTTGTCTCCTTTGTAGG
TAACCTGTCATTGGTCTTTGGATTTTTTATAGTCTCCCTTTGTATCTGG
TGTAATTTAGTTTCAATCTGTTGTGCCTACGTGTAGAC

>Sequence 1452

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAAAGACGGGGTCTGGC
TTTGTGCGCTGGCTGGTCGCGAATTCCTGGACTCAAGCAACCTTTCTGC
CTCGGCCTCCCAAAATGCTAGGATTATAGGCATAAGCCACTGTGCCTGTG
CAAACTTTATTTTTAATGACAAAACCTATTTTCCTATAGCTCTGCTTGG
AATGCTGTATTTATCCTAAGCACCAGTTTGGCCCTAGCTGGCCTGTATA
CAGCTTTAGGTAGGCTCTTGATCTAGTTTTGCTATAGGCAGGGTAGATCT
CAGTATTTTCATATTTTACTTGTGGCAGAGACAGTGTTAACCTTTCTCTCA
TGGATAGCGGATTCATTGAGACAGATTTTAACTAAGAGCTATGATG

>Sequence 1453

AGGTACCTCATTTTGTCCCTTGACTTTAGTGTAGTGGTGCTCTCTGCTTT
TCGTTAATTTTCTCCTGGCCAACCAGCCAACCTCTGGCTCCCTGTGGTTAT
AGGAAATTATCCGTGCAATGAACCTAATTTAGAAAACCTCTGCTTGATAA
GGAGGTGGCAGGATTTATTTTTCTAATAGTCCAGTACTATGGTTGACTT
TCATTGCTAACACAATTTTCAACAGATCCATTGACATTAGAACTAGTAT
GCCTTAATTTTAAAATTGTATTATTGCAAAAAGTTCATTTGGAACGAATT
GGATACAATAAAAAGCCGTAGAGCTCCGATCTTCACAAAATTAACGTGG
CTTTAAATAAAAAGGTTTAAAATATCTTGGGCCATTTCCATCATTTCCCT
TTATTCTCTTTTTAATGTGGGGAAAAACATACTTCATTCATTGTAATC
CACTCCAACTCCAT

>Sequence 1454

CCGGGCAGGTACGCGGGCGTCTGCTAATTTTTTGCTTTCTCTAAAGCGCT

Table 3

273/1077

TCTGCTCACTGCCATATGGTAAATTCCTCAGTGAATTATTCAGGGTCTTG
TCCTGATGCAAAAAGACACTTTAAAAAAAAGCAGAACATTCCTTATCCCTC
TTGGAAAAAGAAATAACAAATAATTAAGGCCACAGCGCTCAGGGACCCAA
GTTTATTGGCAATAAAAGGTAGCTGTGCTGACAACGCTACCAATTAATCT
GCCAAAAGCGAGCTCAGTGGTGTGGCATAAAGATCATGTGTTGGAAAAC
AGGACTGGAGACATCCAGGGATCTATATAAAGCATAGACAACAGTCTTAG
CGATCATGGGGCAGCAATGTGGGCACCCTACCTTCAGCAGATATGGTAGC
GGTCTGCGTTCTTTCTGTAAACAAAACCTCCTCACTACGTGGAGAACCCCTC
AATCCCAAGTCAGCTGTACCT

>Sequence 1455

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTGTCCTTTGTAGGTCCCTCTGCGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTTGT
TTTTTGGCATTAAAGGGCTCATGTTAAACGCCCCCGGCTGCAAGAAGCCG

>Sequence 1456

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTCAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTTG
TTCCTTCTCTCTTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTCAGGGTTTCTGGTCTAGTGCCTTCATTCTTCCCACCCT
GGTAATTGAGTTTTCTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCCTTAGCTGC
TCTAAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCTC
TGGGGGACAAGGGCAAGACGCCCAGCTTGCTGATCCCTTTGATGCCTTC
TTTCCAGTTTGTCTAAGGGCTCCAGCGATCTGAGAGTTGGTAAGAAATCT
TTGTGACTACTGGCATCTACAGATAGATGTCAGAGCTGTT

>Sequence 1457

AGGTACCTGGGTGACGTTTACGTTCTGGGATTTCCGGAGATGCGGTTTTTC
TGCACGCCAGGGGCCAAGCCTGAGACGTATATGGACGGCAGGGATAGGAG
CTCTCTCCGCGCCACAAACGCCCTTGCTCATACTGGGTTTCCTTGATTT
TCCTGCCTAATATTAACCCAAGCCTTCCCATTGGCCGGTGCTTCTGAGTC
TCTTATTCTGCGGGACTTGGGAACAAAAGGGTGTAAACATGTTGATTG
AGTCTTTTGTATTATACCCCCAGTGATTCTTGTCACTTTGCCACAAAGTG
GCGAATGGCTGCCATAATTCATAAATACTTACTTCAACCAACCTGTAACA
ACCTGAGTATTCAAGGTTGGAGTTTCCCTGAAGTTGTTCTTTAACGAACA
ATTAAAAAATTTCTTAAACGTAATTTTTAAACATAGTAGGTTTGTAATTT
TTGTTGGCATAATCCACCTGTTTTAACTTGTACCAAAACGGCCAT

>Sequence 1458

AGGTACGCGGGATACTATGACTAATTATTTTTGTTATTATTACCACTTGT
ATTGCATATATCAGCTCAGTATGAATTTATCCACTACTTGCTGAATAATC
CCTGAATGAAGAGACAATATAGTGCAATATTTGACAATGTGTGCTCTAAA
TCACACTTTGTTTTAATCAAGCTCACTCAGTATTTATTAGCTGAGGGATG
TCAGCAAGTAATTTAACCAGTCTGATGCTCAATTTTTCTCATTTGTAAAA
TTGTGATGTTAATCCTAATTATAATATGGGATTGTTGAGAATCATGTATT
TTGAAAGAATCCAAAACATTTTTAATCAGTAATCAATCAAATAAAAAACT
AGAGCCTGGCCGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGG
AGGCCGAGGCGGGTGGATCACGAGGTGAGGAGATCGAGACCATCCTGGCT
AACATGGCGAAACCCCGTTTTCTACTAAAAAAAATACAAAAAATTCGCC
GGGCGTGGTGGCGGGTGCCCGTAGTCCCAGCTACGCGGGAAGCTGAAGCA
GGAAAATGGCGTGAACCCCGGAGGTGGAGCTTGCAATGAGCGGAGATGCG
CCACTGCACTTCAGCCTGGGCAAGAAAAAGAGACTCCGTTTTAAAAAAA
NAATCTTTATAACAAAAAGGTCCCTTGCCGGGCGGCCGTTTTAAAA

>Sequence 1459

AGGTACGACAATGGAAAGTTTTTAAACAAGCAAATGTCACTATCAAATTC
CTGTTTTAGAAAGATAATTCTGAGAAGGCACATCCTGAGACAGCCTGGGG

Table 3

274/1077

CCAAGATGCTGTGGCGTAAACAGATCGCTGAGCGATGATAAGGTCCTGAA
TCCAAAGGGCATTGGTAGAAACCAAAGGTGAAGGGACACATTCAAGAAGC
TTTTCCCAAAGAGAATGCCTGGGTGACCAATTAGATAAAGTAGATGAAGG
AAACAGAAGAAACAAAGATGATTCCACAGTTTGTCTTGGACAGGAGGGT
AGATGGCAAAGTCATTAAGTGAAGATAGGAAAAAAGAGCAG
GTTTGGCAGAGAATGTGACACCCTCAGTTTGGACCTGCTGAATTCTGAGT
ATGTTGGAGA

>Sequence 1460

AGGTACTGATCTAACCAAGATATTTTGTCTCATCCACCAGTCACTT
TCTCAGTCTTTCTGTATCCCTTGCAATTTGAACAAAGCTTGGTGAATAG
TGTGCACACAAAAAGCACACTAGGTGAAAGACAGATACATAAAAAGGGTA
AAGTCAGGATATTTTAACAAACCTATCAAGCTCTAAATATAAGCCTCCTT
GGTAGTTTCTCTTTAACCTCTCTCCACTGTTGGATGAAATTTGCTGCA
TTCAATTCCAGTTCCCACCCCAACTTCCTTCTTAACACAAGGTCAGGGTT
AAGCCTTCGGTGCTTTAATCCAGAGGAAAATTACTTATTTTAAAAAGCAG
TGAAAAACACCGCATTCTTTGGCACAGGATGAAGACCAGCTTAGCTTTT
CAGTTGTTGATT

>Sequence 1461

AGGTACGCGGGGAGCCAGCGATGGGTCCACCTTGCCCTTGTGTTGTTG
TTGTTTTGTTTCTGTTTTGGTGACTGAGTGAAGGGACTTGACCCTGGT
TCTCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTGCGGTGATCAGGGAAGCTGCCTG
GACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACCCATTCTCTCGCCCCTCTTGAG
AATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTCAGCCTGCAGTCAGACCACAGTCT
GTCTCGGGCTGGTGCTGGGGGTGGCAGAAAGGGGGTCTGACGCAACCCC
TGCTCCCCCGAGTCTCTCAGTCTCTGGGGAAGAGATGACAG

>Sequence 1462

GCTCTCCGATGCCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGGCACTGCCTCCGGGCCCGTCTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTCCG

>Sequence 1463

CCGGGCAGGTACGGGGGAGATAGGCAGGGGACATCTCCCACTGCTCCAGC
ATCCCCAACCCCCATCCCGGGCAGCCCCATCCCACACCCGGAGGAAACCC
TGTGTGCCTGTTACAGAGCCGACAACAGTAGCCAGCGTCCAGGCAGAAG
CTGACGCACAGGGAACCTCGAGGAACTTTCCATAAAGGCTAGTGTGCAGCCC
CTGGGGACGGGCCAACTGTGGGCTGGTGGTTGGTGAAGCCTGTCTTTGCA
AGAGCCCTGGCAGCAAGGTGGTGTGTAAGCCAAGACCATCTTCCTAAGTT
CTCCTTCCTCGTCT

>Sequence 1464

GGGCTCAGGCTCCTTGCAGATTCTTAACCAGCATAATGCTGGAGCCGGGA
GCCACCAACCTGCAGTCTTCAGAATGGCCGTGTTGGACACTGATTGATG
CACATTCTTCCATCTTCTGTTCTTCTCCATTCTGGGCTAAGTTAGTAGT
GGGATCGGTTGCCATTGTGTGTTTTGCACGCAGCTATGATGGAGACTTTG
TCTTTGATGACTCAGAAGCTATTGTTAACAATAAGGACCTCCAAGCAGAA
CCGCCCTTGGGGGACCTGGTGCATCATGACCTCTGGGGCATAGATTGACC
ACCACAACAAGCACCAGTTCTTACGGGCTCTTAAACGGTCCTAGCTTTAA
GAATAT

>Sequence 1465

AAGCCCGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TATAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGTAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTATCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCTT

>Sequence 1466

Table 3

275/1077

CCGGGCAGGTACAGGCCCTCATGTTCTCTGGACACAGCATGGATGGTGAA
TGTTCTCGTGGTGTGAGACAGAATGGAGTCAAGGAGAAACCAAGTATAGG
CACAGGGTGGGTGAGACTTTGTTTCCGCTAAGAAGGTCATGCTGGAGCCC
TCCATCACCTCAACCACCTCCCCACTGGCAACACCAGACTCCAATTTGAT
TTCAACAGGATCAGGACCATACTTCACATCCAGGAAGATGGGGTTCGCTCC
TCTGGCTCAGAAGGGCATCTCGAGCTTACATTGGTAAGTCCCTGAGTCC
TCCCGCTGGACAATGAGAATGGTGAGGATCTTGCCATCCGTGGACAGCTG
CATGCGCTCATGGAACACAATGGAGAGGTTGTTGGAAACCCAGTGGATGG
TAATGTTGACGTCCTTAGTGGTGCAGTAGAAGGTCA

>Sequence 1467

AAACCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TATAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTAAGAGGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATATTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCAATAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACTACTCGATTGTCAACGTCAAGGAGTCGCAGGT
CGCTGGTTCTAGGAATAATGGGGGAAGTATGTAGGAGTTGAAGATTAGT
ACGCCGTAGTCGGTGTACCTGCCCCG

>Sequence 1468

AGGTACATCAATAAGTGACTGGTTAAATACGTTACTCCACCTACAAATAA
TGCAATGTTGTGTGGCCATAAAAAAAAAAGAATAAAGTAGATATTTAGTTG
CAGATATAGAATGAGCTCTACAATATATTAAGAGGCTGAACAACGTGCTG
TTTACAGAAAATATGCTCTAGTTGTATATAAAGGAAAAAGGATTAAATT
CACATTTAACTTGGTAACACATTGAAAAATTGCAGAAAGGTAAATAAAA
AAATCCAAAGCTAGGCCAGGCAGAGTGGCTTATGCCTGTAATCCCAGCAC
TTTGGGAGGCCAAGGCGGGCAGTTCACAAGGTCAGGAGATAGAGACCATT
CTGC

>Sequence 1469

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGGAAAGCAATCGGTTTAAACAGAGCGCCAACCCTGTA
CCT

>Sequence 1470

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCC

>Sequence 1471

CCGGGCAGGTACGCGGGGAATTAAGTGGAACTTACCATTCAATTCTGCTTT
GCTAAATTACTATGCTACTGCTTAGTGATTTTTTCTAATACCATTATAAAT
GCTTTGAATTCTCCTGCCCTAGAAAAGATAAATTGATCTGAATCTCTTA
TAGTTTGTGTTGTGCTGTATCTGGGAAGTTCTGGATGACCTTTGACTGTA
TCAACGTAGATTATAATCGAGAATATAAATTACAGCTGAGGGGGGAAAAGT
GGTACTCCTGGTAGATCAATCTGGATGCAATCAGGAGGACAGAAATCAC
AAAATAACTTAGAGTCTN

>Sequence 1472

AGGTACGGGACTTGTCTCCAGGAGACATGTCTGGGAAGAAGAGCTAGACT
GGAGAATCATGAGCATGTTCAAGGTGAAAACATGTGAGTGGATAAGAGCAA
GAGGGTGAGAACACAGACCAAGGGGCTAAGGGACAGACTGTGTTCAGTAT
TTGGGGTTGGGAAGTGGTTTTTGTACTTGTAGTTCTAAGACCAGGCTC

Table 3

276/1077

AGACTCTAACTTCTCTGTAATGTGGGAATAATGACAGCACTTACCTTATA
AGATTTTACAAAGATTAAAATATCATATATAACAGTCACTTAACACAAGT
AAGAATTCAGTAAATGTTGACTGTTATTACTATTGTCTGGGTCGTTATAA
GTTTGAAGACACAATTGCATAAACTGTCATCATTAAAAGGAAAACAGAGA
AAAGTATTTTGGGAAGGGTCTTGAAGGCT

>Sequence 1473

CCGGGCAGGTACCCTGGAGCCTTGAGCAACGTTCTTTTGCATTATGCCAG
GAAGAAGTCTGGCAAATGTAAGTGGGCTTAGAATTCATGACTGCAGTCA
GCAGCAGTTGTGTAATCTAGGGAGAGACTGGTATTTGACACCTGCAAGT
CCTCAAGGTAAACAGAAGTCTCAAAAAGCCCAAGCCCCAGAATTTGAAA
AATACATGGGTTTACCCCCAACCTAATTCAATGTCACCAAGAAAACTT
GTAAGTTCCAATAAGGACAAACCAATAGTTTAAAGTCTGCAAAAATATTTT
CCATATAGAATTTTAGAAGTATTATTTAACCTCTTTAATTCTCTGCTTTT
CAATATCAAATTTGTTTTTGAAGCCCTTTTCTTTGGGTAAAAAGTTTA
CCGAAATGCCTTTNNTTTCAAAAGTAAGTCTTTACCGGTGAACTTAATT
TTAAATGTATTTACAAAACAGGAAGTCAAGTAAATGGCT

>Sequence 1474

CCGGGCAGGTACCCAAATTAAGTAACTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGA'GCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAAGTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGGCTT
TATTTGGGTTTTCATTTATACAAAAGCTGGGTCTCTCCTTGATCCAGTG
TTTTGGTGGTCTTTTGTGC

>Sequence 1475

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGGCATTAACTTCAAGGTAAAGACCCATTCC
AGGACGGCAGAGATCATGTCTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCC
TGACATGTTGCAAACACTCCGTATGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGCCCCA
GTCAGAAAACCTCTGGGAGAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGAC
GGATACATGAGAAGCTTTCTTTGATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGT
GAAGTTCCACTTAGAGGTGTCATGCTATGGGGCCTCAGCGTCACACATC
GTTTGACGTCTGACCAGTTTCTTGACTTTGAGAGGCTCTTA

>Sequence 1476

AGGTACATATACTACTCTCTTTAGTAACAAGGTTGTAAGTTTCCAC
AAGGACAAGACTTTTATGTTGAAGCAGTAACTGGGACTTCTAAGGAGTGC
AAAATGTAATAGTTCTTTAATTGGGTAAGTTACAACATCATCTATGGTTT
TTCTTTTTTTTTTTTTTAGCGACTCATGAGCAGATATTCGCCCCATATT
ACAGACGGGGGAAAAAAGACTTGCACAAGCTCAAAATGTGCGAGCTGGAA
TTACCATGAAAACCTTGGCATATAGCTATTGTTTGAGGCCATTGTCTTGG
CAGGATTCCTTTGGGN

>Sequence 1477

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGTAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGC
AAGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCC
CCACCACCCATGAAGTTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCA
GTTTGAACCAAGTGGAAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTA
TGACCGCAGAAGAACTTAGGGAGCGAGAATTCTTGAACGAAAGCATAGG
AGAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACCTCCAAGTGTGTCCAAAAA
GGCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTTATCAAAGGTTCTG
GAGAC

>Sequence 1478

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTGCTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG

Table 3

277/1077

T

>Sequence 1479

TTGTGCTATCACTACTTAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGAG
GTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGTGTCTAGCTCTGTA
GCTCAGGCTGGAATGCCGTGGTGCCTTATGGCTTACTGAAGCCTTGAAT
TTATGGGCTCGAGTGATCTCGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACA
GGCACATACCACCACGTCTGGCTAATTTTAAAATGTTGTTTTAAAGACAA
GGAGTCAACTTTGTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACCTCTGGGCTCAAGCTG
TCCTCCTACCTTAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACATATGAGAATCACT
GTGCCTGTCCTGTCCTGTCATTCTTTAAACAAAATTCATTGAATGCACA
TCTTATTATACAAAGACTATAATTCCTGACCAGTTGCTACTTCACATAG
ATTTAACC

>Sequence 1480

CCGGGCAGGTACCTCCAAGAAGCTTACAGGATGGAACCAGGGAAGGTTTT
GGACACTCCACATCACTCAAAGTTCCACTGGCTCGATCCCTGCAGATTAG
TGAAGAACTACTGAGCAGAAACCAATTGTCCACAGCTGCCAGCCTTGGGC
CATCTGGATTACAGAATCATGGACAACACTTAATATTATCCAGGGAAGCC
TCTTGGGCAAAACCACATTACGAGTTCAACCTCAGCCGTATGAAGTTCAG
GGGAAATGGTGCACCTCAGCAACATCAGTGACCTTCCTTTTCTGCAGAAA
ACTCTGCCTTTCCAAAAATGGCACTTCAAGCAAAACAAGATGGAAAAAAG
GATGTGAGTCATTCATCTCCTGTAGATTTAAAGATACCACAAGTTCGAGG
A

>Sequence 1481

ACGTCCGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGACAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1482

AGGTACTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTT
GAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGG
GATTATAGGCATGCGCCACCATGCCCGGCCGAGGTACAGGGTTGGCGCTC
TGTTACCCGATTGCTTTCAGCTGGGTCTTGGTTCCCATTGCTGCCT
CCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCCTTATTTGAGTGCAAATGT
CCGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTGTGGTGCCGTGGTCATTGT
CGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACGT

>Sequence 1483

AGGTACACTGAAGTAGGAAGGAGGGACAGAAATAGCAAGTCTTAGGAAAT
GCCTGGGTATAAAATAAGGAGAAAAATTACACTTAATAGCATATCATAAT
AACTGCATTTAAAGGTGGGAGGAGAGTCAACATGTAGTAAGTGTTATTG
ATTTAAGTATTTCTATTGCTAAATTTAAGTGTAAGTTAAAATTTCATAGTT
TACTTTCTTTACATAATGCACTATCCGCATCATTGAAAATTTCTGTGAAT
ATGTTTCTAATAACATTATAATTTTCAATGTGTAGATATTTCAATAATT
GCATAAACAATGCCATGATATTGAAATCAGTTACTTACAATGCCAAGGGA
C

>Sequence 1484

ATAAGGCAGCCACCGGAAGCACCCGGGCGGCCGCGGAAATGCTGGTGGTC
TGCATCACCACCGGATCAACTTCGACAAATACCACCCAGGCTACTTTGGG
AAAGTTGGTATGAAGCATAACCACTTAAAGAGGAACCAGAGCTTCTGCCC
AACTGTCAACCCTTGACAAATATGTGGAACCTTTGGGTCAGGGGAACAAG
ACACCGGGGTGAATGCCTGCTTAAAAAACCAAGAACCTGGGGGGCTGGCT
CCCCAATCAATTGAATAGTAGGATGCGGAAATCGGGGCCCTAACTAACAAA
AAGTTTCTAGGGAAAAAAGGGGAAAAAGACTTCCCAAAAGGCCAGGCCTG
GTTCAATTCGGTGGAAGCGCCCAAAATATCCTTCCAGCCAGGAAAGAAGC
TTGTAGGGAGGAAAGATTATAGGAGTGGTTTGGGGGGGGGCCACTGTGGT
CCCTGGGGGGGGCTTTGGAAAACCCACAATGGGAGGGGGAAGGTTTCAAT

Table 3

278/1077

TAAAAATGGCTTGAACCTTACCTTTTAAAAAAAAG

>Sequence 1485

CGGGCGCTGACTCCTGTGAGACGCAGCCGAGGCGAGCAGAACCCGAGGGG
AAGGGATGCAGACCAGAGCCGAGAGCTACTAAGTTCCTGGCCTCCCCGA
GTGAGTGACTGGCGATGGACGGAGAGCAGGACTTCCCTTCCTGCATTGAG
AATGTGTGTGCAGGTCATTATTCATCAACACATGTCAAGATAAAACATAC
AGAGCTCTTCTTGAAGGGCTGGGTTTGGTCCATCTCAAATGACACTTTT
GTCACCTCCATAAATTCCAAGATGGAATGTCAGTCCACTGGGGTTGTTAT
AGACGGCTAGGCTAGACTAGGCAGTCCGGGGCGGGGAGGGGAGTTAAGTA
GGTAAGTGTCTTCTTCCACGAGGCTGTCTTGTGAGGTCATTTCTGCC
TGAGTGTGACACAGTCCTCTGTAAATATACCTGTAAGGAACGTTTTCTT
GCAAGATAACAACAGGTCTCCGTTTTTTTCCCGATTTCAACACGTGTGTT
TGAGTGTGAACTCGGTACAGAAAGGGGCCCCCGGTACCT

>Sequence 1486

AGGTACACAATAAACACACAATTTTATCTTTCAATTCAAAAATAATGTTT
AATGAAATTAAGAAATGAAAGAAAAACAGTCTGATGAAAGATTACATTTG
ATTATGAAGAAAGTAAATGACCTACTGTCGTTCACTATGACCTATCCGAT
AAAACGGTCTGCTTTTTCTTAAACAATTTTTCATTTTCACTCTATATTCAGT
TCTTGTTCCTTTTCTTAAACAATTTTTCATTTTCACTCTATATTCAGTG
TGCTGGAGTTGCAAATTTGTCATGTAGCCATACTGTTCAATTTATTTATTT
ATTTTTTTTTGAGACGGAGTCTCGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGT
GGCTC

>Sequence 1487

AGGTACCTGCGATGTCAGGAAGAGGAACCCACTAGATGACCATCCTTGGG
AAAGAGTCAACCATGCCAGCCAGACACATATAGCCAGCTGCTGGCATTG
GATTCTGCATATAACCTACCATGACAGAGGTTTCTACAGGCCTTTTTCCC
TACTTCCTTATGCAGGAATATTCATCTGGATAATGAAGATCCCCTGTCCT
AAATCTGAGATTTGGCTTGCAATTTAAACATGAAATTAACATGTATTTAA
ACTGAAATCTGCTGCAAACCTGTTTCTCTCATCCCGGTACCTGCCCG

>Sequence 1488

CCGGGCAGGTACCATCTGGCCTGCTCTACGTTGCCATTTTTTAATCCAAC
TTGTTAATTCTGCCTTTAGACTCTCTTCATATTTCTAGCATCCATCTTT
TTAATGACTAATTTATTGTTAAAATGAATGAAGTTTCTGGGCACAGTTC
CTGGGCCCCGAGGCCAACTTTTCCAAATTTGAAACATGGCATCATACAGCT
GGATGCTTTCTCGAGGTGAAAGGGTAAGATCAGGAGGGAATCCATACCTT
TCAATATGATCTGTTGTTAGTGCAGCACATGGGTGAAAATGATCAAAATG
AATGTCACCATGTTTTATTGAACATACATGCTTCTCTAGATCATTATACC
TCTCTCCATC

>Sequence 1489

CCGGGCAGGTACCATCAAAAGAATATATTCCAAGAAGGTTAGCATCTAAC
TGAAGGAAACTTAGGTGTGACACTGAGAGACTTCATAGCAGGAGATGAAA
GCTTTGAAGGAAGGCATTCTGCTAGAGGGGCAGCAAACCTCCAGCCTGAGA
GCCAAGTGCAGTCTGCCACCTGTTTTGGTATGACTGGTGAGGAAAGAAAG
GGGAAAATGATTTTATACTTTTAAATGGAAAAAAAATTAAGATACTT
CATAACATGTAAAATTGTATGAAATTCAAATTTCAGTGTGCAGAAAGTTAA
GTTTAAGGATTGTTTAGGTATTGGCTGTCTACGGCT

>Sequence 1490

CCGGGCAGGTACAAGCTCAGTTTCTATGATTATGTCCATCAGCTCATCCA
TGAAATCAAGTCCAGATGGCAGTTCTGCAGAAGTGCCCATCCTCCGTTT
GCCATGGTCTGCTGCAAGAGCTTCCGAGCATGGACTTCTGGCCCTGGCC
CATGGACACATAACGGGTTTCTATTTTTAATCTCTTCCCCAAGGCAATGA
TGGAATCTGGGGGGTCTGAGCCCATAAACGGGAAACAAATAAGGGGGCGT
GGGGAATCAAATTTCTCCACCTCTTTTCCAGTCTTAAATAACAACCTTCC
GCATATTTTTCTTCCATGGGAGTCCACCAATGGTCCCTGGGCCCCGTTTAA
AACTAATGGGATTCCCCGGGCTTTCAGGAATTCGAAATTCAGCCTATTTG
AATCCCCGCCACCC

Table 3

279/1077

>Sequence 1491

AGGTACCTGCGGTAGTAGCCTGGCTTTGCTCTGACGGCGATCTCGCGGCC
CGAGAGCCTTTTATAGACAGCTCCTTCAGTGTCTCTGTTTCCAAACCGCA
ACCGAGAAGAGACAGACGGAGAAAAGAGAGTTACTTTTCCAGGTTGCTTT
TCCCGGGGATGTGAAGGATACAGAAATGACTGTGAATCAACCCATATCAT
CAAGGAGCTGATAATCTAGTGGAAGAGTTAGACGTGTGCATACTTCACTA
TGATATGAGGCAGTCTCTGAGCTTATATTCTCTGTGGAAGATGTGACATA
TCCAGGCGGAACATCATGATGCAGGGAAACACATGTCACAGAATGTCGTT
CCACCCGGGACGAGGGTGTTCCTGAGGACGAGGAGGACATGGAGCCAGAC
CCTCAGCACCATCCTTTAGGCCCCAAAATCTGAGGCTGGTTTACCCTTAA
CAGCCTCCTGTGCAG

>Sequence 1492

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTGCCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCATGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1493

CCGGGCAGGACGTTTAACTGCGGCCCGGCGCGCGTCCGGGAGGTTGCC
CGTAGGCCGCTAACTGGTGGTTCCTAGTCCCCGCCGACTCGGCCTCTTTC
TTCTGCGGCCACCAGATCGCGGGATATCGGAGACTTCGAACAATCCGCTG
GAGTCCTTTACAGTTTAAAAACAGAGGAC

>Sequence 1494

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATGAACAAATATTTA
TTATCTTTTATAACAAGTAAGGCATTGTTGCTTAAAGGAAGACAAACAA
ACTTAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTTCATTTGTTTCGGCACAATG
CTTTTGGCATAATTGGAGATGTGACAGCAAACCTTCCAGGACATTCAGTC
TTCGGCGGCAGCACTTAGGGCAGATGACTGGCCGCTCAAATTCTCTATCT
TGTTTCAGGACAGTGGAAGCTTATAGATGAGGCCAAAGCACCAGGTAG
GTGGAAGGTTCTTGTATCGGTTTCGAACCCCGACAGCGCGCCAACAGACAA
CACGAGGCAGTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAATGAGCGCCTGGGTACAG
GCGTGCTGAGGCTGAAAATGGCATTAGCCCCCGGGTACCTGCCCGG

>Sequence 1495

AGGTACGCGGGGGCCCCCTTCTGTGACCGAGTTCACACTCAGAACACACG
TGTTGAAATCGGGAAAAAAACGGAGACCTGTTGTATCTTGCAAGGAAAAAC
GTTCTTACAGGTATATTTACAGAGGACTGTGTCGCACTCAGGCAGAAAT
GACCTCAACAAGACAGCCTCGTGGAAGGAAGAACACTTACCTACTTAACT
CCCCCCCCCGGACTGCCTAGTCTAGCCTAGCCGTCTATAACAACC
CCAGTGGACTGACATTCCATCTTGGAATTTATGGAGGTGACAAAAGTGAC
ATTTGAGATGGACCAAAACCCAGCCCTTCAAGAAGAGCTCTGTATGTTTT
ATCTTGACATGTGTTGATGAATAATGACCTGCACACACATTCTGAATGCA
GGAAGGGAAGTCCTGCTCTCCGTCC

>Sequence 1496

AAACCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAAGAGGGCTTAAGGTGGTGTAAATATTCCCCATAAAGCTTTTGGC
GGAACCTCCTGGCGCCAAATCGGAAGTTTGTGTCATGACCTTGCGAATTT
TTAGTTTTTGGTACAAGGGATAGACTTGTAGCTTATTTTTTTTTTAAATA
AAAAGTGGATTACATGTACGACATGTCTGTTAGGATTCCTCTTCATGGAT
TGAATTTTAAAGCAACGATCTCTGTGCTTACTTTTTCACGAGAAGCACAAAC
AGTTTCTAAAGTTGAGGGGTTTAAATGGGGGTACACTTGCGGCACGCCTT
CTAAGAAACCTAAGTTGGGATCCCCCCCCGCGGTGCTTGCT

>Sequence 1497

AGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGGGGGTTGGGAATTAT
TACAATACACATCATAGACAAATGAAAATAGTTAATTATTTACTTTGTA

Table 3

280/1077

TGAGAGAGAAGATTTATCCCATATAAGATTCATTTCAAGATGTGTCCCAA
CATAGGTTGTTTGAAGACTTTAAGATTTACAAAAATATTTTTGCGTGTCT
ACAGCAAAGATGGCGAAGGACTAAGCTATAATAAGTGATAATGGAGGGCC
CCTTAGTAGAAAAGACTTGCACTCAATTCTCAACAAATTTAATTTATCAA
GTTCTTAGGCTATGAACCATATTTCCCCTACCACTAAAGTGAGAAAAACT
ATGTTAACTAGTAGGGTTAACCACATTAATTAATCAACCTGTGTAAAGT
GACTCTCATATAATAGTGTCTATGATGTGGTCCACTAAATTTTCTGTAAA
ATTTTTAGTTCTTTAAGTCACCGTATCAGTGATGCCTTACTACCATAGA
ACATAAATAATGTTGGCTCTTTTTGCGTAAGTAATCTATGAGGTGTCTAT
TCAGGTAATACAGAAAGGCTTCTTGTATCTAAATATTCTATGCACTGCTA
CATGCTATACAGCATTGCCATTATTTCTTCTTTAAAATAATATATTGAAA
GGTCTGTAAAAATAAGTATGCATTATGTAGCATAAACCAACATAAATT
CAGGATAAAATAATGGGGTAATTTAGTTGAAACAGAGAACAGAGGTAATA
ATTCCTTACCTTTATTAATAAATTCAAACCACATTAGGTTG

>Sequence 1498

AGGTACCTCTTTTTCTATGCTGAAAAGTTATGTAAAAAATCCCTAAGCTT
TGTTGGATAGTCTGTCATACCCAGTTGCTCCCAAATCAAAGCTCTTT
TGTAATCTTGTTCTTCAATTAATACCCAAATATACACTTGAATGCCTCGA
GCAGTTAGGTGGTCAAACAAAGCTTTCCTCATTAGTAAGAGATCAGAAAG
CCAGATGAGAACTTTTGACTTCTGGACATGGTGTGTGGTTCTTTAGCT
TCAGTATAATAGAAGGCATTGGGATTTCAAAAACTGTTCTCGAATGGGC
ACAAAGGGCAAGAGGCCAGTGAAGAAAAGGCCAAGAATGAGCAGGACACG
TTGTAACTGAAGAGTATAGGAATATCTGAATTCCTTTTCGTAGCACTTTT
CTACAATTTG

>Sequence 1499

AGGTACACGCCGCCACGCCGGGCTAATTTTTTGTATTTTATAGTAGAAATG
GGGTTTCACCGTGTTGTCAATGCTGGTCTCGAACTCCTGAGCTCAGGCAA
TCCGCCCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCTACC
GCACCCGGCCTGCATATATTTTTTAAACATTTATTTTACGTTACCAAAT
TGTCTTGAAGCATTCAATTAATAAACACAAAACTCACTGCAGCTGTCTGA
ACACTTTTCTACTTCACCAAAGAGTGCCGAACAAGTTAAAATGAATCTGT
TTTTAAACACTTCTCCTA

>Sequence 1500

CCGGGCAGGTACTGGGAGAGTGAACGACCACATTAAGAACTGGGCAATGA
CCAGCCTGGGCAACATGGTGAGACCCTATCTTTACAAAAACAACAGTAAA
AAAAAATGAGCCAGGTATGGGGGCACAACTTGTAATTTCTAGCTACTCTG
GAGGCTGAAGCAGGAGAATTGCTTCAACTCANGAGGTGGAAGTTGTAGTG
AGCCAAGATCATGCCACTGCACTCCAGTCTGGGCGACAGAGTGGGACCCT
GTCTCAATGAAATAAAATAAGATAAACATGAGAACAAATAGAAAACTGAAG
GACAACAAAAGGAGGTAAGGAGATAAGGGGGTAGAGGCTGAAAACTTCC
TACTGAGGACTATGTTCCACTGAGGACTACTGAGGACTATGTTCAATACT
AGTATTGACAATATCAATAGAAGCCTTAGCATCACACAATAGACCCTTGT
AACCTACACATGTACTCAAGATATACTTGATATATGTAGTTATTGGAAGA
AGGGCTTTAACACATGCTTCTCAAGTGAAAGAATGGAAAAGACAGACAAA
AGGAAAGAAGGAAGGAAAGGATGGAAGGACATATTTAGAATAGCAGGGTC
ATGCTTTTATAACAATCTACTTGAGAATTGTAACCTTGAAAAAGGAAGAA
GGAAGGAGTTTGGCAGTCACCAAAGGAAAAGTCCTTCGGCGTTTAAACTA
GTGGACCCCGGCTGCAGAATTCATTTCAAGCTATCATACCGCAACTGAG
GGGGGCCGGTCCCAGTTT

>Sequence 1501

GGTCTGGACCATCTCTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGC
CGAGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTCCAGCTGTGTCT
GGTTCCTTTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCT
CCTTATTTGAGTGCAAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGG
TGTGGTGCCGTGGTCATTGTCTGTTTGTGTCTATGGTAACATGTCATCCGA
CGT

Table 3

281/1077

>Sequence 1502

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGGAGTCT
CACTATGTTGCCTAGGCTAGTCTCGAATTCCCCAGCTCAAGCGATCCTCC
TGCCTCAGCCTCCTGAGCAGCTGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCC
AGCCCTTAAACTATTTTGGATTAGGTTTCTATTACTTGCAGCCAAAAGTT
CTGAATTAACAAAGGGCCTCACCCTGGCTCTTCCTTGGTATATATTACTA
TGGGGATGGGATGACCGAGGTCCCATAGAAATCTCAACTGATCCATTCTT
CCCATCTATTTTCCAGGTCTCATGAAAAGTTGCCATTTTCCCTCCTCAA
TTT

>Sequence 1503

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCTGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1504

AGGTACCCACAGCATTGGCTGTTCTTCATAGGAGACTCAGAGAAGACTTC
ATAGGAGACTCATTATTGTTTACTGGACATCAGGTGCTATATTGTATAGC
ATTCACATTCCACAGGTGAGGAAACAGGCTCAGAGGAATAAGTGGCATGC
CAAGATCATTGAGTATATCAGTAGCAGAATAGGATTCAGACTNTGTTAGG
CCTAACTCCAAAGCCCTGGCTTTTTTTTTTGGAGATGGAATCTTACTCTGT
CACCGGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGCAATCTCTGCC
TCCTGGGTTCAAGTGATTCCCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACT
ACAGGCATGCACCACCACGCCCAGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAAGG
GAGGTTTACCGGGTTGGCCAGGATGGTCTCAATCTCTTGACCTTGATGAT
CTGCCTGCCTCGGCCTC

>Sequence 1505

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATCATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCATAACTTGTGTGATCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCAGTGT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGAGGAAAAGAAG

>Sequence 1506

TGCCGTGACTCTATTCTGTAAGGCGAATGAGCTTACCGCGGAGGCGGCC
GCCCCGGCAGGTACTGTGTTCTCACCGTCGCGGAGGTTTGTGGATATTGG
ATAAAGCTTCACTTTGTATGGGTATTCTGATTGCTATGACTTCTGGGTGAA
TGCAGACGCTCTGGATATCCACCCAGTTGGGTGGTGTGAGAAAACCGGCC
ACAAACTTCAATCCTCCAAAAGGGTATAAAGAAGAAGAAATTCAATTGGCA
GACCTATCTTAAGACATGTAAAGCTCAAGCTGCTCCTAAGTCATTATTG
AAAATCAGAATATAACAGGTGCATCCCAGTCGCGGCTTTTCGAGGTTGGT
AATGAAGTCTTTGAGGCAGTTACGACAAAAAAGGAATTCCCTTCATTCAT
TCTGTGGTTGCTAACGGGTAACCAGATATTGGTGCAGCAAATCGTTTTTC

>Sequence 1507

TACTGTGGGGCGCAGCTGTGTTTAAAGGAATTGGTCCAACCTCCGCGGGG
AGAAGGCGGGNTTTGCAGTTATGGGCGGCGTCTTCCGCTGTCCTCTGTT
TAATGAACTTCGCTATCGCCTCGGACAGTATCGGGTTGTGGGCGGGGCGG
GTTTCAAAGATTACTCCAAAAGAGGGTGAATTACGGGTAATATCACAAAA
ATCAGGGGGAGTAACCGCAGGGAAAGAAACACTGTGGAGCCTAAATAGGC
CACTTAAAAGGCCCATGAACACGGTATAAAAGGGGCGGTTTGTGTTGGG
GGTTTTTCATAAGGAGTCGCGCGCTCTCTGTCGGGGAATTATAAAAGAAA
TGTCGTCGTATATCTAAGTGTGTGCGAAAACCGAACAGGCCTCTTAATAA
TCCCT

Table 3

282/1077

>Sequence 1508

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1509

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGTAGAATA
TTGATTGTCCTATATCCCATTTTCTTGAAGAGATTCTGGCTTCTAATATA
TGTTCTTAAAAAAAATTTATCGTCTAGTAGTGATGTCTTCATGTTTCAC
CCAGCTGTCTCATAGGCATGACTAAGCATCTATTCATCACCTGGCTCTG
GATGCCTCCTCTCTTTACCATTTGGGAAAAGGCATTTGCTGATTCTTTTG
ATATACCTGAAGTATTGATGCTAGAGAAATCACTTCCAATATAAACAGCA
TCGTTTGAGATCTTCACTTCTGTGCTGCCTCAAATTATGGTCAGTGAG
CGAAAGGAAA

>Sequence 1510

CCGGGCAGGTACTAACTAAGCCGTCACTACCAGCAAGCAGAATGAAAA
ACAGGGACAGATCAGCATCCAATTAGTATGTCTAAGTTTTTAAACAGGAA
AAGGGTTGAGGGGAATCAGTAAACTGGAACTCATACTTCACAATTTTG
CAAATCTTACTGATTAAAAGGACGGAAATTGTGTGCTTATCAAATCTTG
CTGTGAAGTGACAGTTTTCATTTTGAGGTCCTGTATAACAATTCGTCC
TGGGCTGGCCCACTTTTCAAATGCAATGTTGAAAAATCTTGGGAGAATT
CAAAAGCAATCATTATTTCAAGGCAATGCAAAGGGTCATTTACTTAAGTGA
TTGCCCTTTAAACAAAGGTTTCCAAAAAGCCTCAATAGGAGTATACTT
TCAAACCTTCAATTAACCTTTCAACAATTATGGGTGTAACCCTCAGGGCC
CGCTTCTTAGGAAACTAGGTGGGATTCCCCCCCCGGTGCCTGGCAAGGAAA
TTCCGAATATTCAAAGGCTTTTATTCGTATAACCCGTTCTGAACC

>Sequence 1511

CCGGGCAGGTACACGTATAAGCCACCACACCCAGCCCTTAACATGCTTTC
GTAGCTTTCCATTACCCTTAGAATCAAGACTCTATTGAGGCAATGCACC
ATGACTTGCCCTCAAGCCCAGCACTTTCCTATTCTTGCCAGGCCTCCAGCT
TTTCCTGAGCCCTCGCCTCTCCCTCACCTCCCTCCAGCTACATAAGCCTT
CTTTCAGTTCCTCATCTTTCCCTTTTAGTGATCTTATGGAATCAAATATT
TATTTGCTTATTTTTCAATGTCTGTCTCTACTAGCTAAAGGCAGTGGA
AGTTTGTTCCACACAGCTTACCTAGCATTTGACAGAGCCTCTGGTATGTC
GCAGGCACTTAAATAAAATAAATAAATACTGATGAAAAAGCTCTTTTCCC
CAAGTCTCTCTCTTCATCTAAAATGGACCCTTGGCGGCTGAGAGGCTGG
AGCACGCAGAGCAGGCTGGTTAGACTGTCCCTGGAGGCTTGCTCTTGCCA
CTCAGCAGCTATAGGAAGTTCTNCAGGGCCCATCACCTNCCTATCGCCTC
ATCTGAAAAGGGGCAATATTAACCAATATCTTNCCTACCACGCTACCCAC
CGNACAAGTTTAATAAGAAGAAGGTAAGTACCT

>Sequence 1512

AGGTACTTTTTTTTTTAATTTTAATTTTAGTAGCCTGTCTTTATTGAATC
CTAGTTGTCTTTCTTAATGCCTCTTCACATTTGAACCACTGTCAACCTT
CTCAGACATAAAATTTAGCCACTCCCCTTCCCCACAAAAGAATCTAAGA
AAAGATACACTTGCTGTCTGTTTTTGTAGTTTACATATTCAGTTGACTA
CAGCTTACCGTTTTTCAACTTCTGAGAAATTAGTTCTTAATTTTGGAAAA
TGTAGTAATTCAGTTAATACATCTCTAACTTTTTTTTTATGGAAATTTT
TGACATACCAAAAGCAGAATAAGGCCAGGGCGGTGGCTCACACCTGTAA
TCTCAGCACTTAGGAGGCCAGGCGAATCACGTGAGGCCAGGAGTTAGAG
ACCAGCCTGGCCAACATGGTAAAA

>Sequence 1513

TTAAACATGTGTCACTGGGCAGGCGGTGCCTCTAATACTGGTGATGCTAG

Table 3

283/1077

AGGTGATGTTTTTGGTAAACAGGCGGGGTAAGATTTGCCGAGTTCCTTTT
ACTTTTTTTAACTTTTCCTTATGAGGCATGCCTGTGTTTGGGTTGACAGG
TGAGGGGTAAATTAATGAACCTTGGTTGGGTTGAATTGGTAGAATATTTGG
GGCTGTTTAATTGTCAGTTTCAGGGTTTTTAAATCTGACCGCAAGGCTT
TATTGCGGGAGGAGGAATTGTTTTTCATGTTTACTTTATAACCTAACAAAT
TTAGTTTCCTTTCTATTAGGGGTGAATAGGAATTGGGTTCCCAATTGGTG
TTTGTGAAGGGAGGTTTTCAAATTTTTTTTGGTTTTGGGGGATTTTTTTT
TAGGGTTAAGTGGGTTTTGTTTGTTAGCCTTTTGATACCCCTTTTGT
CCTAAAACCGGT

>Sequence 1514

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCTGACCTGTGGTTCATTTATTCCCAGTTAG
GTGAAGAGGCACTCTCAGGGGAAAGAAAATACAGTGGTCTAGTCCAATGC
TGCTGTAGCCTGATAACTGGACTTCAAGTTTTCAATCAGGATGCTCTTAT
TGACCAAAAATAATTGTCAAGTCCACAATCTCAACAAGGGGACTGTTTT
GGAGAAGTCTTACTTGAAGGGATCTATTAAGATGGGAGTCTTGCTTGT
GCTGACCCAGGTTTTGGGAGATTTACTTTTATAATTATACTCCTAACAC
CTATTTATTTATTACTTTTCTTCTCAATTCTTCTTAGTTAATCAACTTAT
TATTAATTTCTATATTTATATTTAATGTTATATACTCTTAATTTATTAGC
TTTTTAAATATTTTCGGCTTATATTTTCTTCTTTTATCACTTCTTTATTA
AAGAG

>Sequence 1515

AGATGCTGACCGGCGGCGTGCGCATCGGCTTCTGGGTGTGGGACGAGTGG
AACAACTGAACGTAGCGAACATCATCATCGCCATCGTCGTCATCGGCGT
GGTGGGGCTGCTGCTCGAACAGGCGCTGGTGGCGCTGGCGCGGGCGCTGA
CGCACGAACAAGTGGCTAACTGATTAAGGAGCGCGATCATGGAAGACCTT
CAAACCAGGTTTCATCGACATCACCGGCGTGGAGATGGCGTTTCATACGAA
GAAGGGCGTGTTCCAGGCACTGCAGGGGTCGACCTGGCGGTGCGCAAGG
GGGAGTTCATTACGCTGATCGGGCACTCGGGGTGCGGCAAGTCGACCTTG
CTGAACCTGATTGCTGGCTTGTTGAAACCGACGGCGGGCGTGCTGTTGTG
TGCC

>Sequence 1516

AGGTACCAGTGGCCAGAGGACCTGCTCAAACCTGACCTTATTCTGCTGCT
CACTGTGAGTACTGAGGAGAGGTTGCAGAGGCTGCAGGGCCGGGGCATGG
AGAAGACCAGGAAAGAAGCAGAAGTTGAGGCCAACAGTGTGTTTCGTCAA
AAGGTAGAAATGTCCTACCAGCGGATGGAGAATCCTGGCTGCCATGTGGT
TGATGCCAGCCCCTCCAGAGAAAAGGTCCTGCAGACGGTATTAAGCCTAA
TCCAGAATAGTTCTAGTGAACCGTAGTTACTCTGGCCAGGTGCCACGTCT
AACTAGATTAGATGTTGTGTGAAACATCTACATGCACCATTGGTTATGCG
GTGTTCCCAAATTTCTGTTCTACAAGCATGTTGTGTGGCAGAAAACCTGGA
AACCAGGCATCTTAATT

>Sequence 1517

CCGGCAGGTACGCGGGTATTTTCCTACTGGATTTTGCTTTCACTGGTGTTT
AGAAAATAAACTTGATTTCTTAGGAGCACTCCTTTGGTTAGAGGGATGC
AAGAAGGAGAGGTGAAGGTGGCGTGTTGGTGCCTGTATCCACAC
TTTGGGGAGGCCGAGGCAGGCGGATCACTGAGGCCAGCAGTTTGAGACC
AGCCTGGCCAACATGATGAAACCCATCTCTACTAAAAATACAAAAAATT
AGCTGGGCATGGTGGCAGGACCTGTAATCCAGTTACTTGGGAGGCTGA
GGCAGGAGAATTGCTTGAACCCAGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCTGAGA
TTGTGCCACTGCACTTCAGCCTGGGCGACAGAGTGACTCTGTCAAAAAGG
AAAGGCAAAAACCGGACCCTGGAGCTCTGTGGGCCCTGATTGCAGGCCCC
TCCCTGTGTGATGAGGGATGAGTCAGCTTGGGGAGCCACTTGGCCAGCCT
GCATGCCTGGTCATCAGGAGGTTGAGAAAAGCCTTGAAAGTTGTGAAGCA
CTGAGCAGATAACAAGTGTGTTAATTTGTAGAAATAACTTTCCCATTT
GGCCTTATCTTCAAGTTGGTATTGGTGCTTCACGCAAACCTGAAGTCCGTT
TCTTATTGTGACTTTGACAATGCAAAGGCAAAATAGGAAGAGGCCCTCCC
ACCCCACTATTCCACCCCTGGTGACCCATTTAATGGTAACCATTGCACGT

Table 3

284/1077

ACCTCGGGCGGTCTTA

>Sequence 1518

ATTGGCGTTTGC GCCTCACCTGGCCCGGCTTTTCCAGGTCCGGGAAAACC
TTGTTTCGTGGCCAGTCTTGCAATTTAATGGAAATCGGGCCAACCGCCGCG
TGGTGAGTAGTGC GGGTTTTGGCGTAATTTGGGGGCGGCTTCTTCCCGCC
TTTCCTTCGGCTTCACCTGAACCTCGGCTTGCCGTCTTCGTGTTTCGTTTC
GGGCTTGCGGGCGGAGGCGTGATTCAAGTCTTTACTTCAAAAGGCCCG

>Sequence 1519

CGAACGTGACCGCTATTAGTATATCGGCGAATGAGTTCACCGGGGGCGGC
GCCGGCAGGTGCGCGGCAGGTAGGTTTTAGACTCCTATGCTTTAATTTTA
TGTAATTTTCCTTGCTCTCTTAAATAACCATAATAAAACAACAGTTTTGATA
TAGGACAGTAAGAGCCCTTTGATATACTACTGGTTTTGAATGTGTATAG
AGACCTCATATATACTCTTCAGCCATTAAGAAATTGTAGTAATATTTTGC
TCCCAAATTGTGGAGTCTGTAAATTTTCTCAATAACATCATCTTTATGAA
AATCCACAGAGGCCAGGGATGGAGTAGGAACAGAACTAAGTTCAAAGGC
AAATGGTGATCTGGGCTTGAGGAAGTAACAGTGAGGTCAGAGGGAAGAAG
GGAAGGAGAGAGGGATGGCCAGCAGACCCAAGTGCAGAGTTCAGAGGGGT
AGGGAACAAAGGGAGACATGGGGAAAGACTGGATGTGGCCACAGCAGCAG
TGTAAGTGCAGGCCGAGTCGCACCA

>Sequence 1520

ACGCCACCGGTACATCAGACAAGGAAGTCCACGGCACTGAGAGC1GAAT
TGTGGGCTCTCATTATGAATATTTACAGCCAACCTGAGGATGTCTTGTAT
TATGAGCAGCTCAAGACCAATGTGATCTACATGACCTTTGGGGACAGTCT
AATCTATAAAGATGTGAAGTTGACAGCAAGCAATGATGATTATTATTTTG
TATTTGAAGATTATTTATATCAGGTATTACTTTGGTTTTCCCGGGATACA
TCTGTGTTGAGTCACTTTGCATTCAACAAGTGCCTCGCCACCAAAATCAT
ACATAAGATGAAAACCTAAGACTGGAAGAATATGCTGTCTTTTACCCACCA
AATGGTGTTATCCCTTTTCATGGATTTTCAATGTATGTTGCACCCACTTG
ATTTTTATACCATGAACCTTCCAAATTGGATTAGATATTTCCGGGAGAAGT
ATGTACATTTTTTTTTTAACTACAATTAATATTTCTGAATATTCAGGG
AATAGATCACTATTGTATCTTTGTTGAAATATTTTTTAAATCTAAAATGA
CCAACCTCTTTTTATAGGAATAAAAAATAAGGGTTATTTGCTTTAGATATG
GGATATATCATTAGTAAAAATTTTCGTGGAAATTTACTCAACAAATTGCT
CTTGATTATTAAGGTATTAATAATTTACTTATACTTAAGTTGAAAATTATA
TTGGCTTGTAATCTGTGCAATCACTTATCTTGCTGTAACTGACGCAAAG
AAATTAATTTTATTTATGCTACTAAATTTATTAATCTAAGGGAAATAGT
ATTTTATAAATAATTGCATATACATTATATTATAGACTAAATGGCTTTAA
GTCAG

>Sequence 1521

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGAGACTGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCG
GGAGGCGGAGGTTGCAGTAAGTGGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTG
GGCGACACAGTGGGAGTCTGTCTCAAAAAAAGAAAAAAGCTACTG
AGAAGGAGCCACCATTTTGCTTTAAATAGTGGGTTTTTTCTTTTTTAA
TGAACACTGGAGCTGAGGATGCAGATTACATGAGTTATTTAATAAGTTGA
TTCAAGAGAGAGAGGGTATATTAGAAATGGTAAGATGATTTGGTGGGCAA
AAATGCTTTCTATAATTTGAATATGGGTTTAATTTAATTATTAACCTATAG
AC

>Sequence 1522

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGATTAAAAATGTTCTTTTCAGTTAGGGCCAAA
GGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGT
CTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTTGCTGACATGTTGCAAACACTC
CGTATGGAAGTCTTGAAGGTCTCCTGCCCCAGTCAGAGAACCTCTGGGA
GAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTT
CTTTGATGGATTTCGATGTCAGGATCTCCATGTGAACCTCCACTTAGAGGT
GTCATGCTATGGCTCTCTCTGTTGAAAACCTGTGTGGTGGATG
GCACCAGTCTGTGAATGGTGCAAACGTCCCCTGCACAAAAGCACTATT

Table 3

285/1077

AT

>Sequence 1523

AGGTACGACAATGGAAAGTTTTTAAACAAGCAAATGTCACTATCAAATTC
CTGTTTTAGAAAGATAATTCTGAGAAGGCACATCCTGAGACAGCCTGGGG
CCAAGATGCTGTGGCGTAAACAGATCGCTGAGCGATGATAAGGTCCTGAA
TCCAAAGGGCAATTTGTTGAAAACAAAATTTAAAAGGGACACATTTAAGA
AAGCTTTTCCCAAAGTAGAAATGCCTGGGGTGACCATATTTAGAATTAA
AGTACGATGTAAGGGAAACAAGAAGAAAACATAAGATGATTTCCACAAGT
TTTGATTTCTTTGGACCAGGAGGTGTTAGATGGACAAAAGTCATTAACT
TGAAGAAAGGTTGAATGATTAGGAAAAAAAAGAAGCTATGTTTTGGTCC
AGAAAAATTGTGACAACCCTCTTTAGTTTTTGAACCCTGCTTGAATAC
TTGAAGGTAATAGTTTGGGAG

>Sequence 1524

CCGGGCAGGTACCCACTCCCTGCTATAAACCCAAAGAGAACTTCCAGTC
GAGGCCAAGTTGCCATGGGTTCAAACAAGCTCAAGAGCTAGAAGAAGGAG
CTGCTGTGTCAAGAGGAGCCCTCGTTTCATCCCAGAGGCCTGGTTCGGCCTG
GCACAGGTCACCTGTGGGTGTGGGGACCCAGGGGGGCGAAATAGGTCA
AGGTGGCCAGGTGGCTCCTGTCTTCTCTCAGTCCGTGGCTGACCTGCC
TATTGACGAGTGTGAAGGGGCCCAAGCCCAGCATCCCAGCGTGCCCTGTT
TATTGCAGGGCCCATGCCAGCGGGGGGAAATTCCTGAGTTCAAACCCAG
GAACGAGACCAGATGGGGCTCTTTGGGTGGGCCCTGCAGGAATTTCCGA
CGAAGCCTGTAATTGACTGGGGGAGTT

>Sequence 1525

TAATACCTTAACGGTATTATAATTAATATTGTATCATTTATACGATCATT
AATTTGATCTTTAATGTAATTATAATTATTTGTGTGTCTGGAAATTTAAT
TTTATAATTTATTTTTACGTTGCGTATCTCTAGATATGGTTTATGGAATA
ATATATATTTAATACGTGTGGCTTCACGAGTACCTGACTGATTCTAACCA
ACCTTTTTTTTTGGGCTTCTATTTCGACCGCGATGATGTGGCTCTGGAAGG
CGTGAGCCACTTCTTCCGCGAACTGGCCGAGGAGAAGCGCGAGGGCTACG
AGCGTCTCCTGAAGATGCAAAACCAGC

>Sequence 1526

CCGGGCAGGTACATAATTGTTCAAAGCAGTTTTATTTACAACAAAAATCC
GTATACAACAAAAAGCTTCAACCAACAATGGTGAATGGTTAAAAAATATT
ATGGTGCATACATCCATGAAATCCTAGTTAGCTGTAAAAAAGGAATGAAA
TATTGACATACACAATAATCTGGATGGATCTCAAGAGTGTGTGCTAAGT
AAAAAGTGTCTCCAAAGGTCATGAATGGTTTATTTTATTACACAGAATT
TCAGAAATGACAAATTTATTGAAATGGAGAACTAATTTATGGTTGCCCTG
GGTGAGGACACCACTGGACTGGAAGCAGAGGGATGGCTGAGCCACGAGG
TTAGTGTGAGGGAGATCCTCACAGTAGTGCAACAGTTCTGCACTTTGACT
GCGTTGATGGTGATAGGAACCCATATTTAAGATGAAATAACACAGCCCCA
TGTGCACACACTGTACCT

>Sequence 1527

AGGTACAGGCCCTCATGTTCTCTGGACACAGTATGGATGGTGAATGTTCT
CGTGGTGTGAGACAGAATGGAGTCAAGGAGAAACCAAGTATAGGCACAGG
GTGGGTGAGACTTTGTTTCCGCTAAGAAGGTCATGCTGGAGCCCTCCATC
ACCTTAACCACCTTCCCAACTGGCAACACCAGACTCCAATTTGATTTCAA
CAGGATCAGGACCATACTTCACATCCAGGAAGATGGGGTCGCTCCTCTGG
CTCAGAAAGGCATCTCGAGCTTCACATTGGTAAGTCCCTGAGTCCTCCCG
CTGGACAATGAGAATGGTGAGGATCTTGCCATCCTTGACAGCTGCATGC
GCTCATGGAACACAATGGAGAGGTTGTTGGAAACCCAGTGGATGGTAAT

>Sequence 1528

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCGCGACGTTTCGGTTCGCTGTGTGTGTCGCCG
GCTCCTTGAGGGTCCATGTGATTTTTACGCCAGTGCTGCTGAACTGTGCA
GGGTAGGGAGCTGGCACAGTCCGATTAATTGTCCTTGGGTGAGGTGTCT
CGTCGGACCCTTTGGGGCGTACATGAAAAATTAAGGCAGAGGTCACTGAA
ATTATTTCTAATACCAATTCCAAAATAGTGACTCTTGGACAATAGTGCAA

Table 3

286/1077

TTATATGGAATTATGGCTGGTTATAAGCCTGTAGCTATTCAGACATATCC
TATACTTGGTGAAAAAATCACCCAAGATACACTGTACCT

>Sequence 1529

CCGGGCAGGTACAAAAGAAATGAGTATCCTAGAAATTGATTATAATATTG
ATGTCCTCAAATTTTATGTAAGTTACACATAAATATAAAATCCCAAAAACA
TGCACCTACCAAAACAGGTGGAGAAAAGAGTGTTTCAACAAATGATGCT
GGAACAACCTGCACATCCATATGCAATAAAAGGAAGCTGGACACAGACTTT
ACCCTCTTTTAAAAAAAACCTGACCCAAAAATGGAACACAGACCTAAATGT
AAAATGCAAACTATGAACTCCTAGAAGATAACACAGGAGAGAATCTAA
GGGACCTTGAGTTTGGCAATGACTTTTATAGATACAACACCAAAGACACAA
TCCATGAAAGAAATAAGAAGTAACCTGGACCTCACCTATTAGAATGGCCA
AAACCCAGAGCACTAACACCAGCATATGCTGAGGAGGATGTGGAGCAACA
GGAGCTCCCATTCAGTGCAGGTGGGAATGCAAAATGGCACAGGCACTTCA
GAAAGACAGCCTGGCGGTTTCTTACAAAAGCTAAACATACTCTTACCATA
TGATCAAGCAATTGCAACCTTTGTTGATTACCAAAAGGAGTTGAAAAC
TACGTTACACTAAAACCTGTACCT

>Sequence 1530

CTCCTTTCACGGTAAAGTGAGAACTGTGGTCTGGGTGTGCTCAGCGGGCA
CAGGCCTGTGGTTTTGCTCCCCAGTGCCCTGCCTCTCACAGACCTGCTTG
CTTAGACATCCCCCACCAGGAGGCTGAGGCTGATTCCAGGTGACCCT
TTGGGATGCTTGGAAGCGCTCGCGGTGATTTAAACAGAATTAACCAGCAG
AAACAATCCTTTGCGGAGGTGCAAAAGGGCAGCGAGGAAAAGGCTAGAGC
ACACCTCAGATTGGACCCAGATGACTAGGACCTGCCAGCCGCAGCAGAGG
GATTGGGATACAACAGAGACCTAAGAAGCATCAGTACCTGCCCCG

>Sequence 1531

AGGTACTTTCGTGCTGCCGCCGGGGAGTGACAAAGAGCATGCGGGTGGGG
CGGGCACTACTGGCATCTGGGTGGGCACTCCAAGGCTTGGCATAGCTATG
ATCCAGAAAAACCAGGTCCAGCTCCCGTTCATGCACTGAAAGCTGGAAGA
GCAGCGAGGTGCCCATGCCTTGAGCTGAAGTCTGGAAGTCCCTCTCCCCA
CCCCGGTGGGCCATGTCAGTGGAGGGGCAGAAAGTCAGAGCATGGGTATC
TGCATGCTAGTCACCCGCGGTCTTA

>Sequence 1532

AGGTACTTCCATCCCCTCATCTGTGGTAGTAGTGAAGGCTAGGTGAGTAA
GCGTGGGCTGTTCTACCCACCAGAAGTCCAGGAGCTGTTGTATACCTCAT
TTCTAACTCGTGACCGAGTGACTTGCTTTAACTTTCTCGAAATCCTACAG
AGTTGCCAAAGTCTGCCCCCTCCCTTCTCAGTCATTGTTAAACTCTGGCCT
ATAGCATCATGGGACCTGTAGCCTAGGGTGGGACCCCTAAAGCCTCTGA
ATGTGCTGCTTAAAAGCTACTGCAAACTGAGGGCAAATTGCAATCTTCT
ATTCTTTTTTGTGCAAGGGGTCTTCACAGGTCTTTTAAACATCTGCTTTC
CCTGCCACCCTGCCTTTAGGGGGCTGGCCAGCTATCCACACCCCTAACCC
ACCCTGTGTTTTTGAACAGCTGGCCACACCTTAACTTCTG

>Sequence 1533

CCGGCAGGTACGCGGGCGCACGCACATACACAGGATTTACACATTCAGAG
TAGAAAATCTCAACGTTAAGCAGTGACCATTTCTTGGTAATCACATCTAT
GTTTATTTTCAAGCAAAAGCAATAAAAAAATTTGATGTTTTTGTACAAGCAT
TTCAAAATCAATCAATTTGACCAGGAGAAAAACCATTTCTGACCAAACAAG
GATTCTGAGTCTTTAATTTGATGGTAGCTCTGTCATGTGTGTTAGATAAT
TAATGTAAACAACACAGGTTTCTAGGCTATCAAGTCTTTTGGAACGCTGA
AGTGATCCACTTTTTATTCTGTTACCCTCCCTCCCTCTATGCTGCCTGTA
TGATTTTGAATCCAGTCCCTTCTTCGGAGCATCTGGCATAAATCTCCAT
CAGACATGAAGAAGAAGGGGCGAATTCTATGGTCTGCATGGGAACAGCCT
GACAGCTGCCTGTTTAAATCCCTTGACAATGCAAAAATTTCTTCAAGGAGG
GAATCTCACTTAACATGCAAAACAGAGAGGCCCAACACATTTGGTCCCGTT
CCATATTAGTGATATTAATTAGAATGGTATAAACTGCATTTTTTTTTTC
TGGAAAAGCAGTTCAATGATAGAAAATGAATTTTCTTATGTCGGCTTTT
AGATTTACATAGTACCTT

Table 3

287/1077

>Sequence 1534

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1535

ACTGCCTAGACGACTACTATCGGGTGAATTGGGGCTAATCGGAGCTCGCA
CGGCGGTGGCGGCCGTCTCCTCAGAGGACGGAAAGACGATGCCGGCCTCA
CGCTTCAACGCCACGGCCGCCGCTAGAGTAGCACTCGTCGACCCGAACA
GTCACCGTCTCTCATTCCCCCGCTACCTGCCCG

>Sequence 1536

CCGGGCAGGTACGTATCAATTCATGGCTAAGGTGAACAGCTCGGAAGTAT
GTTAAGCTGCAGAAAACAACCAGCTTCAATATTAGAATATAGCACTGACA
ATCTACTTAGACACATAAAGCATTAAAGTTGCCTATCACTGTTGATGGAA
TGTTAGGCTTACTCTTAATTTTCTACATATAGAAGACAATGTGGACACT
TTATTAATAACCATCTTACAGATAAGTTTCCCTGGTCTGCCTGTTGGTTGT
TTCTCATGCTTATATAGCTATATTTTCAATAAAAAATCAAAAATCAATAACA
AAGGCCTATGTGCCAGCTGTAGGGAATGAGTGAGTGGCTAGGGGTGTGAG
GATAGCTCAGAGACTATTTCAAACAACAGGAAACCTTCAACTCCCTGGT
GCTCTTTAAATAATAGAAAAGTTAATAGGAAAAAATCCAGTGGCGCAAGA
TTTGTAGAATAATTTTGACATTTCCCGAACCAGCCATCTGCAGAAGTGAA
TTTGGATGTGACCCT

>Sequence 1537

AGGTACTTGACTCTTCCCCTTAAGTTTGATTCCATTTCTAACATTATCC
TTGCCTCTTGCTTCTCAGCAACTAGTCTTCTAAATTAGAACTTACACACA
ATGACCAGATATGACCCTGCAACAGAGCATGCCCTTCTGCATTGAGCATG
CAATCATGTATCACAGGTATAAGACCCCTTGAACAGACATGGTTTTGGTG
ATTCTGTGTAGGACTTATTGCTTTTACCCAAGAAGATGATCAGGCATCCT
AAGTAGATCAAAAAGTTTTCTGGAGCTCTTGAATGTGTATAGGCAAGAAA
GATTCAGCAACCTGTTGCCTTATATGAGGCAAACTATCTTCTCATATTTT
CTTTTGAATTCAGGATTTCAAGGTTGGGGAAGGAAGGTGCGGCGCGGTGG
CTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAAGCCCAGGCGGGCGGATCACG
AGGTCAAGAGATCGAGACCATTCCGGCTAAAACGGTGAAACCCCGTCTGT
ACTAAAAATACAAAACATTAAGCCCGGCGTAATGGCCGGCGCCTGTACTT
CCAGCTTCTCGGGAGGCTTACGCAAGATAATGGCCTGAACCTGGAGCG
GGGCTTGCAATGAGACCATGATCCCGGCACTGCACTTTAACCTGGGCCAAA
GAAGTAAGACTCCGTTTAAAAAACAAAAAAGTCCCTTGCTGGGCGG
CGG

>Sequence 1538

AGGTACTTTTCGTGCTGCCGCCGGGGAGTGACAAAGAGCATGCGGGTGGGG
CGGGCACTACTGGCATCTGGGTGGGCACTCCAAGGCTTGGCATAGCTATG
ATCCAGAAAAACCAGGTCCAGCTCCCGTTCATGCACTGAAAGCTGGAAGA
GCAGCGAGGTGCCCATGCGTCGAGCTGAAGTCTGGAAGTCCCTCTCCCA
CCCCGGTGGGCCATGTCAGTGGAGGGGCAGAAAGTCAGAGCATGGGTATC
TGCATGCTAGTCACCCGCGGTCTTA

>Sequence 1539

CCCCGCCAGTGTTCTGGGGCTGACAGAGAT

>Sequence 1540

CCGGGCAGGTACGCTGGCATTATTTCTGACTGTTTCAAGTCAGAGCAAAT
ACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCTGAGTTTGAGCCGATCCTATT
GGCACTGCAGACAGTGAGAAGTGGATGTTTGAGGACAGATGGGAGGTGCA
AAGTGGAGACAAGTATTGGTTCTTTCTTCCACTATGAGACTAGCAGGGCC
CAGTTCTCTTAGCTATTGTCTCTATTTTGTAGATTAGGAAATTTCAAGTT
TAGAGAAGTTGAGTTAACTACCGAAGGTCTCGGGGCTTGGTGGGAAGAG
GGACGGAAAAATTAAATTCAGGTCTGTGTGTCTCCACCACCATGTTT

Table 3

288/1077

>Sequence 1541

CCGGGCAGGTACGCGGGAGAGCTACAGGTTAGATATTAACAGAATCTTAC
TCTAGAGTAAAATCACTAGTAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAA
AAAGAAAATGCCAAAGCATTAAATAATCCTATCACGTAAACTGACAACA
AAAAATGGTATCTGGATTTCATGTAGCAGCATTAAAATTCAGTTGTGGCC
AGGTGTGTGGCTCACCCCTGTAATCTGAATGCTTTGGCAGGTTGAGGCAG
GAGGATTGCTTGAGCCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGTGA
GACCCTGTCTCTATTTTTAAAAAATAAAGGCCAGGTGCGGTGGCTGACGC
CTGTAATCCCAGCACATTGGGAAGCCAAGGTGGGCAGATCACGAGGCCAG
GAGTTTCGAGATCAGCCTGACCAACATGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAA
ACACAAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCACGTGCCAGCTACTCAGGAGGCC
GAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCGGGGAAGCAGAGGTTGCAATGAGCTGA
GATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACTGCGTCTCA
AGACATAG

>Sequence 1542

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAAAAGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCACTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGTT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGA

>Sequence 1543

AGGTACTTTTATTCTTTAAGAATATAGTCTTTAGCCAGGTGCAGTGGTGT
GTGCTGTGGTCTCAGCTATTTGAGAGGCTGAGGTGAGAGGATCACTTGA
GTTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGCAACATAGCAGGTCCCTGGCTCAA
AAAAAAAAAAGGTTCCCATTTCAAAATTTAACTTCATTTTTTTTTAAAAATGTC
ATTGATTTACCAAAGTGAAATAGAATTTGGCCTTTTCTTAGGAGGCTTAA
ATCTACAGGAGGGTGAAAAGTTGACCCTTGGGAAAATTCATTATTACTTC
TAATCCCCCTATGGTTTACGACAAGATTTTAGAAAAAACCTGGAGTGTTT
ATTGGACACCTGNNACTTTAGTTTCGACCCCTCCAGGCTAAGGGGCAAAACC
CAGGGGAACCTACAAACTTGTGCAAATTCGCCAAACTTCCCTGGGGGCTT
AGGGGCATTTTTTTCTAACCTTTTTTTTTTGCAATTTGGGTCTTCTTTAA
AGAAGGGCAAATTGAAATTACCTAAATTTCCCT

>Sequence 1544

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCCGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGGC
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGAGGGGACT

>Sequence 1545

AGGTACCGATACCCACATGCAGGCTTCAATCCTAACTTTTGAGATGATA
CTTGCCACAAAGTAAAATGGGTGCTTGCAGTTGTCCCTTCTTCATGCT
GGGACAAGATAAGTCTTGATCAGGGATAGGGGTGGTTTCGGGGAAAAATT
TAACCTTGTAATTTTGCAATTCATTAAAGCCAGGCCTTAAATGTTAAACTT
GAAGGGCCTTAATTATGTTGGGAACCCCCAGGAATTAAGGAGCCAGTAA
AAAGGGTGTGCAGGCCCTGTTTCCAAAGGCCCAACAGGAAAGGACCA
AAAATGTCCCTTAAAGCCCTAATCCCAAGTTAGGGCATTACAAAAAAGG
AAAACCTGGGGTTGCTTCTTAAACGGTTTGGCATCATTACCTGGTTGG
AATGGCAACCTCCCCTTTCAAAACCTTAAATATCGGTATGGCTTAATTT
TAGATCATCATAGCTTAAAGGGCCTGCCAGTTTATAAAAAAAAAAAGGGAC
CAACCCAGCAAATTGGGCTTTTTTCGCACCCGGAATTGGCCACATTAA

Table 3

289/1077

AACTTTC

>Sequence 1546

AGGTACTTTTTTTTAAATTTTAATTTTAGTAGCCTGTCTTTATTGAATC
CTAGTTGTCTTTTCTTAATGCCTCTTCACATTTGAACCACTGTCAACCTT
CTCAGACATAAAATTTTAGCCACTCCCCTCCCCACAAAAGAATCTAAGAA
AAGATACACTTGCTGTCTGTTTTTGTAGTTACATATTCAGTTGACTAC
AGCTTACCGTTTTTCAACTTCTGAGAAATTAGTTCTTAATTTTGAAAAAT
GTAGTAATTCAGTTAATACATCTCTAACTTTTTTTTTATGGAAATTTCT
GACATACCAAAAGCAGAATAAGGCCAGGGGCGGTGGCTCACACCTGTAAT
CTCAGCACTTTAGGAGGCCAGGCGAATCACGTGAGGCCAGGAGTTAGAGA
CCAGCCTGGCCAACATGGTAAAACCGGTCTCTACTTAAAATACAAAATTA
GAGAGCATGGTGGCTCAGGCCCATGATCCCAGCTACCCGGGAGGCTGAGA
CACGAGAATTGCTTGAACCTAGGAGGCAGAGTCTTGCCTGGCAGAACAAAG
ACTCAGGGGAAAAAAGAAATTTAGTGTTTCATGCTAAAAAGATATCCTG
GACATATTAATTACATGGAGAAACCTAGCAGACATCACCTTAACCAAGTG
GTCAAAGTTAACATCACTAGTAATAATAGGACATNCAATATTACAAACCT
GCTGATATGATGCAATGAGAACACTTCTGTGGTGTCTGGCCAAGGGATA
AACTTGGGTTAATCATGAGAAAGAAATCANAAAGCCCCAAAATGGGTCTG
CCCGGCG

>Sequence 1547

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGTATTAAAATGTTCTTTCAGTTAGGGCCAAA
GGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGT
CTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTGCCTGACATGTTGCAAACACTC
CGTATGGAAGTCTTGAAGGGCCTTCTGGCCAAGTCAGAAAACCTTTGGGA
GAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTT
CTTTGATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGTGAACCTTCACTTAGAGGT
GTCATGCTATGGGGCCTCAGCGTCACCACATCGTTTGACGTCTGACCAG
TTTCTGACTTTGAGAGTCTCTTACTTTAAACATGAGGGATCAGCCCTAG
AAAGGAAAGGAAAGACACACGCAAGAGTCTGCCTCTGACTCC

>Sequence 1548

CCGGGCAGGTACCAGCGGGCTGTCCTCTAACAGCGACGGCTGCACGCTGG
GCACGCTGGGCACGCTGGCGGGATGCACGGGCCTTTGTCCTGCTGCCTCT
GAGGTAGCAGAGTCGGCACAGGGTGGACTGAGGGGCGTCTCGCTTTTCTG
TCCACCCTCTGAGACAGCAGGGACAGGTTCAATTTGGCTTCTCCAGGTGCA
GCAGCTTGAGTTTGCTCTTTGGCCCTGATGCTCCAGTCTGGTTCTTAATC
TTCTTCTCATAGTCCAGGAGTTGGCCCAGAAAATTGAAGTTTGGAGATAT
AGTAGGTCTTTTCTTTCACAAATCTGTAAGCTTCATCTAAAGACATGT
CCATCCTCTTCATGATGTAGCGATAGCGATGGTGGCGGAGCGGGAGATC
CCAGCTAAACAGTGCCTAGAACAT

>Sequence 1549

AGGTACGCGGGAAAGAGATGAAAAACAGAGAAGAATCTTAAAATCAGTCA
GGAGGACAAATCATCTTTAAAAGATAAATTAACAGTTGACTTCCCCATAC
CAACAGAAGGTGTTAGACTAATAGTGTTAATGTCTTGAAATAAAATCATT
ACCAACCTAGAATTTTCATATCCAATCCAAATATTCCTCAACATAAAAGGT
AATAAACTTACCTGTATATTATGTTAAAATTATAATCCACGTAACAAGAA
GAATTAATTCAACAGACTTTAGAACATGGTGTGTTTACTATACGTTCTTA
GCAGGATATACTCTAAGGATGAAATGGAAGTCCAAAGACCTCTTAAAATT
TATTCAGTGGCATGATTGTTAGTAATAATATTGGTATTTTATATTGGAAT
TATTGTATGCATACCTATGATAAATAA

>Sequence 1550

AAATCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAAGAGGGCTGAAGTGTGTAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAAATTCTTTGG

Table 3

290/1077

TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGATAATGGGTACCT

>Sequence 1551

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTCCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCCTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCANACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCCT
CACTG

>Sequence 1552

AGGTCCCTTCCTAACTGGTCTCCTTGCCCTCTGTTCTTACTCTATTTTTCA
CACAGCAGTCGGAGTGATTTTACTTATTCTCCTGTTCCAGTGGATTCTC
ATTACACTAAGAAGTAAATCCAACTTTATCTGCATGTCAGCGAATTGTT
TATTTTTATTTTATTTTATTTTAAAAATAGAGATGGGATCTTGCTATGTT
GCTCAGGGGTCTTGAATTCCTAGGCTGAAGCAATCCACCCATCTCAGCCT
TTATTTATTTTATTTTAAATTTTCCTTTATCTGTCATAATCTGTTTGAGTG
CTAAAAAATAAATAAAAAATTTGGCCGGACACGGAGGCTCACG
CTTGTAATCCCAGAACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGGATCACCTGAGGT
CAGGAGTTCGAGACCAG

>Sequence 1553

AGGTACCTATTTACTGGTTTATATCCCCATTGCTTCCTCCTTCAAACCTCT
ATACCATGGTTCACAAAATCCTGCATTCCATTATCCCAAATTAATCCAT
ATTATTCTTTGCCTCTTCAAAGAACATTTCTTTACCAACTCTTAACAGCT
GAAACTAGATTTTCCCCAAGCCCTGGGCTTTCCCTTGTGCCTTGTGGGTGA
TGGTTCCTTACAGCACTTGCCCACTGCCTGGGGCAGATACTGCGTTTCATC
AGGACTGCATTTTGGCAGAGAGGAGTGAAAAAAGAAAAAAGAGCTTAG
GGTTTGGACAAGGACATCCCTGCAACAATACATGATGTACCTGCCCG

>Sequence 1554

CCGGGCAGGTACAATTATAACTGTTTTTGTATATTGGGTTATTTTTTCAG
AAGTAGGCCAGTAGCTCTAACAGGAGCCTCTTTAGCCTGAATTCATCCAA
GTAGTGCAGTGTTGCACTAGTTGTCCCTCGGGACATGCTCCCCAATACGT
AACTCACTTGCAGGTTGCAACTGGACACTTACTGGTAGTCAGAAATAGCT
ATTGCATGGAGCTTAAAATGAACTTGATCTTCGTGAAAGATGAGTCTGCA
GCTAAGAGACTTTACTGTATATCATAGTGTTTTTTTTGTTTTGTTTTGTT
TTTGTTTTTGTGACGGAGTCTCACTCTTTCACCCAGGCTGGAGTGCAATG
GCGAGATCTTGACTCACTGCAACCTCCGCCCCCTAGGTTCAAGCAATTCT
TCTGTCTACCCCTCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGG

>Sequence 1555

AGGTACACACACCTATGGTGCCACAGGTCCAGCTAGGAATAAATGCACA
AAGAGCTCCACCATCTGAGATTACCACTCAACTTTTAAAGACAAATTCTT
ATTTCATCCCTCCAAAGATAAACATCACATGGAAAAATGTTTCACATCAA
TTCTTTATTATGCCAGTGAAGGATGCCTTTCTTCAGGAGATGCAACATGG
AGAAAGTTTTAAAGGCAGGCAGTGAAGAGAAGGACAAGACGTCTCAACCC
AGTCTCTTAGATGGAGAATAAGTCTGCCATCCCCACACACATGCAGT
GGGAATGCCAGCCGCTGCCTGTTCTCGGTATAATCTCACCTGTGCTTCA
AGCCTGATTATTAAACAACCTTAGCTCAGATCATGAGGCCGAGCCTAATT
TCCGACGTTGCACTCCAGGTCCTTG

>Sequence 1556

CCGGGCAGGTACCCGGCTGTGCGGTATCGGGGGGAATACAAGGACAATGC
CCTGCTGGCTCAGCTAATCCAGGACAAGCTCGATGCCTATAAAGCTGATG
ATCCAACAATGGGGGAGGGCCAGACAAGGGCACGCTGCCAGGCTCCTG
AATCCTGGATTCGAGGGCTTTGAACCCCCAGCTTCCCCCTGGGGCCTCCA
TGGAATGACTTTTTCAGGCTATGAGTTATGATCTGCTGCCTATCGAAAT
GAATGTATACAAGGTATGAGAACCCAGCGGGCATCGGGGGAGGGCACGGG

Table 3

291/1077

GTGAAGGGAGGGTGCTCCTGGGAACGAGGACGAACGAACCTTGTGGGATT
AGGCACCTGCCGTTCAACAAGGCACCATTCGCAAGAAGGGTGGTCCCCAA
GGGAAGGTCCACCCCCGGGTCCTTCTG

>Sequence 1557

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATGGCTTTCATTCTTAATAAAAGCCTGA
CCTAATTAAAAACCTGGTTTGGGCGGTTTTGAACTAGTGGGTCCCCCG
CTGCAAGAA

>Sequence 1558

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGA
AGGGGCTGGCTTTAATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGG
GCCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTTT
GTTTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCC
CTCACTGGGTACCCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTG
TTTTTCTTCTAGCATAGACCACTCTCTGAAATCACCTTGGTCTCCCAG

>Sequence 1559

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1560

AGGTACACAGAAAGGGAGGTGTCAACAAAAGAAGATAAGCCCATACAGTG
CACACCTCAGAAAGCCAAGCCAATGCGGCAGCTGCTGACCTGGGGAGGG
AGAAGATCCTCAGGCCACCAGTAGAAAAATGGAAGAGACAGGATGACAAA
GACTTAAGAGAAAAACGTTGTTTTATTTGTGGAAGAGAAGGGCACATTAA
AAAGGAATGCCACAGTTTAAAGGCTCTTCAGGTAGCCTTTCAGTAAAT
ATATGACTCAGGGAAAAGCCTCAGCGAAGAGGACCCAGCAGGAATCATGA
GGGAAGGAAAATGCAGCACTCTAAATGGCCACTCAGGCGTTCCTATTAC
TCGGAAAATTAGGTTTCAATTCACAGGACACAGCAGTGTAGATCAGGCTTC
AACTTAACATTTAAGGGAAATGTCAGATTTTTTTT

>Sequence 1561

AGGTACCTCCCCGTGGAGCTCACACCCTTTTAGAGGAGATACAATAAAAG
CCAGGATGGGGCAGAGCAGTGGGGAAGAAGGGGAGGTAATGTTGAACCAC
CTGCCCATGGTTACAGAGGCAGCAGGCCTGGGACTCCCGACGCTTCCCTC
CTGCCTTATACCTGATCTAAGAAGGCCCTGCTGGGCACACAGTAGATGCT
CAGCAAATGTTGCGTTGAAGGGCTGGAGCCTCAGAAAACCCTACTGATGC
AAACAGGCTCAGCGAGGCTGAGTGACTTGCCCAAGATCCTAAGAGGTGGT
GGAGGAATCGCCTTTACAAAAAAGAACAAGCGCTTCGGAGCCGCCGCC
CCGCGTACCTGCCCC

>Sequence 1562

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA

Table 3

292/1077

CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTCAGAAAGAAAAGTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1563

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATACAAAAAA
GGCTTGTATATTGCCACTTGTGGTGCCACAGGGGCTTGTTTAGGGATAA
GTGTAAGAAAAAGGCTGGCTCTATTTGNGTCTGGTAAGGGGAGAAGAGCT
TTAGAGGCAGAAAGCCCCCTATTTTACTTTTTTGGCAGAGGGGGGNCNC
TTTTCCAAAAAGATTGCGCGTGGGGGCTTCAAAAAAGGGGCCTCCTTTA
AATTCCGGTGGCTTTGGAGAAGGTGAAGCCCCTTTTCGAAAGGAGAATTA
CCTTCGGCCCCCAAGCCCCAAGACTCTTTTCTGGGGGCCCCAACCCCCAGA
CTCCTTGTGGGAAGAGCTTTGGGTTTCCAGGGGTGGGGTTCCACCCCCC
AATATCTTTGCCTTTGGAATAATAGGCCTTTTCCACCTTTTTCGCTTCCA
ATTTTAAAGGAAGAGCTTTGAAGAGTTCTTCTCCATGGGGAAAAGTTTC
CCACCAAGTATGAATTGGGGGGGTGGTTTCCCCCTTTGGCCGGGGGGGCA
AGATAAAACTCCCCAGGGTGGCCATTGTGAAACCTAATCCCCCCT

>Sequence 1564

AGGTACTGTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTAAAGTTCATTTCTCCAC
CCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGTATTAGG
GCCAAGCIGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCCTGIGAC
TCATGCGTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAGCCATAA
CATTTCAGGATTTGGAAATTCCACCTCAAGCTCCAATCCCAGGGTGTG
ATTCTGGCTAACCATTGTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGACTCACT
TTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGAACACTT
TTGTATCAGTTTAGGTCTGCCAATAATTGCTATCCATTTAAGCACTTGA
TTTTTTACATATTTACCAGCAATTTCCAAGGCTTTAATGG

>Sequence 1565

AGGTACCTAACAAGGGCACTGTCCAAACCGAGCTGGTGCCACACAACCTC
CCTCAGGTGTGCACCACGGGCAGTTCACCCACAGCCCCTTGCTATGCGTGT
GGACATGCCCACGTGACGTGCCAACGTGCCCATGTGCCGATTCCAGACAC
CGGCCTGCCGGCGGCCCCCCCCACCTACACCCCGGGCCACTGTTCCGTCA
CGCTAATCCTATCACCTGGGGATGAAGAGATCATACAGTGTGCACCCCTT
GAAACCAGCTTCTTCACTCGCCATCATGCTGCCGAGATCACCCAGGGTGT
GGCAGGGACCCAGCGTTCATGCCTGTTGCTGAGGAGGACACCGAGGGGG

>Sequence 1566

CCGGGCAGGTACACAAAACCAGGACTGTCTGAGTGTAAGCCTGCCGTCT
TTCACTAAGTTTACACTGGGGCTGAGTGATTGCCCTGCCACTCAGGTGTCT
TTGCTGTGGAGGAATTAACGGGTCTGAAGACTGAAGCTGGGAAGAAGCAG
CAGGGAAGACTGATCTGAGCTTTCAGGGAAAAGAGTGAAGTTGGACTTTA
AGGTTTTTATATTGTCAAGACAATTTACAAACACAGGAAGAGAAAGAATG
ACAAAGAGGAGAACTCCTAGCTGGAAAGAAGAGAAAAAAATTGGATGC
AAGTGACTGCATTTATATATCTTGAGAATTTAAATAATCAGCAACAGTTA
GAGGTGCAAAATGCAACAGAAGCTAAAAGAACTTAGTATCTGGAATAGTT
GACAAGATAAAACCCCAAAATCTGAGAGCTGCAATCAAAGAGCCATCTTC
TCTACTAAATTGAATTAGCTCAGTTATATAGCGCTTCTCAACAATAAATA
GTCCCTTTTGAATCTGGCTGGGGAAAAGTTCCCTTC

>Sequence 1567

CCGGGCAGGTACATATGCATTGAGCACCTGTGTGCCAGTCAGCCGAGCTA
TCACATTGCACAATTCTAAGAAGCACCATTTCATGTCTCATCATATTTCTA
TGCTCTGGGAGTTGCCTTTACATAGAATATGTGTGATTGTTATCCCTAG
AATTGTGCAGTGAGGCAATTGGCTAGGTGCTGTGCTGCTTTTCTTTCTT
TCTTTTTTTTTTAAGAGACGGAGTCTTGCTGTGTTGCCAGTCTGGAGTG
CAGTGGTGGCATGATCTTGCTCACTGTAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAA
GCTGTTCTCATGCCCCATTCTCCCTTGTAGCTGGGATTACAGGCTTACAC
CATCGCACTTGGCAAATTTGTGTATTTTTAGTAGAGACAGGAATTCAAGA

Table 3

293/1077

CAGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGA

>Sequence 1568

GGAATGACCAAATAGAAACCTTACGGCGAATTGTAGCTCCACCCCGGTGG
CGGCCGACGTACATTTCCCTGCTGAGGGATTTCAGGACAAGTGTCTCCA
CACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTC
ACCAACTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGATCTC
CTGCAATTTGGACCCCAACCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCC
TGAATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATC
CATGTGACAGAAATGGAGCCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAG
CACCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCC
AGGACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAGAGGAACAAAGGGAAT
ATTGAGGATGCTCTCAACCAACTTTCCGA

>Sequence 1569

CCGGGCTGGTACCGCAAACCCAGTCAATGAAGGGAGCATGCTGGGAAAAT
CAGAGTGATGAATTGTGAGAGCAGCAGATGAATCAAATACTGGTGACCTA
CCTCTGTGTTTCCAGGTGTGGATATGGTCAAAAGCCAAGTTCATCAATAG
GAAATTCCTAATGCAGGAACCTTACCAGCGCTTTCTAGATGGAGATCACG
GCCCTGTGGCTCGAGATGACGACCCTTTCTGGGATCCTGTGAGGTCGTC
CGCTTGGGCTCAGCTCACATCTGGCTCCAGTCGCTGGCCTACTGCATGAA
GCTGACACTGGAGCTGGGCGACTGGGATGTTCTTTCTTTGACTGTGTCT
CTCCCCATTACAGAAGGCTGCACCGAGCTGAGCTGCTCTCAGCTGGGCCT
CATGGTCAC

>Sequence 1570

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGGTGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCA
ATCCATGAGACTGCAGAAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACT
AGGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGG
TAGTTCATAACTTGTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTA
TATTTGGTTTTTATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGT
TTTGGTGGTCTTTTGTGCATTCAAGAAAG

>Sequence 1571

AGGTACTATGGCTTATTTCTGACAGAATGAACTTTTGTATCAAAGGAGC
TTCAGCTAAAGTTGAATGTTTTCTTTCTCAGTTTTTATGGCCTTATTA
ACATGTTTAGCTAGCCAAAGCTTCCTCCTCCTACCATGCTCAGTGTTAG
CATGGTGGTAGGCTATAAAGAGGCCACACAGGAAGGAGCCTGCACTTCC
CCCATGGGATTTAAAAAAGAACCAATTTGGGCCATGCTTGGTGCATCTAG
CATAATCTTGGGACAAATCCACATGATTCAGGTCAAAGTTTGGAGTTAA
TTCTCCCATTAATTATTTGCTCCTTTCCAAAGCCTTAATGTGAAATTCAGT
CAGGGTCTGGCCATGGTGGCAGGTGTCCCTACACTCTTTCATTACAGAGAA
GGAGCA

>Sequence 1572

CCGGGCAGGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACT
CAGATCTGTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAGAAAGATCCTCCCTTA
CTTCCACAAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGT
AATTATAGAAACAACAGGAACCAAACTCATTAAATGTTGAGCTACAAACC
AGAGGGAAGCTTCTTTCTCAAAACAGGGCTCAGGCCTAGAAAAATCTAGT
TTTCTGAAATCGCTAGCCAGCAACAGCACTGAGATGGCCATCCCAGAAAC
AAGGCC

>Sequence 1573

GGCAAAGGAGAAAGAAGATCCAGGCCCTCATGGTGCTGGGAACCCTCAGT
GGCAGGCAGGCAGGCGGCAGGCAGAGCGGCTCTCCGGGCGGTCTGAAGG
ACCGCGGAATGTCCCCGCGTACCT

>Sequence 1574

AGGTACCTGCGGTAGTAGCCTGGCTTTGCTCTGACGGCGATCTCGCGGCC

Table 3

294/1077

CGAGAGCCTTTTATAGACAGCTCCTTCAGCGTCTCTGTTTCCAAACCGCA
ACCGAGAAGAGACAGACGGAGAAAAGAGAGTTACTTTTCCAGGTTGCTTT
TCCCGGGGATGTGAAGGATACAGAAATGACTGTGAATCAACCCATATCAT
CGAGGAGCTGATAATCTAGTGGAAGAGTTAGACGTGTGCATACTTCGCTA
TGATATGAGGCAGACTCTGAGCTTATATTCTCTGAGGGAGAAGCGACATA
TTACAGGCGGAGCATTTTGGTGCTGGGAAACACATGTGACAGAATGNCG

>Sequence 1575

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCT
GGGACTACAGGTGCCCCGCCACCATGCCTGGCTAATTTTTTATATTTTTTA
GTAGAGACAGTGTTTCACCGTGTTAGTCAGGATGGTCTCGATCTTCTGAC
ATCGTGATCCACCCGCCTCGGCCCTCCCAAAGTGCTAGGATTACAGGCGTG
AGTCACTGCACTCAGTCAGGTTTTTCAGGTGCTGGTTCCATGGCTCTTCCT
GAGCCGAAAATAAGGAAACTCCATAGACCTTGTCCTACTGGAAGTCCGTTCC
CATCTACCCTCCACTCTATCCAGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGT

>Sequence 1576

AACATGATGAAACCCCGTATCTACTAAAAATACAAACATTAGCTGGGTGT
GGTGGCATGTGGCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGACAA
TCGCTTGAACCCGGGAGGCAGAGGTTGCAGTGAGCCGAGATGGCAACTAC
TGGCACCTGCAACCCCTGAGCAACAGAGTGAAACTCCATCTCAAAAAAAAAA
AAAAATTCTAAGTGTTTATGCACCTACTAACAAATATCTGAAACAAATCC
TGGTATAACCCGTAAATAAACAATTCTTATGGTATAGCACAAAATTTGCA
ATTTATTAGCCCAGCGAATCTTCAACACCTTTTCTCATTAACTTAATGGC
AACAAAGTAGACAGTTAAATTCTGTTGAGCGACATGG

>Sequence 1577

CCGGGCAGGTACGACCTGTCTCAGGAACGGTGCCATGTGTGTGACTAGGA
CTGCAAAGCAGCTTGTGTTCTGTTGGGGGAAATGACAGGCACAGGAAGGAAA
AGCTGAGAACACTGAAACGGTTCCTAATCGTGCAAGTGGGGAAAGGAGGGC
GACTGCCGCGCAGAGTGGCACGTTGGCTGGAAGAGGGGATTGATCAGCAG
TGCTGGCAGGAACAGCATAGGCTTGTCGTGTGATCTAACAGAAGAGGCAG
CAATCTGGAGGCGCCCCAGATCAGAGAAGAGACATCAAGCCCCAGGAGAA
ATGGATTTCTTTTCTCCCCACCCATCAGCTGGGTAGGAAGCCCGAAGGAG
CCTTTTCATGGAAGTATGGGAAGGGCTCCTTTGACGCAGAGGGGATGAACT
GGAAGCAAGATGCTGGCT

>Sequence 1578

ACGTGCCCCGGGGCGGGACAGGCCAGGCCTCACAACCAAGAGCCCCGGGAA
GAGCTGCATGCACACGGCTGGAGAGAGGCTCTGCACCCGAGCACAGTCTG
CTCGACTCCTCATAGACCCGGAAACTGATTAGAAGGCAGAGGTGAGTT
TCTGAGGGTGGCTGTGCACAAAATTCAGAGTCAGGAATCAGCATCTTTCA
AATTCAAGCACTTCCAGTTAGGAGAGACAATGAAGAAAGAAAAGGGACCA
TTCCCAACAGCAACAAAAATTGTAAATTTCTAGGAGCAAACGGCGGGCAC
ATCTATACCTGTTATAGAGGGTCTGAGGCCTGACTGAGGACCACAGACCA
TCAACAAGCCCGGTCTGTCCTGGGCGTAACGAGGTGCCGTCCCTTGTGCT
GGCCGGCTGCCACAGCGGGGCCAATTTAAAG

>Sequence 1579

CCGGGCAGGTACATAATTGGAGATGAATAATGATTCTCTTAGATAAAGAA
ACTTGTCCACCCACCTCTACCACAAATGAAAATCCTTTTTCTTATAGAAC
TTTTTGCCAAAGCAAAGGCTCATGATATCTGTAATATCTGTGATAGAGAA
GCAGTGAGGATAGTTCTTATTCCACAGTCCAGCATGAAATTCTAGAATGA
TGATTGGCCTTTTCTGTTCACTTTCACTCTCTTGGAGGGAAGGAGGAATG
TGAATAATTGAAAAACGAGTTACAACCTCAAACAAAACACATATGAATTTG
GCTTTGCTCTGTGGTGAATCCCACAACCTCGATAGTGCCCTCCACTCTTT
CTGTCTATCCTTAACCTCAACCTCTGTCTAGTTGACCAAGACCCAACTGG
GAGGAGGATCCAG

>Sequence 1580

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCCGACTGTG

Table 3

295/1077

TCAGCTGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGTACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGAGGGGACTCAGC

>Sequence 1581

CCGGGCAGGTACTTTGCCTCCCAAATTCACCTTTGTGCAAAACATGCACA
TAACACACAAATATGAATATATGAAGTATTAATTTGCTCATCTTCTGGCT
CCTTTCCCGCAAAAGCCCTTTTATTTAGGAAACCACATATTTTACTCAT
TCCTTTCTGACCATAACCGTTAGCTAGAAGCTTAGAACAGCTTCTAGTCAC
ACCTTCAAACCTTCGGGTCACACTGTCAAACCTCAGTGGTTTATCATTTT
ACAGCAGCACACTGCTCTTCCTGCCCCAGACTAAAATGAAGGATGTCTGG
AAAAACCCCTAGCATGCAGGGAAGATGGTCTGAATCACTTCACTGGGAGG
ACTAACCTCACCCATACAAGTTGCCATCTCCTTTTTTATTTGTTCTAAAG
CCTAACTTTTATCCCACTGCATGACACTTAACTTCC

>Sequence 1582

AGGTACTGTTTTAGTAGCTTACTTGTGTTTTTTAAAGTTCATTTCTCCAC
CCACAGGATAGCTCCATATCTTCCAGCACCCTAATGAGTAAGTATTAGG
GCCAAGCTGGTATCTGCAGAGTGCTGACTGGCCAAGAGTCTGCCTGTGAC
TCATGCCTTAGGCTGTCCAGCATTGGGGTGCTGGGGGGCTGTAGCCATAA
CATTTGCAGGATTTGGAATTCACCTCAAGCTCCAATCCCAGGGTGTTG
ATTCTGGCTAACCATGTTTATGCAAAGCAATCCAAGCACTTTGACTCACT
TTGGGAATCTGGCATTCTTGGGCTTTTGATATTGAGACAGTGGAACACTT
TTGTATCAGTTTAGGTCCTGCCAATAATTGCTATCCATTTAAGCACTTGA
TTTTTACATATTTACCAGCAATT

>Sequence 1583

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCGGGCGGCTCCGAAGCGCTTGTTCTTTT
TTGTGAAAGGCGATTCTCCACCACCTCTTAGGATCTTGGGCAAGTCACT
CAGCCTCGCTGAGCCTGTTTGCATCAGTAGGGTTTTGTGAGGCTCCAGCC
CTTCAACAGAACATTTGCTGAGCATCTACTGTGTGCCAGCAGGGCCTTC
TTAGATCAGGTATAAGGCAGGAGGGAAGCGTCGGGAGTCCCAGGCCTGCT
GCCTCTGTAACCATGGGCAGGTGGTTCAACATTACCTCCCCTTCTTCCCC
ACTGCTCTGCCCCATCCTGGCTTTTATTGTATCTCCTCTAAAAGGG

>Sequence 1584

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGGTAATGGGTACCTT

>Sequence 1585

AGGTACAGCCTTTCTCACATGGTAGTCTAAGGGCTCCTGTAATCCAAGCA
CTTTGGGAGGCCAAGGCGGGTGGACCACCTTGAGCTCAGGAGTTCAAGACC
AGCCTGGGTAAACATAGTGAGACCCCTTCTCTGTTGGCAGTAATCCCTCT
ACACAGCAGGTGCTCTGGCAGCTCTCTGGAGACGAGGAAGGAGAACTTAG
GAAGATGGTCTTGGCTTACACACCACCTTGCTGCCAGGGCTCTTGCAAAG
ACAGGCTTCACCAACCACAGCCACAGTTGGCCCGTCCCCAGGGGCTGC
ACACTAGCCTTATGGAAGTTCCTCGAGTTCCTGTGCGTCAGCTTCTGC
CTGGACGCTGGCTACTGTTGTCGGCTCTGTGAACAGGCACACAGGGTTTC
CTCCGGGTGTGGGATGGGGCTGCCCCGGGATGGGGGTGGGGATGCTGGAG
CAGTGGGAGATGTCCCCTGCCTATCTCCCCCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1586

GCTCTCCGATGCCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG

Table 3

296/1077

TTGTCGC

>Sequence 1587

AGGTACTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGTCCCCGGCCTAAGCGTGTTT
TAAAATTATATACTGAAGCCCCTATGGAGACATAGAATATGGCCATTGTC
ACAGCAAGCTCCCAAATGCACCTGCCCAGTCACATCTTGCCTTTACTCCC
CTGGAGGCTACCACTCTTCTGATATTATTATTTTTTCACTATAGACTAAT
TTCAACTGTTCTGGGACTTCACGCAAGCAGAATCATAACTCTCAGAAAA
CTGAAGTCTCCTCTCTGGCTTCTTCCACTCAGCTCAAAGTTTCTGAGATT
CACCCGTGCTGCTGTGTGTGTCCACAGTCCGTTTCACTGCGGGG
AGG

>Sequence 1588

AGGTACCTGCCACCACACCCAGCTAATTTTTGTATGTTTAGTAGAGACAG
GGTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAGCTCCTGACCTCAAGTGAT
CCACCTGCCTCCGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCA
AGGAGTAATTATTATTAAGGTAACCAGCAGCAGTCAGTTTATAGATAA
AGGACCTATACTCATTCTCAGCACCTTGCCCAAAGTAGGCATTCAAACCT
AAGTGTAGCCAAGGTCTGCACTAGATACTAGGAAACAACAACGTGACTG
TACCTGCCCC

>Sequence 1589

GTCGCCTACCTGCCTTCCA

>Sequence 1590

AGGTACCCATTAACCCCACTTAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1591

CCGGGCAGGTACTGTATTCTTCACTGTTACACACTTAGAGTTAAAGACAG
TTTCATTGAAGAGTGTTGTTGATGAGGGAGTAAAAAATATTTATTGAATT
TCAACCTGTGACTACACAACCTTTAATCTGTATGATGAAATGGGAAGTATG
TATAAAACACTTCTGCTGTGAACCTTGTTTTTTTTTCTTGATATTAACAT
GGGTGAAGACAAAACAAGGATTTATTTGCCTTTGCGGGCCTTGATTTCC
TAAGATGGAACCTCAACTCTTTGGCCTTTAGCACATAGCCATCTGCTCGG
CCACACTGTACAGGCCTTGAAGCGATTACGCAAGAAGCTTGCCCTGCTG
GAACTGCTCCTTCAGGAGACTGCTGATTTTGGCATTCTTTTCCCTTTCAT
CCCCGCGTACCTTGGCCGCTTTATAACTAGTG

>Sequence 1592

AGGTACTGTTTTCTGATCTTACTGTTTAATTCGAATCAGATAAGAGAAA
AATAAAGACCCTGACTATCTCCATCTCTATCATTTAGGTTTAACTGCGTA
AGAAACAACTGCAAAACCAGTGGCTAAAAACAATAAAGAATTATTAGGTA
ATGATGTGGGTTGGAAATTTTCTGCGGATCTGCTGGACCTTGCTTTGCTG
CTGTTGCCTTGACTCACTTGTGCAGCGCCACTCTGCTTGGAACCTCCCTG
ATAAGCTAGCAGATGGCTTGGCATTTCATGAACTGAGCCATGAGTATCC
AAATGCAATGAGAAAGGACN

>Sequence 1593

CCGGGCAGGTACATATTGCTATGTTGGATGATTTGGAGCATGCAGAGGCA
GATACAGTAGTAGAATCAGCTTTCTGCCTCCATCTTTTACTCCGCTCCCT
GTCGCTCTTTAACTCAGCAGTTTTTCTCTCTCAGTCTCCCAACTTGTGTG
AGTGTTTTATATTCTACATAAATTGAGGGTGGAGGGCAACTTCTGGTTGT
GTTGAATGAGGAGATTGGCAGAATTGACAAAAGCAAAATGAAACAATCTC
AGCATTCTGAAAAAACTGAGCAGGGGCATACAACAATCTGAGAAGTATTT
ATGCCTGTAAGTCTGAATTTCAAGGTGAGAACAGTGAGACTGTATGGCAT
TTGGCCTGGAGCTATTCCTATGCCCTCTCCCATCTGTTTGGTAAAGAGGT

Table 3

297/1077

TCTG

>Sequence 1594

AGGTACGCGGGGTTTCGAGAGAGAGGAGAGGCCAGGGCAGACACTCTAGG
AGAAAACTTGAGTGGTATAAGTGGAGTTTAAATTTTTATTCTGTGAATG
TAGTGAATAATACATGCAAATTAGAAACGTGAAAGTAAAATGGAAGTAAA
ACTTTCCATTTGGAAGCCTGTTGGATGTTGAGCAGGTCTGCCAGGAGTTA
GAAGACCATTCCGGAAGAGCTGACTCCAGCCTGTCCATGCACGGCTACAA
TGTTTAGGATTGGGAGGAGACAGCTCTGGAAGCAGAGCGTCACTCGAGTT
TTAACGCAAAGACTGAAGGGAGAGGAGGAAGCCAAGCGGGCTCTTTTGA
TGCGAGGCATAACTACTTATTTGCAATTGTGGCTTCCTGTTTGGACCTGA
ACAAAACCGAAGTGGAGGATGCCATTCTTGAAGGGAATCAGATTGAAAGA
ATTGATCAACTTTTTGCTGTTGGAGGTCTCCGACACCTCATGTTTTACTA
TCAAGATGTGGAGGAAGCAGAAACAGGACAACCTTGGCTCTCTAGGAGGGG
TAAATCTTGTCTGGAAGATTAACCAAGGTGTTCTGTGACCGAG
GGAAACGATGTGGCTCTTACTGGGGTATGTGTGTTCTTCATCAGGACTGA
CCCTTCCAAAGCCATCACCCCTGACAACATCCACCAAGAGGTGAGTTTA
ACATGTTAAATGCGGCAGATGGAGGCCTGCTCAACAGTGTGAGACGTTTG
CTTGTCGACATCTTCATTTCTGCTTTCAGAAAGCCACAACCATGGCTGGG
CCAAGCTGAGGGCCTTAT

>Sequence 1595

AGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAGGTATTA
TCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCAGGTTGA
AAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAGATCAAGATTAGGCAC
AGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAATCCATG
AGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTAGGGTCT
CATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGTAGTTCA
CTAAGTGTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTATATTGG
T

>Sequence 1596

AGGTACTCAGGCTTGCAACATAATGGCCATTTTCCCCCTTTGGTTCCTG
GTGCTAATTAACACAGCACAAACCAATACTCTAAAAGTGATTCAAATA
TAAGGGAGGAAGGCTATTAGAACTGGGCAAGCCTCAGGGACTTTAGTCTG
ATGCTTCCGTTTTGCAAATTGAAGCCAGAGAGGTAAAGTGACCAGCCCA
AAGTCACTCAGCCAACTCATGGCAGAACAGGACTATCATCCACTCCCAAT
CCAGTGCTCTTTCTTTTCACTTACAGTGAATCCCCAACTCATTTGTCT
TCACAAAATCATTTACAGAAAGAGTATGGGTACAGCTGCAAGGATAAG
AGATCTCTGTTATTAAATACACAGCACATCACTCTCACATTTAGAA
ACTGTA

>Sequence 1597

AGGTACCTCGGTGAGGAGGCACAGATTTTGCCTCCTGTTGACCAGCCTGG
TTTCATACCGAAAAGACATTGAAGGACTGCAGAAATGTATGGGTGCACCG
GGCCGAGGGAAGGGTGGCTGAGTGAGAGGCGTATAAAATGGGGCTGTGTG
CATGCAGGCCCATGTTTCAGCCTCAGCCCACGCCAGGTGAAAGGATCAGC
AATGCTCTGTTGCCATCGTGTGGGACGACACCAGCTCTATTGCCACCGA
TGAGTAGCTGAGGTGAGTGTGCACAGAGTTTGAAATTAAGTTAATAGACT
TTACAGCAGCTGGCCTG

>Sequence 1598

CCGGGCAGGTACTAGGTAACATTGTTTCGACTATGTGTGTTGTATTAATA
ATATGTATCTCATGTTATCCAGACTGGTGACTGGACATGGTTGAAAGAGT
TTTATCAAAGACTCATTGATCAGAAGTGGCAGAGGAAGAAAAAGAGCAAA
GAGCACTGGTATCAAAAGGCAATTCTTTCCAAGTTTTTATATTACAGTAT
CAATGGTGATGGAGCCGCTCAGCCTGTCTCATCCACCGCAGAACAGCAGG
AATCGTCCAGTTCAGATCAGACAAATGATTGGAAGGGGCTTCATGGCCT
GCTCCCTTCGAAATGCCTTCTTTAGTTTCTGAAGATCCCAGTGCTTTAG
TCAGGGGAAGTGAGCCTCTTGAACCCTTATACATAGTGGGGCCTGTGGCC
TTAGCG

Table 3

298/1077

>Sequence 1599

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTTGTTATTTTTTTAAATTAATTATGATTCATTTTGCAATTT
CTTTGTGATCTTTTCATTATTAATAATATCATAGTTTGTCTTTTCTTT
TGTAATTAATATGTTTTTAATTTTTTGTATTATTATGTTTAATTATTAAG
GAATTTATTTATTATATAGTATTTAATTTTATTTTTTTTTTATTAATTTA
ATTTATA

>Sequence 1600

AGGTACTCCACAAATTTCCATGAAATAACATAATGCTCAATGGCTTGAC
ATTGAAACAATATGTAGGAAGCATGTGTTCCAATGGGATATTGATTATAG
GCTCAACTAAAGATAACAGAATCTGCTGTAGCTATTTTAAGAAGAAAAAC
ATTTAAGACATATAATTAATGGCTTAGAGAATCACTGGGGAGGGCTGAA
TACATCTAAGTTGAGCCTTCAGAAATAGTTCCAAGCAACACCACAGAAA
TGGGCTGCTGGAGGAACTGCTGCCTCTTCTGGGATCAGGAAGCTACCTGC
CACCTTGGGTCACCTGCCAGTTCCG

>Sequence 1601

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACCTAAAATTCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTGA
GCTC

>Sequence 1602

GCTCTCCGATGCCAGCCCTCCTGGAACCACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCGTCTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTTCG

>Sequence 1603

CCGGGCAGGTACGCGGGGCATTTTGTAGAGAAACAAGCGGAGTTAACCGA
AGAGGGGGTCGAGGAGAGCCGGAGTCGGGGACCCAGGAGTTTCCTGTGTC
CAGCGCTGCCGGAGCCGCCTGAGGTGCCATGTTTCAGAACAGAGTAAGAC
CCCTGGTAAAGGAAGAACTGAAGATATTTTTTTCAGAATACCAAATTAT
AACTCTTATTTACAAAAGAAAGGCATTTAACCCTGCCTTTTGGAGGTGGA
CTTAAAGGGGGAAATAAATGGGTGATTTTTTGGCACCAGGTGCTTCGGGCC
GTCTCTTAGAACTTAGTGGGATTCCCCCGGGGCCTGGCAGGGAATTTT
CGAATTATTCAAAGCTTTAATTCGATTACCCCGTCCGACCCTTTCGAGGG
GGGGGGGGCCTCGGTTACCCCAAGCCTTTTTTGTGTTTCCCTTTTAAAGT
GAAGGGGGTTTAAATTTTGGCGCCGCCTTTGGGCCGTTAT

>Sequence 1604

AGGTACGCGGGATGTTATTTATTAATCTGATAAATAGGCTTGCTTCATC
TGAATGCAAAGTAATATATAACCTGGAATTTTTAAAGTTTTTTTTGTTTT
TGGCACGAGAGTATCACAGGAAATTCAAAGGTTTAACTGCGTAAGAAACA
ACTGCAAAACCCGTGGCTAAAAACAATTAAGAATTATTAGGTAAATGAT
GTGGGGTTGGAAAATTTTTCTGGGAATCTGCTTGACCTTTTGCCTTTGC
TGCTTGTGTCCTTTGACCTCAACTTTGTGCCAAGCGCCACCTCTTGCT
TTGGGAAACTTTTCCCTGATTTAGCCTAAGCATAATTGGGCTTTGGGGC
CATTTCAAGTGGAAGAACTTGAATCTCAATGAAGTTATTCCCAAAAAGCCAT
ATTGAAGTAAAAGGGAACATTTTTACCCAAATTGAAGTCAAATTTCACTT
TGTCCTCAAAGCCCTTTCTTTTCTTGTTCACCAATTG

>Sequence 1605

AGGTACGCGGGGAATTCTAGAGGCGGCGGAGGGTGGCGAGGAGCTCTCG

Table 3

299/1077

CTTTCTCTCGCTCCCTCCCTCTCCGACTCCGTCTCTCTCTCTCTCTCT
CTCTCCCCCTCCCTCTCTTTCCCTCTGTTCCATTTTTTCCCCCTCTAAATC
CTCCCTGCCCTGCGCGCCTGGACACAGATTTAGGAAGCGAATTCGCTCAC
GTTTTAGGACAAGGAAGAGAGAGAGGCACGGGAGAAGAGCCCAGCAAGAT
TTGGATTGAAACCGAGACACCCTCCGGAGGCTCGGAGCAGAGGAAGGAGG
AGGAGGGCGGCGAACGGAAGCCAG

>Sequence 1606

GCCGGGGACCTCCCAGTCTGCGGCCATGAACGCGAGCAGCGAGGGGCGAGA
GCTTCGCGGGCTCGGTGCAAATTCCAGGTGGCACAACGGTGCTGGTGGAG
CTGACTCCCAGCATCCATATCTGCGGCATCTGCAAGCAGCAGTTTAACAA
CCTGGATGCCTTTGTAGCTCACAAGCAAAGTGGCTGCCAGCTGACAGGCA
CATCCGCAGCAGCCCCAGCACGGTCCAGTTTGTATCGGAGGAAACAGTG
CCTGCCACCCAGACTCAGACCACCACCAGAACCATCACCTCGGAGACCCA
GACAATCACAGATGGAGCCTCACTCTGTTGCAGTGGGCCGAGATTGTGTC
ACTGCACT

>Sequence 1607

GCGGCGGACGAGGTACATATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCT
GCAGCTCAGGGGAGAGCTGGGTAAAGAACCGGCAAGGCAGTAATCATCTG
CATTTAGATGGCGAGTAAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCCAGCAAG
AATAAATCAAACCATGAGAAACACATACATTTAAGACTAAGGAGATGTGG
TCAGGCGCGGTGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGG
CGGGTGGATCACTTGAGGTCAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGGCAACCTAG
TGAAATGCCGTCTCTGCTAAAAATACAAACTTAACTGGGTGTGGTGGTG
CCTTGCCATAGTCCCAACTGCTTGCGAGGCTGACGCCCAATAATCGCTT
GAACCTCCACGGGGAAGCTGGATTTTGCAT

>Sequence 1608

CCGGGCTGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCCC
CACCACCCATGAACCTTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG
TTTGAACCACTGGAAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGAAGCTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACCTCCTCAACTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTTAGCAAAGGTTCTGG
AGACAGGCATCCTTCTTCCAAAGGAATGCCCTTCTCATGCTGAGAAGA
AATCAAGACCCAGCATGGCCAATGAGAAACACCTCGCTTTGTCTT

>Sequence 1609

CCGGCAGGTACTNNNTAANAAATGTTTCATTCTTGTTGTAATGAACAAATA
TTTATTTATCTTTTATAACAAGTAAGGCAATGTTGCTTAAAGGAAGACAA
ACAAACATAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTTCATCTGTGCGCAAT
GCTTTTGTGATAATGGAGATGTGACAGCAAACCTTCCAGGACATTCAGTC
TTCGGCGGCAGCACTTAAGGCAGATGACTGGCCGCTCAGATTCTCTATCT
TGTTTCAGGACAGTGGAAAAGCTTATAGATGAGGCCAAAGCACCAGGTAG
GTGGAAGGTTCTTGATCGGTTGCAACCCCGACAGCGCGCCAACAGACAA
CACGAGGGCATTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAATGAGCGCCTGGGTGCA
GGCGTGCTGAGGCTGAAAATGGCATCAGCCCCCGCGTACCT

>Sequence 1610

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGAAATAT
TTGCTTTTAAACATTTGATTTTCATCAATCTTTGGATGATTTGACTTTAT
TGCAATATCTAGTAAATTTGCCAAAATATTTTTTTTATTCCTTGCTCCT
TTTATCCAATAAAAACCTGGGCAGGTAGAATTTTCTGTTTTCTTAAACAG
GAAGGAGGCAAAGCTGGTTTCACCTTGTCGTCTAACTGTAAGCACATAAA
GGAAATATTGGTCCAAAATATTGCTTGAGCAAAGTTCTATAAATTCATTA
GACTCAAGAAATTAATTCAAGAACTAGAAGATGTAGTGAAAAAAAATA
GTATTT

>Sequence 1611

AGGTACCTGAACAAATCCCATCAAGGACAGATTCTCAGTCTTGAAGAGGC

Table 3

300/1077

AGCACGGTAAAGGGGAAAGATCATGAGTTTTGGGGCCAGGTTCCCTTGGA
TATTGTGGGGTCCCCACACTTCTGGATGATGTTGGATAACTCTTGAGAA
CTTAAGTCTAAAAATTTTGTAATTGGAAATACTTTATTTTTCAGAGTTG
TCATAAACACTAAATGATTTGACTTATTATCAACCTAATTCCTACTGGCT
CATTGAACTCAGCTCAGCTGTCCCCCTCTGATCGTGATGTCCTTCCCCAG
TTGGGGCTTTATTTAGGTAATACCCTGCTGGAATACCCTTGCCAAGCTTT
TTACACATTTTCTCTTGCCATAACAACCTATTCTTTTGTCTTACTGAAAT
TATTAATTTCCATGGTTCAATTTGGTTTAATCTTTTCATAACTAAGCCTG
GGGAAGTTTCCCTG

>Sequence 1612

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTTGGAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTAC
CTGCCCCG

>Sequence 1613

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAAGCTTGGAAGGCAATTCGGTTAACAGAAGCGCCCAACCC
TGTACCTTGGGCCGCTCTTAGAACTAGGTGGAATCCCCCGGGGGCTGCA
TGGAATTTGCAATATCAAAAGCTTATTTCGATTACCAGTCGACTCTTAGG
GGGGGGTCTCGGTTACACTCAGCTTTTTTGGTTTCCCTTTTAAGTTG
GAGGGGTATATTTGCCGGCAGCTTTGGGCGTTAAATCAATTGGGTCAAT
AGCCTGGATTTTCCCTGGTGTGGAAAATTTGTTTTATTTCCGGCTTACA
ACAAATTTTCTACCACTAAACATTTACGTAGTCCCGGGGAT

>Sequence 1614

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGGCCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1615

GTATCACTACTTAGGGCGAATGAGCTCCACGGGTGGCGGCGAGTACAGAC
TGGGGTTGTTAACATAGNTNTNCCATTGGGGTTTGNCCCCCTTGCAAGCCCC
TTCATGGNNTGGGGGTGCCCTGGTTTTTGGCCCTCCCCAGGATAAGCAAAA
TGGTAACACTGGTGGCCTGGCTGGAAGGAACCTGAGCATGGCCCGTCATT
GGTTACTGGATTACCTTCCAAACTACCTTATAGGTCTACCTTTGGAAGGT
AAAGGAGGGGTTAGTCAAGCCCCAACCCAAAAAAAAGGTGGGGGCG

>Sequence 1616

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1617

CCGGGCAGGTACGTCTGACACAGACAATAAAAACTGCACAAGCCAGAATG
CAAAACTTCAGTGAGTGGCGGAAGGAACATTTCTGCATTTGACAAGAAAC
ATAAGCTTTTTTTTTCTTTTTTAAATGGCGGAACAAAAGGTTAAAAA
CAGAAAAGCAACAAGAACAAGCAGACCCTTACATTTGACAAGCGCACT

Table 3

301/1077

TCACTTGGCTCCATGATCTATTTCTTAGAAAGACTAAACAAAAGTCAAGT
CCTACGGTGTGCGGAGGGGTCAGAGGGTTTCACCCTGTAACGTCCGGCCC
TTTTGGTCCCCCTTGGGGCAGCATCCCTTTCCAGGTGTGTGCTGGAC

>Sequence 1618

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACG
GGAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGC
GACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATT
CTACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGTAGAAGGGGAAGTC
AACCAGATGCCGAATTCCCCCATACAGCTGGACAGGTTTCCCAATTTTCC
AGGAATCAGCTTGGTTCAGGGAGCAATCCCGGG

>Sequence 1619

CCGGGCAGGTACTGCATCAGCTAGAATAATGGAGCATATATAGCATCACA
AAGCGTGATTGCAACACAGCATCTAAAGATGAGGCTCAAGGATGTGATAC
CGTGTCTACACAGATGAATGAGTAGTGCCCATGACAGCAAAATAACATA
CCTGGGAAGTCCAGACTAATATCTGATAAAGGATACTGCTGTCATTACTA
AGCATATTGAATTTGGCTGAACGCTGACATATGAGTGGAACGACCATG
AAATGTCATCCACCAATCCTGGATCTGGGGAGCTCTGGAGGTGGAGAGAG
AACTTTTAAGATGCATTAATGTTATGTAAGCAACATACGATGGTATCTGG
AACTTAACAGGAGTCCATAATTGCTGCCAGAATTATTAGCATAGAATTCG
GTTTTAAACATTGACTAAATTGAATGGGCGAGGTGGGGGAGGCATGGCGC
CAGTTAAATAGCCAGGAGAGGCTGGACTGGGGACAGAAAAGTGTGCTTGA
CTGCACAAGAAATCAGAGATAATGGTACCT

>Sequence 1620

CCGGGCAGGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACT
CAGATCTGTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAGAAAGATCCTCCCTTA
CTTCCACAAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGT
AATTATAGAAACAACAGGAACCAAACTCATTAAATGTTGAGCTACAAACC
AGAGGGAAGCTTCTTTCTCAAAACAGGGCTCAGGCCTAGAAAAATCTAGT
TTTCTGAAATCGCTAGCCAGCAACAGCACTGAGATGGCCATCCCAGAAAC
AAGGCCAACACAGAAGCACCCATAAAGGCTGCTGGAGGTTGGGACAAAGA
GATCC

>Sequence 1621

CCGGGCAGGTACATAATTGGAGATGAATAATGATTCTCTTAGATAAAGAA
ACTTGTCCACCCACCTCTACCACAAATGAAAATCCTTTTTCTTATAGGAC
TTTTTGGCCAAGCAAAGGCTCATGATATCTGTAATATCTGTGATAGAAAA
GCAATAAAGGTTAGTTTTCTTATTCTACAAGTCCGAGCATAAAATATCTA
TAAATGCATGATTTGGTCCTTTTTCTCGTTCAACTTATAAACTCTACTTT
GGAGTGGTAAGGTAGGTAAATGTTGAATACAGTTGTAAAAAATCTGAGTT
TACAATCCTCAATACAAATAACAACATTATGTAATTTTGGACTTTTGTCT
TCTGTTGTGTTGAATTCACCAACAATCTTCGGATTAGTTGCCCACTCTCA
ACTTCTTTTTTTCTGGTCATATTCCTTTAACCTTCAAAACGCTTCATTG
TTCTAGGTTTGTACCCAAAGAACCCACAATCCTGTGGAAGGGAAGGGATT
CTCAAGGGAAAG

>Sequence 1622

AGGTACACCATTAAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACT
TGCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTT
AAAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCCAGGTCTGCAA
CAACTTTGATTTGGGACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTAC
ACACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGT
CCTTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACC
TACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCTTTATAATATGCTG
AGCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1623

Table 3

302/1077

AGGTACAAGCCAGGTTTCTTCTCAGCTCAGGAGAGGGACTTCTTCCTGC
GGATCTTGGGCTTCTTACCGGTCGCAGATAAGGGTTATCGATGATGTTT
TCCTCCCCATTCCGGCTACCCGACAAGGAGGGGTCTGCTGCAGGACAGA
GGTGTCTCCTTCTCGGCTCCAGAATCCTCCATGCTGATATGAAGAGCAA
GGTCTCTGTGTCTGTCTGATCATCCTGCTCCGAGGAATCTGTCTCTTCC
ATTTGTTGCATCTGCAGTTCAGACGGAAGAAGAGCTGTCATGTACGGGAT
TGGTGAAAGGTCTGGCACCCTTCAATGGAATGTGCCTGACGTTTCATCT
TTGAAAAAGACTTCTGAGGTCTCACCTGGTCTTGGGCCCATGAAAACCG
TTTAAGAGGCCCCCTCTCCCATTG

>Sequence 1624

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCCTTTATAATATGCT

>Sequence 1625

GGAATGCCATAGTAAGCGCAATNGAGTTCACGCGAAAGGCCGCCGCCGG
GCAGGTACTGGTGTGCTAGCTGGATTATTAGGCAAGAAAGTTATATAAC
AAGAAATAAAAGATTGGGAGGCTGAGGCGGTTGATCACCTGAGGCTAGGA
GTTCAAGACCAGCCTGGCCAACATAGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAT
ACAAAAATTAGCCAGGCATGAAGGCACCGTGCCTGTAGTCCCAGCTTCTT
GGAGGCTGGGCAGGAGAATCCCTTGAACCTGGGAGGTGGAGGTTGTGGTG
AGCCAAGATTGTGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAAGACCAAGACTC
CATCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAGAAAAGTACCT

>Sequence 1626

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1627

TCATGGTGTGCGCCTGTAATCCCAGCTACCAAAGAGATCACTGGACCCGG
GAAGCAGAGTTTTCAGGACCGAAGACGCCACCGACCAACCTGGTGACAGC
AGAGAACTCATTCAANNAAAAATAAAAAAAAAAAAAACCCCTGGCCGTTTAA
CTAGGGGGCCCCCGGCTGAAGAATTCATTAAACTTTTGTCCCCCACC
TAGGGGGGGGGCCCGTCCCCATTTTTTCCCTTAAGGAGGGTAAT

>Sequence 1628

CCGGGCAGGTACTAACTAAGCCGTCAACTACCAGCAAGCAGAATGAAAA
ACAGGGACAGATCAGCATCCAATTAGTATGTCTAAGTTTTTAAACAGGAA
AAGGGTTGAGGGGAATCAGTAAACTGGAACTCATACTTCACATTTTGC
AATCTCACTGATAAAAGGAGGAAATGTGTGTTTATCAAACCTGCTGTGAG
TGCACAGTTCATTTGGAGTCCTGTAAACAATCGCCTGGCTGCCCACTTTC
AAATGCATGTGAAAATCTTGGAGATTCAAGCATCATATTCAGCAAGCAA
GGTCATTCTAGTGATGCCCTTAACAAGTTTCAAAGCTCATAGAGATCTT
CAACC

>Sequence 1629

CCGGGCAGGTACCCGGGTATCCTGTCTTACGGTGTTTATTCGTGGTTATC
TATTGACAGTGAATAACTTGAACAAGTATTTCTTGAAGATTTGCATTTTA
TTTTTCTAAAAAGCATGGTTCCGACCGGGCGCGGTGGCTCACGCCTGTAA
TACCGGCACTTTGGAAGGCCGAGGCGGGCAGATCACAAGGCCAGGAGACC
GAGACCATCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATAA
AAATTAGACTGGGCGCGGTGGTGCATGGCCTGTTAATCCCAGACTCCTC
GGGAGGCTTGACGTCAGGACGAATCTGCTTGAGACCAGGGAGACCGGGAG
GTTTGAAGGGGAGCCAAAGATCGAGGCCT

Table 3

303/1077

>Sequence 1630

CCGGGCAGGTACAAGATGAGACAGAATTAGAGGATGAAAATCAAGAAGGC
ATGACTGTGCACAGTTCTGTTCACAGCAATAACCTCAACTCTATGCCAGC
TGCTGAAAAGGGTAAAGACACATTAATAATCAGCTTATGATGATACAGAAA
ATGACCTAAAAGGAGCAGCTATTCATATCTCAAAGGAATGCTCCACGAA
GAAAAGCCTGGAGAGCAGATTTTGGGAAGGTGGCTCAGAGAGTGAATCTGC
ACAGAAAGCTGCAGGGAATCAAATGAATGACAGAAAGATTCAACAGGAAT
CCCTGGGTAGTGCACCACTCATGGGAGATGACCACCCTAACGCATCCAGA
GACAGTGTGGAGGGAGACGCTTTGGTAAATGGGGCCAACTGCACACGCT
TTCAGTGGAGCATCAACGCGAGGAATTGAAAGAGGAATTAGTTCTTAAAA
CTCAAAACCAACCTAGATTCTCCTCTCCAGATGAGATTGATTTGCCCAGA
GAACTGGAAGACGAGGTTCCTATTCTGGGAAGAAATCTTCCCTGGCAACA
AGAAAGAGATGTGGCTGCCACAGCCAGTAAGCAAATGAGTGAGAAGATAA
GGCTCTCTGAGGGAGAAGCCAAAGAGGACTCCTTGGATGAAGAGTTTTTT
CATCACAAGGCAATGCANGGCACAGAAGTAGGACAGACAGACCAAACCTGA
CAGCACAAGAAGACCAGCTTTCCTTTTTAAAAGTGAAAGGATGATTATTC
CTCTGAAGAACTTCTAGAGGATGAAAAACGCTTAAATGCAAAACGGTCT
AAAAAAAAAAACCCTGGGAATCA

>Sequence 1631

AGGTACTTAGAATTTTGTGGCCAGATCATTTTGTGGAATGGGAAAT
CTGTGAAAATGGAATCACAGTGAGTTAATGCAGAAAAAGGGGAAATATG
CCCAACTTATCCAGAAGATGCACAAGGAAGCCACTTCGGACATGTTGCAG
GACACAGCAAAGATAGGCAGAGAAGCCAAAGGTAGAAAAGTCAGGGCTTC
TGGCCACCTCCCTGGGAAGAAGTCTCTCAACGGAAAATGTCTGTTGCCGG
AAGCATTCCAGCTCACAACAAGGAGGGAGGGAGAAATGGAAGAAAGGGCT
NCTCTTGANNGTGGAGGGTCTTNNACCACCACTTANNCATCCAANNNG
CAGCTGGGGAGGGTTTTACATGGGTCTCTTTGCAATAAATTTTTCTCT
CCTTTTGGTGGGTGGCTGAATTCGGTNNCTTCTTAAAACCGATTCTTTC
CAGGCTTTCTGGGTTGGGCTTGAGCCTTACCTGGGTTTGGGGAGGCAG

>Sequence 1632

ATTTTCTTCTAACACCGACATTGCTGCAGAAGAATCTGCGGCGGTCTTTA
GTTGGATCCAAGTCTCAAATGTGCCTGGCTCTCGTCCGGGATGCTCCTGA
ACAGCTGGTCCTGGAAATTGGGAACCTGTCAGCTGTCTGGGGAATTCAGC
ATCTGGCTGAGTCCCTCTCCCTCATCCCCACTGCAGCGAGGCAAGCAGG
AGGTAGAATTTATTCTTCCACCGCTACCAAATAACTGCAGCTTACTGCTC
CGCGTCGCAAGTCAAGATGTGGCTCCTTCATTACACACATCTCTTGAGC
GCTTCCCGTGTGCCAGGTGCTATAGGGCACACAACAGTGTGGGGATTACA

>Sequence 1633

CCGGGCAGGTACCATCTTTTACAAATCATGCTTCTTCTTCTGCACTCATT
CTACTTTGATCCAACCTGAACCGTTCATAGGCAGGTCCGGGTTTTATCATC
CCCATTTACACATAAGAAAACTGAGGCCTGGAGGCTGGGCGCAGTGGCTC
ACGCCCTGCAATCCCAACACTTTGGGAGGCCAAGGAGGGCGGATCATAAG
GTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACATGGTGAACCCCATCTCTAC
TAAAAATACAAAAAATTAGCCGGGTGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCCA
GCTACTCAGGAGGCTGAGGCAGGAGAATAGCATGAACCTGGGAGGCGGAG
CTTGACAGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAG
CGAGACTCCATCAGCTGCCAAG

>Sequence 1634

AGGTACACATAGTGACATTGCAAAGGGAGACTTTGGGGTCGGGCGGATAT
CTTAGGATCAACTCTGGCTAGGTGCGAGAAGACAGGACTTGTCCACAG
ACACCAGAAGGTGGAAGTTTTGTCTTCCCTGATAACTTGCTCTTCGGTAT
CTTGTTTTGGTTCACTGGGTGTTTAATGAGAATGTCTTACCAACGTGCTA
TGTCGTCGTTTCATCCTGACAACATTAAACATCAGTATAGAAAATACTGGA
AAGAACAAAAGAAAAAAGAACCCAGGGAGGTGATCTTGCCACCCCAATT
CTTTTCAGTAACATCCTTGT

>Sequence 1635

Table 3

304/1077

AAACCAGCTTTTAAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTAGTTTGGTAAA
GGATAATTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1636

CCGGGCAGGTACTCTTCAAATTGGTAAATTTTATTTGTCTAGTAAATTAT
ATCTCTGTAAGTCCTATTTTAAAATAAACTGTAAAGAAACCTATTAAGTT
GGTAACAGCGATTAGCTTTGAATAGTGAAATTATGGTCGATTCTTTACT
TTTCTAACCTTCTTCTTGCATTTTTTCCCCAAATGCCAGAGAAATGGCAA
TTTTATTTTTTCATAAGAACAGAACTTTTACCAATTTACCAAAGGGGTG
AAAAACACCAATTTTCCAATTGAAAAAACAATAATTAGTCCCTTTTG
TAATTTTTCTTAAGGTAAATCCCAAACCTTTTACCAAGGGGGAATTGTTGA
AAGTGAACCCCTTCTTTCAAAGTGAAGTATACTTGTCTATAAACCAACTTG
GCTTCAAATGTAAAAATAAAAAAGTAGGGTATTACCAAAATCAAATATTA
TGTAAGTAAACCATTTTCCCAAGCCCTTCAATGGGTGTTTAGGGAAAGTA
AAATCAAATTATTCTGTTGAAAAAATGG

>Sequence 1637

GAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGAGGTACGCGGGGGAGCCAGCGATGGGTC
CACCTTGCCTTTGTTGTTGTTGTTGATTTTGTCTTGTGTTTGGTGACTG
AGTGAAGGGACTTGACCCTGGTTCTCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTG
CGGTGATCAGGGAAGCTGCCTGGACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACC
CCATTCTCTCGCCCCTCTTGAGAATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTCA
GCCTGCAGTCAGACCACAGTCTGGCTCGGGCTGGGGCTGGGGGTGGCAGA
AAGGGGGTCTGTAGCGCAGCCCTGCTCCCCCGAGTCTTCTCAGTCTTCTG
GGGGAGAAATGACCGACCATAATTAAAAAGAGAATTCTTGCTTTAAGGGG
AAGGAAATGCCTCCAAAGACACCGGCCCTCTTAAACATAGGGGGGACCC
CC

>Sequence 1638

CCGGGCAGGTACGCGGGGATATAGACAGAGTTGAGATCAGGAAATAGCTG
TTTGGTGTTTCTTGGGGTTGTCTTCTTACAGTTCAGGAGACCCTTCCTAA
AGCCGGTCTTTTCTCACTTCCAGTCATTCTGTATTCCATCAACCACACA
ATCTGCTTGCGGTTGGATAGCATTGAAGCCAAATTGCAAGCCCTGGAGGC
TACTGGTTAATGCTGGGAAGAGGGGCGGAGGTGAGCAGGAACATGCAGT
TCAAACCTTATCCAGGGTACCATGGATGCCGGCTCAGTTCTCATGACACTC
CATACTGCTTCACTTTTGCCATGGCTACCCATACGCCACTGTTGCTTCCG
CAGCCGCTTACATCTTTGGGATCCCCCTCGTCTGTACGTCTACTATATCAT
GCTTATGTATACCTTCCACCTTTATTGTGTGCCCGTAACCCCTGTTTA
CTCATCTTATAGGGCATACTACACGCTATATCTAGTATTTGTATATCGTC
TAGCTACTACAATCTATTCTGTAACCGTTTTTACTCTTTTGTACTACGGC
CCCCGAAACATATCCTCCTCGTCT

>Sequence 1639

CCGGGCAGGTACCAGCAGGGCAGGGACAGAGTTGGGAGTCTACAGCCGTC
CTTGAATTTGTCTCCTAGCGATGAGGAGGTTTCCTTGATGAAAGCCACT
CTATGACTCTGGCGGGTGAGCATAGTCACCTGCTCGCCTGCAGATGGGTC
TCTGGGAAGCCGCTGAAGCCTGGAGAAGTCCACAGCCCATGCCTTCTGGA
GACCCAGAGCTGAGTGGGGAGGACAGGACGAGATATGCCACACTCATGTT
GCCAAGGAATAGCTAGAGAGCACTGTATGGGGAGTGAGGGCCCAGCGCTG
GAGTCCGCAGCTCATCAGC

>Sequence 1640

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAGTGCCC
CACCACCCATGAACCTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG

Table 3

305/1077

TTTGAACCAGTGGAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGAACTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAACTACCTCCAAGTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAAGTGTAGCAAAGGTTCTGG
AGAC

>Sequence 1641

AGGTACTTCGGGGAAAGATTGCATTTGAACAGAGGAGTGTCTAGAAACAG
ACATCTGTTGTTTTGGCAGCAGCATTCATTTCTGTCTTTGATAACCAGA
TCCAGGGGCTCCAGGGAACTAACTCCTCCCTAGGCTCCAGGGAGGCAG
TGCCTCAAGCCTCACACCCCGCTGGCAACAGAAACCGCTTGATGGATGTG
TGCACGACCCCTAAGAACTAATGAGCTACATCGAGTCTTCAGCAAAGACT
TCCAGGACAAAGATGACAAGCTTCTCCACCTATACTTGGGGAAAGAGAAT
CAGGCTAGCACCCACTTTACAGCCACAAGGAGAGAAGTTTTGAGAACTCA
GT

>Sequence 1642

AGGTACAGGGCTGGGTCTGGGGACAAAGCAGTGGGCAAGGCAGAGTGCC
ATGTTATAGCTGGCGCAACAGCCAAGGGCAGCAGATGACTGGGAGAACAA
GGTGATTTAGAGAGTGGTCTATGCTAGGAAGAAAAACAGGTTTGTCT
TAGGAGTGAGGTTACTTTAGATAGGGTGACCAGTGAGGGCTTCTTGGAG
ACGGTGGCGTTTGAAGTGAACCTTAATGCCAAGAAACAACCCCATAGC
AAGACCTGGGCACAGAGGGACCTACAAAGGCAACGGCCCAGTGCCAGGGA
CTGAGCTTGGGAGCTGAGGAAATAAAAGCCAGCCCTCCCCAGCTGTCCA
TTGCTTGATCTCATGCTTTTTTCTCTCCACTTGAGCCAGCCTGAGATAGC
TTTCGCCN

>Sequence 1643

ACAGAAACATGTGTGCTAGTGACTCAGGGGGCTACCGCTTTATTGAAAC
GGGGAATCTAGGTGTTTGGCAACTTTAGAAACCGGTCTTTTGTGCTC
TCACATGGACTTAAGTATTTCTCTTCAGCTTCAGTCACTTTTGCCTTTC
TTATGGGTGCCCCAATAAAAGCTGTGGGCAGGCCGGGAAACCCAGTGAT
TGTCATGAAACCCCAAGCCTTACAGCCCAGGGGAATCCTTTTCTGAGACC
CGGGGGGCCAGCACATTCCAATAACCCCTGGGGCCCCCGCCGTACCCTT
CGGCCCGAGGGTACAATTTTTGGGGTTACCCCGAAAAGCCTTTTTGCTTG
GGGAAAGACCGGGAAAAACAAGCCTTGAATTGGATGCCCCCTAAAAGGA
AACTTCCGTACCCCTTCCTGGCCACCTGGGAAAAACAACAAGCCCTTGGT
CAAGAAGCCTTCAATTGCAATATTCAAGTCAATTCGGAACCATGAATAAT
CTGGCCCATCTTGGGAAGGCTGGTTATTGGCCCGGCATTCACCC

>Sequence 1644

AGGTCAACACCGTGCCAGCTAATTTTTTCTATTTTTTGCAGAGATGAGG
CCTCACCATGTCTGCCTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGAATCACAGGCATGA
ACCACCACACCCAGCCCTACTGTATTTTAGAACTTTGTTCTTGAAAAGCN
AGTCAAGTTCCCTGTAAGTGCATAATATATTCTCATTTCATGAGAACA
GAAGATGGTTTGTAAGAGCTATTTTAAAGTGTCCTATTTGCCAGTAAT
TCCTCTTCTAGAAATCTATGAGAATAATTCANAATATAGCCCANAAACA
NAGGCATTAAGTGTTAGCAAAACACTGAGAATCTAAATAACCAATATAA
AGAGATTGGTTAGGCCGTGCAGCGTGCTCACGCCTGTAATCCCGGCCTT
TAGGAGGCCGAGGCGGGCAGATTACCTGAGGTCAGGAGCTTGAGACCAGT
CTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTAGTAAAAATACAAAAATTAGCC
AGGCGTGATGGCATGTGCCTGTAGTCCAGCTACTCAGGAGGCTGAGGCA
GGAGAAGTGTGTAACCAAGAGGTGGAGGTTGCAATGAGCCGAGATCAC
GCTATTGTACCTGCCCCG

>Sequence 1645

AGGTACATAGTGTATAATATTGTAATAATATATTTTACCTGTGGTATG
TGGGCATGTTTACTGCCACTGGCCTAGAGGAGACACGGACCTGGAGACCG
TTTTAATGGGGGTTTTTGCCTCTGTGCCTGTTCAAGAGACTTGACGGGCT
AGGTAGAGGGCCTTTGGGATGTTAAGGTGACTGCAGCTGATGCCAAGATG
GACTCTGCAATGGGCATACCTGGGGGCTCGTTCCTGTCCCCAGAGGAAG

Table 3

306/1077

CCCCCTCTCCTTCTCCATGGGCATGACTCTCCTTCGAGGCCACCACGTTT
ATCTCACAATGATGTGTTTTGCTTGACTTTCCTTTGCGCTGTCTCGTGG

>Sequence 1646

CCGGGCAGGTACAGGAGTCTGGAGTTGGCACCCGTAATCTACAGAGGGAG
GCCCATCAGGACTTCGGTCTTGATCTCAGTGGGCTCCATCCTCGTCCCTA
ACCAGCCTCATATAGGCAGCAGGGCTGCAGTGGCAGTGATGTTTATGGAA
GGACCCATTATTCCCAAACACATCTTTGGGGAATTACCTTACCGTTAGAG
AAATGGGACTTCTAGGTGTCTGGAATTGGAACATGGGGAATTTGAGAGCA
TAGACGATCTCTGCCTCTGACCTCCCCCTTTTCTGGGGAAATGTGTCTT
GGTCTCAGCCTGCTGGTGCAGCCCCTCCCAGGAATCCCTGCCAGTGTG

>Sequence 1647

AGGTACGCGGGGGCCCCCTTTCTGTGACCGAGTTCACACTCAGAACACACG
TGTTGAAATCGGGAAAAAAACGGAGACCTGTTGTATCTTGCAAGGAAAAAC
GTTCCCTTACAGGTATATTTACAGAGGACTGTGTGCACTCAGGCAGAAAT
GACCTCAACAAGACAGCCTCGTGGAAGGAAGAACACTTACCTACTTAAC
CCCCCCCCCGCCCCGAGCTGCCTAGTCTAGCCTAGCCGTCTATAACAACC
CCAGTGGACTGACATTCCATCTTGGAATTTATGGAGGTGACAAAAGTGTG
ATTTGAGATGGACCAACCCAGCCCTTTCAAGAAGAGCTCTTGATGTTTT
ATCTTGACATGTGTTTGATGAATAATGACCTGCACACCCATTTTAAATGC
AAGAAAGGAAGTCTGCTCTTCG

>Sequence 1648

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACCACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGAGTAGGGGCACTCA
GCCAGATGCTGAATTCCCCAGACAGCTGACAGGTTCCCAATTTCCAAGAC
CAG

>Sequence 1649

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAGACTGAGTCTCACTCCAGC
CTGGGTGACAGAGCAAGACCCTGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AAATGGAAGTTGTGGTCACAATGCCCAGGCTTCTTTGTTATAGTGGCAGC
CTGGGTTACTTGCCACACACAGATCACTCTCCAGGGCTGCTGGCACAC
ACTGATTGTGGGAGTTCAAGAGGCCTTTTCCCCCTTGAGGGTGTGGCTGT
CCCCCTTTCAGGCGTGTGGCGTCATTTCATGGAGGAAGTGTGGCTCTACG
TAACACACGCACAGTGGCACTAGGACCTGCGTGCCTGGCCCTCAGTGGGT
AGGGCGGTGCTGCCTAAGCACACAGAAACGCTTACGGGCCCAAGTGCCT
ACTAAGCTGCCTTCTCTTCCCCGCTGTCAGTCTGTGTCCTCCACGTGCT
TATTCCTGTGGAGAGAACAGATGTGGTGTTTGAATACCTTGTGCCTTAT
GAACAAAGTGGGCCCTTGTAAGAAGGGCGGGAAGAGCCGACCAAAATG
GGCGGCCTTCAAACCCTAAAAAAACCCACCCGGCCCAAAAAAATACCAA
AAAATGGGCCACCAAGTTGGGCTCCCTCAAATTAATTTCTTTAAAAAA
AGCCGGGGAATAAACTATGTGGTTTTTACCTTTTATTAGGATAAAG
AGGGAAACCCCTTCTCTTAAAAAATTTTAAAGTTTTATAAAATTCCTGT
ACCGACGGGCCCTATTAAAAAATATGGAATACACCGGCGTCGAGAAAAT
ATAATATTACCTATTGAAACCT

>Sequence 1650

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1651

TTTGCTCAACAATTATCCAATGTCTACTTTACAATACTTTCGCTGTTCTG

Table 3

307/1077

TTTAAAGCTTTTTGTGAAAATCAGCCTTGCCATCCTCAGTCATTTCTACA
TAGTGAAAGGCAACCGCAAGGAAGCGGCAAGGATAGCAGCTGAATTTTAT
GGAGTAACCCAAGGACAAGGTTCTTGGGAGATCGATCACCCTACATGA
AGCAGCAAGTCAAGGTCGCCTTCTTGCTCTGAGAACATTATTATCACAGG
GTTATAATGTAAATGCAGTAACCTTAGACCATGTCACCCCATTCACAGAA
GCCTGCCTTGGAGATCACGTGGCATGTGCCAGAACTCTGCTG

>Sequence 1652

CCGGGCAGGTACAAAAACATCAGGACCCTGTAGGAGCATCTCTCTGATGG
CCCGATGAGCTTCTCCTCTTTTCTAATCCAGCATCTCTTAGATTTGTAAA
GGAAGCCAGTGTCTGCAGAGCTGAATATGCAATGTCACAGCAGAGGTCTA
ATGGACCCACCACCTAACACACTCCTGCCTCTTTTCCGTGGCACTTCTGT
CTCACTTTGAATAAACTGCCTCAAACTGAAACCCGAAAAACCTGACAA
CACTGTATATACAACCTGGCCTGGTAGGTTACAAAAGAAGTTCACAACAGA
GGCAACCTGGTGCCACGGAGGTCTGGATGCTGATCGAGAGCAAGCAGAGG
CGTGCGCGGGGAGGAAAGAGTGTGAATACGCTCATGAGCCTTAATACAA
GAAGCTTTACGGGAGGCTGGTGAAATTCTGGAAACCACTGAGACAACTGT
CTGTAAATTGTCATCTG

>Sequence 1653

GCCCGATCGCTACTAAAGTCGATTAGAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGCC
GGGCAGATACAAAATAATCTTTTGTGTTTGTTCCTTCAAGATTCTCTTT
TACTCTTTTGTTCCTTATGCCATCACTCCACCACAACCATACTACAGAC
TTCGCAACTGCTGTCTCAGCCTTTGAAACACCTAACTTCAACATGCTTT
GATTTCCGCCTATTACGCTAATTGATATTTTACAGGAACGAACAAACGAA
AAGGAATGTATGCACCACCTCCAGTTTCTTTATTCACTACCACCTGCCAG
GTGCCTTTTAGAGCAGTATCCCTGCCTGTCACGGGGCTTCTTGATTGAG
CTTACCTACCTAGCTATGTTTTTTTTCTTTTACCCTCTGATGTCGTCAT
ATGTTCTTAGCTTCTGGCCTCTTCGCATTTTTCTTGTTTCTATAACTGTT
TTGAATGTGCCCCGAGCATTTTATATTTTATATGGGTAGTCCCGCCCCGT
GAATAAGTTGGATTTTGTGTTATCTACTCCTAAGGGGTTTTGTGTATTTT
GGTTCCTCTCC

>Sequence 1654

AGGTACTGTTGTTGACTCGCATAATGCGAGAGATGTTGCGGAAACGAGCC
AAGGAGCCGTAGGATCCCAGCATGTCTGCGGCAATCACCCTCCGCCCTC
GAACTTAACGCCGAGGACTGAGGTCCCGGTACCATGGGGTTCTGGGTCC
GCGTGATTGGACCTCTGTAAAGTGCAGACGCCGGATCCATGAAGGAATCG
GGAGTGGATGGAATGCGGTAAACTGTCCTGGGGCCGGACCCCCCGCCCA
AAGTCCGGACCGCGACCCCAAAAACGCTTCCATCTTAGTCACGGTAGCAG
AAAAAAAAAAAAAAAAAAGAAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 1655

TCTCTACTACTTCTTCATAATAATACATCTCTATTTACTTTTCCTCTAAA
CTATTTTATTTAATAATTATCTATTATCTTTTCTTTTTTAATATTTTATC
TAATCTTTTATTTATATTCTTTATTTTTAGTGCCCTCATCAACT

>Sequence 1656

CTAAGATGTATGAGCACATAAACTTCTTCCCCTACCTAATGTTAAATCTT
TTCTATGGTGGCTGTGCTCAGAAGCTACCTGCTCCTGCCTATCCCCAAAG
CCCTGCTTCACCAAAAAGAGAAATACCAGATTAGCTACCTGCACCATCCC
AGCAACCTGTCCCTTCTCCCCTCACTCCTCACCCCTTTTCCCAGACCCTG
GTCTCTCTTTTTCAGCACCCAGGAGACCAGTGTCCCTGGGCCATTTCTGCC
TGCTTCCAGGACAGTAGTCCTGGCAGAGGCAGAAGAAGGGTCAGATGGC
AGAGCTGCTGGGCTGGGCTCCCACAAGCTGTGTCCTAGTTTTCCAGGGTA
AGCTGTCAAGAGTTGCCTCATTGCAGTCCCCATTTCCCTCTCCCTAAATC
CCTTTTCTGAGTCTGAAGAAATGGCATTGCCAGCCTCAGGAAAT

>Sequence 1657

TGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATTTTTAGTAGAGACG
GGGTTTCACTGTGTTAACCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATC
CGCCCGCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCAC

Table 3

308/1077

GCCCGGCCCAAAAGCATTACTGTAAAGGCTGCCTCATTTTTCAGCTTTG
TTGTAGTTGAGATTCTGATGTTACCTAACAAAGTCCCTGACAAAACAGA
CTTCCTTCAATCCAGGTCATAATTTGAAACGTTATACAATAATGAGATT
AAGTGATGAATGGAAAGAAAAGAAGGAGACTGAAAAGATATCAGAAATT
CTATTTGTTTTTAGATTCAGAAAAATATAATTACAGGCCAACATGGGTCT
GACAGAAAGGAAGGACGTCAGCAGTTACTTGAATGTAACCCCTTCCCAGC
ATTTCCAAAGACCTGCAATGTGCTCATTGTGATCCAAGGGCCTTGTTACC
TAGTTTCTAGGTGATCTACAGAATTGAAACAACCCAGCACAACCTTTATTT
CTTGAGAAGATGAACCCCTTAACATGAAGTGCCCAAAGGAAGCTTTAACT
GCTCACTTACCATTGCCTCCGGTTTTCAATGCCACAATCATTCAAGATAA
ATAAAACCTGTGAGAAAAACAAACAGGTGGGCAAGCAAAGCCGCAGTGAT
CATACTTTCAGTTACCAATGGACCAGGGTGCTTTCTTTTAAAGAAGTGGT
CATTGGATTTGGTTTTTAGAAACAAAAGCGCCCGTTTATGAAAGAAGAT

>Sequence 1658

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGAT
GGGACTTCCTACGTTGCTCAGGCTCGTCTTGAACCTCCTGAGTTCAAGTGA
TCCACCCACCTTGGCCTTTCAAAGTGCTGAGATTACAGGTGTGAGCCACC
ACACCTGGCCAAAATAATAAAAAATTTAATTCAGGTAAAAAAAAAAAAAA
AAGGAAAAGTGTAATGTGTTTCATCCAACAAGCCTTTCTTTCACACATA
TGAAATATAATAGATCCATTTAAATACGATATCCAGTTGAACCAGCCCT
GAAGGGCTTCTGAATTGGACATGTTCTGTCGCTACCAGTGGGGCTTCCT
GGAAGCTGGCCCAAAGCTGGTCCTTGCCACGCAGAGGATCTGAAAGCAC
CCTGTG

>Sequence 1659

ACGTCGGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGGATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGCACC
T

>Sequence 1660

AGGTACGGGTTGCCCTGGCTTGGCACTGCAGGGACGTGGTCTCGTGTTT
AATCTTGTCCATTTTGCAAGGTGCTTGGTGGGTGATGTGGTCTTTCGGT
CAATGTTTGGGTACCATGCTGGTGGTAACCCAGCCATGTTGTTGAGTCAG
GACCACCCCATACATCACTCCGTAGTGGCAACAAGTTGTGTTGTCAAGAA
GGGAGGCGGTTCTTAAATCTTTTTCCCAGGGGGCCAGGGGGGTTGGGTAG
GGGGATTTAAAAGGTTTCATGGGGTGGACCCGACTTCAACACAAGGGAAC
CCGGCAGGCTTGTGTACGGCCTTAACCTGTTTTCCTTGGTGCCAAAGGAAA
CTTCTGCTCGGTTCCAACCCCTCGGAGTAAGTTGGGCAACCTGGCAGGAA
AAGAAAGGCCTGGCCGTTCCGGTTCGGTCCATCTTCCTTCGGGGTTAGGC
AATTTTTTAAGCCTGGAAAAGTTTGGAGGCCTTGGGGCTTGGGCCCCC
CGGGGGGGCCCCCGGGGGGGCCCCGGCCTTCTTATTAACCTTAAGGTT
GGG

>Sequence 1661

CCGGGCAGGTACAATAGCGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACCTCCT
GGGTTCAAGCAGTTCTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACAG
GCACATGCCATCACGCCTGGCTAATTTTGTATTTTACTAGAGACGGGG
TTTACCATTGTTGGCAAACCTGGTCTCAAGCTCCTGACCTCAGGTAATCTG
CCCGCCTCGGCCTCCTAAAGTGCCGGGATTACAGGCGTGAGCACGCTGCA
CGGCCTAACCAATCTCTTATATTGGTTATTTAGATTCTCAGTGTTTTGC
TGAACACTTAATGCCTTTGTGTTTTGGGCTATATTTGAATTATTCTCAT
AGATTTCTAGAAGAGGAATTACTGGGCTAATAGGGGCACTTAAAAATAGC
TTTTACAAACCATCTTCTGTTCTCATTGAAAATGAGAATT

>Sequence 1662

GCCCCATCGACGCAACTCTATTATCGGGCGAATGGGAACTGCAGCTCCAC
CGCGGGGGCCGGCGCGACAGGCCATCAGATCTGATTTCTTGTGCAGTCAAG
CACACTTTTCTGTCCCATTCACGCCTCTCCTGGCCATTTAACTGGCGCC

Table 3

309/1077

ATGCCTCCCCACCTCGCCCATTTCAATTTAGTCAATGTTTAAAACCGAAT
TCTATGCTAATAATTCTGACAGGCAATTATGGACTCCTGTAAAGTTCCAG
ATACCATCCTATGTTGCTTACCTAACATTAATGCATTTTAAAAGTTCTAA
CTCCAACCCCAAAGCTCCCCATATCCAGGGCTGCTTGGATGACCATTTC
TGGTCCATTTCCACTCAGCTGTCAGCCATCACCCAAATTCAAGATGCTTA
GAAAAGACCTCCGGATGTTTTCTTAGATATTAGCT

>Sequence 1663

TATACACCGGATGCACACGTCTCACTATAGGGCGTACTCCACGCTCTCCG
GCGGCCGANGTACGCGGGGAGAGCAAAGACAGTTGCTTACATGATGCAGA
GCTTATCTACTGTAGAGCTGGGAAGCAGAAGGATTTGTAGTTTCTTTTAA
AAGTGATTCCCTTCCTTTTCCCTTTCATTTTCACTGTGGGTGTTATTATC
CTGACAATTTGTACATATTTCTGTCTTTAAAAAATAAAGTGTATACTAA
GCAAACTCAGGTCTTAAAAATAAATATGAATTTAGATTCCATACATCGA
TTAATTGAGGAAACACAGATCTTCCAGATGCAACAATCATCAATTAAGTC
ACGCGGCGACATGGTGGCCCTGCCTACCCCCCAGGGATACCTGTAATA
CCTGCTTCCCACTTCATGGGCTACAATCTCATGCTGCTCACAATTTCTGT
GCTCACTCATATAACACCAACAAATGGGATATTTGTGAAGAACTTCGCCT
GCGGGAGCTTGAAAAAGTCAAAGCCAGAGCTGCTCAGATGGAAAAGACCA
TGCGGTGGTGGTCCGACTGCACTGCCAACTGGAGAGAAAAATGGAGTAAA
ATTCGAGCTGAAAAAGAACAGTGCCAGGGAGGAAGGAAGACAACCTCCAAT
AAAACCTAGAGATGGCGATGAAAGAATTGAATACCCGGCCCC

>Sequence 1664

AGGTACAAACAAAGCAAAAAGTAGGAATCATGATCTTAATATTGGACAAA
TTAGAATACAAGCCAAAAAGCAATAACCGTTAGATAAAGAAGAATTCTTC
ATAATGATGAAATAGAAACATTCATAGAATAGAAATTACAGGAGAAACGG
ACAGTCACTTAAAGTTTAAACTTTAAGACAACTTTAATTGACCTATTT
GAGTCCACAAAAAGCCAAGAAGTATCTGAAATGGTGGGATAAATCTTCT
GTCCTTAAACTTTTGTGGGTGCTGTAGGAAGATTGGAGTGCTACTAT
GCTGGCTACACGGGCTGATGGTGCAGGACTTACAGATCGCTAAGTTTTAT
ACGACAAGTCAGTTAGGTCAGAAGGGTGTGTGCCTGACACCACCTGTGG
GGGATCTCATCATTTGAAAATTCACAGCCATGAAGATTGAACT

>Sequence 1665

AGGTACGCGGGGTTGGTATTAATAATGTTCTTTCAGTTAGGGCCAAAGGGC
ATTTAACTTCAAGGTAAGACCCATTCCAGGACGGCAGAGATCATGTCTGT
CTTGCGTATCCCTGTGTGAATTTGCCTGACATGTTGCAAACTCCGTA
TGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGCCCCAGTCAGAAAACCTCTGGGAGAAC
GTTATCCCCAGACCTCAGACGCTCGACGGATACATGAGAAGCTTCTTTG
ATGGATTGATGTCAGGATCTCCATGTGAACCTCCACTTAGAGGTGTCAT
GCGTATGGGGCCT

>Sequence 1666

AGGTACAAGAGAAATTAAGATAAATCTGTATCATGTTGGGCAATTTCAA
CACCTTTCTCAAGTGGTAAGTCAAGCAGCACAAAACTCAGCAAGGTCA
AGATTTGAATAATGTTAACAGTAGAGCTTTATCTACTGAATAAATGTAAA
ATTCCCCATCCAATAATTAGTCCACTTTCTTCCAAAATGCATGTGGAAGA
TGCATAAACTTGATTATGCACTAAGCAAGTGTTAACAATTTTCAAAAAC
ATGCATTGTAAAAATTACATTATCTAACCACAATGCAATTAAGTCAGGTG
TCTATAATAAAAAGGATTAAAAAGACAAAAACACACCACTTCCAAATAC
TGTATAGAAAACACACTTTCAATGATGAAAATTATAATGGAAATTAAAGA
CACTCTGATAATGAAAACATGATGAATTAACCTGTATATGT

>Sequence 1667

CCGGGCAGGTACCAGCACTTTTCAAACCTACTTATATATACAATTCACCA
GGAATCTTGTTAAATTCAAATCTGGGTTGGGGGTGGGGGAAGCAAGAG
TCTGCATTTCTAACAACCTCATCTGTGACGCAGATGCTGACAGTCAGCAG
CTCACTCTTTTAAAGTAGCAAAGTTCTAGTCCGCCCTAGAAAATGATGGAA
AGTGGTAGCAACCCTCAGAAGAAAGCAGAAATTTATCCTCAGACAATTAGG
CTAATGAGGAATCTAGAGATTATCAACTACTGGTTTAGAAACAACCTGCTT

Table 3

310/1077

CTTTTATGATTTTCATTATTTTTTTTATTTTTTAAAGAAGAAAGTCAACGAAA
TCACCTGATCTCAGGTTTTGCTAGTCAATATATTAATACTATTAACCTTGA
AACTGTAATACATATCCCCCAATATGGCCTTTCCCACATCAAGAACTAT
TTATTAATACAAATACCCCCAAATATCTCCAGTATAGATTCAATCTGAAC
ATACACTCTTAAAA

>Sequence 1668

CCGGGCAGGTACGAACTGGAGGGCTTGTGTGTTAGCTTCTGAATTGGTCA
ATTGGTAGGTCGGTTAGTTGGGTTTCGTTGTCCCTTTGTGTTGTATTCACT
AAAGGGGGATGAGGTATTTCTGTGCCTGCCNTGTTCTGCTTCAAGGGCAG
TTGGCAGAATTCAACCNNCTTGTGGGGAAATANCNCGGATTGGGAACCAC
GGGATAGTGGAAGGTGTTTTATCAACAACCTGGGCTTTAACCCCCCTGGA
TTTTTAATTTCCAAGTGGGGTTTTTTGGTTTTTTTCAATTTCTGGGAAAC
CAATTAACCTATTCAAAATTGGGGCGGAACAAGAACCTTGGTTTTCCGGCG
CCCCAACCCCTCCCGGTGGAAAGGTTAAAATTCAATTGGCACCCCGGTGG
TTGGAAATTAAGGTTATTCAAAGGGCAGGGGAAATCTGGCCTTTTTCCA
TTTTGGTTATTTGGGAAGGCCAAATGGGAACCCCAAGTTCGGGTTGGTAG
GACCTTTCAATTTTTCTTTGGAACCAATTTTTTCTAAGGAATTCCCTTT
AAAAGGAAATTTTCCTTATAAGGAAACCAAACTTTAATCCTTAAGGTAA
AGGGCCT

>Sequence 1669

GAATTAACATTTTTGANTCANCACNGTTTTTGGCACAACGGCGCCGCCGG
CAGGACTTTTTCTAAAGGAGTTATCAAACAGNGTGATTAACAACCGCAGG
GGANNAANGAGGGGGGGAGTTGGGACACNGAAGGAGGGAAGCAAAGCCGG
AAGCGGGGAAGGCACCGGAAGAAAACCCNCCCCGCCGGGNGGCCAAACCCC
ACCGACCACCCAGGGCAGAACACCACACGGCGGAAAAAAGGCCCCCAACA
CCCCCCCCCGGCGGGAACGACGCACCAANCAACCGCCCCGGCGGGAAGG
GAAGACAACGGGGGCCCCAAAAGCCCCGGCGAAAGGGGAAAGACACGCCGC
GCAACGACAGGCGAAGGGCCACCACCCCGCGAAAGGCGAAGGCCCCACC
CAGGGCCCCAAAAGGGGGGCCGAAAAGGAGGGGCCACGGCGCACCGACC
CCAACAAAGAACCCCC

>Sequence 1670

CCGGGCAGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACT
GAGTGTCTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTG
CAGAAGAGTGCTAACTCTATCCATTAAAGCCTTGGAAATTGCTGGTAAAT
ATGTAAAAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAA
ACTGATACAAAAGTGTTCCTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCC
AGATTCCCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGT
TAGCCAGAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAAT
CCTGCAAATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCC
TAACGC

>Sequence 1671

AGGTACAGATGGGGGTTTACCCCTGTGGGCCAGGCTGGTCTTGATTTCT
GACCTCAGATGATCCACCCGCTCAGCCTCTCAAAGTGTGAGATTACAG
GCTTGAGCCATTGCGCCAGCCCTACCTTTGTTTTCTTAATAGTAGGAAAA
ATATGCCTTTAT

>Sequence 1672

CCGGGCAGGTACCCTTTTGCACGCACCACCCATCTCTGAATGAAGAACCA
AAGATTGTCAGAGTTTTGATGTCCACCAGGCGAAGAGCAACACTTTTCA
CTGACAATCAGGACAGAGCAGATGGATATAGAATAACAATCTGGAATCCA
AGGACTGAGATGCATTGACAGCAAGACAAGTAACGTCAAATAACAACCTGA
AAAGAGAAGCTAGGGTAGACCTATTAAGAGAGAGCCAGCAAACAGGAC
CAAAATGCTGGATGAGGAGTCTAAAAAGAACAGAAAGAAACAAAAAAGATC
AGGAGTTACTAAAATTTGACTGTCAGTTTTACAATGGAGACAGACAATTT
AAAGAAGGAAGCAGTTTTTCTGAGTGTGGCATTACTTGTGCACGTTGAGT
GTCATATATATAGAGAGAGAGAAAGAGAGAGAGTG

>Sequence 1673

Table 3

311/1077

AGGTACACATAGTGACATTGCAAAGGGAGACTTTGGGGTCGGGCGGATAT
CTTAGGATCAACTCTGGCTAGGTCGCAGAAGACAGGACTTGTTCCACAG
ACACCAGAAGGTGGAAGTTTGTCTTCCTGATAACTTGCTCTTCGGTATC
TTGGTTTGGTTCACCTGGGTGTTAATGAGAATGTCTTACCAACGTGCTAT
GTCGTCGTTTCATCCTGACAACATTAAACATCAGTATAGAAAATACTGGAA
AGAACAAAAGAAAAAAGAACCAGGGAGGTGATCTTGCCACCCCAATT
TTTTCAGTAACATCCTTGTAGCACATCTTCGCCTTGGCGATTGTAACT
CCAAACTGAATTCTTAGGTTGTTGGCAGCCTGGTAAAGTGGAAGAGCAG
TGGCCTGGAAGTCAGGAACCTTGCATCCAGTCTTAGCTCTTCAGAGGAGC
TGTGCATGATCAATT

>Sequence 1674

CCGGGCAGGTACAATCATTGAATAAATAATGCTCAGTCATCTGACTGCA
AGTCTTCATTACACATGAGCTATAGAAAATAGTCACTGACAGATCAAGTT
TAGTAGCTTCAAAACAAATTACGCAGAACGATTTCTATAGAATCCTTCAA
GTGGTTTCTTCAGAGGTGATCTGAATTTTCATCTTACCGGGCATTGCACAA
TTTTCTTTTTCATTTAGTGGGCATTTCTCTTGGGTCAATATTCACTTTA
TGTCTTTCTAATTACAGCAAATAAAGGCTCAGATCCAAAATGGCTTTGCTG
TTTGTCTAGCATGTTAACAGAGCAATAATTACCCGCGTACGCGGGCATTG
ATTTCTTCTGGGGCCTCTCTCAAGGATGAGGTTTTGAAGATTATGCCA
GTGCAGAAGCAGACCCGTGCCGGCCAGCGCACCAGGTTCAAGGCATTGT
TGCG

>Sequence 1675

CCGGGCAGGTACAAATTCGTGGCCAGTGGAGAGCCCGGCCTGGCAGCACC
CCTCAGGCTTCGCCGCTGCCTTGTGTGCATCCCAAGCAATCTTTGTCAGC
ATCCCCATGGCCACAAAACCTCCAGCAACTACATATTTGATGGTGGATTT
TGTAACCAAGACCAGAGCCTTCCGTTTACCATTATGGACTTTATCTTGT
AATATGGGCTGATTCATTACAGACTTTTAGAGATCTTCTGGGGTTTTGATT
TTGCCCTTCAATGTATTAGTATTCCACTCATTCTCTGTGTACCTTCTTT
TTCTTTTGAATAATTAGAATTACGTATTTCCCATCTCTGTGGCTCGGTTA
TTTTTCATAATTCCTAGAGATCATCCAAAAGATTTCCCAATCACCTCCAC
AAATTCTTTCCATTTTCTTTACTATGAAAATATTCTCATACCATCTCCTC
ATAGGTTTGATTTGTTCTTTTGTATTGAAAAATGTTAGTTCTGAAGGCC
GAGAAGTTCAACATCAAGGTGCCACCGGATTCGGTGCCTGGTGAGGGCCC
TCTGCTTCATACAGGGCACCTTCTGTGCTGATTCTCACATGGTGGAAGA
GGAAGGGGCCCCGCGTACCT

>Sequence 1676

CCGGGCAGGTACAAAATAACCTTTTGTGTTTTGTTCCCTTCAAGATTCTCT
TTTACTTTTGTTCCTTATGCCATCACTCCACCACAACCATACTACAG
ACTTCGAACTGCTGTCTCAGCCTTTGAAACACCTAAACTTCAACATGCT
GAGATTACGCCTATTACGCTAATGAATTTCTACAGGAACGAACAAACGAA
AAGGAAGTAATGCACCACCTCCTGTTTCTCAGCCATCACCACTGCCAGG
TGCTTCCCAGAGCAGTTCCCTGCTGCCACGGGGCTCCTGCAGGAGCTCCT
CCCTGCTAGGCATGTCTCAACCCCTAGTCATCAAGTCTAGCTCAGCCTC
TGCATTTACGCTCAACGTCTAATTTCCCAGCGTAGATTCCAGGCAGCCGC
CCTGTGTCATGTGCTCTTAACATCCTCTGCTTTTCTATCTCATCTTCTT
CTTGACAAGTTCAAAGTCATGAGGACTGGATAGAGCTCCATCAAAGCAGG
GAATGTTGATTCTATACACTGGAGCTGAGTGGGCAGTCTGGCACAGAGCA
AGTGGCCAGGAGGATTACCGAATGCATGAACCTTAATTTTCTATTCTTT
ATTCCTGTCATTTCTGTACCT

>Sequence 1677

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAACTAAAATTCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCTGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTTAGTTTCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT

Table 3

312/1077

ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTTCATTCCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAAGCTGGTTT

>Sequence 1678

AAATCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAATATACACATTAAGCTTTCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTTGGTAA
AGGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCAATTAGAATTCCTT
GGTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTCAGAAAGAAAAGGT
TTAAGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1679

AGGTACAGGGTTGGCGCTCTGTTACCCGATTGCTTTCCAGCTGTGTCTGG
TTCCCATTTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATAAGTATACGGCAGCACCTCC
TTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAGAGGTAGATGATTCTTGGTG
TGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCATGGTAACATGTCATCCGACG
T

>Sequence 1680

TGTTGCGTCTACACTACTACTAGTATATGGCAGAATTGCAGCTCGCACCG
GGGCGGCGGCCGACCGGGCAGGTACAGGGTCGGCGCTCTGTTACCCGATT
GCTTTCCAGCTGTGTCTGGTTCCCATTCATGCTGCCTCCAGCAACGGATA
AGTATACGGCAGCACCTCCTTATTTGAGTGCAAATGTCTGGTTGTAATAG
AGGTAGATGATTCTTGGTGTGGTGCCGTGGTCATTGTCGTTTTGTGTCAT
GGTAACATGTCATCCGACGTCGGCCGTCCACAAATGTCTGCAGCTACGAT
GGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAGAGGATCAAGCTAAGAAGGCCGAGA
GTGTGCAAGCAGAGAGAGGGGTGTGGACAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGG
CTAGTGCGGAAAGCTATCTCAGGCTGGCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCAT
GAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGAAGGGCTGGCTTTTATTTCTCAAC
TCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGGCCGTT

>Sequence 1681

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGC
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGGGGAGGGGACTCAG
CCAGATGCTGAATT

>Sequence 1682

CCGGGCAGGTACGCGGGCATTATTCTGCCTGTTTCAAGTCAGAGCAAAT
ACTCCTGGAATGACCCTCTCCTGTTTCCTGAGTTTGAGCCGATCCTATTT
GGCACTGCAGACAGTGAGAAGTGGATGTTTGAGGACAGATGGGAGGTGCA
AAGTGGAGACAAGTATTGGTGCCACCTTCCACTATGAGACTAGCAGGGCC
CAGTTCTCTTAGCTATTGTCTCTTATTTTGTAGATTAGGAAATTTCAAGT
TTAGAGAAGTTGAGTTAACTTACCGAAGGGTCTAGGGGCTTGGGTGAGAA
GAGAGACCGAAAAATTAATTCAGAGTCTGTGTCTCCACCACCATGTT

>Sequence 1683

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTGAGAAGGAGTCTCGCTCTGTCACCCAAGC
TGGAGTGCAGTGGCACAATCTTGGCTCACTGCAAGCTCTGCCTCCCTCCC
GGGTTACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCGGAGTAGCTGGAACCTACAG
GCGCCCGCCACCACACCCCAAGTTAATTTTTTTTTTGAATTTTTAAGAGAG
ACGGGGTTTCACTGTGTTAGCCAGGATAGTCTCGATCTCCTGACCTCGTG
ATCCACCCGCTCTGCCTCCCAAGTGTGGAATTACAGGGCGTGAGCCAC
CGCGCCAGCCTCAAGTGTCTATTTTGATGTTTCATTCACTTTTTCATTAT
AAGGAAGTAAATTACTTAGCACAAAGAGAAAACTTTTTTTTTTTTGAAT
CTAAAGA

Table 3

313/1077

>Sequence 1684

GGTACGCGGGATTTTGGGTTATATCTCTCTTACTACTTATTTCTCACTCG
CTTCAAATGTTGGGTGGGGAAGAAGGGTGCTATTTGTTGAGCCCCCGAA
AGACCTCCTAATAGAGGGTCTCCACTTCTCCAGAGAGATTGCCACCCATT
TCCTCACTTACTTGTTCCTCTTTGATACCTNGTTGTTCTATAGGTCTT
TTCGCCTGTTGGTGTTTGAATGTAGAGGGAAGGACTTTCACTTCCAAG
AAAGAGTAGAAGACAGCATCACGCAATGCAACGCTGCAACAAATAGAGAA
AAGACAAACACATCAGGAACACATTGTGAAGATCTTAGGGAGCTGTGGAT
GCAATGAAGCCTAGATAAACTGAGATATGAGAGATAAAGCGATAAAGAGG
CAGAGACCCACCAGGCATTTCAGTAAAACATCTAGGAGAAACTCGGCTGAG
GAACAAGAATAGTAAACCGTGA

>Sequence 1685

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCGCGACGTTTCGGTTCGCTGTGTGTGTCGCCG
GCTCCTTGAGGGTCCATGTGATTTTTACGCCAGTGCTGCTGAACTGTGCA
GGGTAGGGAGCTGGCACAGTCCGATTAATTGTCCTTGGGTCGAGGTGTCT
CGTCGGACCCTTTGGGGCTTAGTGGAGAATTAAGGCAGAGTCACTGTAAT
TATTTCTAATACCAATTCCAAAATAGTGACTCTTGGACAATAGTGCAATT
ATATGGAATTATGGCTGGTTATAAGCCTGTAGCTATTCAGACATATCCTA
TACTTGGTGAAAAAATCACCCAAGATACACTGTACCT

>Sequence 1686

AGGTACCTCCCCGTGGAACCTCACACCCTTTTAGAGGAGATACAATAAAAG
CCAGGATGGGGCAGAGCAGTGGGGAAGAAGGGGAGGTAATGTTGAACCAC
CTGCCCATGGTTACAGAGGCAGCAGGCCTGGGACTCCCGACGCTTCCCTC
CTGCCTTATACCTGATCTAAGAAGGCCCTGCTGGGCACACAGTAGATGCT
CAGCAAATGTTTCGGTTGAAGGGCTGGAGCCTCACAAAACCCTACTGATGC
AAACAGGCTCAGCGAGGCTGAGTGACTTGCCCAAGATCCTAAGAGGTGGT
GGAGGAATCGCCTTTCACAAAAAAGAACAAGCGCTTCGGAGCCGCC

>Sequence 1687

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGTCTCAGTTCAAACGCCACCGTCTCCAAGAAGCCCT
CACTGGTCACCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTGTT
TTTTCTTCTAGCATAGACCACTCTCTGAAATCACCTTGTCTCCAGTC
ATCTGCTGCCCTTGGCTGTTGCCAGCTATAACATGGCACTCTGCCTTG
CCCCTGCTTTGTCCCCAGGACCCAGCCCTGTACCTGCCCG

>Sequence 1688

AGGTACTTACTGTGCCTCTTCCATGTGATTTGGAAGGTGAGGAGACAGGA
ATGGTCCACAGAGGGAGAGAGTGCCAGGCCAAGTCCTCTCATAGCCACCC
GCCCCCTCCACAGAAGGGGACAGCAAGAGAAGAGAGAGGCATGGTGAGGT
TCCTTTTGCAAATAACCCAAAATATTTCCAGGATTCAAGACCAGCCCATG
GTTTTAGGCCTCTGCTGTTTATTCTCTGAGTTCTCAGAAATGCAAAAAGT
GTAGTTTAGCCCCAGAGGCCTCAAGAAAAAGATTGGGGTGCCCCAAATG
TGTCAAATACAGAGGGGAAACACACAGAGCTTAGGGAAAGGGCAACTGAGA
ATGACAAGACTGATAGGAATTGCTTGGCAGCTGAAGCCACATCTCTGGGG
CAGAGGAGCAGACCTGGGAACACCTGAGGTGGCACCTGGCAGTGGAGGGC
T

>Sequence 1689

AGGTACCTGAACTGTCATCATTCTACTGTGTTTGATAGTGACCAGTAGG
ACAAAGCCACGTGCCGACTTCCTGGCTGCTTACCTTTGCATAGCTGGGT
TGCAGCTGCGAACCTCATTCTGACTGTGAACTAAGCAAGCTTTGAGGAGG
CAGGAGATTCCCGGGGGTCCCTGTGACATATTGCATTAAGATCGTGCCAC
TTGCTTTTTTGTCTTTCACATCGGCTGTCTTGCAAGGAGCTTGACATTTC

Table 3

314/1077

CAAATTCCATTGCTCTGTTTGGGGAAGACTTAGGACAGCACTCCAGGAAA
CAGATGACAATTTACAGACAGTTGTCTCAGTGGTTTCCAGAATCTCACCA
GCCTCCCGTATAGCTTCTTGTATTGAGGCTCATGAGCGTATTCACACTCT
TTCTTCCCCGCGCACGCCTTTGCTTGCTCT

>Sequence 1690

AGGTACAGGGCTGGGTCCTGGGGACAAAGCAGTGGGCAAGGCAGAGTGCC
ATGTTATAGCTGGCGCAACAGCCAAGGGCAGCAGATGACTGGGAGAACAA
GGTGATTTTCAGAGAGTGGTCTATGCTAGGAAGAAAAACAGGTTTGTCTT
TAGGAGTGAGGGTTACTTTAGATAGGGTGACCAGTGGAGGGGCTTTTGA
AACGGGGGCGTTGGACCTGAAACCTTATTGCCAGAAACCAACCCCCATAG
CAGGACCTGGGCACAGAGGGACCTACAAAGGCAACGGCCCATGGCCAGGG
CCTTGACTTGGGAGCTGAAGAAATAAAAGCCAGCCCTTTCCCAGCTGGTC
ATTGCTTGATCTCATGCTTTTTTCTCTTCACTTGAGCCCGCCTGAGATAA
GTTTTGCCACTAGCCCTGGAGAAGGCG

>Sequence 1691

ATGTACTGTGACAGACAACAATAATAAAATAACAACAGAGATTTTTTTCT
TATAGAAATTTACGCCGAGTTATTTGAACCAATTCTCCCCATGAAAACGA
CCAAAGCTCTAATTTAAATATTCTAAATGTCTCCTTAACAGTGTCAAATA
GCTGACAAAATTGTAGGAACTCCAGGCCAAAGCCTATGGTGAGGGGAA
ACAGAGAAACAAGAGGAGAGGAGAAGCTGCTTCTGCCCCGCGTCCTTTC
CAAGCCAGGCAAGCCTGGCCTTCAGTTTTAGCAGCTTTGAGGGGCCAGAA
GTAAAGGCCCAAGTGCTGACCAAGGAGGGAAGTCTAGCAGGATACCTTCT
CCACATAAGCTGGGATTCCAGAGG

>Sequence 1692

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATGAACAAAT
ATTTATTTATCTTTTATAACAAGTAAGGCAATGTTGCTTAAAGGAAGACA
AACAAACATAAAAGATTCCGTTGACAATGCATTTTTTCATCTGTTTCGGCA
CAATGCTTTTGTGATAATGGAGATGTGACAGCAAACCTTTCCAGGACATTC
AGTCTTCGGCGGCAGCACTTAGGGCAGATGACTGGCCGCTTATAGATGAG
GCCAAAGCACCAGGTAGGTGGAAGGTTCTTGTATCGGTTCTGAACCCCGAC
AGCGCGCCAACAGACAACACGAGGCAGTGGGGAGCAACATGCTGTTTTAA
TGAGCGCCTGGGTG

>Sequence 1693

CCGGGCAGGTACAATAATAAACTAAGCTTATGCCTAAAATATTCTCACT
GAGTGTCTGTGAATCCACGACTATTAGCACTGTGGAGCAATTTCTCCTTG
CAGAAGAGTGCTAACTCTATCCATTAAGCCTTGGAATGCTGGTAAAT
ATGTAAAAATCAAGTGCTTAAATGGATAGCAATTATTGGCAGGACCTAA
ACTGATACAAAAGTGTTCCTGTCTCAATATCAAAAGCCCAAGAATGCC
AGATTCCCAAAGTGAGTCAAAGTGCTTGGATTGCTTTGCATAAACATGGT
TAGCCAGAATCAACACCCTGGGATTGGAGCTTGAGGTGGAATTTCCAAAT
CCTGCAAATGTTATGGCTACAGCCCCCAGCACCCCAATGCTGGACAGCC
T

>Sequence 1694

AGGTACATGTCTCCCTGAGGTGGGCGGAATAGGGCACAGCCACAAGCCC
GATGCCACGGGAGGGAGAGGCCTCAGCCGCCTGGAAGTGGCAGCCCTGGT
TCTGGGTTGCCTCATCCCTCTCATCCTGTGTCAGTAGGACACCAGCATTA
TGTTCAAGGTCCAGCCTTGGTCCAGGGCCGTTTGCCATCCAGTGAGAACA
GCCGGCAGGTGACAGCTACTCACTTACTCAGTCTCTTGTCTCACCTTGCG
CATCTCTACATGTATTCTAGAGTCCAGAGGGGAGGTGAGGTAAAACCT
GAGTAATGGAAAAGCTTTTAGAGTATAAACACATTTACGTTGCAGTTAGC
TATAGACATCCCATTGTGTTATCTTTTAAAAGGCCCTTGACATCTTGCGT
TTTAATATTTCTCTTAACCCTATTCTCAGGGAAGATGGAATTTAATTGTA
AGGAAAAGAGGAGAACTTCATACTCACAATGAAATAGTGATTATGAAAAT
ACAGTGGTCTGTAAATTAAGCTATGCTCTTTCTTCTTAGTCTAGGGGCT
CTGCTACTTTATCCAATGATTTTTAACATGGTTCCACCATGTAAGGATT
GGTGCTTTAACATTTATGCCACATGCGTGGATGGAAGGTAATACACCCAC

Table 3

315/1077

TAACTTAAAAGCCTAAAGTGATTCTAGGTAACCGGGGATTAGGGTCACG
AAAATTGAAAGCATGACACATTGGGAAGCTTTCCTTTTTACTTCAAAGAA
AATATCATTGGAAAGGGATGTTTAGAGGGATTTAAACCCGCTCCTTTGGC
ACCTTGCCTTTTTGAT

>Sequence 1695

AGGTACATTTAGCAAACAATAAAATTGATACCTCAATTATATTTTATATT
CAGTTGTTGGACAGAACAACCCTGGCCACAGCCCTCACCAGGCTCACAGC
TCAGGACACTGCCTGCCCTCCTTGCTCTAGATTTTCGGACCATCAGCCGA
CCAAAGAATTGTGATATGCCAGAGCATGAGAAAATTAGCTGGCCCAATCT
CAGCACTTAGAATGATGGGAAAATAAGCCAAAGAATTGTGAGAGTAGAAC
TAAAAGTGCACAAGACAGCACTGGAGATGGAAAGGCCATAGCAATTATAG
ACAAACCACAATGATAAAGGAACAGAAGAAGCCATGTGGAAGGG

>Sequence 1696

CCGGGCAGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAG
GTATTATCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCA
GGTTGAAAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATT
AGGCACAGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATCCAA
TCCATGAGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTA
GGGTCTCATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGT
AGTTCATAACTTGTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTAT
ATTTGGTTTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTCTCCTTGATCCCAGTGT
TTGTTGGTCTTTTGTGCATCCAGGAAAGTAAGGCTTGA

>Sequence 1697

CCGGGCAGGTACCTAACCATAACCCTCTTTGGACTGCAGAAAAGTATGGC
AACATCTCGGGGAGTGGCTGCCCCACCAAGAGGACCCTGAGAAAGAAAAG
AGCATAACCTGGGAAATGGGCTACATGGGGGCAAGGGACATGGTGAGCGG
GCAAAGTTGAGATGGTGGGTTTCCTTGAGTGGAATGGTCTTTCAAAACTA
ACAACATACTGTGTAGTTGTCTAACATGCTGATGGAGGAACACTGCTGGG
CCCTGAAATCCTAGCTTTGAATCCATTTTTTCCCTTTTAGTATTGGGAGT
AGGAGGGAAGAAAATGACCCCTATGGTTTTTCCCCCACCAGACACAAGGT
CACCCGTCATTTATGGGCTTTTCATAATCAAGGTATTCCGGGTTTCCCT
TTTGCCCG

>Sequence 1698

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTACAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTTG
TTCCTTCTCTCTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTGCAGGGTTTCTTGTTCTAGGGCCTTCATTCTTCCACCC
TGGTAATTGAGTTTCTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCCTTAGCTG
CTCTAAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCT
CTGGGGGACAAGGGCAAGACGCCCAGCTTGCCTGATCCCTTTGATGCCTT
CTTTCCAGTTTGTCTAAGGGCTCCAGCGATCTGAGAGTTGGTAAGAAATC
TTTGGGACTACTGGCATCTACAGATAGATGTCAGAGCTGTTGGCC

>Sequence 1699

AGGTACATCATCTCTCTGGACCAGGATTCTGTGGTGAAGCTGGAGAATTG
GACAGATGCATCACGGGTGGATGGCGTTGTTTTAGAAAAAGTGCATGAGG
ATGAGTTCCGCTATCGAATGTACCAGACTCAGGTCTCAGACGCAGGGCTG
TACCGCTGCATGGAGACAGCCTGGTCTCCTGTCAGGGGCAGCCTTTGGCG
AGAAGCAGCAACCACTCTCTCCAATCCTATTGAGATAGACTTCCAAACCT
CAGGTCCATATATTTAATGCTTCTGTGCATTGACACACCATCAGTAATT
CGGGGAGATCTGATCAAATTGTTCTGTATCATCACTGTCGAGGGAGCAGC
ACTGGATCCACATGTCATGGCCTTTGATGTGTCCTGGTTTGCGGTGCACT
CTTTTGGCCTGGACAAGGCTCCTGTGCTCCTG

>Sequence 1700

CCGGGCAGGTACCCGAGAGACCCGCGGTGGGGAAAGTCACTTCCTCCCGA
AGACGCTGTTTCTAGCAACCGCCCTCCGCTCTGTTATTAGCCCTCCT
CCTCGCTCGGTCCAGGACCGGCTCTGCGGGCGCCGCCAGGCCAGACCAA

Table 3

316/1077

GCTACTATCAGAAGTTGAATTCTAATAATTAGCTATTTTATAAAGGTAAC
GAGAAAAAATACACTATGTCTGATGAAGTTTTTAGCACCCTTTGGCATA
TACAAAGAGTCCAAAAGTTACCAAAAGAACTACTTTCCAGGATGAGCTAA
TAAGAGCAATTACAGCTCGCTCAGCCAGACAAAGGAGTTCTGAATACTCA
GATGACTTTGACAGTGATGAGATTGTTTCTTTAGGTGATTTTCTGACAC
TTCAGCGGATGAAAATTCAGTTAATAAAAAAATGAATGACTTTCATATAT
CAGATGATGAAGAAAAGAATCCTTCAAAACTATGGTTTTTGGAAAACCAAT
AAATCAAACGGTAACATAACCAAGATGAGCCAGTGTTGTGCCATCAAAAA
ATGAAGAGGAAATGGCACCTGATGGGTGTGAAGACATTGGTTGTAAAACC
TTTCTCTGAATCCCCGAAGGGGAAGATGCGTAGAAGAATGTGGGTTCCCT

>Sequence 1701

CCGGGCAGGTACTNNNTTTTTNNNNNTTTTGTCACTACCTCCCCGGGTC
GGGAAGTGGGTAAATTTGCGCGCCTGCTGCCTTCCTTGGATGTGGTAGCCG
TTTCTCAGGCTCCCTCTCCGGAATCGAACCTGATTCCCCGTCACCCGTG
GTCACCATGGTAGGCACGGCGACTACCATCGAAAGTTGATAGGGCAGACG
TTCGAATGGGTCGTCGCGCCCCCGCGTCAAGAATGGGNTTTNNTAAAGG
AATTTAGAGATGAATATGTTATAAATTGATTTTATTAAGGAATTTTTTGT
TTTATTTTATATTAGATTATTAATTATAATATTATTAGGTGTTATTTT
ATTAATTAGAAATTTTGGATTAGTTTTTATAAAAAAATTAGTATATGTAT
TTATTATATATATAAAATAAAATTGTTTATTATGTTAATATTTAGTAATT
TTGTTTTGTATT

>Sequence 1702

CTATTGGGGATGGAGCTCACGGGTGGCGGCGAGGTACCTCTAGGCAGATT
CTGAAAGATTATCTTACAATTCCTGTTAGCTGTTTCAAGGAACCTGGGGT
TGTGAGATTTAAAAAATTATTA AAAAGCAAATGAATAACAGTAATGAAAA
ACAACTCATGTAGCTAGGTTTAGTAGTTTGCATTAATTGAAAGAAAAGA
GGGTGAACAAGCATTAAAAACAAGCAGAAACCACCTCAGCAGTCATCTGT
AGAACACAGTGATTTTAAAATGGCCAAATAAAAAGTGGGGACCTGGAAGA
GTGATTACTCATCTCTGTGCCCATGACCCCTCANGGCATAAGAAGTCTGC
ACACCTGTCTGAACATCANACATGGTTGGTTCGATGGAAT

>Sequence 1703

AGGTACGCGGGGAGCCGGAGACCAGCCTACAGCCGCTGCATCTGTATCC
AGCGCCAGGTCCCGCCAGTCCCAGCTGCGCGCGCCCCCAGTCCCGCACC
CGTTCGGCCAGGCTAAGTTAGCCCTACCATGGCCGGTTCAATAGGGAG
GGCAACCATAGTGGCATCAAATTACCCTGCCGGTTTCGGAATTTAACTT
TCAATCTTTCTGGCTTGGCCGGGATTGCTGTCCTTGCCATTGGACTATGG
CTCCGATTGCACTCTCAGACCAAGAGCATCTTCGAGCAAGAACTAATAA
TAATAATTCCAGCTTCTACACAGGTGAGGGGACGGGGGAAGCCTCAATG
AATTCAGACCCTGGGCTCCAACAAAGTTTCTTGCAACTTTTGGGAGGGC
CCCC

>Sequence 1704

AGGTACCACTGTAACAGTAATATGGAAATGCCACAAATACTCTTCAGTAG
GGGATTGGTTAAATGTCACCTTCCTTATAAAATAAAATTATACAATTGTT
TTAAAAAACACACATACCTCCTTATATATTAATAGAGAATGATCTCAGG
GTAAATTGTTGCAAAAAAAGCAAAGTATAAAACAGTGTTGGGCCAGGCACG
GTGGCTCACGCCTGTAATCTTAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCAGAT
CACCTGAGGTGCGGAGTTCAAGACCAGCCTGACCAACATAGGGAACTTG
GTCTCTACTAAAAATACAAAATTAGCCAGGCGTGGTGGCACATGCCTGTA
ATCCAGCTACTCGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAACCTCGGGAG
ATGGAGTTGTGGT

>Sequence 1705

GGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGAAGGCCAAGGCGG
GCGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACAGTGAAA
CCCTGTCTCTACTAAAAATACAATAATAGTGTATTGCACATTTTAACT
GAAAGTAAATTTAAATGTGCTTCTCACAAAAAATAAGTATTTGAAATGA
TGGATTAGCTTGATGTAATTACTTCATATTGTTTCATAAATCAGAACATCA

Table 3

317/1077

CTCTACTCTATAAATATATGCAATTATAAATTGTCAATTTAAAATAAAAT
AAAAAATAAAAAATTGTAAAATTGTTACTAACATGAGTTACAGCTGTCAA
TCATACTAGTCTATAACATTTTTTAGCTATGTGGTACCT

>Sequence 1706

CCGGGCAGGTACACAATATGAGGGGGATCAACTCCTCTCTCTTTGCCAAT
AGCACATTGGGAACAATGTGTGGCAGGCAGCGTCCCAGCATTAAACATAAC
GCTTTTTTCACTGTCTGCAATACGAGACACCTCGTATCCTAAACGACTAT
CTGCTGACATTTCGACAAAAAGAGAGTAGTGCTTGGTGGAAATGCAGGAGAC
AATTTCTATTAGGTTTATCAAAATGAACTGTCTTTTTACTTGATAGAGA
AGAAGGTGGCATTCTTCTCTTCTCTCCTGGGGAATGAATTTGGGGAAT
TCTCTTTAGGAATAGTGGAAATCAGCTTCATCTGATATTGAAAGATGGATG
TCTGTGTTTTTCCCTGTCTGAACTATTTACATCTGGATGCTGTCCACT
GTCCTCAGAGTC

>Sequence 1707

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGTTCCGGCAGTGAGTA
TCCCAGTCCACTCTTCTGGGTCAGTGGGGAACGCAGCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACCAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTTCC
TTTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGTAATTAAGACCCGG
TATTCCTGCAGCTTCTTCTTGGCGGGAATACATACTCCCCCTTCTTGC
GTCCCAGTTGCAGCAGGGCTTGATGTCCTCAGGTACCT

>Sequence 1708

CCGGGCAGGTACATCCAAAATCATTTACAGCATATAACCTGTAAAGACTGC
ATCATCCCAGCTACTTTCCTGCTGACTTCCACTTGGGTTTACTCAATGGG
TGACACTCACAGGACATAAGAGATTAGAAAGAGGGATAAGGTTTTTTATA
TATCTGCTCCCTCCTTACTTAAAGCCATGGTTTTAGCAGAGGC

>Sequence 1709

AGGTACTTCTGGGTAACTGGAGAAGAGCTTCAACTCTGTTCACCTGCTT
GCAGGTGGGTTTGCTGAGTTCTCTCGTTGTTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTCTTCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCACAATGGGATTGGTTATGT
GTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAAGCCTGACTTTATCCCCGAGTCTC
ATTTCTGCGTGTGCCTGTGAATGACAGCTTTTGTGAAAAAAATTTTGCC
GAGGTTGGACAAATCATTAGATTTCAATTGATAAAGCAAAAACCCCAATG
GATGTGTTTTAGTGCAGTGTATCTG

>Sequence 1710

CCGGGCAGGTACCCTGAGAACAGCAATAATGCACAAACATTACTATTCCA
ACAGCTGCATTGAAACACCCTTGGTAGGATTGGGAAAAAGATGGATTATT
GCCATTTGGACACTCCAGGACTGTCCATTAATACTCCTGACTAATGGAAG
ATGATAAAGATTGGGCAAGAAAAATGACTGCAGCAAACGCCTAGGCATCT
TCAACTTGTACCTTTAGCAAGAGGCCTCTTCAACAGTTCTTGGACTGTG
TTTGGCAGCCAGGCACTCTCATAACGGCAAGGAGACACAGCTAACATGAT
CTTTGCAATGCAACAAAACAAGCGATCTTTAGGCGACAGAGTCCAAAAGA
TGACAGAAAATTCATTCAACTTCTGAAGCATGTGATGCCACCAGAAAGCC
TTGGCAACAGCCCTTGACCCCC

>Sequence 1711

CCGGGCAGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCTCATCACT
TAGCCAGGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGC
AATTTGTGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCTT
AAAGAGTAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAA
TAGAGCACAGTCCCATTTGTTTGAAGAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTA
TGTGCCAGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGT
GTGTGCCAGGCTGAGCTGGGCAAGGATCTTCTCAGGACAAACTCTGCCA
TGCAGCTAAAAGCCTGGAAACTAAAGGATTTTCATGTAGTAACTATCTTC

Table 3

318/1077

CAACCCCTGTAG

>Sequence 1712

CCGGGCAGGTACGCGGGATTCTATTCCTGTAGTGCTTTGTCATTTACATC
TTTGTAATTTGATTCTCCCAACACATANTTTGACCATTTGGTTAGGAGAGC
ANCCGGATTGTNNTTTTTGTCATTTTCATTNAGGAAAAGGCTTGACATTT
GAAAGAGAGAAAACNNCTTGTTTGATGTACTTCTCTTAGGTATCAAGGCA
AGTGGGGTATCCAAGCCACTGCTTCTGCCAACATCCTCAGTGGCAGTGAC
CTTACCATGGATACCTGTGTGCATGCTTTCTTGGGCCTGATTCTTTGGTA
TATATTAGTCATTTCTCTGTGAGATTTTATAAAGTCATGTTTCTTTTAGA
GACCTTC

>Sequence 1713

CCGGGCAGGTATTTGTTTACTTCTGTGTATTTTTTTTTTTTACATAAATG
GAATTGCACTATATAGTTCTGTAGCTCAGTTTTTAAAATTTGGTATTTAAA
ATGTTCTTTTCAGTTAGGGCCAAAGGGCATTTAACTTCAAGGTAAGACCCA
TTCCAGGACGGCAGAGATCATGTCTGTCTTGCGTATCCCTGTGTGAATTT
TGCTGACATGTTGCAAACTCCGTATGGAAGTCTTGAGGGTCTTCTGC
CCCAGTCAGAAAACCTCTGGGAGAACAGTTATCCCCAGACCTCAGACGCT
CGACGGATACATGAGAAGCTT

>Sequence 1714

TCCACAAATGTCTGCAGCTACGATGGACCCTCAGCTGCTGGACAGGAAAG
AGGATCAAGCTAAGAAGGCCCAGAGTGTGCAAGCAGAGAGAGGGTGTGGA
CAGAAAACCTTGCTTCTCCAGGGCTAGTGGCGAAAGCTATCTCAGGCTG
GCTCAAGTGGAGAGAAAAAAGCATGAGATCAAGCAATGGACAGCTGGGGA
AGGGCTGGCTTTTATTTCTCAGCTCCCAAGCTCAGTCCCTGGCACTGGG
CCGTTGCCTTTGTAGGTCCCTCTGTGCCCAGGTCTTGCTATGGGGGTGT
TTCTTGGCATTAAAGGACTTAGTTGAAACGCCACCGTCTTCAAGAAGCCCT
CACTGGTCACCCTATCTAAAGTAACCCTCACTCCTAAGGACAAACCTGTT
TTTTTTCTTAGCATAGACCACTCTCTGAAA

>Sequence 1715

CCGGGCAGGTACCCAGCAAGAGGTTTGCAAAGAGGAGTTATTCAGTGAAG
ACGGGGTTTACCATCTTGCTAGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCGTG
ATCCACCCGCCTGGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACATGCGTGAGCCAC
CGGGCCCAGCCTTAAAAGCATCAAAAATTGGACTAAGACCATCACTTTGA
ACTGTCAGTGAGGTTGGCTGGAACACACAAAACCTCCTACAGGTCAGCTCT
ATTGCAGAAAGAGAAATCAGAAATTCATTACTCCTTGAGAGCTTACCAAG
AAACTTCCATTTTTTTAACTTGGTGCAAGAGAGCTTCTCTTGCTGAAAGG
GTTCAAGGTGTGAATTTCTGGAATTTCCAAGCCCCAATGTTTTTCCCCAAT
CATTATAGCCCATGTTGAAGCTTGTGACACCTCCCAAGTCAAACAGGAA
TAGTACAAGGATTTTAGGAATTACTTGTGCTTCTGGTTATGAAAAGCCTG
G

>Sequence 1716

ACGTCCGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAAACCCTGTACC
T

>Sequence 1717

AGGTACTTGACTTTTCCCCTTAAGTTTGATTCCATTTCTAACATTATCC
TTCCCTCTTCTCCTCAGCAACTAGTCTTCTAAATTAGAACTTAAACACA
ATGACCAGATATGACCCTGCAACAGAGCATGCCCTTCTGCATTGAGCATG
CAATCATGTATCACAGGTATAAGACCCCTTGAACAGACATGGTTTTGGTG
ATTCTGTGTAGGACTTATTGCTTTTACCCAAGAAGATGATCAGGCATCCT
AAGTAGATCAAAAAGTTTTCTGGAGCTCTTGAATGTGTATAGGCAAGAAA
GATTAAGCAACCTGTTGCCCTTATATGAGGCAAACTATCTTCTCATATTTT
CTTTCGAATTCAGGATTTCAAGGTTGGGGAAGGAAGGCCGGGCGCGGTGG
CTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGGATCACG

Table 3

319/1077

AGGTCAGGAGATCGAGACCATCCCGGCTAAAACGGTGAAACCCCGTCTCT
ACTAAAAATACAAAAAATTAGCCCGGCGTAGTGGCGGGCGCCTGTAATCC
CAGCTACTCGGGAGGCTGAGGCANGAGAATGGCGTGAACCCCGGAGGCGG
AGCTTGCACTGAGCCGAGAATCCGGCACTGAACTCCAGGCCTGGCGACAG
AGCGAGACTTCGTCTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCTGGCC

>Sequence 1718

CCGGGCAGGTACATAGTTTGATGATTCTCTCATCCTGCTTCTGGCTAGTA
GGCCCCCTTAGATGAGTTGCTATTTTCACTATCCACAGAGTCAAGGTCA
AATCTCATGGCTGTGAATTTTAAATGATGAGATCCCCACAGGTGGTGTCTG
GGCAAAGCACCTCTAAACTTACTGACTTGTAGTATAAACTTAGCAAGC
TGTAAGTCTGCAACCATGAGCCCCCTGAAGCCAGCATCGTAGCACTCCAAT
CTTCCTACACACCGACCCACAAAAGTTTAAGGACAAGAAGATTTATCCCA
CCATTTTCAGATACTTCTTGGCTTTTTGTGGACTGAAATAGGTCAATTAAA
GTTTGTCTTAAAGTTTTAACTTTAAGTGACTGTCCGTTTCTCCTGTAAT
TTCTATTTTATGAATGTTTCTATTTTATCATTATGAAGAATTTC

>Sequence 1719

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGTCTGCCAGTGACCT
TCAGGCATGGGCTCTGATGGAAGCCTGGTGGTGATAAGGTCATCCACAGA
TCTCATTATGCTGTGAGCTACAGCCGACGTGATTATAAAATTCTGAGGTG
GAATTCCTTGAGAGACAGGAGGGGCTGAGCCAAAACCTTTTAATGGGGGT
TGTGTCTGCAAGGGAGTGCCTTGCCCGTCCAGACAGGGCTCTTGGCGAG
GCATTAAGTCAGGTACATCCTGAGCTTGTGATTAAAATGTTCCCTGGTG
ATTGAACCAAGAAATCTGCCCTGTTGCTTGGGTTAAGGGGAAGAGGCCT
ACCCCGTAGGAGTCTTTGAAAACACAAGTACATTGGTAAAGCTTAGGGT
ATACCCTGACCGCTTAGGCAACTTCTCAACATTTCTGTGAAATGAGGGG
AGTTTCTTCAACTTGAGCCCTAATTTCTTTTAAAGGGGAAAATGTTTTT
CATTTTCG

>Sequence 1720

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGGCTGAAGTGTGTAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCAATAGAAATCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1721

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGACAGAGTCTTGCTCTGTCACCCA
GGCTGGAGTGCACTGAGCCGAGATCGCGCCATGCACACCAGCCTGGGTGA
TAGAGCGAGACTCCATCTCCAAAAAAAAAACAAGAGAGAGAGAATAGG
GGAAGACTAAGCAGGAAGGCTGTGTCTCCCTTCCCCACACTGTATTCCAA
CCAGACAGCTCCCTTCTATTTTATATGTTGGGCTAGTATGAAAAACAATT
CTGCTAGGAAAAAAAAAATTTTTTAGAAGTTTGAAAGCTAGTGATTGA
CCCAAGTTCTCATTTTACAGCTGGGGAACTAAGGCCTAGAGAGAGGCA
AGTGATATTTGTTTCATGGCAGGGCTGGGCTTGAAATCCTGCTTTTCTGG
GTCTGTC

>Sequence 1722

CCGGGCAGGTACCAACTGAAGCAGCACAATATTCTGGCATCTGTTGGAGA
AGATGAAGAGGGCATCAACCCCTTGGTTAAGATCTGGAACCTGGAGAAGA
GAGATGGTGGCAATCCACTCTGCACTCGAATCTTCCCTGCTATTCCAGGA
ACAGAGCCAACTGTTGTATCTTGTGTTGACTGTCCATGAAAATCTCAACTT
TATGGCCATTGGTTTACAGATGGCAGTGTTACATTGAACAAAGGAGACA
TCACCCGGGACCGGCATAGCAAGACCCAGATTTGCACAAGGGCAACTAT
CCTGTAAGTGGATTGGCCTTTCGCCAAGCAGGAAAGACCACTCACTTGTT
TGTT

>Sequence 1723

Table 3

320/1077

AGGTACCCAAATTAACCTTAAATGCAAGACTTAGCAGCAGGTATTA
TCCATGTTGAACCACAGAGTTGTGGTTATAGGATGATCTATCCAGGTTGA
AAAAGAATTCTGGCCAGCAGTTTGAAGAAGTGAAAATCAAGATTAGGCAC
AGAGGCAGAGGGTGGTGGGGCCACAGGGCGGGGAAGGATTCCAATCCATG
AGACTGCAGAAGGGGAAGTGAGCAGCCTCTACCCATACAGACTAGGGTCT
CATGGATGCCACTGGAGAGCATTCCAGTCTCACTGGATATTGGTAGTTCA
CTAACTTGTGTCAGTCATGATTGTGACCTCTGATATATTGCTATATTTGG
TTTTCATTTATACAAAAGCTGCGTCTTTTCTTGATCCCAAGTGGTTTGGTG
GGCTTTTGGGC

>Sequence 1724

CCGGGCAGGTACGCGGGAGGAATGCCATGTTGATCCAAGGTGCCGTTTCC
CTAAACCTGTGTGTTTGTGGGGCGCTCATGAGGCCCTCTCTCCTGGTAA
AAACCCAAACGACCCAGGAGAGAAAGATGTGCGTGGCCTGCCAGCGCACT
CCACAGAATCTGTGAAGTCAACTGGACAGCAGGGAAGAACAGAAGAGAAG
GATGGTGGGCTCGGGAACGAGGAGACCTCTGCGACCTGCAAGCCCAGGA
GTGCCCCGATCAGGCCGGGCACAGGAAGAACATGTGTGCCCTCCGGATTC
TGAAGACTGTCAGC

>Sequence 1725

AGGTACGTATTACCAAAGAAACCAAAAACTGCCTTTGACTAAGGGGGGTG
TTGAAAGAGAACTTAACCTTATTAGGAAACCCTGACAAAATGATGGAAGA
CTATTGCCTTATTTTGCCTATTTGTGAATCATCTTACACTGCATTTTTT
TATGAATGCTTTATTCAAAGGCAGTTCGCTTTACGGTGAAAAAGCCTTC
CAAGATTCAAAGCAGATTCTCTGGTCTTATATTATATCCTTCTTAAAAA
CCAGAGTTCTTAAGTAACAGTATATTGAATGGCATCACAAAACATTTTCA
TCCTTAATGGATTTCTTTAAACAAGTGGTTAAAAAAGTGTCCAATCAGCC
GGGCGCAGTGGCTTACACCTGTAATCCCAACACTTTGGGAGGCCAAGGCG
GGTCAAATACCTGAGGTCATGAGTTCTCAAC

>Sequence 1726

CCGGGCAGGTACCATTTTTAGCAAACAACAACAACAACAGAACTGGA
TTTCTTTTGGTTTAAACTCCATTTGATTGTCTGTATCAATGATCACAGG
AAATGATTAAATGTCGTGCATTTAATGTAATTTGGGTTATGAAGCTCATT
TGGGTTATGCTCTTCACTTTTCTCTGTAAAATTACAACATGCAGTATGCA
CTTTCCACGACAGAATTGTTTATGTGTTATTATGGCGTCTTTGCAGACT
TGTAACCTTATCCTAGAACCTCAGTGGTATGACCCGCTAGCATGCATACT
TCATGGGTCTGTCAATTATAGGGCCTTTCAAATATCACCTATC

>Sequence 1727

AGGTACTTTGTTAACCTGGGTCCCTGAATGAGAGGACATAGAGAATACAG
CCAATCTGAAAAAATCTGACCCTTTTAGGCTGGGCACGGTGGCTCACGCC
AGTAATCCCAGCACTCTGAGAGGCCAAGGTAGGTGGATCACTTGACGTCA
GGAATTTGAGACCAGCCTGGCCAACACGGGAAAACCCCATCTCTACTAGC
ATTACAAAATATACAGTGGTGCATGGTGGGATGACACCTGTGAATCCCAA
CTACTCGTCAAGACTTGAGGGCACGAAAAGCGCNAAGATCCATGGGAGGC
GGAAGGAGGTTGCTAATGAAGCCAAGATAGGGCCTATTGGAGTGAGATCA
AGGACGAAAAAAGC

>Sequence 1728

AGGTACGCATTTCCCTAAGAATCCAGTAGACTCCTTCAGACACTGCTCGGA
TAACTGATAGACAGATAAAAAATACAGAGATTACCAAATTAGTCTGTAA
ACTCCATGAAGAAAGAACCGACAACCATTTTATTCCCTGATGTTATCCCC
AGTGGGAAATGCATAACCTTGGCGTGTAACACTGACAAGTTATGGAACAG
AACATATTTTAATAATCTGCTATATCAAATTGTAAGAGAGTATCAAAAAA
TCATAGCTATTTTAATATTAATAACCAGGCAAATGGGTGTCCCCATAAGA
TCTATTCTTTTTTTTTTTTATTGAGATGGAGTCTTGCTCTTTGACCCAGAC
TTGAGTGCAGTGGTACAAGGTAGTGGGTTCGCTGCCTGCCACCCCCAAA
TGCCACACGCCGT

>Sequence 1729

CCGGGCAGGTACCAGCGGGCTGTCCTCTAACAGCGACGGCTGCACGCTGG

Table 3

321/1077

GCACGCTGGGCACGCTGGCGGGATGCACGGGCCTTTGTCCTGCTGCCTCT
GAGGTAGCAGAGTCGGCACAGGGTGGACTGAGGGGCGTCTCGCTTTTCTG
TCCACCCTCTGAGACAGCAGGGACAGGTTTCATTTGGCTTCTCCAGGTGCA
GCAGCTTGAGTTTGCTCTTTGGCCCTGATGCTCCAGTCTGGTTCTTAATC
TTCTTCTCATAGTCCAGGAGTTGGCCCAGAAAATTGAAGTTTGGAGATAT
AGTAGGTCTTTTTTCTTTACAAATCTGTAAGCTTCATCTAAAGACATGT
CCATCCTCTTCATGATGTAGGCGATAGCGATGGTGGCGGAGCGGGAGATC
CCAGCTAA

>Sequence 1730

AGGTACTAAGAGCTGGTCCAGGCTCAGCCCCAAGTGTGCCAGCTGCTTCT
TAGACGTGGCTCCATTTACTCCTCACC GCAGACCTTCCTACAGTTCCGTG
GGTGGGAAGTGCTCAGTGGGTCTCCTCGCTGGGCTGAATCAGGGGGGCGC
GGAGCTGCGTTGCTTCTGGAGGCTCCAGAGGAGGATGGGTTTCTGTTCTG
GACTGTTGGTGGACTTCACTTCCTTGGAGCTGTGGGACTGAGATCCCCCT
TCCTGGCTGGCTGTCTCAGCCAGGGGCCTCTCTGCAGCCTGCACATGACC
TCCGCTCAGGGCCAGCGTCGGGGCATGGAATTCTGTTACGTTG

>Sequence 1731

CCGGGCAGGTACAATCACGCAGAGTCAGAGCAGGAGTATGAGGAAGAGCA
AGAACCTCCCAAAGTTGAAAGCAAACCAAAGGTCCCCCTTAAAAGTGCC
CACCACCCATGAACCTTCACTGATTTACTCAGGCTGGCTGAGAAAAAGCAG
TTTGAACCAAGTGGAATCAAGGTAGTGAAGAAATCAGAAGAGCGACCTAT
GACCGCAGAAGA ACTTAGGGAGCGAGAATTCCTTGAACGAAAGCATAGGA
GAAAAAACTTGAGACAGATGGAAAACTACCTCCAACTGTGTCCAAAAAG
GCACCCTCTCAGAAAGAAAGTGTGGGCACAAAACCTAGCAAAGGTTCTGG
AGACAGGCATCCTTCTTCCAAAGGAATGCCCTTCCTCATGCTGAGAAGA
AATCAAGACCCAGCATGGCCAATGAGAAACACCT

>Sequence 1732

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTC

>Sequence 1733

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTTA
AGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1734

AGGTACGAGTTTCGTGGCAGCGCCTCCGCTCTGCTAGCCCGGGGCCCCGG
TCGGCCTAACGTCACTTGCTCGGCTGACTCAGATGACCCGGTTTCTAGT
GACGAAGCAAAAAGTGGGGCTTTTCCCTTTTCTAGTCTGAAGCTCTCAGG
AGGAAAGAAAAAAGTCTGTATTCTCCAGTCTCCCGGGGTGAACCT
TGGGTCAGGAATCAGGAGGGAGGAAGCAAAGAGCAGGAGGGGCGCGAGAC
TGGGCCGAGCCCGCGCTCGGAAGGTGGCGTGTACCTGCCCG

>Sequence 1735

AGGTACATATCAGAGGCATTATTGCCACAGTGAAACACAGGAAATGACAG
ACACTTTCGGTGAGAAGACAATGACTTAGAAAAGCAGAGCAGAGTGGGGA
CAGATCACCTGAGGTGAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCAACGTGGTGAA
ACCCTGTCTTAACCTAATAACAGAAAATTAGCTGGGCATTGTGGCGGGC
ACCTGTAATCCCAGCTGCTCGGGAGACTGAGACAGGAGAATTGCTTGAAC

Table 3

322/1077

CCGGGAGGCTGAGGTTGCAGTGAGCCGAGACTGTGCCACTGCACTCCAGC
CTGGGTGACACAGTAAGACTCCGTCCCAAAAAAATAATAGACTAAAG
GTTCTGCCCCG

>Sequence 1736

AGGTACACTGCTGCTGATAGCACCAAAGGAGGCTTCTTTCTCTCAAGCC
AATCCTTGATGTATCTTCGGACAATCTGTCCAATGATGAGAGGAACCACA
ACAGTCATAAAAAGCTGAGAAAAAATAGATGTGAAAGGCACAGAAGAAGA
TGAACCAAGAAAAAGCAGCAGGAGCAGGGGTGTTATAACGATGCCCAAAA
AACTTCCAAAGGCTGAATTAATATTGCAGCTGCCTCATTTCCACCAACT
GCCTTGGTTAAAATCACTGCAGAAGACACAGGCGGAGGCATGCAACCTAC
TGTCTGCAAACCTTTTAAAAGCCATTCGTTGATGGGTGTGATTGATN

>Sequence 1737

ACGTCCGATGACATGTTACCATGACACAAAACGACAATGACCACGGCACC
ACACCAAGAATCATCTACCTCTATTACAACCAGACATTTGCACTCAAATA
AGGAGGTGCTGCCGTATACTTATCCGTTGCTGGAGGCAGCATGAATGGGA
ACCAGACACAGCTGGAAAGCAATCGGGTAACAGAGCGCCAACCCTGTACC
T

>Sequence 1738

GGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGAAGGCCAAGGCGG
GCGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACACAGTGAAA
CCCTGTCTCTACTAAAAATACAATAATAGTGTATTGCACATTTTTAACT
GAAAGTAAATTTAAAATGTGCTTCTCACAAAAAATAAGTATTTGAAATGA
TGGATTAGCTTGATGTAATTACTTCATATTGTTTCATAAATCAGAACATCA
CTCTACTCTATAAATATATGCCAATTATAAATTGTCAATTTAAAATAAAA
TTAAAAAATAAAAAATTGTAAAATTGTTACTAACATGAGTTACAGCTGTC
AATCATACTAGTCTATAAC

>Sequence 1739

AGGTACGTGGGGAGCCAGCGATGGGTCCACCTTGCCCTTTGTTGTTGTTG
TTGTTTTTTGTTTCTTGTGTTTGGTGACTGAGTGAAGGGACTTGACCCTGGT
TCTCCAGCTTGAGCAGGAGCGTCACTGCGGTGATCAGGGAAGCTGCCTG
GACCAGCTGGCCTGGGGCAGCCACCACCCATTCTCTCGCCCCTCTTGAG
AATCCAGCCTGTGGACCCAGGTGTGTGTCAGCCTGCAGTCAGACCACAGTCT
GTCTCGGGCTGGTGCTGGGGGTGGCAGAAAGGGGGTCTGACGCAGCCCC
TGCTCCCCCGAGTCTCTCAG

>Sequence 1740

AGGTACGCGGGACCCGGAAGCCTGAGCATCGCATCACAAACACTGCCTT
TATTCCTATCCATAACCCAGGTAGTTTCCCAGGCTCTCCTGTTGCTACCA
CGGACCCCATCACAAAATCTGCATCCCAAGTGGTAGGACTCAATCAAATG
GTGCCTCAAATTGAGGGAACACAGGGACAGTCCCTCAGCCTACCAATGT
GAAGGTAGTTCTTCCAGCAGCTGGCCTCTCAGCTGCTCAGCCACCAGCTT
CCTACCCCTTACCAGGCTCTCCCCTTGCTGCCGGCGTGTTACCCAGCCAG
AACTCCAGTGTGCTCAGCACAGCAGCAACTTCTCCCCAGCCAGCGAGCCC
AAGTATCAGCCAGGCCCAAGCCACTGTTCTTCTCCTGCAGTTCCTAACCAC
ACCCCAAGCCCTG

>Sequence 1741

AAACCAGCTTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATAAAGGAATGAAAGCAATT
AGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGCTGTTCCACTTAGAAACA
TAGAAACATAGGAAACTAAGGACTCGATGGGGACATCAATAGTAGGATGG
CTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATATACACATTAAGCTTTGCAGCAA
CTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGGAATTTTAGTTTGGTAAA
GGATAACTGTAGTTATTTTTTAAATAAAAATGATTCATTAGAATTCTTTGG
TTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTTTCAGAAAGAAAAGTTT

>Sequence 1742

GAGCTACCCGGGGGCGGCGAAACCGCTTTAAGTGAGCTCAGCATATTATA
AAGGAATGAAAGCAATTAGAGCGTGGACTCTAAAGGTAGGTGAGACTTGC
TGTTCCACTTAGAAACATAGAAACATAGGAACTAAGGACTCGATGGGGA

Table 3

323/1077

CATCAATAGTAGGATGGCTTTTAAGAGGGCTGAAGTGTGTAAATTTACAC
ATTAAGCTTTGCAGCAACTCTGTGCCAAATCGAAGTTGTTGCAGACCTGG
AATTTTAGTTTGGTAAAGGATAACTGTGGTTATTTTTTAAATAAAATGAT
TCATTAGAATTCTTTGGTTCTCTCATGATAATTTAGCAAGTTTGTCTCTT
TCAGAAAGAAAAGTTTAAGTGGGGTTAATGGGTACCT

>Sequence 1743

AGGTACTGATTGCTCACTGAAAGACTCAGCACCCCCAATGGTGCGCGGAA
GCCAGGCGGGCGATTACAATCCAATTACCTATTGTGCGACTCAGCCCACAC
AAGCTTTTCTCCTCCTCTTGAGGGCATGGGGCCAGGCTCCACTCCCAAA
TGAGACTGGCCCCCTCCACGGTTCAGGGTAACAGAAGGGCCTGTAGGCCC
TGGTGAAGTGAATCCAGCACAGGCCTCCCCTGTAACACAACAGGACTGAG
CAGAACCAAACACTTCTTCCAAGTACTCTGCTCCCTGCCCTCACCATCT
CAAAGTCTGATTCCCACTCCACTCTTCGAGGTTTCTCTCAGCTTTTTGAC
CTGG

>Sequence 1744

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACATTTGAAACAAATTTA
TTGATATAGTTTTTTAAGTTAAGTTTACATCTAACATTTAAATGATA
GAACTAGGTATAGCTGGAACAAATGCCTGTTTATTTTCTTACACAGAGAA
TGAATTCTTTCTTCCCTTAAACAGTGTGGGTAATGTTCCAGAAAAGTA
ATTACAGGCCAGTTAGTAAATATACCCTGAGATAGTAGAATGCCAGATAG
CAACAGCTATATGCCTGCCACTACTGGTTAATCAGCTACAGAACAGACTG
ATTTTTTGACTTAATATGGCATAGGGACTCCATTAAGGACAGAATCTGCA
TCTTA

>Sequence 1745

GCTCTCCGATGCCAGCCCTCCTGGAACACCTCGCCTGTGACGTAGGTG
GAGCGCGCACTGCCTCCGGGCCCCGTCTTCTCAATTGGGACCGGAAAACG
TTGTCGCTCATCCTATGACGCGAAAGTAACCGAGACTATCAGGATCCGGA
GACGGAAATGTCCGAAGGCCGCAGTACCT

>Sequence 1746

AGGTACTAGATAAAGGAAAGAGCAAAACAAAGTGCAGGATCGAGAGAAAA
TCGATTGCTTGAAAACTGGGTATTTTACTTGCTGCAAGTCCCGACTGTG
TCAGCTGATGAGTTTAACACTATGACAGCACAGTCCTCACCTGCCTGCTC
GCTGCTGTAATCCCCACACTGTTGTGTGCCCTATAGCACCTGGCACACGG
GAAGCGCTCAAGAGATGTGTGTGAATGAAGGAGCCACATCTTGACTTGCG
ACGCGGAGCAGTAAGCTGCAGTTATTTGGTAGCGGTGGAAGAATAAATTC
TACCTCCTGCTTGCCCTCGCTGCAGTGGGGATGAGGGGGAGGGGACTCACC
CAGATGCTGTATTCCCCAGACAGCTGACATGTTCCCAATTACCACGACCA
GCTGTTCAGGAACATCCCGACGAGAGCCAGGCACATTTGA

>Sequence 1747

ATTTTCTTCTAACACCGACATTGCTGCAGAAGAATCTGCGGCGGTCTTTA
GTTGGATCCAAGTCTCAAATGTGCCTGGCCCTCGTCCGGGATGCTCCTGA
ACAGCTGGTCCTGGAAATTGGGAACCTGTCAGCTGTCTGGGGAATTCAGC
ATCTGGCTGAGTCCCCTCTCCCTCATCCCCACTGCAGCGAGGCAAGCAGG
AGGTAGAATTTATTCTTCCACCGCTACCAAATAACTGCAGCTTACTGCTC
CGCGTCGCAAGTCAAGATGTGGCTCCTTCATTACACACATCTCTTGAGC
GCTTCCCGTGTGCCAGGTGCTATAGGGCACACAACAGTGTGGGGATTACA
GCAGCGAGCAGGCAGGTGAGGACTGTGCTGTATAGTGTAAACTCATCA
GCTGACACAGTCGG

>Sequence 1748

CCGGGCAGGTACATGGCATCAGGTGTGATCAGATGGTGTCCATCTGGCTT
TAGGCTTTGCCGCTGAAGATTTTAATTCAGTAGTCAGAGTCTCCTCTTTG
TTCCTTCTCTTCTCATGACTTCTGCAGGTGGATATGCTGGGTGACAAG
AAGAGCATTTGCAGGGTTTCTGGTTCTAGTGCCTTCATTCTTCCCACCT
GGTAATTGAGTTTCTCTTCAACCCTGATCTGGGTAGCCCCTTAGCTGC
TCTAAAGAAGGAAGTGAGAACTTCTCCACTTGCTGGGAGGGTATCATCTC
TGGGGGACAAGGGCAAGACGCCAGCTTGCTGATCCCTTTGATGCCTTC

Table 3

324/1077

TTTC

>Sequence 1749

CCGGGCAGGTACTACATGAGCCAGAATAATTGAGCATTTTAACACAGAAT
AGTATTTCAAAGAGCTCAAAGATGAAGCCGAGGTTTGATACCTGGCTACC
AGGTGAATGATAGTGCCCTGACAGAAAAGAACATACAGGGAAAATCCAA
GCTAATATCTAAAAAAGATACGGAGGTCTTTTCTAAGCATCTTGAATTT
GGGTGATGGCTGACAGCTGAGTGGAATGGACCATGAAATGGTCATCCAA
GCAGCCCTGGATCTGGGGAGCTTTGGGGTTGGAGTTAGAACTTTTAAAT
GCATTAATGTTAGGTAAGCAACATAGGATGGTATCTGGAACCTAACAGGA
GTCCATAATTGCTGTCAGAATTATTAGCATAGAATTCGGTTTTAAACATT
GACTAAATTGAATGGGCGAGGTGGGGGAGGCATGGCGCCAGTTAAATAGC
CAGGAGAGGCTGGACTGGGGACAGAAAAGTGTGCTTGACTGCACAAGAAA
TCAGAGATAATGGTACCT

>Sequence 1750

AGGTACTCTCAGCCATAGCCAGTGCCCGTCCAAGGGCTGCTTTTACTTCA
TTCCTAGGGCCACCTGGGCATCTGTGCCACTCCCTGCAGCAGCCAGGCT
TGCGAGGAACAGGCGGGCCAAAGGCAGGGGTGCCTTGTCTTCTGCATTT
TGGGGTATTGTGGGAAGCAGGAAGGTCCCTAAACCAAAAGCTTAGCCACA
CCTGCAAGTCCTTCTTTGAATCCAGTTTCAGGAACTGGGCCCACCAGATG
TAAGACTCGTTAGTTTTGTGCAAAATCAGGGGTAAAGCAAAATAACCCAA
CCATAAGTGAACCTTCACCCAAATCTTCTTGTCTCAGGTAAAGAACGAA
AAGCGGAATAAGGTTGGGTAGGGTTAAGTGACAATTTAAAAAGAGTTTTT
TGGCTTGACCCCTTTGACACTTTTTACTTGGTTTTTGTCCCTTTTCCCT
TCAAGAAGTGCCCCCGAGTTACCCCCCATTTCTTTTTTATTCGTTTTTCT
TTTCCCAATCCTTCCGAAGGACCTTCCG

>Sequence 1751

GTGCGCGATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCG
CCGGGCAGGTACTGTGGTATTAAACCATGAACCATAAGATCTGGTTTACG
ACAAGAAAAGTGAAGTCCCTGAAAATTGATCATGCACAGCTCTTCTGAAGA
GCTAAGACTGGATGCAAGGTTCCCTGACTTCCAGGCCACTGCTCTTTCCAC
TTTACCAGGCTGCCAACAACCTAAGAATTTAGTTTTGGAGTTTACAATT
CGCCAAGGCGAAAGATGTGCTAACAAGGATGTTACTGAAAAGAATTGGGG
GTGGCAAGATCACCTCCCTGGTTCTTTTTTTCTTTTGTCTTTCCAGTAT
TTTTCTATACCTGATGGTTTAATGGTTGTCAGGGATGAACCGACGACATT
AGCACGTTTGGTAAGACATTTCTCATTTAAACACCCAGGTGAAACCATA
ACCAAGGATACTCGAAGAAGCCAAGTTATTAG

>Sequence 1752

AGGTACCCATTAACCCCACTTAAACTTTTCTTTCTGAAAGAGACAACTT
GCTAAATTATCATGAGAGAACCAAAGAATTCTAATGAATCATTTTATTTA
AAAAATAACTACAGTTATCCTTTACCAAATAAAATTCCAGGTCTGCAAC
AACTTCGATTTGGCACAGAGTTGCCGCAAAGCTTAATGTGTATATTTACA
CACTTCAGCCCTCTTAAAGCCATCCTACTATTGATGTCCCATCGAGTC
CTAGTTTCCTATGTTTCTATGTTTCTAAGTGGAACAGCAAGTCTCACCT
ACCTTTAGAGTCCACGCTCTAATTGCTTTCATTCCTTTATAATATGCTGA
GCTCACTTAAAGCTGGTTT

>Sequence 1753

CCGGGCAGGTACGCGGTGAGAGAATGCACCCTCGCAGCTCTGCCTGAATA
AACATTACCAAGACTACAAGGTGCCTAGCACTCTGCCAGAATCATGTGAA
TTTCAGAGGAAAATACTCGTTCACACATCTCAAGGAACGCACAGGCTCGT
GAGGGAGCATTTCTTGCCAATGCACATGGTAAATGCCCAATCGATGTTTCC
GGAATGTCATAAACTGACAACCTTACAGGCCTTAACGCAGTAGGATAAG
GATGATAAAGAACTCATTTCAAATTAACCTAAACAAGTGCAAAAGCCCAT
ACTATAGTAAGTTAGGAGAATCGAATGGCGATACAACATAATCCCTTATG
CA

>Sequence 1754

CCGGGCAGGTACACCGCATAGGAAGGACTCTCTTACTAGATGAGCTAGAT

Table 3

325/1077

ATCAAGAAGTCTTTATGAGATCGTCTCAGACTGGTGAATGGACATGGTT
GAAAGAGTTTTATCAAAGACTCATTGATCAGAAGTGGCAGAGGAAGAAAA
AGAGCAAAGAGCACTGGTATCAAAGGCAATTCTTTCCAAGTTTTATAT
TACAGTATCAATGGTGATGGAGCCGCTCAGCCTGTCTCATCCACCGCAGA
ACAGCAGGAATCGTCCAGTTCAGATCAGACAAATGATTCGGAAGGGGCTT
CATGGCCTGCTCCCTTCGAAATGCCTTCTTCAGTTTCTGAAGATCCAGT
GCTTC

>Sequence 1755

CCGGGCAGGTACCTGATGCGCTCCCCTGAAAACAACCTTGGCCAGAGCAA
CCCAAGATTACCCAAAATTGATGGGGACCTTGTCTTTTGAAGGTCCCGCC
TGGAGAATATTCCCGGAAACAAAGTGTTAATCAAGCTTGAAAAACAACC
GGTGAATTTCTTCATTTGCCAAATGAGGGTTCGAAGGGTCCCATTTTTCA
TTGAATGGGACGGGGCGTTCTTAAACTTAGTGAAATCCCCCGGGGCTT
GCAAGGAAATTTCTATTTTAAACCTTTATCTGATTACCCGGTCCAAACC
TTTGAAAGGGGGGGGGCCCCCGGTTACCCCAAAACCTTTTGTTCCTT
TTAAATTGAGGGGGTTAATTTGCCCCCCCTTTGGGCCTTTAAATTAA
TTGGTTTCTATTTAGCTTTTGTTCCTTATTANNNAAAAAAATTGGTTAT
ATTCTGTTTAACCAAATTTCCCCCACCCAAATTTTCCCATCCCCGGG
TAACAATAAAAAATTTCTAAAGAACCCAGGGTGGGTGGCATATAATTGG
AAGGATTCTTTACCTT

>Sequence 1756

CCGGGCAGGTACGCGGGACTTGCTTATGGCTCTAACCCTATCTTCATTT
CCTTCAAGCGTTACGACTGTAACATGCCTCTTTTCTCTACTGTTCTTTAG
AAAACCACATTCTGGCCAGTGGCTCTGTCCGGATTCTAGGTCATGCTTC
TTGAATCGGGGGGTCTACAGATCGCGCCCGTCTTCATCCAGGATGCCGGC
AACTACACCTGCTATGCGGCCAACACAGAGGGCTCCCTGAATGCATCGGC
CACGCTCACTGTGTGGAGTAAGGAGCAGCCCTCGCACGTCGGCCTTCTGT
TAGCCACGGTTAATCATCACGTCATCGTGTGCTTTGGGGATGTCAGCAT
GCCCTTGGGCTTGCTAATTTAATCAAAGAGAATGATTATTTTACAAC
AATTTATAGAAATCTGTTGAGAAATTAATTTTCAATGTCTAAAAGAATA
CCTAGAAAATGTATTCAGAGATNTAATAAGGGTATTGCAGGAGAGACGAA
AGATTGACTTTGGTAAGTCAGTGGAGATATTACACAAAACCTAGCTCAAT
CACAAAATTGATAGGGTGGTTAATTTTATAAGCATTTTATTAGAAAAAA
ANNNAATANAANNAAGTTCCTT

>Sequence 1757

GGAGAAGGGCCTTCCAACCCTGAGCTCTGTGAGAGGAAATCTCATCAGCA
GCAAACCCTCACATGTGACCTGGAAAAAAGGAGGTATCTTTAATAGACA
ATGCTGGATCTTTAGTGAGGGTGATTTAGATATAATATGTCCGTTTACT
TTCAAAAGGGAAAAAGTATGGGTCACTCAGAAATTCCTGCTGTAGCTTAG
ATCATCGATCAAGTTCACAGCGAGTCCGTAATTTCCAAAATTCAGACAGT
TTCATCTTAGCCAAAACATAGTGTCTGCAGTGTGGGAACGCTGAAGACAG
CCGGCCCAACACCCTGCTCAGGGAATCCCAAAGCCTCCCTGCGATCAGGA
GAAGGAAGCCTAGATTTCTAGGTTAGTGCAGCCCACTAGCAAGAGAATTA
AGTCTCGGTGTCAAGCTCTG

>Sequence 1758

CCGGGCAGGTACAGATTAGTGTGCACAGAGATCTCTGTAGAAAGAGTAGC
TGCCCTTTCTCAGGGCAGATGATGCTTTGAGAACATACTTTGGCCATTAC
CCCCAGCTTTGAGGAAAATGGGCTTTGGATGATTATTTTATGTTTTAGGG
ACCCCAACCTCAGGCAATTCCTACCTCTTCACCTGACCCTGCCCCACT
TGCCATAAACTTAGCTAAGTTTTGTTTTGTTTTTCAGCGTTAATGTAA
GGGGCAGCAGTGCCAAAATATAATCAGAGATAAAGCTTAGGTCAAAGTTC
ATAGAGTTCCCATGAACTATATGACTGGCCACACAGGATCTTTTGTATTT
AAGGATTCTGAGATTTTGCTTGAGCAGGATTAGATAAGGCTGTTCTTTAA
ATGTCTGAAATGGAACAGATTTCAAAAAAAACCCCAATCTAGGGTGG
GAACAAGGAAGGAAAGATGTGAATAGGCTGATGGGCAAAAAACCAATTTA
CCCATCAGTTCCAGCCTTCTCTCAAGAGAGGGCAAAGAAAGGAGATACAGT

Table 3

326/1077

GGAGACATCTGTGAAGTTTTCTCCACTGGAAAAGTCTACTATCTGTTTT
TATATTTCTGGTAAAATATATGAGGCTTCAGAACTAAAAATTAAACCTC
TTTGTGTCCTTGGTCCTGGAACATTAAGTTCCTTTTAAAGAAACCAAAA
TCAAACCTTACCAGAAAGATTTGATGTATGTAATACATATAGCAGCTCTTG
AAGTTATATATCATAGCAATT

>Sequence 1759

AGGTACGCGGGGAGCTCTAGTCCAGGAGGCTGAGACTTCGAGAGGGACTT
AGAGAAGGCAGACGCATCCCGAACTCGCTGGAGGACAAGGCTCAGCTCTT
GCCAGGCCAAATTGAGACATGTCTGACACAAGCGAGAGTGGTGCAGGTCT
AACTCGCTTCCAGGCTGAAGCTTCAGAAAAGGACAGTAGCTCGATGATGC
AGACTCTGTTGACAGTGACCCAGAATGTGGAGGTCCCAGAGACACCGAAG
GCCTCAAAGGCACTGGAGGTCTCAGAGGATGTGAAGGTCTCAAAGCCTC
TGGGGTCTCAAAGGCCACAGAGGTCTCAAAGACCCCAGAGGCTCGGGAGG
CACCTGCCAN

>Sequence 1760

AGGTACTACTCTTTTCCTTATATGATATATGAAGAAACAGAGGCTCAGAG
AAGTTAGGCACTCACTCTGAGTAAAATGCCAGGAGCAGACCCACGTGGTG
AGGAACTGAGGCCTCTTACCAAGAGCCATGGGAGTGAACCTCGTGGTGGA
ATTCTTTTGGCCCCAAGTCAAACCTTAAAAATTAATTGATTGCCCCAA
TTCCAACCATTTCTTAATCCCAATTTTTTTGTGAAGAAAGAACCTCTGAAAA
ACAGTAAACCCATCTTCGGGGTGAAGGCTCACCTCCCATGGGGTTGTTCA
TTGAACATTTTCAGTCCAACCTTGTTGTTGAACAATTAAATTAATAATTAT
GTTCTGACTTGTTTTTAAAGTTCCTTATGGTTGGTTTGGAAATATAAA
TTTTAATTTAACCACCAGGTTAACCAGGAATAAACCTTAAATAATACCTT
TTGTTCCACCACCAATTTTAACCTAAAGACCGGGATAGAAGTCCCTGGGA
AACTTCAAAAACCCTATAGGCTTTAATTCTTGGGC

>Sequence 1761

CCGGGCAGGTACAACTCGGGCCTCACTTTTTTTCTGGGACAGCTGTTTG
CCCTGTGTTACAGAATGCATGTGAGGACTAGATATTTAAACATATGATGC
CTGGCCACAGAGAAGGTATTTGTAATTGGATTCTCCTGGACAGCCCAGCC
TCTGAAGTTCTAGAATTAGGTGCCTCCTTTGCCCAAAGGCTATCAGCTAT
TGGAGGGGAGGGTGGCAGTATGTCCCTCACTGGGTAGCTGTGAACACTAA
CTGACTTCACCAGTGTAAGTGCCTGGCACAGGGCCTGGCACAGAGGAAG
CCAGAGTCAATGTTGTCTAGTATCACTTTGGAAGGAGAATAAGTCTATGA
AATGCATTAACTCAGCAGGGAAAGTCCTAAGGAGTAGTTTCTCCAGGGG
CCACAGAAGACCCT

>Sequence 1762

AGGTACTTTTCTGCTTGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGAGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTTGTTCTGCTCCTGCTTCCCTTCT
TTTTAGCCCGTTGTGGTCCCAGGGGGAAGAGGGANTTGGGTGTTTCCGGT
GAGCCACAATGGGCCCATGGTCACCAAGTCCAGCCAGCCCTTCTGGGCAG
TTTTCTTGAAGGGACCAGCAAAGTTTTTGAACAGGATGATATTTACCCC
CCAGGCTTGGNNGCCTTAGGAGCAGTAGGAAACCAGTTTGGTTTTGTGT
TGCCTGCCCCATTTTGGACAGTTATTCCTTAATTCCCTGGACCCCCACT
TGTGAAGCCATTTAAACAGTCCCCCAAATACATTAATCTTTCTAGGACA
GTTT

>Sequence 1763

AGGTACTACTGCTGTCCCACATGCTCTCCAGGATCCTGAAGAAAACCTTCT
GTCAATGGCTCCATCCATTTCTGGCTCCTTTTTGTGAAAACAGGGTGAC
TATCCATTAGTCAACACCCATTGGGAGGCTGAGGCAGCAGAATCGCTTGA
ACCCGGGCAGCGGAGATTGCAGTGAGCAGAGATTGCACCATTGAACTCCA
GCCTGGGCGATGAGTGAAATTCATCTCTTCCAGGGTGGTGCCTCCTTTC
CTTCCCTGCTGGTTTCTTGGCACAAGGATTCTGGAAGACTCAGGCTGTTT
CTCGTTCCATACAAAATGGCTGACCAAGTCCATTACTGGGAGCTCTGCC
ATCCAGAAGTTTTCTCTCGCTCGGAATACAGCCACTGAAGGAGGTAAAA

Table 3

327/1077

GA

>Sequence 1764

GCGGCATCTTGCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTG
TGAGGGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGC
AGGAAAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATT
GAAATGAAGTCACAAAGTGAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGA
AAATCTTGATGGCTTCACAAGACATGCAACAAACAAAATGGAATACTGTG
ATGACATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACCACGGGGCAGAGGGT
CAGGATTCTGGCCCTGCTGCCTAACTGTGCGTTTCATAACCAAATCATT
CATATTTCTAACCTCAAAACAAAGCTGTTGTAATATCTGATCTCTACGG

>Sequence 1765

CCGGGCAGGTACCCCCGAATGGCCTTGTGCCTCCAAAAGCCTCACGCTG
CAACTTTGCTGCTCCTGTCTGTTGCCAGAGAGGCCTCACACAGGCCTCA
GAAATGTTTCTTGTCACACAAAGCTTTTGGTAGCCGATTCCAAGCGAGGG
ATTTAATCCTTACATTTTGGCCATTTGGCTCCAAGGAAGGCTTATTAGA
CCTGTTTTTTTGTGTTGTTGTTTTTTTTCTTAAAAACAAAATGAATGA
ATGAATGAAAAGAGAAGCAATGGTGAGCCCTCTCCTGCTGGGGCGCCCTG
GGTGGGCCTTGCCCGTCCTGCAGCAGAGAAATCAGTCAGCAGCGAAGAGC
T

>Sequence 1766

GGCATTTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATTTCCATTTC
GCAAGATGTGTGGCCCTCAGATGGGTAAAAGTCAGCAGCCCTTTTCTTAA
TTTTCTCAACCCCTATGTATTCAATCAGGGTCCCTTCCCCAACCAATGGCA
GAAATCTTTTCCCTGGGTCTTCCCTTTGGGGCTTGCCAACCCACACCA
AAAATCCTTCCCCCTTTTTGGTTTTTTTTCTTGAATTCCCCAACCTTTTT
TTTGGGGTAAACTTTGGACCTATTTTTACTTTTCTTGGTCCCCCCCCGCG
TTTACCCTTTGGCCCCCGGGGCCCGGTCT

>Sequence 1767

CCGGGCAGGTACATAAGATTTATAGATTTGATGATTGATGATAGATAGAT
GATATAGTTACATAATAGCTAAACTAGATAACCGATGCACAACAGAGAAA
TAACAGATGATATACATAGATAATAAATGATCGGTATTCATAGATAAGAG
ATAGATTAGCTGGGTGCAGTGGCTCACGCCTGTCATCCAGCATTTTGGG
AGGCCAAGGCAGGCGGATCATGAGTTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCC
AACATGGTGCAATCTTGTCTCTACTAAAGATACAAAAAATTAGCTGGACA
TGGTAGTGTGCACCTGTAATCCAGCTACTCGGGAAGCTGAGGCAGGAGA
AGCGCTTCAACCAGGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCAAGATCACAGCAT
TGGGCTCCAGCCTTGAGACAGGGCAAGACTCCATCTCACTTGATAAGGT
CACGTTGAGTCCCAGTGCATCTCGTAATACCT

>Sequence 1768

CCGGGCAGGTACTTTTGGTGATTCTAAGGTGGATCCAGGGTTGAGAACCA
CTACTGTAATTTATCTGGTCATTGCCACCAACTTGACTGAATCCTCTCT
CTTCCCCACCCCAATCTATTTTAAACAGCCTGTGTCTTCCCAAGGCTAT
AGTTTCCCAAGTTTTCGAATTTCTGTCTATATTTCTTCCAAAGTAGATT
GGGGAAGGAGGCAGAAACCCTGGTAATTTACCATGTTGGCAGGAAGTAGA
ATTCTCCCTCATGTTGTTTGTCTTCACAGGAGGTCTCAGCATGAAACAGC
AGCAGTGGTGTGGGATGACTGCCAAAATGGGCACCGTGTGTGTCAGGGGTC
TTCACCATCATGGCCGTAGACATGTATCTCATCTTTGAACAGAAACACCT
AAGGAATGGCAGTTGC

>Sequence 1769

CCGGCAGGTACCACTTGGGATTCCTGGGGTGTATTGATATGCGGAGCCAG
CAGGGCTGGCGATACTTTACCAGCCTCTTCTGACTCTGTCTCCATGTC
CCAAGGCCACAGAGGGGACGAGGCAGAGAGCAGACCGGGGGCACTGGCCC
TCAGAGGAACTTTGGCTGCATTG

>Sequence 1770

Table 3

328/1077

CCGGGCAGGTACTCATTACTCCTTTGAGGGAGGTCTGAGGGGTGTTGTCA
CCTGTGCCTCTTGTGTCCAGCTAAGAACCAGGCGCCGCGAGAGGTCTGGG
AGGGCCTGAGCCCAGGGGAAGTCCATTCTGAGTCAGCATGCCAGGGC
TGCTAATGAAATCCAGATGTTAGACAGAAAACAATCATCGCCCCACCCA
TCTGGCAGCTCGGGTTTCTTGAGATTGCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
GTACCT

>Sequence 1771

CCGGGCAGGTACAGAGCTACTGTCTTCATCTTTTATTGAGAGCCAAACCA
GGTCTTATCTAAATGACAAAAAATATTACAGCTAACAAAAGCAAAAGTGG
TGCTTTTATCAAGGAAACCAATATTTAAAGGTTAATTTAGATAGATATAT
AACCGGAAAGACATTTATTAGCATGCTGAAAATAACACTGATGACACTCA
GAATACACCTGGTCTCTTACTTTATTTAACAGAGAACCATGGCATCCAGG
TAACCAGTTCCAACCTTTTCTACCATTGATTTTATGGTTTTCTAAACAAT
TATCTTTTCCCTAAGTGGGCTAGAACTCTTTCATTTGAAAGACCTGAG
TTTAATGGCACCTATAAATAGGCTCATATAAAAATGTAGTAAATTGCAAC
AAATACATTGGCACCACAGGAAGTAAGCTCTGGAGTTAGATGTGAACATA
ATAATATTGCTGTCACAAAAAGGGGGAGAACTCTACTGGCAGAAAATGT
CCCTTAGCATCCTTTGAGATGTACTCNNNTNNNNNNNTTTTTTTTGGAG
ACAGAGTCTTGCTCTGTTGCCAGGCGGGAGTGCAGTGGCATGATCTCGG
GTTACCACAACTCCGCCTTCTGGGTTCAAATGATTCTTCTGCCTCAACC
TCTCCCCGCGTACCTT

>Sequence 1772

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATGGGTTTTTG
CCGTGTTATCCAGGCTGGTCTCACAAGCTCAAGAAGATCCACCTCCCTCC
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGACATGAGCCACTGCACTCAGCCAAT
TTTACGAAGGTTTAATTTTAGTTAGGAAAAAATGAAATCACAAGGAAGC
AAAAAATAAAGAAGGTAATTACATTTTGTGAAATGTGGTTAATGGAACA
ATGGAGATATAAGAGGTGGAGAAAATCAAGATATAGTTAAAGAAATGACA
AGGTTCACTAATAGGTTCAATGGGACGAGTGAAAGAGGGTTAATGGAAG

>Sequence 1773

GCGTTGCGGCGCGCGCGGTCCATCGCATGGCGCAGGCGGTGCGCGCAGCAG
GCGCCGTTTACAGGAGGCCCGTCAGCTGGTCTGCGCTGGAAGCCGTGCGCGC
CGTCCAGCGGCGCGCGCGCTCCGTCAGCGGCGCGGCCAGGGCCCTGGCG
ACTT

>Sequence 1774

TTGTTTTTCTCCACATCATAGCCGGCGGCAGCCAACGCTTTTTTTCAGAGC
AGCCAGAGAACTCCGCTACGCTCTTTAGAGGCGGCCACAGCCTTGGTGA
TGAGCTCTGACACCGGGGACCGGACGCCTTACGAGGCGTACCTGCCCGG
GCGGGCGGTTTAA

>Sequence 1775

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTGGGGGAGAGACAAG
GTCACCCTATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTCTGAGCTCAAGGGATC
CCCCTGCCTCAGCCTCCCAAACGTTGGGATTACAGGCTGAGTCACCATG
CCTGGCTTAAATTAACCTTTAGGTTCAATAAATCCCAATAAAAAATCCAG
CAGACTTTTTTTTTTGTGGAAATTGACACGTAGATTCTAAAATTTAAAT
GGAAATGAAAGGACTAAAAAGAACAAGACAACTTGAATAATAGGAAT
TTGGAGGACTTCAGTTACCAAATATCAAGGTATTACAAAGCTACGGTTAT
TTAAAAAGTAAAGCAACAGCATGGTATTGGTGCAAGCATAAAAAATAG
AGAAAGAAAAACAGTTTATACCCCGCGTACCT

>Sequence 1776

ATGAGAAGAAGAAGGGGCCCAAAGTCACCGTCAAGGTGTATTTTGACCTA
CGAATTGGAGATGAAGATGTAGGCCGGGTGATCTTTGGTCTCTTCGAAA
GACTGTTCCAAAAACAGTGGATAATTTGTGGCCTTAGCTACAGGAGAGA
AAGGATTGGCTACAAAAACAGCAAATTCATCGTGAATCAAGGACTTC
ATGATCCAGGGCGGAGACTTCACCAGGGGAGATGGCACAGGAGGAAAGAG
CATCTACGGTGAGCGCTTCCCCGATGAGAACTTCAAACCTGAAGCACTACG

Table 3

329/1077

GGCCTGGCTGGGTGAGCATGGCCAACGCAGGCAAAGACACCAACGGCCCC
CAGTTCTTCATCACGACAGTCAAGACAGCCTGGCTAGATGGCAAGCATGT
GGTGTGGCAAAGTTCTAGAGGGCATGGAGGTGGTGCGGAAGGTGGAGA
GCACCAAGACAGGCAGCCGGGATAAACCCTGAAGGATGTGATCATCGCA
GACTGCGCAAGATCGAAGTGGAGAAGCCCTTGCCATCGCCAAGGAGTA
GGGCACAGGGACATCTTTCTTTGAGTGACCGTCTGTGCAAGCCCTGTAGT
CCGCCACAGGGCTCTGAACTGCACTGGCCCCGGTGTGGCATCTGGTGGA
GCGGACCCACTTCCCTTACATTCCACAGGCCCATGGACTCACTTTTGTA
CAAACCTTCTACCAACACTTGCCAATAAAAAAATGGGGTTTTTTTTTTT
TTAATAAAAAA

>Sequence 1777

AGGTACCAAGTGCGAATCATCGGGCTATCCAGGTCCGAGATCCTAGTCTCC
TGTCGGCTCTGAGGAGGATGGATCCTTCTGCGGATACATGGGACCTCTTC
TCACCTTTAATATCATTATGGATAAACAGGTTTACATTTATTTGGGGCT
TTGCTGTTAGCATTTAGCCCTTTGGATTTGTGTCCAGATTTGTCATCAA
GACCGCAGGGCAAAGAACTTAACAGGAAAAATCTGTTTCCAAAAAGC
AGCCTCAAGGAATTTGTATGACCAAAATGGTTTATGGTCTTCCCTTAA
GAAGAAAGAACATTTTTTTGTGGTCTGGAAGGGGAAAAATTTTTTTTT
GGGTTCCCCAAAAATGGGAAACCAGTCAAAAAGGGACTCCTCTCAAACAT
ATTTTTTTTTGAAAACAAATTAACACACCCTTGTAACATTTCTTGGG
TGGGCCATTTTATTTATTTCTAAGAAAATATTTATCCCTCCCGGGT
ATT

>Sequence 1778

CCGGGCAGGTACATTAGAATAACCTTTTCAAAAATATGCAATTTCTGTCC
TTGAAGCCTAGGGAGTGGGATGCAGCCACATTAAGACTCATGATTAAGCA
CCTTATTGTGTTAATCATGATATAAAGAGCCTTGATAACACCAAAAGCC
GTAGATCGCGCCCATGCACCTTTAGCACTGTGGTGACAAGAAGTGCAGG
TTCTCTGTCCCGCTCGCCGCCAAAAAAGGGAGGAAGGGTCTAACC
CCTGTCAAGGAGGGTGTGATGAAGAGAAGACTAGGTGGGCTTTGGAATC
TTTTGTGGGTTGCCACATTGTGGTAATTTGTTGGGGCCCCACAGGTGTC
CTGGGTGAAAAGGATAGAGTGAGGGCAGGGGAGGGCCCTTTTTCTTTCA
TCATATGGGGGGTTGAAGTGGTTGGGGGTTGCCTA

>Sequence 1779

CCGGGCAGGACTTTATAGTTTAGGCTGGACATTGGAAAAAAGCCA
GAACAACATGTAATAGATAATATGATTGGCTGCACACTTCCAGACTGATG
AATGATGAATGTGATGGACTATTGTATGGAGCACATCTTCAGCAAGAGGG
GGAAATACTCATCTTTTTTGCCAGCAGTTGTTTGATCACCAACATCAT
GCCAGAATACTCAGCAAACCTTCTTAGCTCTTGAGAAGTCAAAGTCCGGG
GGAATTTATTCCTGGCAATTTAATTGGACCCCTTATGTGAGAGCAGCGG
CTACCCAGCTGGGGTGGTGGAGCGAACCCGTCAGTGGACATGCAGTG
GCAGAGCTCCTGGTAATCACCCTACAGTCAAGCTGCAGTCTCTGTCACC
ACG

>Sequence 1780

AGGTACAAAAGAAATGGCTCTCACTTCCTGGATTGGCACCAGACATCCTA
CCAGCTGCAATTACATCATTTTTATCTATCTTCTGCTTTTACTTTGTGT
AGGGTAGGGATGGGACTTACAAATGGGCCAAAGACACTTCAACCTCAA
ACCAAAGAGAAATCCCTGCTTGCAGAGATACAAAGAAAGTAACTCTCCCT
CTTATGAAAAGCAACCAGGAACCTTACTCCAGTTATGAGGGCCACTGATG
GTGTGGGAGAGCTATCAAGAAGATTCTTCATAGACGTGGTGCAAAGACAG
TGAGAACCCGGGAAATCACATTCATGGGACACTTGCTCTTACCGTCATCA
CCCTCTATTCTATCTCACTTTGGCCCCATCAAATCTAATGATAAACAA
AGAAGGTAATTACATGTAGAAAATCAAAGTGAATGGGAATGTGGTGGTGT
GAACATCCCGCGTACCTGCCCCG

>Sequence 1781

CACCCGCCGGTGGGCGGGCCCCAGGTAACGCCGGGGGTTTCTTTAAAA
AGAAGGTTAAGAAGCAAACGGTGCCTTTAGGGGAAGCCAGAAGAAAGAAG

Table 3

330/1077

GGAAGAAAAGGCCAGCCATTCTTTGCCCTGGGAATGAAGGCCAGGGTGG
AACAAACAAGAAAAGAAGAAAAGCCCCAACTTATTCCTCAAATTTAAAAT
CCTTTTACAAACCTTCTTCTTTGGCAAAGGGGTTTCCCCCTTGGGTTTG
GTGGAAAAAAATTACCATTGGAAGAATTAATAATTCAATGGAAGGGCCA
CAACTTTATTCAATTCCCCTTCCCCTTTCCTTGGCTTATGGCCAACAAAA
GTATTTTTCCTTGGGGGGCCTTTGGGAACCNCTGGTNNTTTTCAAACCA
ATGGAGGAAAGGGCCCTTTAATTTTGGAACCTTNTTTATTTGGCCTTAG
GAAAAGGAAATGGAAGGGGCCTTTTCTTTGGGGGAAATTAAGGGGCCTC
ACCAAGAAAAAGTTTTCCCCTTGGGTTTGGAACTCCGGCCGGAACCTTA
TTCGGAAAGGCCCCCACTTTCCCCCTTTAGGGGGCACCACAAGGTGGGT
GGCCCTCCACCTTTTTCCCCGGGCTTGGGTCCAAAAATTGGGCCCAATT
CCTTATTTGAAAGGTTGTGGGTTTCCCCAAAGGTGGGTTTCTTGTGA
ATATTTTGGGGGGTTC

>Sequence 1782

AGGTACGCGGGATCACTCAATTTCTCTGAGGACACAGATAGGATGGGGTG
TCTGTGTTATTTGTGGGATACAGAGATGAAAGAGGGGTGGGATCCACACT
GAGAGAGTGGAGAGTGACATGTGCTGGACACTGTCCATGAAGCACTGAGC
AGAACTGGAGGCACAACGCACCAGACACTCACAGCAAGGATGGAGCTGA
AAACATAACCCACTCTGTCTGGAGGCACTGGGAAGCCTAGAGAAGGCTG
TGAGCCAAGGAGGGAGGGTCTTCTTTGGCATGGGATGGGGATGAAGTAA
GGAGAGGGACTGGACCCCTGGAAGCTGATTCACTATGGGGGGAGGTGTA
TTGAAGTCTCCAGACAACCTCAGATTTGATGATTTC

>Sequence 1783

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGCTCCAGCAGCGAGTA
TCCCAGTCCATGCTTCTGGGTCAAGGGAGAACGCACCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACCAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTCCC
TTTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGCAATTAAGACCCGG
TATTCCTGCAGCTTCTTCTTGGCGGGAAATACATACTCCCCCTTCTTGC
GTCCCAGTTGCAGCAGGGCTTGATGTCCTCAAGTACCTCGGGCG

>Sequence 1784

CAACAATGACACCACTTTATAAAAAGAATGAGACGACCAATAATTCTTTA
CCAAACAGTGTTAAGACATATATAAGACCTTTTAATTAATAAAATGATGA
AGTAGANACATACAGTAGGCGTTGGAACAATTATAGGAGCGCATTGGAG
CTCTACCGCGGAGGGCGGCCCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACG
CCCCACCATGCCCATCTCATTTTTGTATTTTAGTAGAGACAGGGTTTTT
ACACATCGTTTGGACCAAGGATAGACTCTATGATACTCATTGAACCCTCA
TCGAATACCGTCCACCATCTATGGGCCATCCAAAAGGTGGCTGGGAAAC
CAACAAGCCGTGAAGCCCACCCACACCCTTGGGCACCATCAAATTGTATT
TCCTACTTTTAAAGAGAAGAAGTAGGAAAAAATCCTAAATGCAGGTAAGT
GACTCTACAAACAATTATAATTTCTTAAATTGTTACAACTTCTTTATGA
ACCCTTTTAAAGTCCCAAAAAGTGGGAAAAACAAAAAATTGTGCAAATTT
TTTGCCACATTAAATAATAAAGCGCTTGTAATTGAAAAGCCAATTAACGA
AACAAAATTGGAAAACCAGGGAAAGAACCAGAGTGCCAACAATTTTCTG
AGGGTAAAAAAAAGGGTCCAAAATAAAAAATGTTTGGAAAGGAACCTCTT
ATTAAAAGACCTTACTTAATTGCGCTCAGGCCTTATTAATATTATCTT
GGGGGTTGGGGGTTGAAAAGAAG

>Sequence 1785

ATCCTGACTACCAGGATCCATGAGCTTAAACAGGCCAAAATGAGCACAGT
CATGGATACCGTTGGCCGAGGCTTCGGGACTCCCTGGGCCGAAGTGTGG
ACCTGGGGCTGACAGGCAACCATGGAGTTGTGCACCCAGTCTTGCGGAC
AGTGCCAACAAGTTTGAGGAGAACACCTACTGCTT

>Sequence 1786

AGGTACATAGTCTTCAAGTTTCAAAAATCTCTTCCTATAATTTGATTCCA
AATGCTTAGCAAAATCAAAGTCACAGTCTCAAATTTGAATGTATGTCCC

Table 3

331/1077

AGCGTCATTCTAGTATCACATTTTATACTAATCAGAAAATCAAAAGCCA
CACTAAGTAATGTAAAGAGAGAGGAATTAATACCAGGACTTGGTTACACG
GTATTGTCAAGCTGAAGGAGGAAAAATGGAATGCTGAGCTCACACACAGA
TAAATGTCTGCAGGAAGCAACTCACCTGCTAAGTCTGTTGGCACAGAAGG
GAACAGGTGGGCTTTATGAAACAAAAGAGCACAGAGGAGGGCGCTGTGAT
GCTGGAGCTTAACTTACATAGCTGGTGCTTATCTCTTGGAGGGAGAGTT
TTTTCTGCTGATGCTGAAAAA

>Sequence 1787

AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTAGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCCTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTTATTC
TATGTACCT

>Sequence 1788

CCGGGCAGGTACGGGGGACCTCCTTCAGTGGCTGTATTCCGAGCGAGAGG
AAAACCTTCTGGATGGGCAGAGCTCCCAGTAATGGACTTGGTCAGCCATTT
TGTATGGAACGAGAAACAGCCTGAGACTACTACTGCTATTCACTCTTCCA
GAATCCTTGTGCCAAGAAACCAGCAGGGAAGGAAAGGAGGCACCACCCTG
GAAGAGATGGAATTTCACTCATCGCCAGGCTGGAGTTCAATGGTGCAAT
CTCTGCTCACTGCAATCTCCGCTGCCCCGGGTTCAAGCGATTCTGCTGCCT
CAGCCTCCCAAGAGCCAGGAAATGGATGGAGCCATTGACAGAAGTTTTCT
TCAGGATCCTGGAGAGCATGTGGGACAGCAGTAA

>Sequence 1789

GGGCTGGCGCGGTGCATCGTGGGCACTGTAGTTTCCGCCGCGTTTATGGC
CGCGTTAAGTCTGAGTGCCGCTTTGAGTTGTTGAATGAAGTGAAGTTTCA
TTGTCAGCGTTCCGTACCT

>Sequence 1790

AGGTACGCCAAAGGATCCGATTTGCATAGCGGAGCTCCAGCTGTTGTGGG
AAGAGAGGACCAGCCGGCAACTTTTATCCAGCTCTAACTTTATTTCTC
CCAGAAGACACTCCCCAGGGCAGAAATAGCGACCATGGCGAGGATGAAGT
CATTGCTGTTTCCGAAAAGGTGATTGTGAAGCTTGAAGACCTGGTCAAGT
GGGTACGCGGATACCAAGTTTATATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
TACCTGCCCC

>Sequence 1791

CCGGGCAGGTACGTTTGCTCATAACGCACATCCAAAAGCCTGTGCCTCA
TTCCTGGCCATGGGTGAGGACTTGGTCTGTCACGGCTGATGAGGACTCCC
ACAACCGGCCAAGTTATGTCTTATTATACACCCCCAGAAAGAGAGAAAGC
TGCCTTCTGGAGGACTGATTCCACATGCTATATTCAGCTGAGTTGATTTC
TGTGTCTATTTCAACCCATAACCTGAAGAATGATCACCTTATTCCTTATT
CATTAAATTTTCTTGATTAATAGGGAACTTGGGAATAGCTATAAAGTAA
ACTTGGGTGGAACCTGGGGCCCTGGCATCACACAAGTGTGATTAGGATGG
TCAAGGTCATCAGGAGT

>Sequence 1792

CCGGGCAGGTACTGCTTAAAAGGCATGTATAACTAAGTCATATCAAAACT
AAAATGACAAATGGGTTATTTTCAACAGAACACTTTGAAAGGAAAAAGAA
AACAAACAAGAACTTTAGGATATTCTTTTGAAGGCAACTGCATGATGCT
AGATTGTGTCCACGACTAGATTTCTAAAAGGCCATCTAAAATACATTTT
TAAATACTTATTCCTTTCACAGGTAATATCTTACGAAGTTTGATTATTTT
TGAATTGTCATAATATGGACTTAATATGGGAGGAAGGTAGTTCCAAAATG
ACAGAAGTAATCGCTTCCACATCACTTTTGTCTTTTCTATTTACATATACA
AACACATTTTCTCTTGTCAACAATAGTATCTGAAACATTAAGAGGTGCTC
ATAAATN

>Sequence 1793

Table 3

332/1077

AGGTACCATTCTCTAACTCCGTGTGTGATGAAAACGCCTCCTTTTCTGAC
CTTCAAAGTCCCCTGTAGAGACCATGCATGCTCTAAGCCTTAGGGAGTGA
GACCAACACCCATCCCTGCCCAGCCAACAGTGGCCGGGGCTTGTCTTATG
TTTCCATCTGTTTTCTTTCGTGGCATTCAATTTTCATTTTTTCTTTTCA
TTTTCATGTTATTTTCATTATTGGCAAAGAAAATCAAAATGTTTATAGCC
AAATAACAAATGTGCCATGTAAAAGTAAGTCTGGACTTAAGAGTTTAAAA
TTTTTAAACATCAGTTTCCAAGTTTATATCATATTAATACATTTTCAGTGG
ATAATTTATTTAAAAAAAATACTATGCCTTAATATCCCTTATTTGCAATA
TTCAGTATCAAATTAGAGCATTTTGA

>Sequence 1794

AGGTACTTTCACCTTTTGTGAATAATTTTATTTTCCAACCATGGAAGCATC
ATCGTGAGGTTGAAAGAGGATCATTCTTGAAAATACAATTACTTAACAG
TTATGTGACCTGGGACAAGTTGAAGCCTAAATGTCCTCATCCATAAAATG
GAACTTAAGTAAACCCTCATAAGGAATGAACGTTAGTGTGTTGGACAA
CTTGTTGGACCCAGAAGTGGGGGCAAGTGAAGAAAAATTGATGGCACAT
TTCTTGGAATTAATCCTTTATAGTTCTTCTAATGGGTGGGGGAAGAATC
TTGAAAAAGCCCGTTTTTCTTTTCCCACTTTCCCATTTTTTGGTGGT
TATGGTATTCTTGCCCTCCCACTTGATTCTTGCCACAGGGTGAAAGGGGA
AAGTTGGGTTTGGGTAAACCTCTTCTTGGGGCACCTCAAGGGATTCTTCT
TACCACTTTGGGGTAGC

>Sequence 1795

AGGTACACCTGAAGCCGGCCCTGATTTTCATAATTCTCACTCAGGTTATT
CATGGCCATTAAGGCTTTTTCTTAATGTGTGGATCAGTTTGTGATCA
TGTTTGCAATAATTGGGAGGCCTCCCAATTTGCGGATTGTCTCTTGATTG
CATGAATAATTGGCATTGTTGCTCAGAGTGAGCAAAGCTACCTGTTGGAT
GAAAGGATCATCAGATTTCTGAAGCAAGGCAAGGACCTTCCTGAGATCGC
GGACACCCAGAATCTCATCAATTTTCATAAGGAAAGGGGCGCTTCTGCATG
GCAACGGGTCTTCTTCCCTCCCTCTGCGCTGGGTCTCGGGCTCAGAGTC
TGAATCTGACTCTGTGTCAGTCCACCCGGACTCCCCTTCCTCAGAATCAG
GGACCTCTGCCAGGAAAGCCTGTCCGCCATTAGCAGAGGCTGCAGCAGCT
GCTGCAGCCCCATCTCCAGGACGGAAGCCCATCCCCAGTTCGTCTACTTC
AACTTTGCT

>Sequence 1796

CCGGGCAGGTACTTTTTTATTTTCAGATCCATATAATTGAACTATTTTGTC
TAGTTTTTCTACCTTTCTTCTCCACACTTCTGCTAAAGGGATCCTTCTA
AAACCCAAGTATAATGACCCCGCGTACTTCTTGCCCTTGTAAGATTTCTT
GAGGTTTTCTTTTGGAGTCTGGGTTAATAACATGTGAGAACACGGGCAA
TGGATTTTCGGACGACTCGGATCTTATAGAGCTTTGGAGGCCGACCGTC
CTGTCACTTTTGGGCGACGCGCATCTGGTGACAGACTCCACCTTTCAGGG
TCGTCCCAACTGGTTTCAGCAGCTTCTTACTTTTTTTTTTCCCCGCGAA
AGATTCTTCTAGGCCTTTGAATCTTTGGCCCCATTTGTTGGCACAAAAGC
TCGGACAAACGCCCGGGCTGGACCGTTCCCTTCGTGTTACACTTTGGTCC
GGTTTTAAGAAACT

>Sequence 1797

GGCATTCTCTCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTATCTTGTCTGTTTTTGTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGATGTGTCCTCAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTCTGTATCATCAGGTCCTTCCACCATGCAGATCTTCTGGTCTCCCT
CGGCTGCAGCCACACAAATCTCCCTCTGTTTTTCTGATGCCAGCTTCTC
GGCACTTGCTATTTCTCCCCGCGTACCT

>Sequence 1798

CCGGGCAGGTACGCGGGGGTTCTCTTAAAAGGCAGTGTGGGAAGACACTT
GACAGAGTGTTTTGAGAAAGAAGTGGTGGGACGTCAGTGTCTGTGGAAAA
TTTCAAGGAAAACCTGAAGGATCATTGAGTATGAACAGTGTGGTCAGAAAT
TGAGTACACTCTTGATTGTTTTCAAGTGAGCTTTTAATTGGTAGGGAAAA

Table 3

333/1077

AATCTGTTTCATTTCTCAGTGATTCATTTAATTTGTTTCACAAGCTCACAAG
AAATTGTTTCTTAACAGGTGATTCTGCAGGCCATTCAATTGATTTATTTT
TTGGGTGTTTACTTGCTTACTTTCCTTGGGGGAATCCGGATTTTGAAT
GTTGGGCTGGGTTTTTTTGGCCCCCCTTTTGTCTTGCCAAAAAGTGGGT
TTTAATTAAAGGGTATTCCCTTTCTACACACTCAACTCCCGCACCCCTTG
CAACCAAAAAAGGAGTGTAAAGTAAAG

>Sequence 1799

AGGTACCATGGACTTCAAAGATTGGGAACAGGTGGGAATTGCCTTAAAC
AAGTTTGTAAGGAAGGAAAATTTATCCCCCTAACAGCCTGGTCAAACCTGG
GCTATAGTTAAAGCAGCCTCGGAACCGTTTCAATCGGAAAATGAGGCTTA
TCCTCCAGCAGAAAGAATTTCTGCAGAGGAAGGTGGTGATGCTGCTGAAG
GAGGAGAGGATAGTGAAGAAGATTTTGAGGAAAATACAGACAAACCTGGA
GATGAGTTAATTTCTTTTGAGGAGCACGTGGGACCTTCAGCTGCTCCTAA
AATAGAGAAGCCATATATGCCAAGATGTTTAAAACAAAGAAGGGCCTTGA
GGAGCAGTCGGCTCCTTATTGGGATCATCCGGAGTGCCGTCTCCAATTA
AAGCAATGTAGCTTGGATCCTTGTAGGTTTGAA

>Sequence 1800

AAGCCACTGCAATGACGCCGGCATTGGCGGCGCCGAAGAAAGCCTGCTCG
ACCGGATCGGTGAGGGTGGTGCCGCGCTGATCGAGAAGTTGATCACGTG
GACGCCGTGACGACGGCCTTCTCGATGGCCGCCACGCTGTCGCCAACGT
AGCAGCTGTTGCGC

>Sequence 1801

CCGGGCAGGTACGCGGGATCAAAATGTTAAGTCAAATCTGTAATACTTTG
GCTAAAATTCATAAAGTAAGCCCTAGAGAAAATACTTGACCACCAAATTT
TTGCCCAACTATCATCACCTCCCTTCCCCCGCCTCTGTTCTTGCCTTTTG
ACATCTACATGGAAGACAAGTTCTTTACAGCAAATGGTAAGAGGCAGGTG
ACCTGGTGTGTTTGCTGTGTGTAGTTTCACTTGCTGCTGCTGCTGCTGCT
TTTTTTAATGGAGAGACTAGCTGTGTCAGGTGTGTGTTGGATAGGGATAAA
GTGCTCACCCCTGCCCTCTCTACAGTAGTTGGTGGTAGATTTCTCTCTCA
TTTTGCCTCATAATCACTTTGAGTGCATGTATTTACCTAAGGGCTGTAG
CTCTGTGGGATGCTACCAGCATATTGGACTGACAGAAATTGATTACCTTG
CCACTCCAACCTACGTACCT

>Sequence 1802

CCGGGCAGGTACAAACTCGGGCCTCACTTTTTTCTGGGACAGCTGTTTG
CCCTGTGTTACAGAATGCATGTGAGGACTAGATATTTAAACATATGATGC
CTGGCCACAGAGAAGGTATTTGTAATTGGATTCTTCTGGACCAGCCCCAA
CCTTTGAAGTTCTAGAATTAGGTGCCCCCTTTGCCCAAAGGCTATCAGCT
ATTGGAGGGGAGGGTGGCAGTATGTCCCTCACTGGGTAGCCTGTGAACAC
TAACCTGACTTACCAGTGTAAGTGCCTGGCACAGGGCCCTGGCACAATA
AGAAGCCCTAGTCAAATGGTTGTTCTAATTTCACTTTTGTAAAGGTTGAA
TAGCTTTTATAAATGCATTTATTCTTCATCATGGGAAGGTCCTAAAGGAT
TTGTTTTTCTTTGGGGTTTTT

>Sequence 1803

AGGTACGCGGGGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCCTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAAGTCTTCTTGGAGATATTTAA
ACATAAATATATACAGAGAGGGTGAAGATGGAGGAGTGCTTTTACAGTT
CACAGTTGGCTTTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGCTGTGTTGCCAGGC
TGGAGTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTCCCGGGC
TCAATCGATCCCCCACCTCACCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCA
CACCACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCA
CCATGTTGTCCAGGCTGGTCTTGAAGTCTTGGGCTCAATTGGTCCTAGCA
CCTCAACCTCCT

>Sequence 1804

AGGTACGCGGGGGAGCCCACAGGTTTCCCAGTCGAGTCTGAGGCTGTGAT
GGGAGGATGGTGCTGAGACCTTTGGAACAGGCATTGGAAGGACTGCCGTG
GCCACACAAGGAAGCCAGGTATGTGATGACATCAACCGACGCTGGCAAC

Table 3

334/1077

TGCTGCAGGGACAGTGGGCTGGAGGAAAGTTGTCAATACCTGTAAAGAAG
AGAATGGCTTTACTGGTGCAAGAGCTTTCAGGCCACCGGTGGGACGCAGC
AGATGACATCCACCGTTCCCTCATGGTTGACCATGTGACTGAGGTCAGTC
CAGTGGATGGTAGGAGTTAAAAGAATTAATTGCCTAAAAGAGGGATCCTG
TTTTCAGAGGAAGCCAGCCAATGAAAAAGAAATCTGGACCCACAGCTTGA
G

>Sequence 1805

AGGTACGCGGGTGACTACCAGCATCCATACTAATCTGGGAGATCCAGGGA
TGTGCCTTGTTATGGAGGGGACTGTGACTCCTTTAAGACCTAGACCATCA
CTTGGGAGATTTGTTTTGGTCTCTGGGTGGATTGTGGATGGTAGACAGAT
CACAGGCCAGCATGACCTGGCTTTGGCCTTGCTGGTTATAGAATTTCTAT
TCTGCAGAGCTAAGAGTGCAAACCTAGGACCAACATTACCAAGAGGACAGA
AGCTATCTGGGGATCCTGGCTGGCAGTGCTCAACTTACAGCTCAAGCCTG
TGATAACAGGAGAGGTGGAGTGTGTTTTGTGCTTCATTGTGCATGTGTTT
CAAGCAGAACTAGACTTGAGGGCTTAAATAGAAAACATCTTAAACAATC
CA

>Sequence 1806

CCGGGCAGGTACCTGCAGGCCCTCCTACACCTACCTCTCTCTGGGCTTCTA
TTTCGACCGGATGATGTGGCTCTGGAAGGCGTGAGCCACTTCTTCCGCG
AACTGGCCGAGGAGAAGCGCGAGGGCTACGAGCGTCTCCTGAAGATGCAA
AACCAG

>Sequence 1807

AGGTACGCGGGGCTTGGGAAGATGGCGGCTGTGTGCGGTGTATGCTCCACC
AGTTGGAGGCTTCTCTTTTGATAACTGCCGCAGGAATGCCGTCTTGGAAG
CCGATTTTGCAAAGAGGGGATACAAGCTTCCAAAGGTCCGGA AAACTGGC
ACGACCATCGCTTGGGGGGGCTATAAGGATGGCATAGTTCTTGGAGCAG
ATACAAGAGCAACTGAAGGGATGGTTGTTGCTGACAAGAACTGTTCAAAA
ATACACTTCATATCTCCTAATATTTATTGTTGAGGTGCTGGGACAGCTGC
AGACACAGACATGACAACCCATCTCATTTTTTCCAACCTGGAGCTCCACT
CCCTCTCCACTGACCGGTTTCCCAGAATTGTGACAGCCAATCGGATGCTG
AAACAGATGCTTTTCAGGTA

>Sequence 1808

AGGTACTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCAGTATAACAGCTCTT
TATTTCTGTGAGTTCTACTAGGAAATCATCAAATCTGAGGGTTGTCTGGA
GGACTTCAATACACCTCCCCCATAGTGAATCAGCTTCCAGGGGGTCCAG
TCCCTCTCCTTACTTCATCCCCATCCCATGCCAAAGGAAGACCCTCCCTC
CTTGGCTCACAGCCTTCTCTAGGCTTCCCAGTGCCTCCAGGACAGAGTGG
GTTATGTTTTAGCTCCATCCTTGCTGTGAGTGTCTGGTGCGTTGTGCCT
CCAGCTTCTGCTCAATGCTTCATGGACAGTGTCCAGCACATGTCACTCTC
CACTCTTTCAGTGTGGATCCCACCCCTCTTTCATCTCTGTATCCCACAAA
TAACACAGACACCCCATCCTATCTGTGTCCTCAGAGAAATTGAGTGATAT
GTCTCCAGGCATGGCCAGTATTCCTCCAGGACACAGAGAGGACAAAAATTA
CCCCATTTAAGAAACACTCTGGGCTACACCTGTGTCTGCTGAATTCCTTT
TCCTAACAACCCTGGACCCTAAACCCTAAGGCCAAGGGTTCCTAAAACCTG
GGGGGGGCTTTATCTTGCCCTGTCAATTCAGGGTCCAAGTTTCTCACTA
AGGGGTTTATAGGGGGGCCCAGGGGTGGGCCCCATGGGTTCCCCCGGTTT
TCCCCGGGGGGGCTTTTTAAATATGGGTTCCCCGGGCCCGGATTATTT
TAACTTTTTTACCCCGCCC

>Sequence 1809

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGCGGAGGTGCGTCTGTGGTGTGACACCTG
TGTCTCAGCTCTGTCTTCCTCGGGCTGGCTCCTGCGGATCCTTCCTGGGC
CAGAACCGTGCTCTAGGCCACCTCCCCAAGCCACCAAGCCCCCGCGGT
GGGCCAGCCTTGGCCAGTGTACGCAGGACAGAAATGACCAACAGATAA
CTGAGGACAATGGACCTGCCTGGGCATAGACTTCCTTAAGGTAAGTCCAT
TTTAAACCAACGATTTCTCGATGACATTATTTCTCCGTCGATGTTGGCAG
AAATGCCAGCATTGGGAAGGTAAACTAAAGAGAGGTAGGGAAGTTGTTCA

Table 3

335/1077

AGTTAGGCCTTTGTGATGAAATCACCAAGGTTTTGGG

>Sequence 1810

CCGGGCAGGTACTTTCAATAAAGAGACCAATATTATTTATAAAAGTAGCT
AAATAAATAAAAGTTTCTGAAATTTATAGCCAAAAGCATACGTTCAAAAA
ATAACATTTCTTCCTGATTAGAAGAGCCCGCTACTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTGGAGGGTTAATGTTTCATGACTGGTAACAGATTAG
TTTCTAGGGGATCCTTGGAGAACCTGTTCTGACTTTAGAAGCACTTCCTG
TGGACAATGGAGGGCCCTGCCTTATCTTTCTTAGGCTTGCTTATCCACAT
CTGCTGGTAGGTGGATAGAGAGGCCAGGATTGAGCCCCCGTTTCCAGACT
GTGTTACAAAGCCAAATGATTAATATATGTTTTTGTGATGTCTTTAGTG
ACATTTTTGTTCTTTTCCATCTTATCA

>Sequence 1811

CCGGGCAGGTACGCGGGCCCCAGACATCAACCAAAAAGTGTATCTATCCT
ATTTGGTGCTTAGTTCATTATTACACATCTAGGGAAGGAACAGTAAAT
GTAATGCTCATGGTTTAAGCATAGCATATTCTCAGTGTAGGAAGAAAAA
GAACAACGTGCATTTGTTTTGGCACAGGACCTTTTGGAAAGGTAAAGAGC
ATACCATGGGCTTCTTATTTTCTTTATCTTGAAACATATTTTCTTACAG
CATTTGTAGTTACCAGATATTATGCACCTTTATTATGCCCTCATTATTTA
TTATATAAATACACATGTTTACTATTTTATCTAATTTTACCTTTAATTC
TTTATAACACTCTAAACCAATTTATAGACATTTTATAATATTACTTTTT
TAC

>Sequence 1812

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCGAAAAGATGGG
GTTTCTCCATGTTGGTCAGGGTGGTCTTGAACCTCCCAACCTAAGGTGATC
CGCCCGCCTCACCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCAT
GCCTGGCTTAAAGAGATAAATAATTAAGGGATCCTTAAAAGAAATGGAAC
AGTTTGTAAGAAAGATAAATTTCAAACCTTTTGCTAGGAGGGAAAACAT
TAGGGCTACATACTCTATAATTCTAGAACCATTTCCTTCAAATGCTTCT
GGGTGACCTTTTCAAATTAATTTTAAAAATACAGTAAAAGATAGCAGT
GTCAGTTGTTGTGGGTGAAAATATAAACCAACACTGGATATAATACAG
ATCAAAAAATTTTAT

>Sequence 1813

AGGTACGCGGGGAAGAACAATGTGAACTATCAAACCAGCAGGACCTATTA
CTATAAATGAGAGGGAGGAAGGACCAAGGATGCTTCTTATGTAAGTGCCT
TCTATTCCTGGTGACTGGTTGCACAGTCTCCTTAGAGAATCCCGGAACA
GAGAGAATATATACCTTCCACTGGAAGAATCTCAAACAGCGCTGCTTACT
CAGGATCAGTGGCACCAGCCAACCTCAACTTTGGGACAAACCCAGCCAAGT
GACCAGGACACTTTAGTGCAAAGAGCTGAGCACATTCCATCAGGGAAACC
AACTCCAATGTGCGCCCATTTGTAACCAGGTTATCAAAGACCATTCTTAA
TGGCACTGGGGGAAATCTTGGTACCCCAAAAAAATTCAACTGCGCTCACT
GCAAAAAAAAAAAAAAAAAAATTCCTGGCCCGGGCCGTCGCTCAAAGCT
GAG

>Sequence 1814

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTGCGGGGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTCTGCTTCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCGTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACAGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGTATCCTAATTCCTGACCCACTGTGAGCATTAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTTAAAGAAACCTCTGCCAGAT
TACTG

>Sequence 1815

TGATCACTACTATGGTCAATTGAAGCTAATCGCGGTGGCGGCCGCGCCGC
AGGTACTACTGCTGTCCACATGCTCTCCATGATCCTGAAGAAAACCTTCT
GTCAATGGCTCCATCCATTTCTGGCTCTTGGGAGGCTGAGGCAGCAGAA

Table 3

336/1077

TCGCTTGAACCCGGGCAGCGGAGATTGCAGTGAGCAGAGATGACCATTGA
ACTCCAGCCTGGGCGATGAGTGAAATTCATCTCAGGCTGTTTCTCGTTC
CATACAAAATGGCTGACCAAGTCCATTACTGGGAGCTCTGCCCATCCAGA
AGTTTTCTCTCGCTCGGAATACAGCCACTGAAGGAGGTAAAAGATATCT
ACAAGTAGAACTTTGATATTATTA

>Sequence 1816

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATTTTTTTTTTCTT
TTTTTTTTTTTTTTAGCCACACTGGTTTTGTAAAGACCTCATCAGT
CCTGGGTGCTTGCCCTCAATTCCTCCATAGCTATGTTAGCATATTTAATA
TCTTTTGCTATTAATCCTTAACTAGTTAATCCTTAAAGGGCTAGTTAATC
CTTAACTAGTCCCTTCATTTTGTGCATTATCTTCCAGTATTCTCCTTCTC
TTTTTTTACTTCTTCCCTGCTACCCATGTGCTCTTGGTGGGTAGTTACCA
ACATATACAGAATCTGCTTCCCTTTCAGCATTTTCATTTGCATAAAGACT
GGATGGCA

>Sequence 1817

CCGGGCAGGTACTTTTTTGGATACAATTTTCATAGAAAACAGCAAACAAC
AGTTTTATAGGAAAATCTACTGCTCTCCACACTTCTTTGTATTAGAAAGA
GTCTTGATGCTTCTAATCAGGCACCCAGAATTCCCCAAATACTGACAAAT
CAAGCGTAGTCTATGAGGATCTGGCTCTTGTCCCCACAGTCAGTCCTCAT
GGGGCGGTGGGCAGGGATCATGAGGTTTACTCCCCCTCTGATATCAGGAG
AAATGTCACAGACTTTGGGGGAAGGGAGCAAGGATCACTTGGTAAACCGG
GGCTCTCAAGTGGACCTTGTTAGTGGAAACGACTCTCAAGTCACCCAGGG
GCAAGGACGGTCCCTGCTGGCCTCCGGCCTGCTTGGCCTGGGTACCTG
AACACTCACGCTGTCCTGG

>Sequence 1818

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAGACAAGGTCA
CCCTATGTTGTCCAGGCTGGTCTCAAACCTCCTGAGCTCAAGGGATCCCCC
AGCCTCAGCCTCCCCAAAACGTTGGGATTACAGGCATGAGTCACCATGCCT
GGCTTAAATTAACCTTTTAGGTTCAATAAATCCCAATAAAAAATCCCAGCAG
ACTTTTTTTTTTTGTGGAAATTGACACGTAGATTCTAAAATTTAAATGGA
AATGAAAGGACTAAAAAGAACAAGACAAACTTGAAAAATAGGAATTTG
GAGGACTTCAGTTACCAAATATCAGGGTATTACAAAGCTACGGTTATTTA
AAAAGTAAAGCAACAGCATGGTATTGGTGCAAGCATAAAAAAATAGAGA
AAGAAAAACAGTTTTATACCCCGCGTACCT

>Sequence 1819

AATATTGGCCAGGTCTTCGTCGGCGAAACGCGGTGGGGCGACGGCGGCGG
CAACCGGCTCCTGCAGCGGCGGACGGTGGCCGGTCAGGGCCGAATGGCAT
AGCAGGGCCAGTTCATTCAGATCGGCGGAATACGCGCGACCAGGCAGCC
TTGCGCACGCAGGGTGC GGATAGTGGCGCTGGAGCAAAAGCGGTACAGCA
CAACGACCGCAGCCACGCCGCTTGCCTCGCGCGCGGCGGCAATGGCCGGC
ATCACCCGTTTCATCGAGTTCGGACTGCTCGATCACCAGCACGTGCGCGCC
TGTATCACGCGGTAACCTCCTGCGCCATCGCAAGGCCAGCGCTGTGGCCGC
GCACATCCAGTCCAAGGGCGCTCTGCCCCATGGCGGCAACT

>Sequence 1820

GTCATTAGCTTGTTCCTTGGGGTGAAAAATGGTTATTCCGGCTTCACA
AATTTCCACCACCAACATTACCAAACCCCGGAGGCACTAAAGGTGGTAT
AAGACCTTGGGGGTGCCCTAAAATGAAATGGAAACCTAACCTTAACATA
TTAAATTGGGCGTTTTGCGCTCTACACTGGCCG

>Sequence 1821

AGGTACCATGGACTTCAAAGATTGGGAACAGGTGGGAATTGCCTTAAAC
AAGTTTGTAAGGAAGGAAAATTTATCCCCCTAACAGCCTGGTCAAACCTGG
GCTATAGTTAAAGCAGCCTCGGAACCGTTTCAATCGGAAAATGAGGCTTA
TCCTCCAGCAGAAAGAATTTCTGCAGAGGAAGGTGGTGATGCTGCTGAAG
GAGGAGAGGATAGTGAAGAGGATTTGAGGAAAATACAGACAAACCTGGA
GATGAGTTAATTTCTTTTGAGGAGCACGTGGGACCTTCAGCTGCTCCTAA
AATAGAGAAGCCATATATGCCAAGATGTTTAAACAAAGAAGGGCCTT

Table 3

337/1077

>Sequence 1822

CCGGCAGGTACTATAAGCTCCTACCTAGAAGACATAATACTGAATACCGA
AGCGAATACTGCAGAAGAACAAGCCAGGGCAGAAATAGAGAAGATGGCTG
AGAAAATCAATGACATTGCTTATGAAATGGAAAGCCGCCGAACCTATCTT
CAGTCAGAGGAGATTGGGTTGCTGAGTTGGTTTATTAGTTTTCTGGATNN
CCCAGTAGGTGCAAAAANNATACTTTGTCAAAGAAAANAGTGGAGGGAACG
CNNACAGCGGAAGACATGATTCTGTGGGCAGCCCATGCAGATGCATCGCA
CAGTTACCACGGAAAGGGCATGGTTCAAAAAGAAATTATACTGAGGGGAG
AGCAAGGATGAGGGGCTCAAATGCNNTGCCATGGNNTACTTGAGAAAAG
ANNAACTCAAAATGAAGAACCAACAGCTAAGATTGGTGATTTTTNTGG
TAAAAGAAGCTTGTACNAGTTCAAAAATATGTGGCAAGGGAGGGCGTAAG
GGGCTTTGGTTCACCACTGTAGACATGCCAGTGGCCATTTGCAGGGGCGAT
ACCAAGGGTAGTGTCCGTGCCGCAAGAAGTAAACCAAGCAAGCTTTGGGG
GAAGCTGGGGAAGGTGGGTCCGCCCATTTAAGGGTCAAGGTTTCTTTCCT
TTATCTTGAGCCCAAGCAAGGAACCTCCCCCCTGGAAGCCGCGGCGCTT
TCATCCCGGCTTGCTTGGTAGGAATCCCAAAGAAGGAAAGCGGGAGACC
TTGAAGTTCCCTTTAAGCCGGCTTGAGGACCCTTGGAATTGGTTTGGGGG
TGAGGCCCCAAGGGGCGGAGGCCGCAAACCCCGTGCGTTTGGTTTCCAA
GAAAAATGTGTAATAAGCCGGGTACCTTTGGGCCCGTTAGAACTAA
GGGGAACCCCCCGGCTTTGAGGAAATTCGATATTAAAGCTTATTGAACCC
CGTCGAACCTTGAGGGGGGGGGCCCGGGACCCCAATT

>Sequence 1823

AGGTACACATTTGACTTACTGCACAGTATATTGATCATTTTAATGGGAAA
CTTTAGCTTTCTACTTTTTATTTTTGTTTTTCACTTTCTATGCCATTAT
TTTTGTATTCTTTTCTTAGTGTGAGCTCTAAAATCAATGTTCTTGAAAA
AGAAATTATTTGCAGAAGTTGGGGAATCATGTTTGTGAATATGTATAA
AATAGAAACATAGGCTGGGCGCGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCTACACT
TTGGGAGGCTGAGGCAGGTGGATCACCTGAGGTCCAGAGTTTGAGACCAG
TCTGGCCAACATGATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATACAAAACATTGG
CTGGGATTACAGGTGTGAGCCGCAGCGCCCGGCCAAAAAAGGAATTTT
A

>Sequence 1824

AGGTACTTTGGGAGGCCGAGACGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAG
ACCATCCTGGCTAACACGGTGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAAAATAAA
AAATAAAAAATAAAAAACATTTCTGGGCATGGCGGCGGAGGCCTGCAGTCC
CAGTACTCGGGAGGCTGAGGCAGGAGAAATCGCTTGAATTCGGGAGGCGG
AAGTTGCGGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGGCAG
AGCCAGACTCTGTCTCAAAAAAAGAAAAGAAAAAGAAAAAGCCA
CTCCAGGCTCACTGCATCAGGATTTGCACTGCAACAGCATGCCAGGGCA
CAGTCATGTTTGAGAAATACGGAGGACCTCTGAAGTGCTTGATTCTGTGA
ACTCACACTGCTGTAAGCAGACTTGT

>Sequence 1825

CCGGCCAGGTACACAATAGGATATGGGGATATACAATGAGGAATCAAACA
GAGAAGTAGCTCTGCTCTCAGAGAATTTATATTTTAGGGGGAGAAAGACAC
AAAATAATTAATAAATAAATAAATAAATAGTGCGTTATATGGGGGA
GAGTCTTTATAAGGGCAAAATTAAGGCATAAAACGGGAAAAAGGGGCGAG
TGGTGATGGTAATGAAATGCTGGTTGAGATTATTCAATTTTTAAATAAAA
GTCCATTTTTAGGAAAATGGGCTTCACCTGAAAAACTGTGCACCATTTTG
TATCCAAAATTATCCTAAAAATTCCGCTAGGGTTTAAAAGACCATACTTG
GCAATGTTCTCGGTGAAGCAATGTAAAAGGGCCTCCATTAAAAGGAGGGG
CAAATTTAAAATGTCCCAAAAGGCCCACTTTAAAAGGCCTGAAAAACC
AATAGACTTTTCCAACAATGAGATTTGGCAACTAAAAAAAATTCACAAA
ATATTGCCTTTTACATGTTCCCAAAACATTGTAACATAGCCAAT

>Sequence 1826

AGGTACGCCAAAGGATCCGATTTGCATAGCGGAGCTCCAGCTGTTGTGGG
AAGAGAGGACCAGCCGGCAACTTTTATCCAGCTCTAAACTTTATTTCTC

Table 3

338/1077

CCAGAAGACACTCCCCAGGGCCAGAAATAGCGACCATGGCGAGGATGAAG
TCATTGCTGTTTCCGAAAAGGTGATTGTGAAGCTTGAAGACCTGGTCAAG
TGGGTACGCGGGATACCAAGTTTATATAATTTGAAAAAAAAAAAAAAAAAA
AGTACCTGCCCC

>Sequence 1827

AGGTAAGTGGGGTGAGATGATCTGAAGGGTGTTCCTCAATGAGAATGACACA
AATACCAAGGACTGGAGAAGCCCTTGAACAATTGATAAAGCTTCCCACA
TTTTTTTTTTTGTAGATGGAGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGATGCAA
TCGCATGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGAATCAAGGAATT
CTCCTGCCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCTCCCACCACACC
TGGCTAATTTAGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGTCAG
GCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCTGCTTCCGCCTCCCA
AAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCTGGTCAATTTCCCACA
TTTTCTTAAGATTAATGTTTGGCCTACAAAAGCTCAACCCAAAGCTATCT
TATCAAGCTGGTATGGAATCTTTATTTTCAAGCAAGGTGATATCCCCAATAT
GTAATTCAACCTTTTGTATTATCCATAATTAGTACCTGCCGGTNGGGN
GTTCCCCGCCATTCTAGACCTTCGGATCTCGCGGATTGGGGTACTTCGT
GTCAATCCTTTACATGCTGTAGCCTCTGGGGAAGGCCCGTTTTCAGCCA
TTATTCCTTAATCGGGGGTTATTCGCGCCATTTCCGAATACTGCGGAAC
TTGTGTCAATTGGTAATTATTTGCGTTCCTGTTTCACTTAGTTTCACCC
GGGTCAATTAGGTAATCCCGTCGTCCTCTGGATAAACCATCTAATTCTGT
TTACTTCAATCTTCCTTCGCATCGCGTAACCTATGCG

>Sequence 1828

CACCCACATTATACTTTAATTTTCTTACTCATCCACGCATACCTTACTAT
TTTCGAGATATTCGGGTTTCTCTTTCTTCATCCTACACCGTCATATTT
CTCTTTCGGACNCNTNCTTTNTAACAAGCCTC

>Sequence 1829

CCGGGCAGGTACAGAGCAGAGAAAGCCTTAAACAGCAATAAAATGCAGAT
GCTGTTGTCCCTGAAAAAATCACTTTCTTTCTAGAACAGTCAAGGCTTAT
TTCACCTCAGCCCCTGGTTGTATGATACTAATACGCTCTGATACTCCAGG
GAAGCAACCAGTGACTGAGATTTGAGGATTAATAAAGCACAATGAAC
TATCATTTGGCTGCCCCAGGCCCACTAAATCCAGACAGCAAAGTGTCTC
ACCATTCTGAGACACCTTCGGCTACACATTTCTCCAGCCAAAAACCTAGG
AAGATGTCCGGCTGACAGATGCGCCTGTTACATGATTGAGAGAAGACAGT
T

>Sequence 1830

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACAGCACCATGCCCATCTAAGTTTTGTATTTATGTAGAGACAAAG
TTTCACCATGTTGCCCAGGCTGAATCTTGAGCCTCCCTGAGCCTTAAGTG
ATCTGCCCAACCCTTGAGACTCCCCAAAAACGCCTGGGAATTAATAGGCG
TAAACCATCCATGCCCTGGGCCTTAAATAAACCTTCTAGAGTCCAAA
CATCTTCTTTATTCACGTGAGAGCCTTTCTGGAGAAAACTTCCATCCAC
CGTGGGGTGCCTCTTCTTTTCGCTGAATGTGGTTTGTGGCCCCCAATA
GCCTTTGTTTCTCAACAAGAATAGACTTTAATTTGGCTAATGGAATAT
AATAACTTCAAAAGAAGCCTGCCTATTAATGTATTTACAATAACATTC

>Sequence 1831

AGGTAAGTCTCTATTTTTTTTTTTTCAATTTCTGGCATTTAAAAATGAAG
AAAAAGGAAAAAATTCAGGACAATTGACCCTTTGACCAAAATGCTAAGA
TGAAAATATAGACAATAGAAAGAAATCCCCAAATGATCAAGCTGTGAGAA
TTACCAAAGAAGGACTAAATAACAGCAATGATTGATGTTAATATTAACAA
GAAGATAGACAAAAAATGCATAAAAGATTGGATAATTCTGTGAGAGAATT
GGAATTTTAAAAAATCAAATAAAAAATTTTAGAAGTTAAAAACATAGTAAC
TAAAGTTAAAAACAAATGGGTTTATAGCATAATTGACATGCACCAACGG
TTAGTGAATTGGAAGACAGGTTAGTTAAAAAATTCAAATATATCCAAAA
TGAACACGACTGATAATTTTAGGATAAACAGGTACCCTACTT

Table 3

339/1077

>Sequence 1832

AGGTACTTTGGGAGGCCGAGACGGGCGGATCACGAGGTCAGGAGATCGAG
ACCATCCTGGCTAACACGGCGAAACCCTGTCTCTACTAAAAAAAATAAA
AAATAAAAAATAAAAAACATTTCTGGGCATGGCGGCGGAGGCCTGCAGTCC
CAGCTACTCTGGAGGCTGAGGCAGGAGAATCGCTTGAATTCGGGAGGCGG
AAGTTGCGGTGAGCCGAGATTGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGCGGCAA
AGCCAGACTCTGTCTCAAAAAAAAAAATGAACAGAAAAAGAAAAAGCCA
CTCCAGGCTCACTGCATCAGGATTTGCACTGCAACAGCATGCCAGGGCA
CAGTCATGTTTGAGAAATACGGAGGACCTCTGAAGTGCTTGATTCTGTGA
ACTCACACTGCTGTAAGCAGACTTGT

>Sequence 1833

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAATAGGAGATATGTGAGT
CTGTAGACCTAGGTTTTATTATACAAATATGCAGAACAAAATGTGTGTGT
CCATGTGAACTTTAAAAATTGTTATCTGTTTTTAATTGTATGCTCACAT
GCGGTTGTAAGTAATAATACAGGGAGGGTTTTGAGTATATCTCTTTGTT
TAGCCTTTTTGATGTTGCTAAATGAGTAAAGCTGTTTAAGTATTTAAGTC
CTTATTGATAAGGGAGCCGAGGTATTTCTAAGCATTACTGCATGCCCGCG
TACTTTTTTTT

>Sequence 1834

AGGTACAGTTGCCATGGCTGGGCCCTGTAGACAATTGCTAAGCCTTTCTG
GTGCCACTATCCTTGCCCATATCTTTTCATACTGCCTTCATACCATGGAT
CTGAACTTTGTCAAGAATACCAGGATTAACCCCTGCTTGCTGGATGTT
TTCCCACTTTCAGCTGCAAAACATCTACCTAGACCAGCTCTAACCTTGCAG
GCCTTGGAGAGTCACTGCAAAATATGCTGCCTGCAATCTGGCCATCTCATT
GTCTAGACATGACAGCAAAGACATATTGTTTCAATTGCATCTTTGGTTGA
ATTGTTATGCTAACAAACCTTTAGTTACTTTACCTCGTATCTTCATCTTG
GTCCTGCCACTTTAACACTTTAAACTCAGTTTTCTCTTTTAGAGTAAA
ATAATAATGGAATCTACCTCCTATGGCTATTTTG

>Sequence 1835

GCGTGCGTGCCCTGCCCGGGACTATTTTTATTGTTTTTTCTTTTCT
GAGCACACGAGGGTCTCCACATTTGCATCGTGTGCACCCCTACGGCTTGG
TATGTGGCACGTTGGGTAGCCAANTACCTTCGAGNCCTTCTACTTCGACA
CGGCGCCTGTCGTATCGCATCTTCGCTANGCGGCGTACTAGAAGGAAGAT
ATTTCTCGTTCTCCCAATCTGCTTTTCAAGTGGCCTCCCCACCAATAGG
TTAATTCCCTTGGCGTTGTATCCTTTTAAACATGTTGGCCTATCGAGCCTT
TTCTTTATCTCCAGCCAAGCCTTGTGTGGGAGCATAGANAATTNTNNTC
TTTATATTTAGACCCTTAATATTNTATATGGTAAATGCCCAAGAGAATTA
GCCGCGGGGCTCTNTTTATTTTACCTTTNANCCNAACTTTTGTGGNCC
CCGNCCNACAGCCGCCCGTTTGTAAATCTCCTTTCCCAAAACNAATCC
TTTTTTTTCGGTTGGTGGCCAAACCTTTNTCTACTACAGNNGTGGGGAAA
TTNGCNGCGTTTCTTNACATAGGNGCTACGGTTNGCNGCNAAGACCCCC
TTTTCGNCCTACCTGGGAATAAGGAATGTGGCACCAGTTGTGTGGTGTG
CAACATCCTTAAACCACAAAATTTGGTNGCTTTCTTTCTGGCGTTTGCGA
NAGGTGGTGAAAAANNAANNTTTAANTTGNNTNNTTNTATTNTTCNNC
CTGTGCCCTTATTCACAACCATTAAACACCATTTGTNTTTCTATTTNACA
ACACCTTTGTCTGAAATCCCTTCTTTGGAGGGGTGCTTG

>Sequence 1836

CCGGGAAGGACGCGGGGATTCCCAGGAGGCCTCAGACCCCGTCACCTGAG
ATGAGAGCTGGATCCCGGAGAAGCTCAGGTCTGACCCAGCATTCAATTGCT
GTAGGAAGGGCTCGTCTAGACTCCAAGGGAGCCGGGTGCGGTGGCTTAAA
CCTTCTTAAATTTTCTATAATTGCTGAGAAAACAAACATGGATCCCTGCT
CTCATACCCAAACTTTAATCATGAATATAATGCTTTTTATTGACTTTCTT
ATTTTTAAATAAAAACCTAACCTTGCTAAGTCTTTATTACCTGTCATAGA
TATATTAACAGGGACCCCTTGCCCTCTTCTAAAAAAATACTTCGATATT
TTCTTTCTGAAGCTGCCAATGAATTCTAATAATATTCTTTGTTTCAAT
CTAATATTTACCTTTTAACTCTCTGCTGTGAGTGCCTCCGATCCCCCA

Table 3

340/1077

TTTTATTTTTTTTAAATAAAAA

>Sequence 1837

CCGGGCAGGTACGCGGGGACGCGGAACCCGGCGGGCGGCACGATG
GTCATGGCGTATTTTCGTCGAGAATTTTTGGGGGAAAAAATAGTGGCTT
TGATGTCCTCTACCATAATATGAAACATGGACAGATATCAACAAAAGAAC
TAGCAGATTTTGTAAAGGGAACGAGCTACCATAGAGGAGGCATACTCCAGG
TCAATGACAAAACCTAGCAAAATCTGCAAGCAATTATTCACAACTTGGAAC
ATTTGCACCAGTATGGTGATGTATTCAAAACANTCTACANGAGAAATTAC
GCCAAATTGTCACTTTGGATCATTGTTAGAAAAATTACCAAGAATTAATA
AAAGGAAGTTTCAAC

>Sequence 1838

AGGTACAGCATCCTGGAGTGGTGTCAAGGGAAAGAAACATGCTGCTTCTG
CCACAGACGGACCATGCATGGGAAGAACTATTTGAGAATGGCTCTCCAA
GGGGCTGGTCGGCCTTGTCTGCCCACTCCCTCTACCTTTCTTTGTTCTGT
TTCTTTCTCTTCAGTGTGGTCCATTTTCCTTTTTTCACTGTTGCGTGTT
AGCACATCATTACTCTTATCTCCATATATTTGGATGTTTCTGCATTATG
GTGAGCTTCAGTAGGTCTTGGATGAGTTAGTTGTTCTCATTCCAAAATGT
AAATTTCTGGTGTTTAGTAGGTGCTCAGTAAAGCTTGAGAAAGATGAAAG
T

>Sequence 1839

CCGGGCAGGTACTTTAACAAGTAAACTAAGTTGGTTATAATGTGACAAA
AATACAAGCAATAATAATAGCAAAATTATCCAATAGGAACCATGCAGAGA
GTTTTATATTATAACTCATGTCCCTTTTCTGCAATGTTATTAACCTCTA
TCCCCATTTTCCACATCAAGGAAATTAAGTTTGGAGACACAGAGTGACTT
ACCTAAGTCACAGGTCTGGTAGGTGGAGAGTTTCTCTCACTCCAGGGACC
ACAATCTACAAAATAAACTTGCATATTCTACAAAATATTTGTTACCATTG
GAAGTAGGTAGGCAGAGTGTTACTAGCATTAAATTATGGCAGGAATAAAA
AGAAAGGGTGGTGGGCTGGTCTTGCTTCTGCAGTTTAAGGGGGATCCCTG
CGCCGN

>Sequence 1840

AGGTACGCGGGTGACTACCAGCATCCATACTAATCTGGGAGATCCAGGGA
TGTGCCTTGTTATGGAGGGGACTGTGACTCCTTTAAGACCTAGACCATCA
CTTGGGAGATTTGTTTGGTCTCTGGGTGGATTGTGGATGGTAGACAGAT
CACAGGCCAGCATGACCTGTCTTTGGCCTTGCTGGTTATAGAATCTCTAT
TCTGCAGAGCTAAGAGTGCAAACCTAGGACCAACATTACCAAGAGGACAGA
AGCTATCTGGGGATCCTGGCTGGCAGTGCTCAACTTACAGCTCAAGCCTG
TGATAACAGGAGAGGTGGAGTGTGTTTTGTGCTTCATTGTGCATGTGTTT
CAAGCAGAACTAGACTTGAGGGCTTAAATAGAAAACATCTCAAACAATC
CATGAAATGGTAAAT

>Sequence 1841

CCGGGCAGGTACTGGTGCTACACCATGCGCTCGTGGTTCCTGAGGGCACA
ATTCATTCAATTCGTGAAACAGGGCAAATTTGAGATTCAGACCTCCAAGGC
TCCAAGCTACATTGCTTTATTGGAGGCGGCCACTCCGGATGATCCCAATG
AGGAGCCGACTGCTCCTCAAGGCCCTTCTTTGTTTTAAACATCTTGGCAT
ATATGGCTTCTCTATTTTAGGAGCAGCTGAAGGTCCCACGTGCTCCTCAA
AAGAAATTAACCTCATCTCCAGGTTTGTCTGTATTTTCCTCAAAATCTTCT
TCACTATCCTCTCCTCCTCAGCAGCATCACACCTTCCTCTGCAGAAAT
TCTTTCTGCTG

>Sequence 1842

CCGGGCAGGTACTGCAATGGGCACTGAAGGAGACTGTGGAGGTCATTTAA
AAATAGTCCCTGAACCTCTCAAAGTGGGATTATAAGTGCAAAAACAGTGC
CCAGGATGAGTAGGAAAGCCACATTACAGATTGAAAGAAGGAAGAAGTTG
CATGCGATCTGGGGACAGGCAAATGTGCAGGGAGTAGGGGACATGGCAAT
GGACTACAGAATTAGGAATTTTGGTAGGTAGGAGTAGGTAGACATGGGAT
AATTGAAGAATTCCAGGTGGAAATAATAAAATATAAAAGAAATGGGAAAG
GAGGCATTTTGAGGGGAGAGTGAGTTGTTTGTCCACAGGGACTGG

Table 3

341/1077

>Sequence 1843

CACGCTGGTTTTGCATCTTCAGGAGACGCTCGTAGCCCTCGCGCTTCTCC
TCGGCCAGTTCGCGGAAGAAGTGGCTCACGCC

>Sequence 1844

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGAGAGGCTTG
GCAGCATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTCTGCTTCCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCCTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACAGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGTATCCTAATTCCTGACCCACTGTGAGCATTAAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTCAAAGAAACCTCTGCCAGAT

>Sequence 1845

CCGGGCAGGTACTCATACAATAAGACCCTATACAAGCATTTAAGTAACGA
TGCAATACAATATTTACCAAAGTACGACATGTCCATGTTATATTGCTAA
GCTACAAAAAAGTCAATATAATACATACTCTAAGATTCCCTTTTTAAAA
TAAATATAAACATGGCCCATATACAAAAGAATAGGAAGATAAATATATCA
CTGCATGGTATTATAGATTACTATTTTCTTCTTTTCATTTATGTATATCG
TCTCCATTTTACAGTGAATATATACCTATTAGTAAGAGAAAATCCAATG
AATATCTTTTTTCTTTTTTTTTGAGATGGAATCTCACTGGCTGCCCAGGC
TGGAGTTGCAGAGCCGTGATCTCAGCTCACTGCAGCCTCCACCTCCCAAG
TTCACGCGATTCTCCTGCCTA

>Sequence 1846

AGGTACATGACTCCAGGAAAGTGATTCTCACCCCTCTGAGCCCCAGTTCC
CCCACCTCTGGCAGGGAGATAAATAACCTAACTCACAAGGTTGTTGAGA
GGGTTGGAAACAAAGCCTGCAGAGAACCTAACACATGATATACGTTTAAAC
AAAGGGCATCCATCTAAGACATTCAACCAGCATCGGCATTTGCAACAAGT
CAACCTTTACTTTTCAGGATTTTCAATTTGGGGAAAAATTAACATTCAACA
GCATATTTTTGTATAGTGTTTAAAGAACATGAAGTTAGATTATTCAAACCT
CACCTTATAAGTTCTGTGCATTTTCTCTTTTATGTCTCTGCTCCCTCA
CTATAAAAGTAGAACAAGAGTGCTTACCTTGCATGGTTGTTGTGCATGTG
AA

>Sequence 1847

CCGGGCAGGTACATTTTGGATTAGAATTGAAGTATCAGTCTGTTGTTTCT
TCATTTCTTCTTTTTCTATGCTCTGTTTACAATTTAGCTACTCCAGAAG
CTCAGATTTTCCCTATTCCAAGCTATGAGATGTGATGCCACATTGGAAT
TGCTTCTTGATATCCCTTCTGAGAATGCATTGCCTGCTTTTTAACTCA
TTATATTCAAACTAAGTTCATCATCATTTCTCTCTTACACCAGTTCTGA
CCCTGACTTTGCCATTTTCTTACTAAGTACGCGGGGGTTTTTTTTCTT
GCTGCAGCAACGCGAGTGGGAGCACCAGGATCTGGGGCTCGGGACGAGAC
TGCACGGATTGTTTTAAGAAAATGGCATACAAACCAGACATGGGGGAAAT
CGCCCGCTTC

>Sequence 1848

GCAGGTATTCCTCGACGATCACGCGCCGGCCATGCTTGCGCGCGAACTCG
AAGGCGCGGCCACGGCGTCAGGGGAGACGCAGTCGACGGTCACGCCCTT
GCCCTGGTTGGCGTCCAGCGGCTTGATCGCCACCGGC

>Sequence 1849

AGGTACTTGAAAAGAAGCCCGGCCTCTGAGCAGTCACTCATTCTGGTAA
AGCCCCCTCGAAGTCTGCAGACTTCATGGCTGGCAGAAAGTCACAACTGGT
GTTTTGCTGTGTGCTAGTGGCCTGGGAGAAAACCAGCAGCTGATGAGGCTGG
AGACCACTACATAAGATGCTATCATCATCCCCGACATGGCGAGTGATACG
AAGCCCAAACCACAGAGGATGCAGAGCAGTGAGAAGCCACCCACAGAGAT
GACCAATCCTTCCAATATTATGACCCCCAGCAGAGCAGCCAGGGTGGTAA
GCACCACGATGAGCAGGAAGAATCCAACAGGAA

>Sequence 1850

AGGTACTTTTGCTTGGATTCTTTAAGAGGGTGGGGGTCGGGGGAGGCTTG

Table 3

342/1077

GCAACATAAAGGCAGGCCGCTCTGGGCTGACCGTGCTCCTGACCTGGATG
CAGAACTGTGGAAGTTGCCCTCCTTGTCTGCTTCCTGCTCCCTCTTTTA
GCCCCGTGTGTCCAGGGGAGAGGATGGGTGTTCCGGGAGCACAAGGCCATG
GCACAGCCAGCAGCCTTCTGGCAGTTCCTGAAGGACAGCAAGTTTGACAG
AGATATTACCCCAGCTGGGGCTAGAGCAGAGGAACCGTTGGTTGTGTGCT
GCCATTTGACAGGATTCTAATTCCTGGCCCACTGTGAGCATTAAACAGCCC
AAATACATATCTTCTAGACAGTCTGGTGCTCAAAGAAACCTTTGCCCGAT
TCACTCCAAGAAAAAAGTGTGGGTGTTGT

>Sequence 1851

CCGGGCAGGTACCTAATAAATATTTTTGGCATATGTGAATGAATGAGTGA
GTGAATAAATAATCAGATTAGTTGATGAAAGATTCTAAGGGAAGATTAGG
TAATGTGATTATAAGAGAAAGATCCTGAAGAATGCTTGGAATGGATCCT
TTACTCATACATGAATTTTGTTCATCAACCTTATATTGTAGGGATCACAG
TTCATTTTGGTAAAAATATTGGGTCCATTGAAAAATTTATTACAATTTT
TTCCAAAATGGATGTACAATCACTTCCATTTATTACAGGGTGTTCAAAA
GTTTAGCTCTTTTCATGGACTTATTCAACCAACTTGAATTCTTCATCCAT
GGGAAGGTTTTTAAAGTAATTGGGATATGCTATTAAGCCTCAACATATG
TGCAAGTTCCTAAGATATGTGTCAAGCCGGTGGGATTTGAAAAAAGTGGT
TTCTTG

>Sequence 1852

AGGTACGCGGGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCTTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAACTGCTTCCTTGGAGATATTTAA
ACATAAATATATACAGAGAGGGTGAAGATGGAGGAGTGCTTTTTACAGTT
CACAGTTGTCTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGTGTGTGGCCAGGT
GGAGTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTCCCCGGGT
CAATCGATCCCCACCTCAGCCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCAC
ACCACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCAC
CATGTTGTCCAGGTGGTCTTGAACCTCTGGGCTCAATTGGTCCTAGCAC
CTCAGCCTTCT

>Sequence 1853

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTAAATACTTAGTATATAGACTGGGGCTGGGC
GCGGTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGCC
GATCACTTGAGGTCAGGAGTTAGAGACCAGCCTGGCCAACATGGCGAAAC
CCCCGTCTTTACTAAAAATAGAGACACGTCAGTCACTCCAGCCTGGGTG
ACAGAGTGAGACTCCATCTCAAATAAATAAATACTTAGTGTATGATAAAA
GCTAGAATAAACATACTGTTTTAAGTAGAATTCTGAAACAACCTCAAATT
CAATTAACATACATCAATTGACAGTTAAGCAAGCTAAGCTTAAGCAAGT
TAACTTGTTTTGCCATTTCTATCAACCTAAGAAATAGGGAATTTTACAAG
ACAGTAAACTATGTAAAAATATGGAGTTG

>Sequence 1854

AGGTACAGTAGTGCACTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCGGGGCTC
AAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGGCACACA
GCACCATGCCATCTAAGTTTTTGTATTTTATGTAGAGACAAGGTTTCAC
CATGTTGCCCAGGCTGATCTTGAGCTCCTGAGCTCAAGTGATCTGCCCAC
CTTGGACTCCCCAAAATGCTGGGATTATAGCGTAAACCACCATGCCTGGC
CTTAAATCAACTTTAGAGTCAACATCTCTTATCACTGGAGCTTCTGGAGA
AACTCCATCACGTGG

>Sequence 1855

CCGGGCAGGTACTAGATTCCAGTTCCCCCTCTCACAGCTCCCCTAGGTTT
CTGCTCGTAAGATGACAAAGTTGTGACTGTATGCTGACATGATTATTTTA
TTAATGATTGCTGCTCAGCTGAACTGTCAGCTCTGAAAGAACAGTGACAT
GTGGTCTTTCCATTGTATCATCTTCACTGAAAGGAAATAAATAAACAAAT
GAAGAGTTCTAATATATTTGGCTTAAATCATATTACTTCAGGCCAGGCA
CGGTGGCTCATGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGTGG
ATCGTCTGAGGTCAGAAGTTTCGAGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACC
CTGTCTCTATTAATAACAAAAT

Table 3

343/1077

>Sequence 1856

CCGGGCAGGTACTCTATTTTCAGATTTCTCAAAGCTGGGCAGTTGTTAGC
GAGAATGACCAATTTTCGCTTTGCCTTGTCTGATCATCTTCAGAGTCTGCT
TGTACCACTGCGAGGCGACTGTTTATACATGAAAGCATCCATGATGAGGT
TGTAACAGACTTAAAAAGGCCTATGCACAGATCCGAGTTGGGAACCCAT
GGGACCCTAATGTTCTCTATGGGCCACTCCACACCAAGCAGGCAGTGAGC
ATGTTTCTTGGAGCAGTGGAAGAAGCAAAGAAAGAAGGTGGCACAGTGGT
CTATGGGGGCAAGGTTATGGATCGCCCTGGAAATTATGTAGAACCGACAA
TTGTGACAGGTCTTGGCCACGATGCGTCCATTGCACACACAGAGACTTTT
GCTCCGATTCTCTATGTCTTTAAATTCAAGAATGAAGAAGAGGTCTTTGC
ATGGAATAATGAAGTAAAACAGGGACTTTCAAGTAGCATCTTTACCAAAG
ATCTGGGCAGAATCTTTTCGCTGGCTTGGACCTAAAGGATCAGACTGTGGC
ATTGTAATGTCAACATTCCAACAAGTGGGGCTGAAATTGGAGGTGCCTT
TGGAGGAGAAAAGCCCACTGGTGGTGGCAGGGAGTCTGGCAGTGATGCCT
GGAAACAGTACCT

>Sequence 1857

CCGGGCAGGTACGGGGGAGGGTAGAGTGAGAAGCACCAGCAGGCAGTAAC
AGCCAAACCTTAGCCATTGCTAAGGGCAGAGAACTGGTGGAGCCTTTCTC
TTACTCCCAGGACTTCAGCACCTAAGACAGCTTCAAACAAACCAGAACAA
GTTATGTTTCTGGGGAGCACGACTGGGTGAGAGGCACATAAATGGACAC
CATAAATAAGGCCAGCTCCTTGTGCTCCTGACTCTTCTCAGTGCGCTTT
TTTTACAGACTTTGGCATGGCCTTTTTACAGGGCACCTTCTGCTCTCAGG
TTGGGTGACAGAATACCCTTTGAGGGAGCAAATGAACCTGATCAAGTTTC
ATTAAGAAGACATTGACATGTTGCAAAATGCATTATCTGAAAATGACA
CACCCTATTATGATGTATCCAGAAATG

>Sequence 1858

CCGGGCAGGTACAGTAGTGCCTCTTGGCTCACTGTAGCCTCGACCTCCG
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCTTAGCCCCACAAGTAGTGGGACTATAGG
CACACACCACCATGCCCATCTAAGTTTTTTGATTTTATGTAGAGACAAGG
TTTCAACCATGTTTGCCCAGGCCTGATCCTTTGACACTCCTGAGCCTCAA
AGTGAATCTGACCCACCTTCGGAACCTCCTCAAAAATTGCTGGGAATTTAT
TAGGGCGNNTAAACCCAACCATTTGCCCTGGGCCTTTAAAATTCAACCTT
TTAAGAAGTCAAACCATCTTCTTTATCAACTTGGGAGTCTTTCTTGGGAG
GAAAACCTCCCATCCACCGTTGGTTGGCTACTCTTTTTTCTGGATGGTG
TTGGTGCCCCAAAATTATGCTTTGTTTCTTCATCAAGAATTGACTTTAAT
TTTGGCTAATGAATTATT

>Sequence 1859

AGGTACTTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGTAGAGACGGGGTTTCACT
GTGTTAACCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATCCGCCCCGCCTC
GGCCTCCCAAAGTGCTGGGACTACAGGCGTGAGCCACCACGCCCCGCCCA
AAAGCATTTACTGTAAAGGCTGCCTCATTTTTTCAGCTTTGTTGTAGTTGA
GATTCTGATGTTACCTAACAAAGTCCCTGACAAAACAGACTTCCTTCAA
TCCAGGTCATAATTGAAACGTTATACAATAATGAGATTTAAGTGATGAA
TGGAAGAAAAGAAGGAGACTGAAAAGATATCAGAAATTTCTATTTGTTT
TTAGATTGAGAAAAATATAATTACAGGCCAACT

>Sequence 1860

AGGTACGCGGGGAGGGTAGAGTGAGAAGCACCAGCAGGCAGTAACAGCCA
ACCCTTGGCCATTGCTAAGGGCAGAGAACTGGTGGAGCCTTTCTCTTACT
CCCAGGACTTCAGCACCTAAGACAGCTCCAAAACATACCAGAACAGTCAG
CTTCCGGGGAGCACAACTGGGCGAGAGGCACAAAAATGGACACCACAAAT
AAGGCCAGCTCCTTGTGCTCCTGACTCTTCTCAGTGTGCTCTTCTTACA
TACTTCGGCATGGCCTCTTACAGGGCACCTTCTGCTCTCAGGTGGGTG
ACAGAATACCCTTTGAGGGAGCAAATGAACCTGATCAAGTTTCATTAATA
GAAGACATTGACATGTTGCAAAATGCATTAGCTGAAAATGACACACCCTA
TTATGATGTATCCAGAAATGCCAGGCATG

>Sequence 1861

Table 3

344/1077

GGGACCCGAGCCGAAAAGTTATCGTCAGAATGTCGGGCAAAGACCGAATT
GAAATCTTTCCCTCGCGAATGGCACAGACCATCATGAAGGCTCGTTTAAA
GGGAGCACAGACAGGTGCAAACTCTGAAGAAAAAATCTGATGCCTTAAC
TCTTCGATTTCGACAGATCCTAAAGAAGATAATAGAGACTAAAATGTTGA
TGGGCGAAGTGATGAGAGAAGCTGCCTTTTCACTAGCTGAAGCCAAGTTC
ACAGCAGGTGACTTCAGCACTACAGTTATCCAAAATGTCAATAAAGCGCA
AGTGAAGATTTCGAGCGAAGAAAGATAATGTAGCAGGTGTTACTTTGCCAG
TATTTGAACATTACCATGAAGGAAGTACAGTTATGAAGTACTGGTTTA
GCCAGAGGTGGGGAACAGTTGGCTAAATTAAAGAGGAATTATGCCAAAGC
AGTGGAACTACTGGTGGAAGTACTTCTCTGCAGACTTCTTTTGTACTT
TGGATGAAGCTATTAAGATAACCAACAGGCGTGTAATGCCATTGAACAT
GTCATCATTCCCCGGATTGAACGTACCT

>Sequence 1862

CTTTATCGACTACTATAGGGTGACTTGGGGCGACATCGCAGCTGCACCGC
GGTGTACGCGGATTACACGGAAGGTGGTCTCTAGCTGGGCCTTAAAGA
TAAGAAAGACTTGTTCAACAAGGAAAAGGATTTTCCAAGGAGTGGGAATG
GCCTAGGTAAAAGTGCAGAGGTGGCTGGGCTACTTGAAGGGAACAGCANG
AAGCTGGTGGGGCTAGAGCTCANGCAGGAGCAAAAGTGAGGAAAAGGGTG
AGCACACGTGGCAGGTGGTGTGGGCCAGCTTCCAGCAGCTTTGGCTGCTA
AGGGGCCGGGACTCTATTCAATTGGGCGGTGGGGATGCTTATAGGTGCCCA
AGAAGTGCAACAATGCTGCCTGTCTGTTTGGGAAGCCTCTGGCCATTACA
ACAACAGCCATGCAGGAAGCTGAAGAGCCAGGTGGCAACATGAAGTGAGG
GTTCAAAAAGTGCCCATGGAGGCATGGAGGAAGACACGTATTCAGCAGAT
G

>Sequence 1863

CCGGGCAGGTACGCGGTCTGAACAAAATAGATGATTTGATGCAAGAGAT
CACAGCAACAGGATATCGCCCAAGAAATCTCAGAAGCATTTTCTCAAC
GGGTTGGCTTTGGTGATGACTTTGATGAGGATGAGTTGATGGCAGAAGTT
GAAGAATTGGAACAGGAGGAATTAAATAAGAAGATGACAAATATCCGCCT
TCCAAATGTGCCTTCTCTTCTCTCCCAGCACAGCCAAATAGAAAACCAG
GCATGTCGTCCACTGCACGTGATCCCGAGCAGCATCTTCCCAGAGGGCA
GAAGAAGAGGATGATGATATCAACAATTGGCAGCTTGGGCTACCTAAAC
TAAACACATTTTGTATACCTAAATTAATGAGCTATAGATAAAATATAAA
AAATGTTTTTACCAAGTTCAGAAGTTAACAAGACTCT

>Sequence 1864

CCGGGCAGGTACTCCCAAGGGAACGCTGTCCACCTCTATGAACTTCTGAA
GAAAATGACTGGCAAACTGAACCCAAGGTTGTTATTTTGGTGACAGCA
TGCATTACAGATATTTTCCCAGCTCGTCACTATAGTAATTGGGAGACAGTC
CTCATCTGGAAGAACTCAGAGGGGATGAAGGCACGAGGAGTCAGGGGCC
TGAGGAGTCAGAGCCTCTAGAGAAGAAAGGAAAATATGAGGGACCAAAAG
CAAAACCTTTAAATACTTCATCTAAAAAATGGGGCTCTTTTTTTATTGAT
TCAGTTTTGGGACTGGAAAATACAGAAGACCCCTTGGTTTATACATGGTC
TTGTAAGAGAATCAGTACCT

>Sequence 1865

AGGTACGCGGTGGAAACAAATCAAATGTTTGTCTCAAATTCTTACTCTG
TCATTTATTATTCTCCATGTTTTTGTAACTGCTTCTTGGAGATATTTAA
ACATAAATATATACAGAGGGTGAAGATGGAGGAGGCTTTTTACAGTAC
AGTTGTCTTTTTCATGTGTGACAGGTTTTTGTGTGTTGCCAGGCTGGA
GTGCAATGCCACAATCTTGGCTCACTGCAGCCTCAACTTCCCGGGCTCAA
TCGATCCCCCACCTCAGCCTCCCGAGTAGCAAGGACTACAGGCGCACACC
ACCACACCTAGCTAATTTTTGTATCTTTTGTAGAGACAGGGTTTCACCAT
GTTGTCCAGGCTGGTCTTGAAGTCTTGGGCTCAATTGGTCCTAGCACCTC
AGCCTCCTAGGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCGCTGTGTTACGCCAAT
ACTTCTTAACGTTTTACTTTTCACTTTTAAAAATTAAGTCTTTTTATGAA
AAAAGTAGAATTTTTTAAAGAGCAGAGAAAAGCACAATGAAGACAGAAAG
ATCACTTGTATATTCTTAATGACCAAGATGATCTATTTGGGGGTAAATC

Table 3

345/1077

TTTTTTTTTGAAGAAGGGAGTTTTGCTTATGGTGGCCAGGCTGGAATGCAA
GGGACCATCTTCGGTTAACGGAACCTCTGGCTTCCAAGGTTAACCATTTT
TCTGGCTCAGCCTTCTGAGAGCTGGGAATCAAGCATGCACAACACCCCCG
GTAATTTGGATTTTAAATGAGACAGGGTTTTTCATGTTGGGGCTGGCTTT
GAACTCAAAACCTAAGGAATTTACTGCCTTGCTCCAAAGTGCTGGGTTT
AGGGCGGG

>Sequence 1866

GTNTATCACGCCGTATACGACTACTATAGGGCAATTGAGCTCACCGCGGG
GGCGGCCGAGGTCCAATTGGTGGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTT
AGAGTGACATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGG
AATTCCAACATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAA
CAGAAACAGAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTGGAAGAAAACGATGCC
ATAGAGGCCAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGT
TTTGAATGCTATGAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTG
ATAACAGAGGTCAGTATGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGG
GATTATATACCTCCCTGGATTCAACTGAGGTAAGGAAGGCATACAGAATA
GAGACAGGCACTATAA

>Sequence 1867

ACGTACCGGTGCGCGTTATGGGGAGGCTGCAGGGTTTTCGTGATTGACT
ATACCATTCCATGCTTGTGGGTCACTGGAGAACGCACCAACAGGCCCCAG
CTGTGAGGGTCTCCTGCCACCACCAGCTGCCCTGCTGGATCACCTGTTT
CCTTTACTTCCATCATCCCTGCTATAGCTACCATACTCTTACGCTTCATG
CAGTGGCCAGCCTCATCGATGAATATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAAA
CTGGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGACGGTGGTAATTAAGACCC
CGTATTCCTGCA

>Sequence 1868

CCGGGCAGGTTCCGCCGGGCTTTAACCCCTTTCCTTGAAATTTGGAAGGGA
CCTGGAAAAAAGAGAGGGGGGAAAGACTGCCAAAGAGGAAAAGAAAAGAA
AAGGAAGAAAACATTAGAAAAGAAAAGGAAGGAAAACGGTATAAAGAGAG
ATCAATTACCCACCTTAAATAGCTAGATTGGGGGGGGAGGGGGGTTGGA
AAATAAAGCTGTGAGGGTGTGCCCCATCACGGCTGCTTTAGAAAGGGTTT
ATTCAATCTATCCCGTTTGGCTTATGGTGTAATAAATGAAAATGGTTTACT
TTATCGCCCTTTTTTTTTTGGAAACCCCTTTTGTGGCCCATCAGAGCCCAAG
TTGTAGGTAAGCAAATCTCACATGCGCATTGCTGTAACCCCTCCTTAGGGA
AGTAAATTATGGATCTCTAAATGGTCCCATGTTAATCCCGCTTTGCCTTT
TTTCGCCCCCGGTAGGGCCCCCAAGGTGCCCTAAACTTTGG

>Sequence 1869

CCGGGCAGGTAAGTACGCGGGGAGAGAGATGAGGGCAGGGACCACTCTGCAA
GACGAGCCAGGGCGCAGCAGCGAGCCCCCTCCTAGTCCTTCTCTTCTCC
GTGGGTGATGATGTGCACCAGGTTCTTGTAGTCCAAGTTGCCAGTCACGT
CAGGGGGGAAGGCGGCGAACATCTGGTCAACCTCCTCCTTGAAAAACCTC
TCCGCCTGCGTGGTCAGCATTTCGCGAACGTAATCAGCCTTCAGCACCCC
TTTGCCTTCAGGGTCAAACACTTTGAATGCGTTGAGAATGGTTTCCTCAG
GGTCCGCTCCCTTAAGTTTCTCCCCAACATTGTGAGGAACACAGTAAAG
TTAATTGGACCCGGAGCCTCCTTGATCATTTTCATCAATTTCTTCATTTT
CACGTTCACTCGCCCAAGGGCAGCAAAGGTGTCTCTCAGATCGTTCTTGT
CGATGAAGCCATCCCTGTTCTGGTCCATGATAGTGAAGGCCCTCCTTAAAT
TCCTGGATTGCGGTCTGTTTCGAACATGGAGAACACGTTGGAGTTGGCGCC
CCCGGCTCTCTTCTTTGCTTTCTTAGGTGCCATGGTGGAAGGACCCAGC
ACTGCCTCCCGAGAAGAATTNCACACTCCGGCCCCCGCGTACCTT

>Sequence 1870

AGGTACAGTGGCACACACCTGTAGTCCAGCTACTTGGGAGGCTGAGGTG
GGAGGAAGGCTTGAGCCCAGGAGTTTGTAGTCCAGGCTGGGCAAGATAGCG
AGACCTCATCTCTAAAAAATAAAAATAAAAATAAATAAATAAATAAACA
AGCCTTTTAATAGTCTGGATCATATAGAAGATTAATATTATGATGGATTG
CACATTAATGTCTCAAAGGACACCCCCCGCCAAAATCACCTACTAAAAA

Table 3

346/1077

TCACACTGGGTTTCTAATCTTGGGGTTTAGAAATTTTCTTCTTATGCTTT
AAAAACTCATTTCCTTTATCCTCTGATTTTTTGGGAAGACAGAGG
GTGCTTCTTCTGGACTCTTGAGTCCTGGACACTAAATTCCTCCCTCAGT
TCTAGTGCCAGGCTAAGCAGAGACACTAAATCCCTTACTTCCTCTC

>Sequence 1871

CCGGGCAGGTACAGGGAGTTGTAGGTGAGCAGCCGCTCCAGCAGTGAGTA
TCCCAGTCCATGCTTCTGGGTGAGTGGAGAACGCAGCACAGGCCCCAGCT
GCCGAGGGTCTCCTGCCAGCACCAGCTGCCCTCCTGGATCACCTGTTTCC
TTTACTTCCATCAGCCCTGCTATAGCTACCAGACTCTCAGGCTCCATGCA
GTGGCCAGCCTCATCGATGAAGATGTGTGTGAAGTGATCAATGGGAACT
GGGCCGAGACCAACCTGCCGGCAGTGATGAGGGTGGTAATTAAGACCCGG
TATTCCTGC

>Sequence 1872

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTGGTCTTGATCCATGTGGCCCATTAGACTCT
ACATTAATTTTTTATTTTCCACTTCTTGAATATACAATGATATATCAAGAT
CGAGTGTTGGAGAGTAATTAGTATTGCTTCTAATTCTAAGGGATACAGAG
GCTGACAGATAACCCCTTCTATATCTGAAGTTCATAGCGGCTTTGTCTA
TAGCGTCTTGCTGCTAATGTTGCATAGCAAATGTCTAACAAAATATCCCA
AACTTCCAAACACACTAGGAAAGATTAAAGGCCTTTGTAAGTAGAGTTGC
ATTCTGGGTAATGAGAACTGTGAGGCCAATGGCTTTTAAAATATGATTG
TGAGATTACTGAGGGTGTGACTTATAGACCGCTGAACGACTTGTCAAGCT
TGAGAATTTTTTCCATTGACTATTCAAATGTCCAATAT

>Sequence 1873

CCGGGCAGGTACGTTTGCTCATACACGCACATCCAAAAGCCTGTGCCTCA
TTCCTGGCCATGGGTGAGGACTTGGTCTGTACGGCTGATGAGGACTCCC
ACAACCGGCCAAGTTATGTCTTATTATACACCCCAAGAGAGAAAGC
TGCCTTCTGGAGGACTGATTCCACATGCTATATTGAGCTGAGTTGATTTT
TGTGTCTATTTCAACCCATAACCTGAAGAATGATCACCTTATTCCTTATT
CATTAAATTTCTTGATTAATAGGGAACTTGGGAATAGCTATAAAGTAAA
ACTTGGGTGGAACCTGNGGCCCTGGCATCACACAAGTGTGATTAGGATGG
TCAAGGTCATCAGGAGTACCT

>Sequence 1874

AGCGCTATACATATACTACTATAGGGTCGAGCGGCCGCCCCGGGCAGG
TACGCGCGGGTTACATTGAATGTCAATGTTATTTGTTCTGCACGTAAAC
TTTGTTCCTTCTGAAAAAATAACATGTAAGTCATTAAGTTATCTAAAAA
CACAAAAAGTAATTAGTTGAAATTCTAAATTACCAGATGAAATAATGTTT
TATTGCTACATAATCAATGTAGCAATATCATTGTGAAAAATTCAGTAA
AAGTTTTTGAGCTGCAATTTAAAGCACAAATTAATTAGCAGTCAAGACAAT
ATGATAAACTTAGCCAATGAAGGTAATCATTATGAGACTTTGGTTATGG
CTTTTTTAACTTAGGCCTTAGATTCTCAAATATGAAATAAATGTTTTT
CTTCATGATATTGAGATTATTTCCAGCTATGTCTTTC

>Sequence 1875

AGGTACCCAAACCCTCCAATCCCCAACGCGGTCTCAAGTTCAGACTGGGC
TCCAGCTTCTGTCCACAGCCACCCCAATTTCTTTTTGTATTTGTCTG
CCAACTTCAGAAGAACTTCCAGATAAGAATTTCTGCCTGCAGCTCCAGTA
TCAAGGATATGGGGCAGCACGCCACAACACAGAGCTGGTGCTCCTCACA
CGTCCTCTTGGCAATGTCCTCGTTGATAATCTCAAGCAGCTCAGGAGGTG
GGGCGTTATCCCCCGCGTACCTGCCCC

>Sequence 1876

AGGTACCAAGAGGAAGACAGTTGTCCCTGGTTTCAAGCTATCATTCAAAA
CTTTGGGATTTCAGGACTCCTCTGAATCAAAAATCATGGAATTCTAGATAC
AGAGGAATACAGATAGGTTATCTAATTCAAATCACTCAATTTACAGATGA
AAAACCTGGATACCTTGAATGAATTCAGTCAACTAAATATGTTTGACTTG
TTAGAAAAACCCAAAAAAGTTCTTTAATTACAGTCCATATGTTAGTTTT
TCTTCTCCAATGTTTGTCAATTAATTAAGTGTGAATCAGTAAGACTA
GCATGTCACAATGATGTAATTTCTTTCTTAATATGCCGTTGATGTTGAA

Table 3

347/1077

CTTTTTTCTTTCCAGGAAGAGAGTTCTCAACCAAGAAATGTAACTTTT
GTCAACAGCTTCCATATTTGAACTTCTCT

>Sequence 1877

CCGGGCAGGTACTCCAGGAGGCCCGTGTATTTAATGAACTCCCATCAAC
CCTCGGAAATGTGCCACATCCTCACCAAGATTCTTTATCTCATAAACCA
GGGGGAGCACCTGGGGACCACGGAAGCGACCGAGGCCTTCTTTGCCATGA
CCAAGCTCTTTCAGTCCAATGATCCACACTCCGTCGGATGTGCTACTTG
ACCATCAAGGAGATGTCTTACATTGCAGAGGATGTCATCATTGTCACCAG
CAGCCTAACAAAAGGCATGACTGGGAAAGAAGACAACCTACCGGGCC

>Sequence 1878

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTGAGTCTTTCAAGTTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTACCTCGATATGTATAATAAATTTTAAAAACCACTTA
TGATTTCTCTCTCTAAATTTTTTAAATTCTTCACT

>Sequence 1879

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCTTGGCATTAGCTA
CGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATGTG
GGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCTCTTT
CTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAAG
CCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCTG
CCAAACATACACCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAC

>Sequence 1880

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGCTAG
TCGGCGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGC
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCGAGAATCCGAAGTTCCAGACAAATGCCCAAACCTACATTCC
TGATGTTTCGAAAGCGTAAATTGCAAAGCACAAATCCAGTTGTAGATTGT
GGCCGGGAGCAGTGGCTCACGCCTT

>Sequence 1881

TGGGTGATATCCCCGCGCTCTTACCCTCACTAAGGGATCAATGCTAGGTC
CCCGGCCCCCCCCCTCAAAGTCCTTCTAGAATTATTTAACGCGGGGGTTT
TAAAAAAGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTA
CCCTTTTTTGAAAGACAAATCTCCTTCCCCCTCCCTGTCTCCTTCCTTCT
ACATTTCCCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTG
CCTCTGTGGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAA
GCTGCATCATTGCATGACTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCA
GCTCCCTTCTGCTGGTGAATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGA
CGGCTGCTCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCAGGCAGGAAGAAGAG
GAAG

>Sequence 1882

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTACCCGCGCTTTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGCGCGTCTTTGAATTTTTTTAACTGAAGTTTAATTG
CCTTTGAGTTTGATCATTCACTATTTGGCATTTGTATTTCTTTTGTTAAT
TATCTGCTCAAGCTCTAATTTTATAATGGAAATTTAATGGATTAAACATAT
AACACCCACTATACCCGCGCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1883

Table 3

348/1077

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGCGACGGGGTCTTCCTAT
GTTGCCCAGACTGGTCTTGAACCTCTGGGCTCAAGCGATCCTCCCATGTT
GGTCTCCCAAATGCTGGGATTACANGGCGTGAGCCACCATTGCCCAGNC
CAGATGTAACATATTTTTAAAGTCAGTCCGTAGGGTTGAATTTACCTGTC
ATTTCTAATTTGTCGACATTA AAAACATCCTAGATGTGTTTCTTGGCACA
CTTGCCCTGATCGTTTCCATAAGGTCAGTTCCTAAAAATGGAATCATTGTG
CCAGGGTTTGTACATTTAAATATTGATCCATTTTGCCAGACTGCCATCC
AGCAGGGCTCTAGCAATTTACACATTTAAGGAGGCACTTACCCTCATATG
CCCACTTTGTACTTACATGGCCCTGAGAGTGACAGCCTCCTTAAATTTTG
CATCCTTCCTTCTCCCCATCTTACTCCAAGCCCTGCTAAGGAAATGGCAA
AGTTTCATGTCCACTGGGCTTTGNATTAATTTCTTTGAAAGTGCCTATTC
TTTTTCCCCATCCCGCCTTAATTAATTTAGAAGTACT

>Sequence 1884

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTCACTCTTCAAGTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCTTTTGAGTTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATTTTAAAAACCACTTA
TGATT

>Sequence 1885

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGTGGAGTCTTGCTCTGTCACCAGG
CTGGAGTGCAGTGGTGCAATCTTGCTCACTGCAACCTTCCCCTCCTGGC
TGAGTTAACTTAGGAGAGCTTCCTGGAGAGGGCACCTTTGAAGATAGGAA
GGATTTTCATGAAGTCTTTACTAGGCCACTAGAGTAGAAGCAGTGGGAGAC
TTCCTGGAGAAGAGCTCATGGAAAGAAAAACCTACCGCTGGCCCTTTGGG
AACTGCTTTGGGCCTCTTTAGTCCTAGGCTCACACGCCCTTAGAAACAA
AGTAAGAATAAAGCCAGGGATAATACAGTGAGTGGCCAAGAACACAGACT
CTGGAGCCAGACTACCTGGGTTTGAATCCAGTTACCAGCCATGTGACTT
TGATCAAGTTGCTTAACCTTTGTGTGCTTCAGTTTCCTCATCTGTAAAAT
AAGGGGATGGTAATTGTGACTTCCCAGAACTATGGTGGAGAGCAAATGGG
TTAAGAGTGTGCCGCTGTAAACTGTAAAGTGCTGGGCTTTCATTGGGAAG
TATTACCTTTCATTGCTTGAATTGAGACTGGTTGCTGGGGCAGTTTGAAG
AGGGAGTTAAAGAAATGGAATCATTGTGCAACTTAGGAATCCCTGGGGA
CCTGGCCGAGTTGCAACCCCCAGAGCAATTCCTCAGGCCTGGATGTATGG
CGACCGGACCCTCAGTGTGCCCTGGGGCCCTTGTGACCTGGCCTTTGGG
CCAAGAGACCCCTTTTCCAACACTTCCCTTTGACTTCCAGGCCAAAGAGG
GTTCCGGGAGGGGAACAGGCCTTTCTGGTCACCCTGGAACCCCAAGTGA
TGTCGGCCAACCTGCCTCG

>Sequence 1886

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
LACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAACCTC

>Sequence 1887

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAGTCTTGGTCTGTCGCCCAGGCTGGA
GTGCAATGGTGCAGTCTCAGCTCACTGAAACCTCTGCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCCTGCCTCAGCCTACCGAGTAGCTGGGATTACAGGGGCCTAC
CACCATGCCTGGCTAATGTTTGTATTTTGTAGTAGAGATGGGGCTTCACCA
TGTTGGCCATGCTGGTCTCGAAGTGCTGACCTCGTGATCTGTCCGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACTGCTCCCGGCCACA

Table 3

349/1077

ATCTACAACCTGGATTTGTGCTTTGCAATTTACGCTTTCGAACATGCAGGA
ATGTAGTTTGGGCATTTGTCTGGAACCTTCGGATTCTCGGGACTCCAGGGT
GGCCAAGGCGCGGAGGTGACTCAATGACATTGACCGGCTGGATGCACGT
GGGTTGCTGAGCCGATGCTGGGAAAGGACGGGGTTTGCCCGGTGCAAGCC
GCCGGAACCTACGCACGCCCCGTGTCTCTCTCATTCTGGGGGCGGCTTTG
GCCGGTGGCCTCCAGCTTAGCTAGCGAGCGGACCAACAGACCGCCACTAG
CCCTTACAGAACCTAT

>Sequence 1888

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGTGAAAAGCAAATTTGAAAGCATCTTA
GTCTGTAAAACCTACTTCATGTATAAAAAATAAACATTTGACAGAACTCTC
AGAGCAAAGCTATCTGAGGGATTCTTTAAAGCTTCCAATTTATCAAATTA
CCTTTTTTTTTTTGGTTCGGCAGGGGGAAGTAGTCTCACTCTGTTGCCAG
GGTGGAGTGCAATGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTTTGTCTCCAG
GTTCAAGTGATTCTCCCACTTCAACCTCCCGAGTATCTGGGACTACTGGC
ATACACCACCACCCCGGCTAATTTTTTGTATTTTTTAGTAGAGAATAGG
GTTTTAATATGTTGGGCCA

>Sequence 1889

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCACCCAGGGATCGCAGGTGGCCG
AATACTGCAGGTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCTGC
CTTGGCTCCTGCACCCACCACAGTTCGTGTTTCCTTCCTTTTATTCTTT
CCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCACA
AGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAGGTGAGGAATGGTTATAGACCCAG
GGAGCCAAGTCACGGGACCTGAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACC
TCCAATCGCCAGCATCGGGTAGGCCACACGTGTGGGAGAGGAAAGATAG
AGTTACTGGCCCATCAGCAAGCAGAGCTGGCAGAAGTACCTGTGCAG

>Sequence 1890

TTTTTTTTTTTTTTTTTGTAGATGGAGTCTTGGTCTGTGCCCCAGGCTGGA
GTGCAATGGTGCAGTCTCAGCTCACTGAAACCTCTGCCTCCCGGGTTCAA
GTGATTCTCCTGCCTCAGCCTACCGAGTAGCTGGGATTACAGGGGCCTAC
CACCATGCCTGGCTAATGTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGCTTCACCA
TGTTGGCCATGCTGGTCTCGAAGTGCTGACCTCGTGATCTGTCCGCCTCG
GCCTCCCAAAGTGCTGGGATTATAGGCGTGAGCCACTGCTCCCGGCCACA
ATCTACAACCTGGATTTGTGCTTTGCAATTTACGCTTTCGAACATGCAGGA
ATGTAGTTTGGGCATTTGTCTGGAACCTTCGGATTCTC

>Sequence 1891

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAGGATTGAGAAAAGCCAAGTCC
TCAGCAAATACAACCTAACATAGAGAAGAAACCAATAAATACACACACAA
AAGTCAGATATTAAGCCCACTGCACATTCAGTCCAAGAATGCTCAGGCC
CTGGGTCTAGTAACCAAAACATGGCACTCACTGTGGGCCTTTCACTCTGT
GGGTACAGCCCCAGCTCTGCCATTTCCAGGATCATGCTATTACCAGTGAC
TATCTCCTAAAGGGATTGTGGGGAAAGCCAAAATACAAAAAAAAGGGCAA
TAGAGTTCCAAGTCTGTTGCTTTATTCAGCACATAAAGAAACAGCAATAT
TGAAATAGCTCTCCCCAAAGAAAGACTATGAATT

>Sequence 1892

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGGATTACTTATGGAGGT
TTATTATTTTTATTTATTTTTGAGACTGAGTCTTGCTCTGTCATCAGGT
GGAGTGCAGTGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCAGGTTCAAGCAATTCT
TCTGCCCTAACCCCTCCTAGTAGCTGGGATAACAGGTGTCCCCCACCATG
CCCCAATTAATTTTTGTATTTTTGGTACAGACAGGGTTTCACCATGTTGG
CCAGGATGGTCTCGATCTCGTTGACCTTGTGATCCGCCTGCCTCGGCCTC
CCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCCCCCTGGACTACTTATG
GAGGGTTTTAAAAAATCTTTAAGTCCAGGCCTGAACGTTTAGAGAAGGT
TACAAAGGCGGCCAG

>Sequence 1893

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGATCACAAGGTCAAGAGTTCAA
GACCATCCTGGCTAACATGGTGAAACCCCGTCTCTATAAAAATACAAAAA

Table 3

350/1077

GTTGGCCGGGCGTGGTGGCGGGCGCCTGTAGTCCAGTACTCGGGAGGCT
GAGGCAGGAGAATGGCGTGAACCCGGGAGGCGGAGCTTGCAAGTGATCCGA
GATCACGCCACTGCACGCCATCCTAGGCAACAGAGCGAGACTCCATCTCA
AAAAACAAACAAACAAAAAGTTAAATTCCAGTGATACAGAGACTGCCACT
GGGAATTTTGTAGTTTCTGTTATTCTTTTTTTTCCAAAACCAAGGATAC
CTAAGAAAGAATATTTAAGCAGCCTAAGCCAGGCGTGGTGGCTCACGCCT
GTAATAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCTGGCAGATCACTTGAGATCAGGAG
TTGACACCAGCCTGGCCAACATGGCGAAAACCCGTCTATACCAAAAATAC
AAAAATTAGCCAGGTGTGGTGGTGTAAATCCCAGCTACTCGGGAGACTGAG
GCAGGAGAACCGCTTGAACCTGGGAGGCAAAAGCTGCAATGAGCTGAGAT
TGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGAGTGAGACCCTGTCTCANN
ANAANNNNNNANNNNNNNNNANNGGCGGGCCGCACCGGGTGAAGCTCAT
TTGGCCTATAGTGAGCCGTATACCCGCCCTACTTGGCGCGGTTTACAACG
TCGGAAGGGGAAACCTGTGGTTCCCAATAATTGCTTGGGAATATCCCTTT
GCCAGTGGGTAATAGCAAAAGGCCGCCCATGGCCTTTCAACAATGGCAA
>Sequence 1894
AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAACCTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG
>Sequence 1895
AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAGGATTGAGAAAAGCCAAGTCC
TGGGAATACAACCTACATAAAAGAAACCATAATCACACACAAAAGTCAGA
ATTAGCCCACTGCACATTACTGCCAGAATGCTCAGGCCCTGGGTCTAGTA
ACCAAAACATGGCACTCACTGTGGGCCTTCACTCTGTGGGTACAGCCCC
AGCTCTGCCATTTCAGGATCATGCTATTACAGTGACTATCTCCTAAAG
GGATTGTGGGGAAAAGCCAAAATACAAAAAAAGGGCAATAGAGTTCCAAG
TCTGTTGCTTTATTACGACATAAAGAAACAGCAATATTGAAATAGCTCT
TCCCAAAGAAAGACTATGAATTACAT
>Sequence 1896
AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGGAAGGGATAGCATGATATTCAT
ATACAGACTTGAAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTCTATAT
AAATAAGCTGTCATATTTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTCTTA
AAAATGTTTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTAGACTTCCTCTA
TAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATTTAA
AAATACTGTGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTTAGGA
TGAATAAGGGAACCTCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTAGAT
GGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACAC
>Sequence 1897
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATAAAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT
>Sequence 1898
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGTGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT
>Sequence 1899
AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGCAAGATTTGTCCTTCTGCGG

Table 3

351/1077

CTGCGAACCCACCGCGGGTTTGCCTATTTCCTTGATTCTGAGGACAG
AGCTGGGATGGACTTGACCCAAGACTCAGGGATGACGAAAGGGAAATAAA
CAGAGTAACGTTTAAGAAAAAAGAAACACAAAAAATAAAAAAACA
ATGGAAAAAATAAAAAAAG

>Sequence 1900

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAGG
CTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAGT
TGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTTA
AATTGTGCTCATAGTAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTGG
CATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTCT
CAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATAG
TATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATATA
TTTCGGAT

>Sequence 1901

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGAATCAACAGACTCTATATT
TGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAAA
TCTGGAATAATTATACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATTC
TAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAAA
CACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAATC
ATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCAA
CAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCTC
AACCTCATTAGTCACCAGACAAATGCAAATTAAGTCAAAATGCAATACC
TGACACACCTCACAGAAATGGATAAACTTGAAAGACTGACAAACCAAAC
CAACACAAAGCTGGTCTGAATGTGGAGCAAGGAAGACGCTCGTACTCTCC
TGGTGAGCAAGGTGGAGATGGTAAAAGAGCTGGTGTAACTTTGGAAA
ACTGTTAGTATCTATTAAAGTCAACCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTAC
TTTTGAAGGGGGGCCCCG

>Sequence 1902

AGTACTTCTAGAATTAATTAAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTGCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGTT
GGTTTGGTTTGTGAGTCTTTCAAGTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAAGTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT
GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATTTAAAAAACCCTTA
TGATTTCTCTCTCTAAATTTTTTAAATCTTCACTTG

>Sequence 1903

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGGAGTTTCACTCCTGTTGCC
AAGGCTGGAGTGCAATGGCGCAATTAGGCTCACTGCAACCTCCTCTTCCC
GGGCTCAAGTGATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGATTACAG
GTACCCACCACCATGCCAGCTAATTTTTTGTATTTTAAATAGAGATGGG
GTTTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCTGACCTTAGGTGATC
CACCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCATGGT
ACCCAGCCTTCCTCAGCATTTCTGTCTGTCCCCACACACAGGCTCAGCAG
CCAGAGAAAGCCAAGGGCATATAGGCAGGGCAACAACATCTGTGCACCTT
GCGGCTGGCTGCTAGTTTCTAGAAACATATTCTTAGACATGCCTAAGAA
AAAAAGCACTTTGAGGTGTTTAAACGCCAGGGTTCTTGGGTTCCAGGG
ATAAAACCATAGAGTTCCAAACAACATTTGGTCCAAAAAAGAAAAGCACT
TGTTTCTGAGGACACTTAAACGGTGTGGAGAAAATTAGGAAAGGGAAAC
CAGGGGTAAAAATAAAAAGTTTTTTAGAAATAAAGGGGGTTCAAAAAGTT
TTAGGAACTGGCACGAAAAATTTCCAATTTTCGGAAGGAAAAAATGTGCG
GTCTTTTT

>Sequence 1904

GTTTTGGTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCCG
TTATTTATTTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTGGAGGGGGCATGTG
CACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGGCT

Table 3

352/1077

GACTCATTAACTCGTCATTTATATTAGGTATATATACGTGTTCAATTGTAC
CCTTATCGACTNTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTATTT
GCCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAAACAAATATAATGCC
TGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTTAAATGAATTACATTGCATTG
GGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAAATT
CTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTTTAAGAAGG

>Sequence 1905

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTTAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATAT
ATTTGGATTTTTTCCAATTCATTATTATTATGAATAAG

>Sequence 1906

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTTATCCACCCACATATTTGTAAAACATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGA
AACATAGCAAGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAAATTTT
AAAACATGCCTCTCAGACCTAACTAGGCCCATAGAAG

>Sequence 1907

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCNACGCTTTGTG
TTGGTTTGGTTTGTACGTCCTTCAAGTNTTATCCCATTCTGTGAGGGT
GTGTACCAGGTATTGCANTTTGNNAGTTTAATTTGCATTTTGTNCTGGT
GACCTAATGAGGTTGAGACANTTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTC
AAATCTCATTTTCTGTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAAATT
TTAAAAACCACTTATGATTTCTCTCTCTAAATTTTTTAAATCTTTCAC
TTGTTAAAGGTAGTGTTTTTGTCTACTCATTATCAAAGATGAAAATTTTA
TCTCACCTATCTCTAGAATTCTCTTCTCTACCTCAAATTTGTGTTAGT
TATAATTATCCAGATTTTGTCTTAAATTTTAAGTAATACACTTAACT
TTTGCTTTGTGATCAAATATAGAGTCTGTTGATTCTTCAAAAAAAACTN
ANAAAAAATAAAAAAAG

>Sequence 1908

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTATCTAAAATTAGATACTTAAT
GTATCTTTCAGAAAATCAGATAAAATGCCCTTGGATGGACCCCTGTCTA
AATGGGCACAGTAAGAAATGTTATATTCAACTTGTAAGAGATTGGTTTT
ATTAATAATTCATATTTGAACTCCCCAATAAACCAATAATTTATATTCTAT
ATTTTGTACAAGTTATAATGGTTCAGCTGGGCGTGATGGCTCACGCCT
GTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGCGTCACCTGAAGTCAGTG
AGACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCTAGGGCGTGGTGGCAG
GTGCCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGTTGAGGAGAAGAA

>Sequence 1909

AGTACTTCTATTAATTAATTAACGCTTGTTAAAACTGTCTTACTTAAACA
AAATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATA
ACTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGG
GGAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTC
AGAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCACAAATAAA
TCAGAGTTAAATGTAAAAAATAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1910

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGCAAACTCCCGACAGCC

Table 3

353/1077

GAGCCCCGTTCCGGTGCCTTTTCTTTTTTTTTTCTTTAATGGAGTGAAATC
TACTTTGCTCAGGAAGCCTGCAAATCACATTTTCAGGCCAAACGAGGCAG
TATTTTAAAAGGGGTCTCCTGGGGCAGGATTAGGAAGGCTTCCACTCCA
CTCACGCATTTTCAGTGTAGGCGAATCGTAAAACGGAGGGCAGAACGAAA
ATGAGCGGATCTGGGAGTGCAGGCTGCGCTTCGTCCCCCGCGTTAATTA
ATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1911

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAAGATCTTGTCTGTACCC
AGGCTGGAATACTGGGGTGCAATCATAGCTCACTGCAGCCTCAAACCTTCT
GGGCTCAAGTGATCCTCCCACCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGAATGCAG
GCACATAACCACCATACCTGGCTAATTAATAAATTTTTTTAATCTCACT
GTATTACTGAAGCTGGTCTGGAACCTCTGGCCTTGAACGATCATCTCAGC
CTCCCCAAACTCTGGGATTACAGGCATGAACCATTACACCTGGCTTGAAG
AGAAGAGGTTCTTAATATTGAAGAAGTCCATTTATCTGTTTTGTTTTT
TTCCCTCATGTATTGGGTTTTGGGATTGAATCTAAGAGATTGTTGCTT
AACTCAAGACCACAG

>Sequence 1912

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTATATTTGAAAAACAACCGACCTTTTAAT
GGCATAATTCTTGCCAAAATTAATTATGTACATTTTAAAAGGGCAAACAG
GCCCTTCTTAACATTCTTTTGCATTCCCACCAATAAAGGCGAGCCATTTA
TTTTGATATTATAAGTAATTTGGAAACCAAGATAGAACCAGCAGTTTGCC
CAATATATCCTTTTAGAAAATGGTGCCTTGTGTTGGCGCACTGGTTGCAC
AACCCGCCCCCTTTCCCCGCCCTTTAAAATTAATTCCTAAGAAAGGTCAC
CTTCTCGAAGGGGGGGGGGGGGCCCCGGGTTACTCCCAGAACTTTTTGT
TCCCTTTTAGATGAGGGGGTTAATATGGCGCCCCCTGGGTCGTAAATC
AATGGGTCATTATATCTTGTTTTCCCTGTTGTTAAAAATTTGTATAATC
TCGTATACCCAAATTTCCAATACAAGGAATCCCCAGGTTCTGGAAATCC
TTAATCATTTATTATTA

>Sequence 1913

GAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TGGAGACAGGGTTTTGACATGTTGGTCAGGCTGGTCATGAACCTCCTGGCC
TCAAGTGATCCACCTACCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGT
GAGCCACCGCGCCCCAACCTGTGTTTATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTT
ATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAACACGTTATTTTATTCCTCACGTTATA
GGAGCAATTTGTATTATAAACTTGGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGAT
TTTAATACAGCGCAAATGATTGGGGTCTGTGAATTCAGTTTATTATT
TGGCTCCTTCCTTAAGGAGTCAG

>Sequence 1914

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTT
AAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1915

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATTTTCTTTGGTCTTATGCCAAT
ATTTGCAATCAGCTAGTATGATGTTTTCTTATTTTAGTTTATGGCAGTG
TGATTTAGTGCTTCAATTCATTAATTATCTTTATAATTTTGTCTTTGA
ATTTTCCTTGTAATAAGAGACTGGTCTTACTTTTTTTATAGTCCTTACTA
ACAAGGACACTGTAAGACTTGTGAGTTGGTGTGGACTATGCCATCAGATA
TATCCATCTTGTATCCCAAAGTTAGATCCAGTTAAGGCCAGCTGTGGGT
AGAAGGTCAAAGTAGATGACGGGCGAAGGATAATTTTTAAAAGGACTTTT
GCTAAAGAAGTAGATGTATCT

>Sequence 1916

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTNGGAGAGACAAACATGGGCCACATTTT
TAAGACAAACATGGACCACAACCATGCTGAGAGAACTTAGAGTGAAGTTT

Table 3

354/1077

ACATGGCTATCTTTCTTAGTATTAATAATTTTACCTGATAAACATCAAACA
TACGACCAACATAGCATATAAAGCAGCTCTACAGATATTTTCCTACTGCC
CAAAATATCATATAATGCACATGTAGGTCACATGTGAGTAGGCAAGAGAT
TCTGGAACACAGAAGCAAGACAACAGGATCACAGCAATTTTCAGTATGCTC
TGCTTGTATAGGAAATCCCCAGAACATTCTCCAATTACTGAACAAAAA
AGCAATAAACTCAGATTTGTCTGCCTGGGGAGAAATAAACAGAAATAGA
AAGTGAATAGCAAAACAAAGCTATCTGGTGAAAAGACATTCTTACTTGGA
AGGAGTTAAGATTTTGGCCCTTCCATGGGTGTACTTAATGAGGCAAGCGT
CAAGCGGCCTGACAGCCCGTGGCACACTGTCTACAGCTGATGTCAATGGT
ACACATATAGCCAGGGTGAAGCAACCTAAAATAGGCCCTCCTTGAGCCTT
CTAACTTTTTAGAAAGGGCAGATTACATAGCCAATAAGTTAATGAGTTTT
GAAGGTAAAATTATGCTCAAATTTGAATTGTGCAATATAAACCTTTTCT
CTTAAATTTGCTCAACTCAACAAAATCTTTGGGCCTTTAATTTTTATGT
GTAAAATGGGGATCATGAGAGCCTTTCCAAGGGGGTGGTATGAATATAAG
TGAGATGGGT

>Sequence 1917

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGTGGAGTCTTGCTCTGTCACCAGG
CTGGAGTGCAGTGGTGCAATCTTGCTCACTGCAACCTTCCCCTCCTGGC
TGAGTTAACTTAGGAGAGCTTCTGGAGAGGGCAGGCTTTGAAGATAGGA
AGGATTTTATGAAGTCTTTACTAGGCCACTAGAGTAGAAGCAGTGGGAGA
CTTCTGGAGAAGAGCTCATGGAAAGAAAAACCTACCGCTGGCCCTTTGG
GAACTGCTTTGGGCCTCTTTAGTCCTAGGCTCACACGCCCTTAGAAACA
AAGTAAGAATAAAGCCAGGGATAATACAGTGAGTGGCCAAGAACACAGAC
TCTGGAGCCN

>Sequence 1918

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACTCCTGGCCTCAAGTGATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCGCCCAACCCTGTGT
TTATTCCTTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAA
CACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTT
GGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAATACAGCGCAAATGATTTGG
GGTCTGTGAATTCAGTTTATTTATTTGGCTCCTTCCTTAAGGAGTCAG
GCTAATGC

>Sequence 1919

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATACATATTGTCATGCTATGT
TCTCTAACTTGATATCAACAGCGTATCTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAGGAGAGGCTGATCTAATATCCTAGGTCTA
ATGGATCCACTAGCAGATATACACGGCTAGGTACACACACTGGGATATCT
AGGTACATGCCCATAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATCGTATTTA
AAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAATACT
ATGGGAGGCTGACGTGGTCGAATCACCTGAAGTCGCGAGCTCAAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAAACAGC
CAGGCATGGTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAGGAGGCCGAGGC
AGGAGAATCACTTGAACCCGGGAGGTGGAAGTTGCAATGAGCACCGATAG
TTCCATTGTACTACATCCTGGGGGACAAGAGCAAAATTCTGTGTAAATA
ATCTAATTTTATAACTAAATATGCGCGGTGCGCAACGTGCGGAACCTCAA
TTAGCCCTAACTGAGTTGGGTTACGCGCCTTACTCGCGGGAATTAATAAC
TCTTTGAATGAAAAACGCTGCATATACCAAAGTAATAAACTGGCATAAA
GCCCTTTTACCCATCGGTGTAATAACCAAAGCCCCGCCCTTGGGCCTTTC
CACCGTACCATACTGATGGCTCAGGAAATTTAGCTTTAATTTTTTAAAA
TTCGCTTTAAATTTTTGTAATATTTGATTTTACCATAGGCGAAATCCTT

>Sequence 1920

GTTTGATATACCAGTTCCCTTACCTCTCTACTAGGGAAAAAAGCTGGTT
ACCGCCCCCCTCAGAGACTCTTAGATATATAACGCGGGGGAAAACTGTC
TTACTTAAACAAAATGTATTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATT
ACTGTTTTATACTAAGAGACTTGCGACTCTATATACGACTAGGTGTCAT

Table 3

355/1077

TTCAAATGGGGGAAAATGAATTATCCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGG
ATAGCCATTTCAGATAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACC
CCACAATAAATCAGAGTTAAATGTAGGAAAACCAAAAAATTGATATATTT
AAAAAA

>Sequence 1921

NGTCGATGCTTGCACATCGCCAATAGTATGATACTAGGCGAATTGGAGCT
GCCCCGCGCGCGCGCCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGTTTTGAA
CCCAGAGGCCCAAAGTACGAGCCTGTCTCCTCAGTAGCCCCAGCATCC
CTTCATCATTTTGTGGCCCTTCTATGGGCCTAGTTTAGGTCTGAGAGGCA
TAGTTTTAAAATTTTTATTGTTATTTATTTATTCTAGAGATAAGGTCTTG
CTATGTTTCCCAGGCTGGTCTTGAACCTCCTGGCCTCAAGCAATCCTCCTG
CAGCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACCACGTCTGG
TCAGACAGGCATAGTTTACAAATATGTGGGTGGATAAATGCTGTCCAGT
CTTACTTCATCACTTCTATCAATTGAATGCTTTTGGTTGGAAATAACAGA
AAATCCAACATAAAGTGACTTAAACAAAGGAAATGTTATTATCTCATGTA
CCAGGAATTCTGGAGGTAGACTGGTTCAGGGTGGATTAATTAATTCTAG
AAGTACT

>Sequence 1922

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGCGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTGTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTGTCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATA

>Sequence 1923

GGCCTGGATCGACCTGATACTGAGGGTAATCGGAGATAATGGCAAAGTCG
GCCGCTCGNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACCTTAAACATAT
ATTCCTTGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTTCAGCTTCACTTTTTTTC
TGAATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTC
CCCCATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAG
TTATAAAACAGTAATAAACCCCTTGAACAGGCATTTTCCTAAAATACATT
TTGTTTAAGTAAGACAGTTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1924

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGTGAAAAGCAAATTTGAAAGCATCTTA
GTCTGTAAAACACTTTCATGTATAAAAAATAAACATTTGACAGAACTCTC
AGAGCAAAGCTATCTGAGGGATTCTTTAAAGCTTCCAATTTATCAAATTA
CCTTTTTTTTTTGGTTCGGCAGGGGGAAGTAGTCTCACTCTGTGCCCCAG
GGTGGAGTGCAATGGCAGGATCTCAGCTCACTGCAACCTTTGTCTCCAG
GTTCAAGTGATTCTCCCACTTCAACCTCCCGAGTATCTGGGACTACTGGC
ATACACCACCACACCCGGCTAATTTTTTTGTATTTTAGAAGAATAGGGGG
TTNNCAGCATGTTGGTCAGGCCCA

>Sequence 1925

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCGTCTCCCTGCCAGGCCTTGGGC
TCTGCAGAGGTGCCCACTGAAAGCTTGTCTGTGCCCTCTACACCTCAGA
GGGGTTTCAGAGCCAAGCTCCAGGACCCCTGTGTCAAAAAGTGTCCCTG
GGAACAAGTGCAAGGAACAGTCCTGCAAGCAAGGGACTGCTTGCCCTGCT
TTCGACAGCCCTTCTGAGAGCCAGTGAAGGCCAGCAGCTGGGCTGAACAC
TACATCATCCTCAGAACCCCTGCACAGCCGGTGTGCTCCCCGCCATCG
ACAGGAAAAACGGGCCCTTAGAGGCACAGGCAACTTGCTCGGGGTAGGT
GCAGCGGGTGGCAGAGTCAGAATGTGAGGACAGTTGGGCCACTC

>Sequence 1926

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAATTAGTGGCAAACAGA
GAATAAATTCTCTCAGTAGTGTGTACTTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCATTTAATAGAGAGAGAGAGTTGAATG
ACGAGGAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATACCAAAATAAAAT

Table 3

356/1077

TAAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCTTTTGGGAGCCTGTTT
TCTTGCCAGATTTCACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCTTCTAAC
AAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTCATCCAG
TGAGCAGGGCTGTAGAATCCAGCGTTTCCACGTGCAAGTGGTTCAAGTT
CAAAATATTTTTGATCTCTTGAC

>Sequence 1927

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTCCCGGACTCAAGCCTGACTAAT
GTTTTACTTTTTGTGGGGACAGGGGTCTCCCTATGTTGCCCAAGCTGTT
CTCAAACCTTGGGCTTAAGCAATCCTCCCACCTTGGCCTCTCAAGGTGC
TAGGATTACAAATATGAACCACTCTGCCAGCCTCTAAACACTGTTTTAA
ATACAAAGAAATAGTTCTTGTCTGTCATGTCATAGCTTTGTAAGTTTAC
CTTTTCTATTTTATCTAATATTGATGTATACATAGGAGAAAGGGTACTT
CAGAACATGAATTTAGAGCAATCTACCAAGTCTCATGATTACAATAGTT
GAAATTTGGAAAAATTGTCTACCCAGAAAAAC

>Sequence 1928

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAATTAGTGGAACAGAG
GAATAAATTCTCTCTCAGTAGTGTGACTTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCACTTTAATAGAGAGATGAGAGTCTGAA
ATGACCAGAGGAAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATACCAAAA
TAAATTAATAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCTTTTGGGAGC
CTGTTTTCTTTGCCAGATTTACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCT
TCTAACAAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTC
ATCCAATGAGCAGGGGCTGGAGAATCCACCGGTTTCC

>Sequence 1929

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTAGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACTGTGCCGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGC
GCTGCACTCATTAACCTCGTCATTTATATTAGGCCTATATACGTGTTTATT
GGACCCTTATCGACTTTGCAGGATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTT
ATTTGCCTTCGTTTTTTGAGGTCCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAA
TGCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTCTAAATGAATTACATTGC
ATTGGGGAC

>Sequence 1930

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGATAATCATATTGGGCATTCATATGTG
CTAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGA
TACCTGTTCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAG
ACAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATG
CCTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTT
AGGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATT
GTAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGC
ATGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGC

>Sequence 1931

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCTCCCTGTCCTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGTG
TACCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAGG
TCTGACTTCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGACT
CTCCTCTTCTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGAA
TGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGGC
ATCACATCTCCTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGGA
CAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTTATCTAGAAAACA
TTATCTCTGAGCTTTTACCTACATTTCTTGGCCAGACCTGGGTACAGT
GGTCACCTCTAATTGAGAAGATGAGTATTTTACAGAGGGACACANNTTTGT
CCCTTCCAAATCAGGGCTGTGTTAGGGAAGAAAAGCGGAATGGGTCCCTG
GGAAGGCAGCTCGCAGTAACTCACACAGTCTGTTCTTTGTATNCAGCA
CTCAAGCAGGCCTTCTCAGACACAGAAAACATAATGGTTTCCAAGCCA

Table 3

357/1077

ACAGGCAGAATCCCATCTTGTTCCTTCAGGCAGGCTTTTTGGAAGGTGCA
GTGGGGCGCCCTTGGTCTTGTGCCCTTGAACTAAAAACAGTTTCCTGCC
CACAATCTCAGGACAATGGTGGTTA

>Sequence 1932

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACCTCGTCATTTATATTAGGTATATACGTGTTTCATTG
TACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTA
TTTGCCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAAT
GCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATGTTTAAATGAATTACATTGCA
TTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAA
ATTCTTGGGTGAGTTGATAATCAAACATTTTTAAGAAGGTATATTTTGCT
AGCAAAGAAAGAAAAAATATGACAGCTTATTTATATAGAGAACCTATGTA
TTCTGAGATGTTTCTATTGTTAAGGTTGTTTATAATTTTCATGCTATCCCT
TCCAACGCCTTAATTAATATCAAGAAGTACTTTCGAGGGGGGAGCCCCGA

>Sequence 1933

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATCCTCCCACCACACACACAGCA
GCAGGCGGTGAGGACAGGCCTCATGCAGGGAGACAGGGAGCGGCCAGACA
GCCTGGCACTCCTCTGACTGCTCAGGGCTGGGCCCTGGGACGGGGCTCCC
GCCTCCTGAAGCTGGGGTCTCACCCAGCATCTGAGGATCGCTTCTGCC
AAGCAAACCCACACAAGCTTTGCCTCCTCCGGAAATGTCCTGAAGCAC
ACATGGAGTCAGGGAGAGGGCCAGAGCCAAATCCCTCACAATGACCAACC
ACCAGGGAGGAGGCTCCGCCAGCCCAACAGCAAGACTCCGCCAGGCAGC
AGGGACACAGTAAGCGTTTCAGGAAGGAAGCAAGGAGCAAGTCCTGTATG
GCTCTGCTCACCAACACGAGATGTCCTGA

>Sequence 1934

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAGGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTCACCCGCCTCTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGGCGTCTTTGAATTTTTTAACTGAAGTTTAATTGCCT
TTGAGTTTGATCATTCACTATTTGTCATTTGTATTTCTTTTGTTAATTAT
CTGCTCAAGCTCTAATTTCATAATGGAAATTTAATGGATTAACATATAAC
ACCCACTATCACCCGCCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1935

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAATGCAGAAAATTTCAAGAAANCATTTA
AATTGTGCTCATAGTGAACTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTTG
CATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTCT
CAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATAG
TATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCATTTTTATATA
TTTGGATTTTTTCCAATTCATCATTATTATGAATAATGGTGTATCTCAGT
GGTTATTACTTTGCACTGCATTTCTTATGAAAGTATTGAGTAAAAGGAAG
TAAAGCCCTCTCAGAGTGTTTTGTAGGCTGTCACATTTCACTCCATAATG
TCCTAGTGTTTTGTGCCACCAGTGATATATGAAGGTACCCACTGAAATGT
CACACCTTTTTTGGTTTTTTCTTTTTAAAATAAAAAATTAAAAAGACATTTA
CCATATAATATTGGTCCTATATATGATTTATTATAATGTAGAATCACAAT
CTTGAGGTCATTAAAATATTGAATTTGGATTCTCTCAATTTCCCTTCTA
ATGAAAAGCTAAAGTTCGGTAAGAAATTCTTCCTGGAAATTTATGGAATG
AGAAACATACTGGAATTCTGTACTTATGGAACAGAACCAATAAACATTAG
GCAATTATTTAATTCTAAAGTCTCCTCGGGGGGGGCGGTCCCCAGTTTT
TGTTCTTAAGGGAGGTTAAAGGCGCGTTGGGAAACAAGGGAAAAGTGGT
CCTGTGGGAAATGGTATCGTTACATTTCAAAAAATTAGGGCGGT

>Sequence 1936

GGAAAGCTAGAGCCATTGTACATCCCACATACTATCAGTAGCTTCGCCCC

Table 3

358/1077

GGGCCCCCCTTGATTTGTCTTCTAGATCTAATTCACGCGGGGTTATAAA
CAAAAAGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCTTCTGTTTCTCTGCTACTACC
CTTTTTGGAAAGACAAATCTCCTTCCCCTCCCTGTCTCCTTCCTTCTAC
ATTCCCCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCC
TCTGTGGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGC
TGCATCATTGCATGACTCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGC
TCCCTTCTGCTGGTGAATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACG
GCTGCTCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCAGGCAGGAAGAAGAGGA
AGGAGGAAGAGACAG

>Sequence 1937

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCTCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA
TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGT

>Sequence 1938

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGACCAGAGAGGCCCCAACTAG
CAGCCTGTCTCCTCAGTAGCCCCAGCATCCCTTCATCATTTTGTGCCC
TTCTATGGGCCTAGTTTAGGTCTGAGAGGCATAGTTTTAAAATTTTTATT
GTTATTTATTTATTCTAGAGATAAGGTCTTGCTATGTTTCCCAGGCTGGT
CTTGAACCTCCTGGCCTCAAGCAATCCTCCTGCAGCAGCCTCCCAAAGTGC
TGGGATTACAGGCATGAGCCACCACGTCTGGTCAGACAGGCATAGTTTA
CAAATATGTGGGTGGATAAATGCTGTCCAGTCTTACTTCATCACTTCTAT
CAATTGAATGCTTTTGGTTGGAAATAACAGAAAATCCAATAAAAGTGAC
TTAAACAAAGGAAATGTTATTATCTCATGTACCAGGAATTCTGGAGGTAG
ACTGTTTCAAGGGTGGATTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1939

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATATGCCCACCCATTTTCAGGT
GAGCCACGGATAAGGAGGGCTTAGCTCATGTCTCCTGTGGGAATTGAGGC
ATCTCAGGAAACAGTATAGAGTTGGTACAGTTAGAATGAGAAGAAGCCTG
GGGAAAGAAACCAAGAGTGAGAAATGCGTGGCTATTTTGACTTAGCTGGA
GCAACCCTCTCATAACAGGCTGGGAAGTGGACCCGCGTTAATTAACGCGG
GGGAAATTGATGAACAAACAAAGGTCATAGTAAAAGACAGACTTTTGGGG
ATAAAACAGAACTCCAAGTTACTGTATCAACAAATGCAAGTACACCAC
AATCAGTGAGCAGTGTGGTTCATTATCTGGCAATGGCACTCTTCAAATA
GAGCAGGGCATTGAG

>Sequence 1940

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAGTTAGCTA
CGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATGTG
GGCCAATTCAGGCCTGGCCTATAAAAAATCCCCACTTTTTGTTCTCTTT
CTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAAG
CCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCTG
CCAAACATACACCTGAATTGTTATGG

>Sequence 1941

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCGCCTGTAATCTCAGCTACTTTG
GAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTAGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTG
AGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAGACAGAATGAGACTCC
ATCTCCAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAGGCTCTA
TTTTGATACTGGGAGCCTAACTGAATGATTCTGGAGAAATTCACAGATG
GGGCTGAGGCTCACCTTCATGACAGCTGTATCAAAGGCCTAAATTTCTAA
GGCTCAGAAATCACTACAATAAGCCTATCAACAGCATGTGATACTCTCCA

Table 3

359/1077

AGCATTTTGCAACCTTAACATTTCATCCTTTACAGTACTTTGATATCCT
CA

>Sequence 1942

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAAACCTCTGATTAA
TTGCGGGGGTAAAGCATGTTATACGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGA
ATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCAATTTCCCC
CATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTA
TAAACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTG
TTTAAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1943

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAGATAAATTAGTGGCAAACAGA
GAATAAATTCTCTCTCAGTAGTGTGTAAGTGTGACGTTAATGCCGATGATAA
TTCATCTGATCTACAGAATATTCACCTTAATAGAGAGATGAGAGTCTGAA
ATGACCAGAGGAAAATAGATACTAAAGCCAATATAGTCTTGATACCAAAA
TAAAATTAATAATGAGAACTAACATGATAGGTTCAAGGCCCTTTGGGAGC
CTGTTTTCTTTGCCAGATTTACATTCTTACAGCTTCATGGTCTTTTTCT
TCTAACAAATTAATCAGCTGAGAGAAGCTGTCTTTCAGTGCATCCATGTC
ATCCAATGAGCAGGGCTGTAGAATCCAGCGTTTT

>Sequence 1944

TATGTACCCACTCGCAATAACCCCTACTAACTGATGGAACATGAGCACCGG
GCCGCCCTCGAGAAGTCCTTCAAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAAAA
AATTTATAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTTTGCTACTACCCT
TTTGGGAAAGACAAATCTCCTTCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTTACATTCC
CCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTAAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGT
GGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCAT
CATTGCATGACTCTCCTCTTTCCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCT
TCTGCTGGTGAATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGC
TCCACCACCGGCATCACATCTCCTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAG
GAAGAGACAGGACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTCT
ATCTAGAAAACATTATCTCTGAGCTTTTACCTACATTTCTTGGCCAGA
CCTGNGTCACGTGGTCACCTCTAATTGAGAAGATGAGTATTTAGAGGGA
CACATTTTGTTCCTTCCCAATCAGGGCTGTGTTAGGAAGAAAGCGGA
ATGGGTCTTGGGAAGGCAGCTCGCAGTAACTCCACACAGTCTGTCCCTTT
GCTATCCAGCACTCACGCAGCCCTTTCTTAAACACAGAAAAACATCAATG
TCTTCCAAAGCAACAACCAGAAATCCATCTTGCTACTTNCAGGGCAGGC
TTCTTTGGTAAGTGCAAGTGGNGCCCCCTGAGGCCTGTGACCTTGAACT
AAAGACAAGTATTCTGCCCCGACATACTTAAGA

>Sequence 1945

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAAACATATATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCAATTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACTT

>Sequence 1946

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GGACCTCTTTTCAACGTGCCCTGCCTCGGTGCCTTTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTCCAGGCAGGAAGAACAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTTA

>Sequence 1947

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAAAAAGAAAAGAAAG

Table 3

360/1077

CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAAGGGCTG
TGTACCTTTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATTACATTTCCCTTTCCAGGCAGGAAGAAAAAG

>Sequence 1948
AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAAAGAAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
A

>Sequence 1949
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAGATGGAGTCTTACTCCGTCA
CCCAGGCTGGAGTGTGGTGGTGTGATCTCAGCTCACAGCAACCTGACCTC
AGGTGATTCACCCGCCTCTGTCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGA
GCCACTGCGCCCGGCTGTCTTTGAATTTTTTAACTGAAGTTTAATTGCC
TTTGAGTTTGATCATTCACTATTTGGCATTGTATTCTTTTGTTAATTA
TCTGCTCAAGCTCTAATTCATAATGGAAATTTAATGGATTAACATATAA
CACCCACTATCACCCGCCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1950
GGCCTCTACGCCCTCGTACGTCNCCTAAGTAATTNTAACTTCGTNCNGGG
CCCCCCTCGAGTGTATTTCTAGAAATAATTCTCGCGGGTTAATTATCAA
CGAAAAGAAAGCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTT
TGGAAGACAAATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCC
CCTAGGGCTGTGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGT
GGCAGGGCCAGGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCAT
CATTGCATGACTCTCCTCTTTCCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCT
TCTGCTGGTGAATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGC
TCCACCACCGGCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAG
GAAGAGACAGG

>Sequence 1951
AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGATCCTCCCACCACACACACAGCA
TCAGGCGGTGAGGACAGGCCTCATGCAGGGAGACAGGGAGCGGCCAGACA
GCCTGGCACTCCTCTGACTGCTCAGGGCTTGCCCTGGGAACGGGCCTCC
CGCCTCCATGAGGCTGTGGTCCTTACCCAGCATCTTGAGGATCGCTTCT
GCCAAGCAAACCCACACAAGCTTTGCCTCCTCCGAAATGTCCCTGAAG
CACACATGGAGTCAGGGAGAGGGCCAGAGCCAAATCCCTCACAATGACCA
ACCACCAGGGAGGAGGCTTTCCGCCGCCCAACAACGAGAATTTCCCCCA
TGCAATATGGGGCACCGTTTAGCGGTTTTAAGAAGGGAAAGCCT

>Sequence 1952
AGTTCTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGATTAAAAAAGAAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGT
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAAGTGGT

>Sequence 1953

Table 3

361/1077

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATCATTTTAAAGATGAGGAA
ACTGGAAGCTCAGGGAGGCTAGGAAACTTATCCAAAGCCTCTTAAGAGGC
TATGTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCAGAAATTTAAATG
GCTTAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGTGT
ATGTTTGGCAGGTAGTCTACACAGGGATTTCAGGGACCCAGGCTCCTTCCC
TCTGGGGGCTTTTTCTCCCTCTAGGGCTGGGAGCTCTCCATGCAGATGGG
G

>Sequence 1954

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCAACCTACATGTATATGAAGACA
GTGTTTAATCTCTCTTTGTCATTCCCTATTTATGAATGGGGATAGCAACTA
AAACCTCATGAGCTGAGTATTAAAGAAGGTTATATGAATTTTCTAATAGC
TCCCTAATAGCATGGTGGCTCACATATGTAAGCCCAACACTTTGGGAGGC
CGAGATGGGTGGACGGCTTCAGCCTAGGAATTAGAGACCCCTATTAAAAA
AAAATTAAAGAAAAACAAAACCAAAACATATGCTGATCACTTGAGCCAGG
GTTTGAGACAAGCCTGGGCAACACAGGGAGACCTTCCTCTACAAAAAAA
TACGAAAATTAGTGGTGCATGCCTGTAATCCTAGCTATTCAGGAGACTGA
G

>Sequence 1955

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCTGGGGAAAAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCTCCTTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGA

>Sequence 1956

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGCTAG
TCGGCGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGG
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCAGAAATCCGAAGTTCAGACAAATGCCAAACTACATTCC
TGATGTTTGCAGGCTAAATTGCAAGCACAAATCCAGTTGTAGATTGT
GGCCGGGAGAGTGGCTCACGCCTATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGA
GGCGGACAGATCACGAAGTCAGCACTTCGAGACCAGCATGGCCAACATGG
TGAAGCCCCATCTCTACTAAAAATACAAACATTAGCCAGGCATGGTGGTA
GGCCCCTGTAATCCCAGCTACTCGGTAGGCTGAGGCAGGAGAATCACTTG
AACCCGGGAGGCAGAGGTTTCAGTGAGCTGAGACTGCACCATTGCACTCC
AGCCTGGGCGACAGACCAAGACTCCTTCTCANAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1957

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAACTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATCAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAACAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNAAAAAAAAAAAAAAAAATAAATAATTAAAAAA

>Sequence 1958

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTGACTTTAATAGATACTAACAG
TTTTCCAAAGTGGTTACACCAGCTCTTTTACCATCTCCACCTTGCTCACC
AGGAGAGTACGAGCGTCTTCCTTGCTCCACATTCAGACCAGCTTTGTGT
GGTTTGGTTTGTCTAGTCTTTCAAGTTTATCCATTCTGTGAGGTGTGTAC
AGGTATTGCATTTTGAAGTTAATTTGCATTTGTCTGGTGACTAATGAGGT
TGAGACATTTGTCTATCTCCTGTGAAGTGTCTGTTCAAATCTCATTTTCT

Table 3

362/1077

GTTGGATTATCTTTACCTCGATATGTATAATAANATTTAAAAACCACTTA
TGATTTCTCTCTCTAAATTTTTAAATTCCTCACTTGTTAAAGGTAGT
GTTTTGTCTACTCATTATCAAAGATGAAAATTTTATCTCACCTATCTCT
AGAATTCTCTCTCTACCTCAAATNTGTGTTAGTTATAATTATTCCAG
ATTTTGTCTTAAAATTTTAAGTAATACACTTAAACTTTTGCTTTGTGATC
AAATATAGAGTCTGTTGATTCTTCAAAAANAAAAANATAAAATTAATATT
AA

>Sequence 1959

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAGAAAAGAAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAGG
ACAAAGGTGGTCTTCTTCCAGTAAAGCTTTGACTTTTATCTAGAA

>Sequence 1960

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATATTTAGAGATGAGGAAAC
TGAAGCTCAGGGAGGCTAGGAAACTTATCCAAAGCCTCTTAAGAGGCTAT
GTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCAGAAATTTAAATGGCT
TAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGTGTATG
TTTGGCAGGTAGTCTACACAGTGATTCAGGGACCCAGGCTCCTTCCCTCT
GGTGGCTTTTTCTCCCTCTAGTGTCTGGGAGCTCTCCATGCAGATGGTGGA
TGGAGAAAGAGAACAAAAAGTGGGGGATTTTATAGGCCAGGCCTGGAAT
TGGCCACATCACTTCCACACACATTCCACTGGCCAGAATGCAGTCACGT
GATCGTAGCTAACTGCAAGGAAGGTTGGAAAATGTAATGTAAGTGCATGC
CTGGGCTAAAGAGAGGAACACGGATCCTGGGAGTACTCACAGTGTTAGA
TTCCAGTCCAGGTCTTCTGCACACAATGCCCGGGTTAATTAATTCTAGAA
AGACCTTTCAGGGGGGGCCCGGGACCCAGCTTTGGGTCCTTTAAGGGAGGG
TATTGCGCGCTGGCGGATCATGGCATAACTGTTCCCGGGGGAAATTGTAT
CCCTTACAATTCCCCCACTTACAACCGAAACATAAGTGTAACCTGGGGG
GCCAAGGGGGGCTCACTCCG

>Sequence 1961

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACAGGGTCTCACTCTGTCA
CCCAGGCTGGAGTGAGTGGCGCAATCTCAGCTCACTGCAGCCTCTGCCT
CCCAGGTTCAAGCGGTTCTCCTGCCTCAGTCTCCCGAGTAGCTGGGATTA
CACCACCACACCTGGCTAATTTTTGTATTTTGGTATAGACGGGTTTTTCG
CCATGTTGGCCAGGCTGGTGTCAACTCCTGATCTCAAGTGATCTGCCAGC
CTCGGCCCTCCAAAGTGCTATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTGGCTTA
AGCTGCTTAAATATCTTTCTTAGGTATCCTTGTTTTGGAAAAAAG
AATCACAGAAAATAAAAATTTCCAGTGGCAGGCTCTGTATCACTGGAAA
TAACTTTTTTGTGTTGGTTGGTTTTTGGAGATGGAAGTCTCGCTCTGTTG
CCTAGGATGGCCTGCAATGGGCCTGAAGTGGATCACTGGAAGCTTCCGC
CTCCCGGGTTCAAGCCCTTTTCTGCTTAAGCCTCCCGAGTTAACTGG
GATTACAAGGGGCGGGAACAAAGCCGGGAAATTTTGGTTTTTTTAT
AAAGACGGGTTTACCAGTGTACCCCGAAGGGCTTGATTTTGTACCCTG
GGAAAACCCCTAATTAATTTTAGAATACTTTTCAGGGGGGGCCCGGGCC
CCACTTTTGGTTCCC

>Sequence 1962

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGATAGTGGGTGTTATATGTTAA
TCCATTAAATTTCCATTATGAAATTAGAGCTTGAGCAGATAATTAACAAA
AGAAATACAAATGACAAATAGTGAATGATCAAACCTCAAAGGCAATTAAC
TTCAGTTTAAAAAATTCAAAGACGCCGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAA

Table 3

363/1077

TCCCAGCACTTTGGGAGACAGAGGCGGGTGAATCACCTGAGGTCAGGTTG
CTGTGAGCTGAGATCACACCACCACACTCCAGCCTGGGTGACGGAGTAAG
ACTCCATCTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 1963

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCGTCTCCCTGCCAGGCCTTGGGC
TCTGCAGAGGTGCCCACTGAAAGCTTGTCTGTGCCCTCTACACCTCAGA
GGGGTTCAGAGCCAAGCTCCAGGACCCCTGCTGTCAAAAAGTGTTCCCTG
GGAACAAGTGCAGGGAACAGTCCTGCAAGCAAGGGACTGCTTGCCCTGCT
TTCGGACAGCCTTCTGAGAGCCAGTGAAGGCCAGCAGCTGGGCTGAACAC
TACATCATCCTCAGAACACCCTGCACAGCCGGTGTGCTCCCCGCCATCG
ACAGGAAAAACGGGCCCTTAGAGGCACAGGCAACTTGCTCGGGGTTAGGT
GCAGCGGGTGGCAGAGTCAGAATGTGAGGACAGTTG

>Sequence 1964

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAGTCTCGCTCTTTTGCCCA
GGCTGGAGAGTGCAATGGTGCCATCTCAGCTCACTACATCCCTGATTCAA
GTGATTCTCCTGCCTAAGCCTCCTGAGTAGCTGGGATTACAGGCACTTGC
CATCATGCCTGGCTAATTTTGTATTTTGTAGAGACGGGGTTTCACCAT
GTTGGCCAGTCTGGTCTTGAACCTCTGACCTCAGGCGATCCATCCACCTC
GGCTTCCCAAAGTGCTGGAATTATAGGCGTGAGCCACCGCACCCAGCCTT
CTGGGTGTATTTCTTATGATGTAGAATGAGTGATAAAGCACCATAGGAG
TCACCTAGTGTTCCTTTTCCATTTTGTAGTTGATAAATGGAGGTCTCAG
TCTCTGTTAATTAGTG

>Sequence 1965

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGATGCTCAACCTATAATACCCAAAG
GCTCTATTTCAGTAGAATTTATTGGTTTGCTGATTATAGCAGTGACATAG
TTGCATTCTAGAGACCTTAGAAAAATGCAGAAAAATTTCAAGAAAAACATTT
AAATTGTGCTCATAGTGAACCTGAGAGGTGACCACTCTTAATATTTTGTG
GCATAAGCATTCCAGTCTTTTATCTTTCTCAAAGTTTCACATAAACTTTC
TCAAAGGCCATTAAATACTTTTCCATAGCCTGATTTTTTGTGACCACATA
GTATCCTATTATATTGATAATACCATAATTTACCTAACCCTATTTTATAT
ATTTGGATTTTTTCCAATTCATCATT

>Sequence 1966

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCCTGGTGCGTGAGATAATAACATTTCCCTTTGTTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTATCCACCCACATATTTGTAAACTATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGGA
AACATAGCAGGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAAATTT
AAACTATGCCTCTCAGACCTAACTAGGCCCATAGAAGGGCAA

>Sequence 1967

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGGATCAACTGTGGTCAGGAGTT
TGAGATCAGCCAGGCCAACCTGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATACA
AAAATTAGCTGGGCGTGATGGTGGGCGCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGA
GGCTGAGGCAGGAGAATCACTTGAACCCGGGAGGCGGAGGTTGCAGTGAG
CCGAGATCGCACCATTGCACTCCAGTCTGGGCAACAGAGTGAGATTCCGT
CTCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG

>Sequence 1968

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGTGATAGTGGGTGTTATATGTAA
TCCATTAAATTTCCATTATGAAATTAGAGCTTGAGCAGATAATTAACAAA
AGAAATACAAATGACAAATAGTGAATGATCAAACCTCAAAGGCAATTAAC
TTCAGTTTAAAAAATTCAAAGACGCCGGGCGCAGTGGCTCACGCCTGTAA
TCCCAGCACTTTGGGAGACAGAGGCGGGTGAATCACCTGAGGTCAGGTTG
CTGTGAGCTGAGATCACACCACCACACTCCAGCCTGTGTGACGGAGTAAG
ACTCCATCTAANATAAAAAACAAAAGATAAAAAATAAAAAAG

>Sequence 1969

Table 3

364/1077

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAATAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTGGAAAGACAA
ATCTACTTCCCCTCCCTGTCTCTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGATGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTTTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCGG
CATCACATCTCCTTTCAGGCAGGATGAAGAGGAA

>Sequence 1970

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAAGTGATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAACCTCATTAGTCACCAGACAAATGCAAATTAACCTCAAAATGCAATAC
CTGTACACACCTCACAGAATGGATAAAACTTGAAAGACTGACAAACCAAA
CCAACACAAAGCTGGTCTGAATGTGGAGCAAGGAAGACGCTCGTACTCTC
CTGGTGAGCAAGGTGGAGATGGTAAAAGAGCTGGTGTAACCACTTTGGAA
AACTGTTAGTATCTATTAAAGTCAACCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTA
CTCTCGAGGGGGGG

>Sequence 1971

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCGCTAGGACCTGGAGGGCTAG
TCGGCGGGCTGCGCGTCCGGCCGCTAGCTGAGCTGGAGGCCACCGGCCAG
AGCCGACCCAGGAGTGAGAGAGACAGGGGCGTGCGTGAGTTCCGGCGGG
CTGCACCGGGCAAACCCCGTACCTTCCCAGCATCGGCTCAGCAACCCACG
TGCATCCAGGCCGGTCAATGTCATTGAGTCACCTCCGCGCCTTGGCCACC
CTGGAGTCCCAGAAATCCGAAGTTCCAGACAAATGCCCAAACCTACATTCC
TGCATGTTTCGAAAGCGTAAATTGCAAAGCACAAATCCAGTTGGAGATTGT
GGCCGGGAGCAGTGGCTCACGCCTATAATCC

>Sequence 1972

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAACTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAAACAAATGATCTTGGGACAACCTGGATAGCCATTC
AGAAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCACAATAAA
TCAGAGTTAAATGTNNAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAG

>Sequence 1973

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGAAAGCGGTGGACACTGCAGAGT
GGGCATCCAGCCACTGCTACTTCCATGCTGGGATGAGCAGCCAGTGTAGA
ATAAACCTGTGTGCAGTGAAACAGTCAGTGTGCAGTATCCTATGGTGCA
TCTAAACGTATGTAATGCTGCAAATGCACATCTACAAGGACACTCACGA
CTATTTTCATTCTTGATAACACCTTCTTATGACTTGACAAAGAAAATTCA
AGCTTTTGGCTGAGGGTAGTGGCTCGCACCTGTAATCCCAGCACTTTGAG
AGCCGAGGTGGGNTGGGTCACTTGAGGTGAGGAGTTCGAGACCAGCCTG
ACCAATATTGTGAAATCCTGTCTTTACTAAAAATATAAAAAATAGCCCGG
CN

>Sequence 1974

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTATT
GGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCCAGCTTCACTTTTTTCTGAATGG
CTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCATT
TGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAAA
ACAGTAATAAACCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTTA
AGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1975

Table 3

365/1077

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGCACAGGACTGTACTTTTGGTA
GCGGTGCGGGGGCCGCCCCGACCTTAACCCTTGATTAAAAAGGGGTAAA
CCTTATTTGGAACAGCCATTGACTGGGCACAGGCCAACACTTTGGAAGCC
GAGAGGCCGAGGCAGGAGGATCGCTTGAGGCCAGGAGTGCCAGACTGCCA
GACTAGCCTGGGTAAACATAGTGAGACCCTCTCTTCAAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAAAGCCTGTACGGTGGCCTGCGCCTGTACCCAGCTACTCGAG
AGGATCGCCTGAGCCAGTGAAGCTGCAGCGAGCTGTGAGGATGCCACCG
CACTCCGGCCTGGGCTAAAA

>Sequence 1976

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGAGCAGCCCAAGTGTCCAGCCACA
GATGAGCAGTCAAACGCAGGGTGGCCCTCCACACACTGGAAAGTGACGCA
GCCGTGAACAGCAGAGAGGTTTCGGACCCAGGCCACGGCGCGGATGCCCC
TGAGGACAGCACACTTCCGGAGACAAGCCGGACGCAAAAGGCCACGCGGT
GTGTGACACCACTCGTGTGAAATGTTTCAGGACAGGCCAATCCAGAGGCAG
GAAGGGAATGCGTGGGTGCCGGGACTGGGGAGGGAATGGGGAGTGATGGC
TGACAGAGACGGGGTTTCTTCTGGGGTAACAAGAATGTTCTGGAAGCTG
ATAGAGGTGATAGTTGTGCAACTCTGTCAATGTACTATATGCCACTGAAT
TACACACTTTAAAAAGGTGAACCTTTGCCGGGTGCGGAGG

>Sequence 1977

GTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTGTAGAGACAGTGTTTTGCCATGTTGCCC
AGGCTTATCCTGAACCTCCTGTACTCAAGAAATTCTCCTGCCTCAGCCCCA
CAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGATCCCACCATGCTCAGCCATTCTTTT
CTAATGGGAGAGTCCGTTGCCCCACCTCCTTTATGAACAGTTCCTTCTCAT
TGATGTGAAATGCTACCAAATAATATTTTTTTTCTCTTTGTAATTTCCGA
TTGACCAAATAATTATTTACTGGGATCTTATATAAATAAAGACTCTTAAG
ACTTTAGCTTTTTAGTAAATATTAATAATTACTTTTTTTTGAGACAAAGTC
TCACTCTGTCAACCCTGGCTGGAGTGCAGTGGCACGATCATGGCTCACTGC
AGCCTCCTTCTTGCAAGTTCAAGCAATCCTCACACCTCAGCCACCTGAGT
AGCTGGGAATACAGGTGGGCACCGCTGTGCTCGGCTAATTNTTTAATTTG
GGTAGAGGTGAGGTGTCACTGTATTGCCTAGGTTGGTCTCAAACCTCCTGG
GCTCAAGCAATCCACCCACCTCAGCCCTAAATTGCTGGTATTATAGGCGT
GAGCCACCGCACCTGGTGTAATATCGAAATTATTGATAAATATTTACCA
AACTAGAAATGGTTTCTATAGCTTACAGTTACAAAGAAATAGGACTGAA
AACACACCTAATGTAAATGGGACGAATTTTAACTTTATTTATTTGGTGG
CAGTTCTGAGCCCAAGCCTTAGACTTTTTTAAATTAGTTATTAACCTAA
GTATCACTGAAGAAAAGGGATNATGTGTGGAAGAGTTTATGCCCAATTAA
AACCTTGCGGTAACCTTAAACCTGGTATTTTCCATTCTTTTGCAACCTA
GGCGAGGAGGTCTGCACCAGGGGGAG

>Sequence 1978

AGTACTTCTAGAATTATTTAACGCGGGCCTTTTTCTGCTGCTTCCCAGCT
CCACATCAACCCAAAAGGGCTTCAGGAAGAGGCAACCAGGAACCCAACAG
GCTTGTTCTAGGTGCCTCCATCCCTGGGGCTCTTCATGGACAGCAGCTGC
CAAGGCCATAGCTCTCATACGTGTCTTCTGCAAGGTGTTCAAGAGGGCC
TTTCTTCTCTAGACTGCTCTCAGGTATCCTGATGACATCTCTGCTCAGAA
GAGTGGACTGATGAGAAATTGGATGAGATCAAAAAGCAAGCCCATAGCTG
GAGGAAGACTGAGATGAGATCTTGATTCTCTGGTTCCTGGCTCAGGAGCC
TGCCCTCATACGCACCCACTAGCTGCCCGGGTGGT

>Sequence 1979

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGCCACTGCCAGAACCAAAGTGA
CGGTGCCGACACCCCTCCGCAAGCGCAAGGCCGACTTCCATAAGTAATTA
GCCAGAGCACCGTCCCGTTCCTGTCAGCACCGAGCCCCAGCCAGGACACC
GGTATTTCCAGCACCATACAAGAACTACTTTTTTCGATGAGGCAACCCAAA
AGCTGCGAGCGGTTCCCGGTGAGGCGGCCACTCACCTGGCCGGCGCAGA
CAAGACTCCGTGCGTCAAGACATAACAGCGCTTCTCAGAACTTTGCTTCT
CCAGCAGAATAATCCTGCGGAAGACTGAGCAGTTCTTGTGAGGGTGAAAC
CATGGCCCATGCATTGGTGACGTTCT

Table 3

366/1077

>Sequence 1980

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCCTGCCTGGAGGGAGCTGCCACC
CTCAGCTGCAGCCCCAGACCTCGCGGTTGCTCTCATCCGTCGTTCCAGT
GTGGGCAGTGACGCAGCACCACGGTAAGTTCTGTAGAGTGGACGCCACTC
GCTGGCAAAGCCCAGCAGGGCAAGGAATAAGTGTCACTCAGTCTTTATCC
AGAAAAATCCACCAATGTACTTTTAGTGCAGTATTAACAGATGGTAGAAA
ATGGAATTGCCTAGAGGGATTNTAATCTCTTGAGGGATAATTCTGGTACT
TGTACCTGTCTGATGGTCGTGTAAGTCCATGTTAACAAACCTGGGACCAC
AGGAAAGGAGAACTGATGCGAATACAAACAGGTGGAG

>Sequence 1981

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAA

>Sequence 1982

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGAGACCATGGGGATCCCCAGCATG
ATCCTCCTGGGGCACAGTTTGGGAGGATTCCTGGCCACTTCTTACTCAAT
CAAGTACCCTGATAGAGTTAAACACCTCATCCTGGTGGACCCATGGGGCT
TTCCCCTCCGACCAACTAACCCCAAGTGAGATCCGTGCACCCCCAGCCTGG
GTCAAAGCCGTGGCATCTGTCCTAGGACGTTCCAATCCATTGGCTGTTCT
TCGAGTAGCTGGGCCCTGGGGGCTGGTCTGGTGCAGCGATTCCGGCCGG
ACTTCAAACGCAAGTTTGCAGACTTCTTTGAAGATGATACCATATCAAAA
TATATTTACCACTTCAACGCACAAAATTCCAATGGTGAGACCGCATTCAA
AGCC

>Sequence 1983

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACCTCCTGGCCTCAAGTGATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCGCCCAACCCTGTGT
TTATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAA
CACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTT
GGCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAATACAGCGCAAATGATTTGG
GGTCTGTGAATTCAGTTTTATTATTGGCTCCTTCCTTTAAGGAGTCAG
GCTAATGCAAGAAAATCCAATAATTAGATCTTTTGGATTTCAAATAACTG
GT

>Sequence 1984

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAAGAATCAACAGACTCTATAT
TTGATCACAAAGCAAAAGTTTAAGTGTATTACTTAAAATTTTAAGACAAA
ATCTGGAATAATTATAACTAACACAAATTTTGAGGTAGAGGAAGAGAATT
CTAGAGATAGGTGAGATAAAATTTTCATCTTTGATAATGAGTAGACAAAA
ACACTACCTTTAACAAAGTGAAGAATTTAAAAAATTTAGAGAAGAGGAAAT
CATAAGTGGTTTTTAAAATTTATTATACATATCGAGGTAAAGATAATCCA
ACAGAAAATGAGATTTGAACAGACACTTCACAGGAGATAGACAAATGTCT
CAA

>Sequence 1985

AGTTCTTCTAGAATAAATTAACGCGGGTTTTTCTGCACTCCAACCTGGG
CAACATAGCAAGACTCCATCTCTAAAACACACACGTCACACACACACAC
GCACACACATAACAAAATGCTCCCAAGTTTTTATTAGACCCAAATGTTTG
CTGTTTATTACCAAAAAGATAAGATTTTCTTTTTAATAAAAAAGAAAAATG
GCTGGGTGCAGTGGCTCACGCCTGTAATCCAAGCACTTTGGGAGGCTGAG
GCGGGGCAGGTGAATCACTTGAGGTCAGGAGTTCAAGACCAGCCTGGCCA
ACATGGTGAAACCCTGTCTCTGCTAAAAAAGAAAAAATTAGCTG
GGCATGCTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTACTCAG

Table 3

367/1077

>Sequence 1986

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGCGCCTGTAATCTCAGCTACTTTG
GAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTAGAACCCAGGAGGCAGAGGTTGCAGTG
AGCTGAGATCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGGAGACAGAATGAGACTCC
ATCTCCAAAAAAAAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAAAGAGGCTCTA
TTTTGATACTGGGAGCCTAACTGAATGATTCTGGAGAAATTCACAGATG
GGGCTGAGGCTCACCTTCATGACAGCTGTATCAAAGGCCTAAATTTCTAA
GGCTCAGAAATCACTACAATAAGCCTATCAACAGCATGTGATACTCTCCA
AGCATTTTGCAACCTTAACA

>Sequence 1987

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCCTTTATATCAACAGCCTTTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCCTTGCAATATACAGGGCTCCCTACACACACTGGGATA
TCTAGGTACAAGCCCAAAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGTAT
TTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAAT
ACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTCGCGAGCTCAAGAC
CAGCCTGGCCAAACATGGTGAAACCCCGTCTT

>Sequence 1988

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCCCTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1989

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGGAAAAAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTACATTCCCCTTAGGCCTG
AGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCTTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATCACATCTCCTTCCAGGCAGGAAGAATAGGAAGGAGGAATAGA

>Sequence 1990

CTTAGGGAGTCGCCCACGCGTCCGGCTTGCTTGCTGCGCTTCTCCTGCAG
CCTGGTAGGCACTGGCTGCTACTTCAGCTTCAGCCTTCGTCGCGACCCCT
ATTTTGGCTCCAGTCTCCGACCCGTGCTCCGTCTCTCTACTTGGTTGC
ATCCTCCCTCCTAGTTCAGATTGCGCCAGATCCTGCTCCAAATCCGGT
AGCCGCATCCCCAAGCCATGGCTGGTCCCTTCTCCCGTCTGCTGTCTGCC
CGCCCCGGACTCAAGCTCCTGGCTTTGGCTGGAGCTGGGTCTCTCGCCGC
CGGGATTCTGCTCCGTCCGGAATCTGTACGAGCTGCCACCGGTGAACGGA
GGAGACTGTATCCNCCGAGCGCTGAGTACCCAGACCTNCGAAAGCACAAAC
AACTGCA

>Sequence 1991

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCCTGCTAACATTTAGTCCATCAC
TATCCCTTAAGGGGAGAATAATGCCCATGAGACCTCAGGGGCGGGGTGAC
TACCCAAGATAGCCATCTGAACGTGACACACGGACCCAATTTTCCTGTAA
CCTTAAGGTGGTGTAAAAGGGGCAACCATCTGGTCATTTCTTCGAGTTTT
TTTTATATTTTGTATAACTCCTGTGCACATAATAAAATATGTAAGCCTAT
TTTTCTGCTAATGTGTGTACTATCAGTTTGTTTTATGGACTCACCCCTAA
GGAGAAAAATGTAAATTTACCTACATGTGAAATTTAATTTGGAGCTTGGC
TGCCGTGGACCTATCTAAAACCTGGGTGGCCTGGGCTCTTCCTTCCCAGAT
AAAACCTCTTTTTTTTTTTCTTTCTGAAGATGGTAAGGGTGGAAG

>Sequence 1992

GGCCAAGATAATGCAGTTGCGTAAACACTCACAAATTAAGTGAAGCTTCG

Table 3

368/1077

TGCCGGGCCCCCCTCGTTATGTACTTCTAGAAATAATTAAATGAATTTA
 TATTGGGCATTTCATATGTGCTAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTAT
 GATGAATATGACAGACAGATACCTGTTCCAGAGAGTTTATAATGTTGAG
 GTAAAGAGCCACATAAAAGACAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTG
 GGATCAATGAGGAGGGATGCCTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTG
 CATAGAAGAGGTATCATTTAGGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGT
 AGGGAGAATTCCGGGCATTGTAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCA
 TGTGCAGAGACCTAAAGGCATGAGGGAGGGCAAGTAA

>Sequence 1993

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAAATTATTATTTAATGAGAAA
 AAAATCCACGTGTATACAACATTTCAAAACAGAAGTTAAATCATTAAATA
 GTACTTTTTATTATAATGTTTATAAGGCAGATCTATGAGAATGATAGAAA
 ACATGGTGTGTAATTTGATAGCAATATTTTGGAGATTACAGAGTTTTAGT
 AATTACCAATTACACAGTTGAAAAGAAGATAGTATATTCCAAGCAGATTC
 AAAATATCTAATGATAGATCATGGCTTGAAAATGTCTTTGTAATAATTGA
 CAGTGGGAAATGGAGTGTGATGGGATTGGTACGTGGTGCTGGATAGCGAA
 AAG

>Sequence 1994

GCCCTGTCTCGATCTATTCTTAGGGCAATTGGAGCTCACCGCGATGGCCC
 CCGCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTAACTTTTA
 TTTATTGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTCCAGCTTCACTTTTTTCT
 GAATGGCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCC
 CCCATTTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTTTTAGT
 TATAAAACAGTAATAAACCCCTTGAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTT
 TGTTTAAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 1995

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
 TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
 CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAGTTAGCTA
 CGATCACGTGACTGGATTTCTGGCCAGTGAATGTGTGTGGAAGTGATGT
 GGGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTGTCTCTT
 TCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAAA
 GCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACCT
 GCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCTAAT
 GTGTTAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTACAGC

>Sequence 1996

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGTTTAAAAAAGAAAAAGAAA
 GCGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTGGAAAGACA
 AATCTCCTTCCCCCTCCCTGTCCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTG
 TGTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
 GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
 CTCTCCTCTTTCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
 AATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
 GCAT

>Sequence 1997

AGCCATGTGCTCTAAAGAGTTCAGCGGCGTCAAACACCACATGCGCCGTT
 TCCCCTCCCACGTTTCCAGTCTGCGGTAAGGATGGCAACGCATAGCCTG
 TACTGCATCCCAGACCCCTAACCCCTTAAGCAATGATACCGAAGCCGCGC
 TGATCGCCGAGATCCGCACGTCCGGTTGGCTATCAGCGACAAACGGCGCT
 GGTTCTGCGTGCTCGATCACCGTTACCGCAAATCCGTGCTGTGCCAGCCC
 CAGCGCCAGTGCGCCGCCGACCATTCTGCGCCGACAATGGCAATTTCCG
 TTGGTTGATTTGTCATGGTCAATCATCCTGTTAGCAATATGCTTTAAGTC
 TACAGGATTTTACCCTAAGGGCTGATAACGCTCATACTGGTCACAACG
 GCAGCAAAGCATTACACTATGCGCCCTGCATTCTGGCTACTATTTTCGCA
 AGAGCAAAGTCGATGACCAAAAACTCCATATTAACCTGGGGCTGTCAG
 ATGAACGAGTACGATTGATCGAAGATGGCCGATCTGCTGGATGCCACCCA

Table 3

369/1077

CGGCTATCAACTGACCGACGTGGCGGAAGAAGCGGATGTGCTGCTGCTGA
ACACCTGCTCAATCCGCGAGAAGGCTCAAGAAAAAGTCTTCCATCAGTTG
GGCCGCTGGACACCTGTAN

>Sequence 1998

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGAAGATGGAATCTCACTCTGTCA
CCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAGCTCACTGGAAGCTCTGCCT
CCCAGGTTACACCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCTCAAGCAGCTGGGACTA
CAGGCGCCAGCCGCCATGCCTGGCTAATTTTTTTTTTGGTATTTTTTAGTAC
AGATGGGGTTTACCCTGTTAGCCAGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCG
TGATCTGCCCACTTCAGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCC
ACCATGCCCCGGCCGATTTACCTTTCAATGGCAATTACTATAAGACAGGA
AAGTTATTTATTTTTATATATTTACCTAATTTAAGTTACCTTATACAAC
CCTCATTAAATAGTCTGTTAGAACTAGAATTTAAACTCTATGTGAATATGG
ACCTTATTTAAACAATGTATCCCTAGCACCTAGACAATGCCTAACCTGTC
ACATTAACCTAATATATATTTTTATTTATATTTTTTGTTAATTATTTTTT
TTGAGACAGACTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGTAGTGGTGCGAT
CCTGGTTTACTGAATCTN

>Sequence 1999

TTTTACTTTTTTTTTATTTTGGTTTTATCTTTTTGAGCTCCCCTCAGACG
CGCTACTACTAATCCGTGACGTATAGGGAACACACGCTGGGTACCGGCC
GCCTCCCTCGAGAGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCACT
CTACCTACAGAATTCCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTTAA
GTCACTTTTAGTTGGATTTTCTGTTATTTTCAACCAAAAGCATTCAATG
ATAGAAGTGATGTAGTAAGACTGTGACAGTTTTTATTCACCCACATATTT
GTTAAACTATGCCTTGCTGACCAGACTGTTTTGGCTTATGCTTGTTTTT
TCAGTTCTTTTTTGGTTTTATTGATTATTGTTAGTTTTGTGTTACAGAAT
TATAAAGCTAATTTCTGTGTATCATTATTAAGTGTTTTTTGTGGTTTTA
GTTGTGTTGTTTTTGTGTTTTTTT

>Sequence 2000

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTCTCATAACGAAGCACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTAGAATATTGGTGCATTTTTCA
ATAAGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATTTCCAAGGT
TTCATGCATCCTCATATTCACCCACACTTTAAACTATCATTATAGTC
CACCCATGAGATTTGCTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGTTACCC
CTAGAACCCATCTATGCGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGGCTAGGTCATA
TACTCCACCCTTGGAGCAAGGGCAGAGTCAGCTTCTCCGGAACCATG
AGCCCCCTCAAATATCAGGGC

>Sequence 2001

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGACCTGGAC
TGGAATCTAACACTGTGAGTACTCCCCAGGATCCGTGTTCTCTCTTTAG
CCCAGGCATGCAGTTACATTACATTTTCCAACCTTCCTTGCAGTTAGCTA
ACGATCACCGTGACCTGCATTTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGA
TGTGGGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCT
CTTTCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAA
AAAGCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTA
CCTGCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCT
AATGTGTTAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTAC

>Sequence 2002

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACATTTAACTCTGATTTAT
TGGGGGGTAAAGCATGTTATAGTGTTCAGCTTCACTTTTTTCTGAATG
GCTATCCAGTTGTCCCAAGATCATTTGTTGAATAATTCATTTTCCCCCAT
TTGAAATGACACCTTTTCGTATACTAAAGTCCCAAGTCTCTTAGTTATAA
AACAGTAATAAACCTTTGAAACAGGCATTTTCCTAAAATACATTTTGTTT
AAGTAAGACAGTTTTCCCCCGCTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 2003

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAACTGTCTAACTTAAACAA

Table 3

370/1077

AATGTTTTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAGTGAAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAACAATAAT
CAGAGTTAAATGTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA

>Sequence 2004

TTTTCTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTAGACGGAGTCTCCCTCTGT
CACCCAGACTGGAGTGCAATGGTGTGATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGC
CTCCCGAGTTCAAGTGATTCTCCTGTCTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGAT
TACAGGCGCCTGCCATCATGTGCCGGCTAATTTTGGTATTTTAGTAGAG
ATGTGGTTTACCATATCGGCCAGGTTGGTCTCAAACCTCCTGACCTCAGG
TGATCAGCCCGCCTCTGCATCCCAAACCTGCTGGGATTACAGGCGTGAGGC
CACCACACCCAGCCCGGATTACCCTTAAGTAGGAGGTACATTCTCTTCCA
TTGAAAAAGAGAGAGAGCAGAGAATAGATGCACAGGCAAGCAGATCTGTA
TCCATTTTGTGTGGGAAGTTGCTTCTCTCTGATGTTCTCTCTCTCTCT
CTCTCTCTGTCTCTCTCTCTCTCTGTTTTCTCTCTCTGCTGCTTCAAGTAG
GGAATGATTAGTGAGTGATACTGTTTGCTAAGTAGTAAGAAAATAAAGAA
GGGAACACAGAAAGAGTGTTTCATAGAAAAATGCTGGCAATGTCTAGAG
ACATATTGCTC

>Sequence 2005

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTGAATTGTTGTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTATTTTATTTTATTATACTTTAAGTTTATAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACCTTCGNAATTTATATTAAGGTATATATACCTTGTTAA
TTGGACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCT
TTATTTGCCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAACAAAATAT
AATGCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTTAAATGAATTACATT
GCATTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTTATAGAGGAAGTCTAAAA
GAAATTCTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTTAAGAAGGTATTTTT

>Sequence 2006

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAGAAAAGAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCTCCCTGTCTCCTTCTCTACATTCCCTAGGGCTGT
GTACCTTTCTCTTAAGGGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCA
GGTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGA
CTCTCCTCTTTCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTG
AATGACATCTCTTACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
GCATCACATCTCCTTTCCAGGCAGGAAGAAGAGGAAGGAGGAAGAGACAG
GACAAAGGTGGTCTTTCTTCCAGTAAAGCTTTG

>Sequence 2007

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGACTGCTAACAATTAGTCCATCAC
TATCCCTCAAGTCAAAATAATGCCATCATACCTCAGGGGCGGGGTGAC
TACCCAGATAGCCATCTGAACGTGACACACGGACCCAATTTTCTGTAA
CCTTAGAGGCGGTGTAAAAGGGGCAACCATCTGGTCATTTCTTCGAGTGT
TTTTATATTTTGGTAACTCCTGTGCACATAATAAAATATGTAAGCCTAT
TTTTCTGGTAATGTGTGTACTATCAGTTTGATTTATGGACTCACCCCTAA
GGAGAAAAATGTAAATTTACCTACATGTGAAATTTAGTTTGGAGCTTGGC
TGCCGAGGACCTAGCTC

>Sequence 2008

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA

Table 3

371/1077

TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGCAGATAGTTCTGGAGGGCAGC
TAGTGGGGGAGGAAGTGAGAAAAGGAATGATTGTGGAGAAGTAGTCAAGG
>Sequence 2009
AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAAAAGAAAAGAAAG
CGCCTTCAAGGCCATCTGTTTCTCTGCTACTACCTTTTTGGAAAGACAA
ATCTCCTTCCCCTCCCTGTCTCCTTCTTCTACATTCCCCTAGGGCTGT
GTACCTCTCTCTCAGCGTGCCCTGCCTCGGTGCCTCTGTGGCAGGGCCAG
GTCTGACTTCCCAGATGAGCTTGCTCTCCTAAGCTGCATCATTGCATGAC
TCTCCTCTTTCCTAACCTCCCTCACTCCTCCAGCTCCCTTCTGCTGGTGA
ATGACATCTCTTCACGCCACACAGTCACAGGACGGCTGCTCCACCACCG
CATCACATCTCCTTTTCN
>Sequence 2010
AGATGTTACGCCAGCGCTCATGATCCCTTCTAATTGGAACAAAGCGTGAC
CACGTGTCAATAAATCGAGAGCTCTTATGGATGCAGCCACCCTGAGCCT
TCCCTTGTTATTGTGTAGCCAGAATGCCGCAAACTACCATGCCTAAGCG
AACTGTTGAGAGTACGTTTCGATTTCTGACTGTGTTAGCCTGGAAGTGTC
TTGTCCCAACTCTTGTGTTCTGAGCATTGAACGCCTCGCATGCCAACATG
TATAGTTGAATGCATCAGGTGCGATTAGCGAGCATGATATCATAAACGCA
TCTGAGCATGCTCGTGTGCGCTATTGGCGTTTGCCTAGATCCGTACGCAA
GGACTTTTCAAGTCTCGGAAGGTTTCTTCAATCTGCATTGCTTCGAATA
GATATTAACAAGTTGTTTGGGTGTTTCAATGTCAACAGGTAAGTTAGTTG
CTAGAACCCATGGCTCCTTTGCCGACGCTGAGTACATTCTAGGTGACGGG
TGGTGACAATGAGTCCGGGTCGAGCGCTGATTCTTTCGGCCTTTAGAGCG
AGATTTATACAATAGAATATGGCATGAGATTGGATTGCTTTTAGTCAGCC
TCTTATAGCCTAAAGTCTTTGAGTGACTCGATGACATCTCATGTAAGTCG
CTGATCGGTTTCCAGTTTCCCGTCTTAGGTCTGCATATTGCACTTTGACC
TTTACTTGGCTTAACCAAGTACCAACCCATCTTCTCAACGGACTTATACCA
TGGGAGCTTTAAGCCCTCATTACTTACAATGAGCGGTGGGTGTTACTCGG
AAGAAAGCTTACACCGGCCCGGTGCAAATTGGGCTTAGCCTGCTTTGAACA
TGCTCTGAAAGCGGGACGCTTCTTAATAGGAGTACACTACCACGTTTTTG
CACCGAACTGGCATACCAAAGGGTTTAGCTCCAG
>Sequence 2011
AGTACTTTAGAATAATTAACGCGGGCACCCAGGGATCGCAGGCGGCCGAA
TACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTGTGAGGGCCTGCCT
TGGCTCCTGCACCCACACAGAACGTGATACTGCCTTTATTCTCTCCAC
CCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGACGGGGGTCCACAAGAG
TAATTCTGGAGATGGCGTACGTGAGGAATGCTTAGAGACCCACGGAG
CCAAGTCACGGGACCTCAGCGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACCTCCA
GTCGACAGCATCGGGTAGGCCCACACGTGTGGCGGAGGAAGTGAGTGTC
CTGGCCCATACCAAGCACAGCTGGCAGAGGTACCTGTGCAGGCGAGTCC
AATGCCCAGCTCTATAATAAACACGCCTTGCGGTGCTGGAAGAGACTCAN
AGTCCATCCAAGACAGATTCTGTCTTCCCACTAACTGGAAGCTCCTTAA
AGACCGCGATGTGGCAGTTTTGCTATCAGCTATGTGCCAGTGCTTAACA
CATGGCCCGGCTGCCTGAGCACTCAGAAAGACACCTGACGGACAAGGAA
CCAATCAAACAGAGATTGGCCCACTCCACCCCAAGACCTGACAGTCAAA
AGTCATTAAGCACCTGGCAGGCCCACAACCTCTCTGGCCATACCCATGCCT
CAATTTCCCAAGCATGGGGGAAGTGAATATTCCAAAATATTGCCCCAAC
ACCATGGTTTACACTCTCTTTGACCCAAAAGTCTTTTTTCGGAAGAAATC
TGACATGCAAACCCAGATCCACCACAGTTTAGACAGGGGGTTGGAAAG
GAGGCTCAAACCTGGATTCTT
>Sequence 2012
TTGTAATCTAGAAATTAATTAACGCGGGTGGTGGAGGTTGCAGTGAGCCG
AGATTGTGCCACTGCCCTCCAGCCTGGCAATAGAGCAAGACTACGTCTCA
AAAAACAAAAAACAACAAAAAAGTATTTGACCAGAATGGAAAG
GGTGTGTGATTCCATTTGGTTTGTGTTGTAATAACTTAAAAATAACA
ATTTGATACCAAGTTATTTTTTCAATCAAAAAACATAAAACAAGTTACA

Table 3

372/1077

ATTCCAGAATGCCATGATTTGGCCAACATTGATGACTTGAACATAATGAC
GCAGCCAAGGAGGTAGTTGGTAAAATAAAAAATAATTCTGTGCTAGGGAGT
CAAGATCCCTAGGCTAAAGTCCTTGACACTGCTTAT

>Sequence 2013

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAAAGCGGGTTCATACAACAA
CCACTCAGATGTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTG
CATTATTCAAGAAGGCTCTTCCCTTCATAGCCCCAAGATAAACGTGAACAA
TTCCCAAGGTTCCATGCATCCTCATCTTACCCCCACACTTTAAACTATC
ATAACTAGTTCACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAA
GTGTCCACCCCTTGAACCCATCTCTGTGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGG
CTAGGTCATATACTCCACCCTTGGAGCAGGGGCAGAGTCAGCTTCTCCAG
AACCAGATGGAGCCCCGCTCAGAAATCACGGGCTATTGGGTCAAGGGAAG
AAAAAAATAAATGCTGCAAGAGGTAACCAATAAAGGTATGTGCTTGATCA
TACGAGGAACATTTGAAGGAATAGTGTCTTAGCTTAAAGATGAATAGAC
ATGAAGAGGACAAGGTAGCTTAAGATTTGAAAGTGGTATTTGGAGGAAGC
GTCAGATTTACTGGGTGTAATTCTAGTACTGATGGTTAAAGGGATGCAGA
TTTTGATTAAATTAAATA

>Sequence 2014

AGTACTTCTAGAATTAATTAATGAAATCATATTGGGCATTTCATATGTGC
TAAACACCATTCTAAGTGCTGAGGCACTATGATGAATATGACAGACAGAT
ACCTGTTCCAGAGAGTTTATAATGTTGAGGTAAAGAGCCACATAAAAGA
CAATTGTGTTATCACTTATGAAGGGCTTTGGGATCAATGAGGAGGGATGC
CTAACACAGACAAAAATTCAAAGAAGCCTGCATAGAAGAGGTATCATTTA
GGTTGAAATGTGAGAGAAAAACAGCATTGTAGGGAGAATTCCGGGCATTG
TAGGGAGAATTCTGGGCAATGGGAACAGCATGTGCAGAGACCTAGAGGCA
TGAGGGAGGGCAAGTATGTTTGAAGATGGCAGATAGTTCTGGAGGGCAGC
T

>Sequence 2015

TAGTACTTCTAGAATTATATTAACGCGGGTTTGCCTGGAGGGAGCTGCCA
CCCTCAGCTGCAGCCCCAGACCTCGCGGTTGCTCTCATCCGTCGTTCCCA
GTGTGGGCAGTGACGCAGCACACGGTAAGTTCTGTAGAGTGGACGCCAC
TCGCTGGCAAAGCCCAGCAGGGCAAGGAATAAGTGTCACTCAGTCTTTAT
CCAGAAAAATCCACCAATGTACTTTTATGTGCAGTATTAACAGATGGTAGA
AAATGGAATTGCCTAGAGGATTTTAACTCTCTGATGGATTATTCTTGTACC
TGTACCTGTCTGATGGTCGTGTAAGTCCATGTTAACAAACCTGGGACCAC
AGGAAAGGAGAACTGATGCGAATACAAAN

>Sequence 2016

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGGGTTTTGACATGTTG
GTCAGGCTGGTCATGAACCTCTGGCCTCAAGTGATCCACCTACCTCGGCC
TCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCGCCCCAACCCTGTGTT
TATTCTTAGGTCTGTACTACGCTTTATGCCTCAGTTTCCACAGTTAAAAC
ACGTTATTTTATTCCTCACGTTATAGGAGCAATTTGTATTCATAAACTTG
GCCTTCACCTTCAACTTCTGAAGATTTTAAACAGCGCAAATGATTTGGG
GTCTGTGAATTCAGTTTATTTATTTGGCTCCTTCTTAAAGGAGTCAGG
CTAATGCAAGAAAATCCAATAATTAGATCTTTTGGATTTCAAATAACTGG
AAGAGGAAGTGGTGTTTATCTAATGGTTTAGGCATAATGCGTGTTTTTC
CCGTAGGCCTGTGTGTATATGTGTGTGTGGTTGNTCTTAACCTGAAGA
ATTAACACTTGTTTTCCCCGTTAATTAATTCTAGAAGTACT

>Sequence 2017

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAAATTTTCTCTCTTGTTG
CCCAGGCTGGAGTGCAATGGCATGGTCTCAGCTCGTGGTCTCACTGCAAC
CTCTGCCTCCCAGGTTCAAACGATTCTTCTACCTCAGCCTCCCAAGTAGC
TGAGATTACAGGTGCCTGCCATCATGCCCGGCTAATTTTTGTATTTTA
GTAGAGACAGGATTTTCATCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTTGAC
CTCAGGTGATCCGCCCACCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGACA
TGAGCCACTGTGCCCGTCCTTGTGTTTTATTCTAAAAGATAATTTTAA

Table 3

373/1077

GTTTTCATTTCATATGTTATTAATAATGCCACTAAATACTAGAGCAATATAT
AGCAGGTATGATAGTTTTGCTATTTATTTTATTATGCCAATGGAAAATTA
AAAATTTAATAAGTTTACTTATGTTATTTTCAGTACCAAATAAAAAATGTA
AATTGACTGATTTTGTAAGTATAGTTAAGGATGCATTTCACCTTTTTAAA
ATGAGTACTTTAAAAATAAACAGTGATCATTGAATGAAAAAACATAATA
TTTAAAATTTGTAT

>Sequence 2018

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTCTCATACAAGAAGTACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTGCATTTTTCA
GTAGGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATTCCCAAGGT
TCCATGCATCCTCATCTTACCCCCACACTTTAAACTATCATTCTAGTT
CACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGCCACCC
CTTGAACCCATCTCTGTGGCCAGGAAAAAGGAACGATAGGCTAGGTCATA
TACTCCACCCTTGGAGCAGGGGCAGAGTCAGCTTCTTCAGAACCAGATGG
AGCCCCGCTCAAAAAT

>Sequence 2019

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGGAAGGCACCTACAAAACG
AAAGTGCCTAGGGCTTACAAAAGTCATATGTAGCCTTTACAAATATTAGC
TCAGTCATTTTCAGAAAGGTTTTTCCAATTATCATTTTAGAGATGAGGAA
ACTGAACCTCAGGGAGGCTTAGGAAACTTATCCAAAGCCTCTTAAGAGGC
TATGTTAGTCAGACTGGGCTAACAGCTGTAACAACCCAGAAATTTAAATG
GCTTAACACATTAGGAGTTTATTTGTTATTGCCATAACAATTCAGGGTGT
ATGTTTGGCAGGTAGTCTACACAGTGATTACAGGGACCCAGGCTCCTTCCC
TTTGGTGGCTTTTTCTCCCTCTAGGGCTGGGAGCTCTCCATGCAAATGGG
GGATGGCGAAAGACAACCCATTGTGGGGGATTTAATAGGG

>Sequence 2020

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGTCTCCCAGGGATCGCAGGTGGCC
GAATACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCTG
CCTTGGCTCCTGCACCCACACAGTTCGTGTTTCTCCCTTTATTCTCT
CCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCACA
AGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAGGTGAGGAATGGTTAGAGACCCAG
GGAGCCAAGTCACGGGACCTCAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGACC
TCCAGTCGCCAGCATCGGGTAGGCCACACGTGTGGGGGAGGAAGTGAGT
GTC

>Sequence 2021

AAGTGGGATNANTCCACTAAGGGACATGGGCAGAGTCTCGGCCNCCCCTC
GAGAGTACTTCTGTATTAATTAACGCGGGCATTGTGTGCAGAAGTATTG
TACTGGAATCTAACACTGTGAGTACTGCCAGGATCCGTGTTCTCTCTT
TAGCCAGGCATGCAGTTACATTATTTCCAACCTCCTTGCAAGTAGC
TACGATCACGTGACTGCATTCTGGCCAGTGGAATGTGTGTGGAAGTGATG
TGGGCCAATTCCAGGCCTGGCCTATAAAAATCCCCCACTTTTTGTTCTCT
TTCTCCATCCACCATCTGCATGGAGAGCTCCCAGCACTAGAGGGAGAAAA
AGCCACCAGAGGGAAGGAGCCTGGGTCCCTGAATCACTGTGTAGACTACC
TGCCAAACATACACCCTGAATTGTTATGGCAATAACAAATAAACTCCTAA
TGTGTAAAGCCATTTAAATTCTGGGGTTGTTACAGCTGTTAGCCAGTCT
GACTAACATAGCCTCTTAAGAGGCTNTGGATAAGTTTCCTAGCCTCCCTG
AGCTTCAGTTTCCTCATCTTTAAAATGATAATTGGAAAAACCTTTCTGAA
AATGACTGAGCTAATATTTGTAAAGGCTACATATGAACTTTGTAAGCCCT
AGGCACTTTCCGTTTGGAGGGGGCCTTCCTCNNNNNTNAGAAATATNAA
TAATAATAAAA

>Sequence 2022

TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCACTTGAATTGTTTTTATAGTGCTTCC
GTTATTTATTTTTATTTTTTTTATTATACTTTAAGTTTTAGGGTACATGT
GCACAACGTGCAGGTTTGCTACATATGTATACATGTGCCATGTTGGTGTG
CTGCACTCATTAACCTCGTCATTTATATTAGGTATATACGTGTTTCATTG
TACCCTTATCGACTTTGCAGCATGCTTATCCATCTAACTATTCATCTTTA

Table 3

374/1077

TTTGCTTCGTTTTTTGAGTTCCTTATTCATCCTAAAACAAAATATAAT
GCCTGACTCATAGTCAGACTTCACAGTATTTTTAAATGAATTACATTGCA
TTGGGGAAATATAAATAGTAATGTCCTTTATAGAGGAAGTCTAAAAGAA
ATTCTTGGGTGAATTGATAATCAAACATTTTTAAGAAGGTATATTGCTA
GCAAAGAAAGAAAAAATATGACAGCTTATTTATATAGAAAACCTATGTAT
TCTGGGATTTTTTTTTGTTTCAAGTCTGTATTATGAATATCATGCTTATC
CTTCCCCCGCCTTAATTAATTTTAGAAGTACTCTT

>Sequence 2023

TAGAGTACTTCTAGTATTAATTAAGGCTTTGGAAGGGATAGCATGATATT
CATATACAGACTTGAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTTCTA
TATAAATAAGCTGTCATATTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTC
TTAAAAATGTTTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTTAGACTTCCT
CTATAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATT
TAAAAATACTGTGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTTA
GGATGAATAAGGGAAC TCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTA
GATGGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACACGTATAT
T

>Sequence 2024

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGTTCTCATACAAGAAGTACTCAGA
TTTTTCTCTCCATCTCTCCACCTGCTTTTTGAATATTGGTGCATTTTTCA
GTAGGCTCTTCCCTTCATGGTCCAAGATAAACGTCAACAATCCCAAGGT
TCCATGCATCCTCATCTTCACCCACACTTTAAACTATCATTCTAGTA
CACCCCTGAGATTTGTTCTGATTGGACTAGCGTTGATCAAGTGTCCACCC
CTTGAACCCATCTTTGTGGCCAGAAAAAGGAACGATTGGCTAGGCCATAT
ACTCCACCCCTTGAACCAGGGCAAATAATTTTTTCAAAAAACAAGGGGC
CCCCCCCCAAAAAAAAGGGGCCTTTTGGGGAAAAAAGAG

>Sequence 2025

GCCCCATGTAGCAGTGATGCAACAACCTTAGGGAATATTGTAATTTCTGC
CCCCCCTCGAGAGTATTTTTAGAATTAATTTAGGCGGGCTGTTTTTACC
ACTACACTGCAGCCTGGGTGACGGAGTGAGACTCTGTCAAACATAGAAGA
TAAGATGAACACGCACAAGAATGAAAATGGACTGTGCAATACTAAAATTA
ATATGAAAATGTAGAAATTTAAAATACCAAAGAAATTTTGAAAAATAACA
AAGCTGGAACTGGCCTTGCTGACTTTGAGACTTGTAAGCTATAAAAA
TTAAGACAGAGTGATAATAATCTCAAAC TATACAAATAGTTAAATGTGAC
AGAACAGGTAGACCCACATATATATAGATAGCTGATATTGAAGAGACATG
CAAAGTTAATTCATGGGCAAAAAGATAGTCTTTTCAATAAATGGTGTTAA
AATAATGGTTATT

>Sequence 2026

AGTACTTCTAGAATTAATTAAGGCGGGGGAAGGGATAGCATGATATTCAT
ATACAGACTTGAAACAAAGAAAAATCACAGAATACATAGGTTTTCTATAT
AAATAAGCTGTCATATTTTTCTTTCTTTGCTAGCAAATATACCTTCTTA
TAAATGTGTGATTATCAATTCACCCAAGAATTTCTTTTAGACTTCCTCTA
TAAAAGGACATTACTATTTATATTTCCCAATGCAATGTAATTCATTAA
AAATACTGCGAAGTCTGACTATGAGTCAGGCATTATATTTTGTTTAGGA
TGAATAAGGGAAC TCAAAAAACGAAGGCAAATAAAGATGAATAGTTAGAT
GGATAAGCATGCTGCAAAGTCGATAAGGGTACAATGAACACGTATATATA
CCT

>Sequence 2027

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCCTTTATATCAACAGCCTTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCCTTGACAGATATACAGGGCTCCCTACACACACTGGGATA
TCTAGGTACAAGCCCAAAGTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGTAT
TTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGGCTCACATCTGTAATCCCAAT
ACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTCGCGAGCTCAAGAC
CAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAAAC

Table 3

375/1077

N

>Sequence 2028

AGTACTTCTAGAATTAATTAATCCACCCTTGAACCAGTCTACCTCCAGAA
TTCCTGGTACATGAGATAATAACATTTCTTTGTTAAGTCACTTTTAGT
TGGATTTTCTGTTATTTCCAACCAAAAGCATTCAATTGATAGAAGTGATG
AAGTAAGACTGGACAGCATTTATCCACCCACATATTTGTAAAACATATGCC
TGTCTGACCAGACGTGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAG
GCTGCTGCAGGAGGATTGCTTGAGGCCAGGAGTTCAAGACCAGCTGGGA
AACATAGCAAGACCTTATCTCTAGAATAAATAAATAACAATAAAAAATTTT
AAAACATA

>Sequence 2029

NGGAAGAGTGGAAAACGCCNTCTAAAGGGACCTTTGGCTGAAGATTTGCG
CCANCCCTCCAGAGTACTTCTAGTAATAATTAACCTCGGGTAGTGTCTAAG
GGATGTCTTCTATTCTATCTTAGGTGTCTCAAACCGGTAGCAGAGAGCGC
TAATTAATTCTTTAGTCAAAGCTCGGTATTTTCTCTGAGCCAGGCCATAT
GGGACACTGGGAACATTGAGGTGACTCAGACTCTGAACCTCCGTGAGCAG
CTGATGGGGAGGGCCATGCTATTCCAGCCCTTGGAGCTTCTATGACCAGG
TGAACAGAGAGCTGGCATTCTCTATTGAACACAAGAAAAACGAGCTCTGAG
AGGAGGCTGCATGCACTCAGCCAGGCCAACCAGGACTGGGTCCCGGGCCT
CCTGACTACAGCACAGCGACCTCCTTCTCCTTCAGCCAGCTCCAGAGTAC
CTGGGGCTGGAGCCATGTTCTGGAGCTGGTTTCCCTGGCTTTCCTGTTT
TGTCTCTGGCGCTCANTGAGCTGAAGGAGCTCTAGGCCCTGATGGGCTCT
CTGGGCCTGANGGGAGGGCCGGGGCCAGGCTGAGGAGAAAGGTCTG
AGATCCACTTTTGGCTCCCTGCCTGTGGGTAGGTGGCACATTAATGGAAA
GCACTTTTAGGGCTGGGGGAGGAAGGGATTCTGTCATCAAGAGGAGGCTC
CTTCAGGAACAACGGCTCAAGGAAGTGGAAGCAGCCCTGGAAGTGCAG
TGCTTGTCTTTTCTAAGGCCCTGACTTCACCAACTGGGCTAATCTGGAT
TCTTGAAAGTCCCAACAAGAGAGAGATGCTTGTGACCCCGGTGTGGTGA
AGGGGCACAAAAGGTGGTGTGGGCCTGGACCCTGCACAAACCTTGCTGGA
GGCAGACCCAGATGCCAGAGAG

>Sequence 2030

AGTACTTCTAGAATTAATGTAAGGCGGGTTTTCCAGGGATCGCAGGTGGC
CGAATACTGCAGCTGGCTTTTGAAGGCATCGATGCACACTTTGAGGGCCT
GCCTTGGCTCCTGCACCCCACCACAGTTCGTGTTTCTCCTTTATTCTC
TCCACCCAGAAAGGTGACAAATCCAAGCCCTGGATGTGAGGGGGGTCCAC
AAGAGTAATTCTGGAGAGATGGGGTCAAGGTGAGGAATGGTTAGAGACCA
GGGAGCCAAGTCACGGGACCTCAGTGACCCCATGGCTGACCTACCGAGAC
CTCCAGTCGCCAGCATCGGGTAGGCCACACGTGTGGGGGAGGAAGTGAG
TGTCAGTGCCCATCAGCAAGCAGAGCTGGCAGAGGTACCTGTGCAGGCG
AGTCCAATGCG

>Sequence 2031

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGGGAAAACTGTCTTACTTAAACAA
AATGTATTTTAGGAAAATGCCTGTTTCAAGGGTTTATTACTGTTTTATAA
CTAAGAGACTTGGGACTTTAGTATACGAAAAGGTGTCATTTCAAATGGGG
GAAAATGAATTATTCAACAAATGATCTTGGGACAACTGGATAGCCATTCA
GAAAAAAGTGAAGCTGGAACACTATAACATGCTTTACCCCAACAATAAAT
CAGAGTTAAATGTNNAAAAAACAAAAAAGTCACATTAATAAATG

>Sequence 2032

AGTACTTCTAGAATTAATTAACGCGGGATATAGTTCTTCTCATTCTTTGT
TCTCTTCTTTATATCAACAGCCTTTTCTGACATGATATAAAATCATGT
GCTTATGACATGCATTAAAAAGGAGAAGTGCTGGATCTAATATCCTTGGT
CTAATGGATCCCTTGCCAGATATACAGGGGCTCCCTACACACACTGNGA
TATCTAGGTACAAGCCCAAGTTTCATATACAGACTTTCTAAAATCATTGT
ATTTAAAAGCAGAAAAGTGCCGGGCACAGTGCTCACATCTGTAATCCCA
ATACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGCGAATCACCTGAGGTGCGGAGCTCAAG
ACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAAATATGAAAA

Table 3

376/1077

ACAGCCAGGCATGGTGGCAGGTGCCTGTAATCCCAGCTAC

>Sequence 2033

GGGGAGTTCCTTTCTATTCGGGCAATGTACTGAAAACCGCGGCGGCCGCC
GGGCAGGTCTAACANGGGTTAAAACCCCCATTGAACCCGGAACNGAN
NACGGAAGGGGGCTTTTTGGTGGGTATAAGAGCCAGAAGTTGCTACCAGC
CTGAGGAGAAATCAAACACATGGAGAAAGGAAAGCTGACAGCCCAGAGAC
CCACGGGGAAACAGGCCCGAGTTACTGGATACAGGCAACCCTAAAAGTG
ACTGTCCCTCTGGACTCTACGTAGTGAGCCAACACATTTCTCATTATTT
TGGATATGTTTTTTTTCAGTTGAAGGCATTCTGATTCAATACAGGAGAAA
CTTTTCTTTGCAAATTACAAAGTGTGATAACTGTTGCTAAAATTAGGAAT
GTGCTTAAAGGGAAATCATGAACACCAAGACAAAAGGCCTGGATGCAACC
AAACACTTCTGTTCAAGTGAATTTTAAACACCATACAACCTGGGGGATTTT
CTAAATTTT

>Sequence 2034

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCTTTAATGTAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAGAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAAGTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAGGGAAACC
ACATGAATGCAGTGTGTGCGGGAGAGCCTTCTCCAGGAAAGCACAGCTTA
TTCAACATCAGAGAACTGAAGGAGGAGAGAACCCCGTGATTGTGGGGAT
GGGGGAAACTTTCTTGAGGAAATTCGCTTCTTGGCCTTAAGAGACCTACC

>Sequence 2035

CCGGGCAGGTACGCTCCTGTAGTCCCAGCACTCAGGAGGCTGAGGCACAA
GAATCGCTTGAACCCAAGAGATGCAGGTTGCAGTGAGCCGAGACTGTGCC
ACCGCACTCCAGCCTGGGCGACAGAGCGGGACTCCGTCTTTAAATAAAA
AAAAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATAA
CTGCTTTCAAAGTTTGGTCTATCACTTACTAGCTGTATTATCTTGGGCA
AGTTACTGCCCTGCATTTGAGTTTTGCCATCTATAAAGTGGAACATATA
GTACCT

>Sequence 2036

CCGGCCGGGTACGCGGGCTATTTCTTTGTGTGCGGCTGGACCTCTTATTC
CCTTTCTCTTTGCCCTTTCTGTCTCGATCGTAATCTTTCTTTTCTTCTTA
TCTGTCTCTCTCTCCATCTTCTTTCTTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT
CCTCTTCTGCTTCTCTCTCTCTCAGAAATAGGACTAAGCTACACAGGTTAT
TGTGGCTTACATTTAAATTTTTTTGACATATCCTCTTGTTTTTTACAAAT
CAGGACATGAGTTTTTTTAAAGTCATGAATCTTTATTATAAAAGGACCTCA
CTTGCGTTTGATCTTCCATAGACACAGAGAGCTTCTGCCCTTTTGTCTAC
AGATAGAAGACGACCAATAGCATACTAGGGGGTAGTATTTCTGGGTGCTC
CATACCCACCCCTCACAGCCAAGAAAAGGGAAAAACAGTGGACCAGATC
AAATACTTTTAAATTGTTGGCAGGG

>Sequence 2037

CCGGGAGGTACTGCATTTTAAATTTTTTAACTGTTTTTATGTTTTCAA
TATTTTCAGTCTGCAGTTGGTTGAATCTGCAGATATGGAAGTGTGTATA
CAGAGGGCCAACATTCTTTTAACTACTAATTGTCTCTGCCAACACTTAC
CAAAATTATCCTGAATTCTATTTTTTTGTCTTGTTTTGTTCGAGATAAG
GCCTCGCTCCATTGCCACCCCTGGAGTGCAGTGGCGCGATCTCAGCTTAC
TGCAAGCTCTGCCTCCCGGGTTCATGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTG
GGTAGCTGGGACTACAGGCACTTGCCACCACACCTGGCTAATTTTTTGT
TTTTTTAGTAGAGACGNGTTTCACTGTGTTGGCCAGGCTGGTCTCGAAC
TGCTGGCCTCAGGTGAGCCGCTGCCTCGGCCTCCCAAGTGCTGGGATTG
CAGGCGTGAGCCACCACACTTGGCC

>Sequence 2038

AGGTACGCGGGAGGGAGAGAGTTGAAATGGTTGGCATCCTCCCACTCTGT

Table 3

377/1077

TGCTCCGGCTGTGTCCCTCGCTCTGTTGTTCCAGCTATGTCCCTCTGT
TGCTCCAACGCAGCTCATTCTGTTAGAGTTCCTCATTAGCTGGTCACT
GTGGCCAGAGGGTGTTGGCCTGCTCCCTTCCTCAAGTATTCTTAAAGCCA
TGGATTTTTGTGGAGCATTTTTCTTCCTGGCTCTCCCTTGAGTTATTTTC
CTTTCTTCGCTATCTTGGGACTCTTCTTTGTGCTTGCAGGTCATCGGTTGA
GAGAAGGACTTCTTCTCCTTGTCTCCTTGGTGTGGCTCGTGGTTGCTC
TTCAACAACGCAGTGGAGGCTCTTGGTTTTCTTCTTCACTTCAACAAGT
CAGTCTCTCTCAAGGGTCTTACGTTGCAGCATCTTACCAGAGGCCATTG
GGCCTGGAGTTCCAGTTCAGTGTCTGG

>Sequence 2039

AGGTACAGGAGAAAACAGTAAAGCCTCAAAAGGAGGAAATTCGTAAAGAG
TCCTTAAAAACCTTAAATGATTTCAAAAATTATTTAGGGGACGTTAATT
GGATAAGACCTACTTTAGGAATTCCCACCTAAGCAATGTCTAAACTGTTT
GCTTTGCTGAGATGGGATCCAAATTCATGTAGCAAAAAGAACTCTGATGCC
TGCTGCAGCTGAAGAGTTACAAATGATTGAGGAAAAAATTCAAAGTGCTC
AAGTCCGTAGAAGAGATCCTAGTGTTCATTACAGCTCTTAGTGTTCCTT
ACTCTCCATTCTCCTATAGGGGTGATTGTTCAAAATGTTGACTTAGTTAA
ATTGTCCTTTT

>Sequence 2040

GGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCC

>Sequence 2041

AGGTACCTATAGAAATGCCTTCCTCAGGAACCCCGCCATTGTTAAACAAG
AGTGAGCGCTAGTGGGCAGAAATGTAGTGATTGTGGAACAACCTTTTCC
AAGAAATCAAGCCTTTGTAGTTAATCAGGAATTTGAACAGAGAATAAGCC
TCACAAATGAAGTGAATGTGGCCCCATCAGTAATAAATTATATCTTGTAT
CTTACAGATATTGTATCAGAATAAATCTTCTGATACCAGAAAGGTGGGAA
AATCTTTAGTAGGAATCCTCCAGCCATTATATCCAGAGAGCTCATTTAG
GGCTGAAACACTGTGGAGGCAGTGGTTGTC

>Sequence 2042

AGGTACATGCACAAAGCTAGGAAAGGCACATCCCCAGAAAAGGAGTGAGT
GTTCCCAACCCCTTTACAACAGGCTAATTAGAAAAGATCTCCCTCTGACC
AAGTCTTATACAAAACAACTGAGAGAAGCAGTTATTTTACCAAACCTAAT
CCAAAAATTACAAGGCCTATGAAAGGAAAGAGAAATATGGCTAAAAAATA
AATAAAGCCCAACCTAGAAAAAGACAGGCAGCTCTCTAAATTACTAGACA
AATATTTATTTATTTATTTATTTAAGACAGGGTCTCACTCTATCGTCCAG
GCTGGAGTGCAGTGGTATAGTGTAGCTCACTGCAGCATCTACTT

>Sequence 2043

CCGGGCAGGTACATTCACTCTCCGCCTAGGAGTAGGATTTTCTGAGAACC
GGACTACTGTGAATGCTGCTGCTCCTCTGGGTCTAGCCACCTAGTGGGGC
TGCCACACTCCAGGTTGGTGTCTGGGAAATGTCTGCAAGGGATCCAGTGAT
GTGATCTGTCTCTAGTCTCCTAGCAGCAGATACCAGCACTAGCTCTGGT
GGAGATGTCAAGGGAGTGACGTAGACCCTATAAAGTTCCTTGGTTATAAA
TAACCTTAGTGTGTTGGCTTTCTCAAATGCTGGCTGAAGAAGTAATGAAC
TGGTCACTTGGGCAGACTCAGGACCTCCTGGTTAGCCATGG

>Sequence 2044

CCGGGCAGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTTTCTGACGCGAAC
GTCTCTTCCTCGTGGTTTTTATTGTCAAGTATTCACACGAAGTTTAAGTCT
CCTAGTGGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAAAACACAAGCA
TACCCTCTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCCAGGATTGGTTTG
GGAGTTTTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAGAATTTTTTG

Table 3

378/1077

CTGTATAATGGCATTAGCTGCAGTCAGAGTATTGTTTTAGGAACATT
AGAAAGCTTAAACAATGCTAAATATAATTGGGAGTGGGGAGTAGTTAAAT
TATGCTTTTAAACCAGCCTTGTCTTCTTTTACAGTAACTTGAAGAGGT
TAGTAATTTTTTTCACGTTTTGGACCGAGAACCAATTCTGGAACCAACCC
CATGTTTTCCATTATATGTTTACTGGGAGCACTGTAAAAGTTATGTGGA

>Sequence 2045

AGGTACAGTATAATCCCTATTATAAATCCAAGATGGTATTTTTTCTTGC
AGAAATTGGCAATTAATCTTAAAATTCATATGGAAATACAAGGGACCCAG
AATAGCCAAACTAATTTTAAAAAAGAACAAGGGACAGGAGGAGAAGTCA
TACTTCCTGATTTAAAATTGACTATCACAGGATACTATGTAAACACCAAA
ATATGACTCTGACATAAAAATTATTTCTGGGAAGACAGTTAAAGCAGACA
ATTAACAAGCAGCAGCAAACAGAGAAAAAGCTCTGTCTATCCTTTCCCTT
TTCTTTATTTATATGGGCAGGATATTAATAACTGCTTTATACACGGGGTC
TCTGGACCTTATTAGCCCAGAGCATTAAACATATCTTACTTCCTTTGTT
TTTTCTCCACATACAGGCAGTCTCTGACTTATGATTTTCTGATTTTGT

>Sequence 2046

AGGTACAAGCAATTCTCCTGCCTTGACCTCCCGTTATGCTGGGACTACAG
GCACACACAACCAACCTGGCTAATTTTTGTATTTTATAGTAGACAGGG
TTTTACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCAGGTGATCC
ACCTGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGAGATTACAGGCATGAGCCACCACA
CCCAATCTAGTTTGACAGTTTTTATATCATTATGAGCACACCACAGATT
AGTTTTGTGCTTTGTTTTTTTACTTATCTTTATAACAATTTTTTTTTTT
TAGTTATAGTATTATAATATCAAGCAGCTTAAATAGCAATAGGGCTAAAT
TTTTTTTTTTAAGGAGTGGAAAAAGACTTAGTATCAATCTTTTATCAA
TCTTAGTATCAAACCTTTGATTAATTCCTGTGAGTTTGCTGTTAGGGATGA
CCTGGAAAAATATTTAATGCCATTATTTATTTATTGGTTGGTAAGAGAT

>Sequence 2047

CCGGGCAGGTACCACCTGAAGACCCTCACACTCAACTTCACCATCTCCA
TCTCCAGTATTCACCAGATATGGGCAAGGGCTCAGCTACATTCAACTCCA
CCGAGGGGGTCTTCAGCACCTGCTCAGACCCTTGTTCAGAAGAGCAGC
ATGGGCCCTTCTACTTGGGTTGCCAACTGATCTCCCTCAGGCCTGAGAA
GGATGGGGCAGCCACTGGTGTGGACACCACCTGCACCTACCACCCTGACC
CTGTGGGCCCCGGGCTGGACATACAGCAGCTTACTGGGAGCTGAGTCAG
CTGACCCATGGTGTACCCAACTGGGCTTCTATGTCCTGGACAGGGATAG
CCTCTTCATCAATGGCTTTGCACCCAGAATTTATCAATCCGGGGCGAGT
ACCT

>Sequence 2048

AGGTACAATGAGGATACTGGAGTCCGGAATCTCTGAGTGCTTCTCTGTGA
TGGACAGAACAAATGCCCCGACAAAGATGCTCATGCCCTCCTCCCCAGAAC
CTGTGAATATGTCACGGTGCATGGCAAGGGGGGAATAAAGTTGCCGGTGG
AATTTAGGTTGCTAATAGGCTAACCCTAAGATGGGGAGATTAGCCTCGAT
TATCAGGGTGAGCTTACTGTCATCACAGGGACCCCTATAAGTGAGAGAGG
GAGGCAAGAGAAGTAGTGTGAGAATTAGAGACGAATTTGCAGAAGCTGGC
TTTTAAGATGGAGGAAGAGGCCATGAGCCGAAGGATGCCGGTGGCCCCTA
GAAACAGGAAAAGGCAAGAAAAAGGTTCTCCTCTAGAGCCTCCTGAGGAG
CACAGCCTTGCCAACTTTGAACTTTGCCAGTAGTTTGAAGTTCTGTCT
TCCAGAAGTGTGAGATAATAAATCTGTACCTGCCCC

>Sequence 2049

CCGGGCAGGTACGCGGGAGCACAGATTTGAGTAGCAATTATCACCAGGGG
AACAAATAACACTGACTCCTATGGTGTGCTTCTTAAAAGACTGTCCTACT
GCTGCAGCCACGTGCTCCACCACTCCTATTGCTTTTACCCTGATGTGATG
AAGCTCTCATGCACAGACACCAGGATCAACAGTGCAGTTGGGCTGACTGC
CCTGATTACCACTGCTGGGGCAGATTCTGTCTTTATTGTCCTGTCTTATA
TTTTGATCATTAAGACTGTTCTCAGCATTGCTTCCCCGGAAGAAAGGAAG
AAAGCCTTCAGCACATGTATCTCCCATATTGGGGCTGTTGCTGTATTTTA
CATTCCATTGATCACTCTGTCTTTGTTACGGGTTTGGGAA

Table 3

379/1077

>Sequence 2050

AGGTACCAAGGCCCAATCACCCCAAACAGTGACAGGAACATAATTTCCCTG
TTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGCACCAACATGATCCCATAGTTCCACA
TCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCACTGCCCT
GAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCATTTTAAC
AGGAATTTAATATAGCAGAGATAAGCATAATGTTTAGACTCTGCGTGACC
CATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACCTACCAATCGTCGGGGAGCC
AAACAAGCATTTTTGTGGACTGGACCGATTAAACATTTTTTCGCACCTACC
AAAAGGAAATCGGGTTTCCAAATGCCACTTAGGAAAAAGAAAACACGTT
GGGC

>Sequence 2051

AGGTACAATAGAGAGCATCAATAGCAAACCTACTCAAGCAAAGAAAGATA
AAGAGTTTGTGGATTACCAGTGAGAGAAGAATAAATAAGAATGACAA
GGAGTGAAGAAAGCCTACCAGACTTATTAGATAACATCAAGGGAAAAAAA
TTTCATATTTTTAGAGTTCCAGAAGGCAAAGAGATGACAAAAGGCATAGA
AAATATATTTAACAGGTCGGGTGCGGTGGCTCACACCTGTAATCCTAGCA
CTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTCAGGAATTTGAGACC
AGCTTGGGCAACATGGCGAAACCCCGTCTCTACCAAAAATACAAAAAATT
AGCCAGGCATGGTGGTGGGTGCCTG

>Sequence 2052

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATATAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGCGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAGGGAACC
ACATGAATGCAGTGTGTGCGGGAGAGCCTTCTCCAGGAAAGCACAGA

>Sequence 2053

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATGTAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTGTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGNGAGTTAAATANCCATAGATGTNGTTAANNACCCA
GCAGCCCTAAATCACANGCTCAATNGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGA
GGGGAACACATGAATGCAGNTGT

>Sequence 2054

AGGTATAATGAGGATACTGGAGTCCGGAATCTCTGAGTGCTACTCTGTGA
TGGACAGAACAATGCCCCGACAAAGATGCTCATGCCCTCCTCCCCAGAAC
CTGTGAATATGTCACGGTGCATGGCAAGGGGGGAATAAAGTTGCCGGTGG
AATTTACGTTGCTAATAAGCTAACCCTAAGATGGCGAGATTAGCCTCGAT
TATCAGGGTGAGCTTACTGTCTATCACAGGGACCCCTATAAGTGAGAGAGG
GAGGCAACACAAGTACTGTCAGAATTAGAGACTAATTTGCAGAAGCTGGC
TTTTAAGATGGATGAAGAGGCCATGAGCCGAACGATGCCGGTGGCCTCTA
GACACAGGAAAAGGCAGGAGAAACGTTCTCCTCTAGAGCCTCCTGAGGAG
CACAGCCTTGCCAACTCTGAACTTTGCCAGTAGTTTGAACCTTCTGTCT
TCCAGAACTGTGAGATAATAAATCTGTACCTGCCCGGGCGGCCGCCGGG
CATGTACAAAATTGCCACCAAAAACGATGTTGATGTCCAAATTGACCAGG
AGTCCTACCTGCCTGAAGACATATCTGATGGAGGTGACATCTATAATGGA
GATCGTTAAATAAAAGGTTCCCAACCCCTGGAAAGGCCGGCTGATCTTC
TTGCCAGCAGATGATGCCAGAAATCGGGGAGCCTTGGTTTGGTCCAAAG
CCACACGGGAGTTTTTGAACCTACCCCTCGGGAGGTGGAGCTTGGTTCAA
GCTATCCTGGTGTGATGGGGAACCTATTCATTTTTGAAAAACCCGAATGT
TTGCTGAACTTCCTTATAACGTGCCCATATTGCTTTGATTTAAN

>Sequence 2055

Table 3

380/1077

AGGTACTTGGTGCATTTTTGAAGATTTAATAATTAATTAATAGTTGGTGC
AGGCCAGGCATGGTGGCTAACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCG
AAGTGGGCGGATCACCTGAGGCCAGGAGTTTTAGACCAGCCTGACCAACA
TGGAGAAACGCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAAAATTATCCAGGCGTG
GTGGCGCATGCCTGTAATCCCAGCTACTCTGGAAGCTGANGCGGGAGAAT
TGCTTGAACCTGTGAAGCGGAGGTTGAGGTGAGCCGAGATCACGCCATTG
CACTTCAGCCCTGGGGCACAGGAGCAAAACTTCGTCTCAAAAAAAAAAAAA
AAAAAAAGTTGGGGGCAAAAGCTTGAAATAATGGCCTATTGGGATCCCC
CACCTAAAAAATTTTTAATGGGTTTAAAAAAGAAGATTGGGAAAATTT
TTGAAGGGTTTTTTAAGGTT

>Sequence 2056

CCGGGCAGGTACTCTCATGATTAACATCTTCGTTTCTTTTTCTTTTCC
TTAAAATTAATAAAAAAAAAAATCCCAAAGAGAATAGGGAGCAACAACCAT
AGGATAGGAGTCTCCCTAGGACTAATACTCTGCAGATAACTGACGTGCCT
CAGGAATTGTTTTATTTTGGTTTGTGTTGTTTGTGTTTGTGTTTGTGTTT
GACAGGGTCTTGCTCTGTCACCCAGGCTAGAGTGCAGTAAGATCACAGCT
CACTGCAGCCTCAAACCTCTGGACTCAAGTGATCCTCCACCTCAGCCTC
CCAAGTAGCTAGGACTACAAGGCAGCTAGGACTACAGGCGCACACCACCA
CATCCAGCTAATTCTTTTTTCAATTGAGACGGAGTCTTACTCTGTCGCCAGG
CTGG

>Sequence 2057

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCCTTTAATGTAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCGTTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGATAAACCCAGGCGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCCCCGAGGGAAACC
ACATTAATGCTTTGTGTGCGGGAGAAC

>Sequence 2058

AGGTACTGATGCTTTTTAAGGCATATTATCAACATACAGCCATGACTTGT
CCAGAGAATCTCACCTGACAAAACTCAGAGAAGAAAGAGAAAGAAGATG
AAATGGCTGGTTTTTCAGATGTGTATTCTCATTTTTATGGAAGACATGTTGC
CAGAGTAAAGCACAAATATATTCATCTTGAAATGTAATACTGAGAAGATAT
GGAAGTTATGGAAGTTGTGGCCTTCAGAATTGACACTTACGGAGAGACTA
GAACAGCGTGGGTGAGTTGTGAGGGGCAGGAAGCATGTCTTAATGGACTT
AACCAATTTTCGTCAACTATTCACAGTAAAATCTTTCAATGTACCTGCCC
G

>Sequence 2059

CCGGGCAGGTACTTTGTATTACAAGAATAGCTTTTTATTTCAAATATTTT
TTCTCCTTTTTCGTATCCATGTGTTCTTTATATGCATATTTTATTTTCAT
GTAATCCTGTTCTTTGCCATGATTTTAATTTTCTATGGTTCTTTTCTTTT
GAAAAATTCAAAAAATTTTAAAAAAGATCTTTTGTCAATAATTGTGCTCAT
AAAAAAGTTGATTTTTGTCCCAGTGGGGGAATTTAATGTACACTTGATT
GAATTTTTTTCATTGAGACTGGTCTTTTATCTTTTTTAAGGGTAAAGGTGG
TTCCAAGGGGGTTTTTAAAAAACCATTAACTTAAGTCCTATTAATTCAAT
AGGGTGTAATTTGGTTATTCCAATTTAATTTAACCTTTTCAACCGAATTT
CCCTTCAATTTGGTTCCTTAAATTTGGGTTTTTCCTTCAATTAACCTTT
TTTGGTTTTTTACAATTTTTTCTTCTGGTTTGGGATTTGGATCCTTTTT
TTTAA

>Sequence 2060

AGGTACGCGGGTCTCTACTAAAAATATAAGTTAGCCAGGCCTGGTGGCGG
GTGCTATAATTCCAGCTACTTGGGAGGCTGTGGCAGGAGAATCGCTTCA
ACCCGGGAGTCAGAGGTTGCAGTGAGCCAGATGATGCCAGTTTACTCCAG
CCTGGGCAATAGAGCGAGGCTCAGTCTAAAAAAGACAACAACAAGA
TCTCCTTCTCTCTGACCTTTGCTTCCATTGTCCCATTGTCACATCTCC

Table 3

381/1077

TTCTCTGTCTCTGAGTCCTTTTTTCTCTTGAAGGACCTTTGTGATTATA
TTGGGCCCTTCAAATCATCCCGGATACTTTTCCCATCTCAAATCCATAC
CCTTAATCACATTTTACACGTCCCTTTTCCCATGGGAGAATCGCATGTTT
ACAGGTTCCCTTGAAGGATTTCGGATGCCACAAGTTTGGAGG

>Sequence 2061

AGGTACTGGACTACTGGGCTCAAAAGGAGAAGGAGGGCAAGAGAGGTCCA
AATCCAGCTTTTTGGTGGGTGAATGGCCAAGGGGATGAAGTAAAGTGGAG
CTTCAGAGAGATGGGAGACCTAACCCGCCGTGTAGCCAACGTCTTCACAC
AGACCTGTGGCTACAACAGGGAGACCATCTGGCCTTGATGCTGCCTCGA
GTTCTGAGTGGTGGCTGGTGGCTGTGGGCTGCATGCGAACAGGGATCAT
CTTCATTCTGCGACCATCTGTTGAAGGCCAAAGACATTCTCTATCGAC
TACAGTTGTCTAAAGCCAAGGGCATTGTGACCATAGATGCCCTTGCCTCA
GAGGTGGACTCCATAGCTTCTCAGTGCCCTCTCTGAAAACCAAGTCTCT
GGT

>Sequence 2062

CCGGGCAGGTACCAGTGTCTGAAGCCTGGGGACTGGCGGCTGCTGGTCAA
GGCCACATTAGTTTATTGTTAAGTGCAAGGTTTCTGGTAACAGAAATAAA
GAATTC AATTGATTCATCATCAAGACCAAATATATTTACTAAAGATCTAC
CTTAAATTCATTTTTAGCAGGTAGTATGGCATTGTGGTTAAGAATTTAC
ATTTGTGAACATTTACCAGCTGATGACCGAGGTGAGCTTCTGTTTCCTCC
TGCATAAACTTGAGATTATAAAAATCCCCTAGTTGGCTGGGCACAGTGGC
TCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGCATCACGAGG
TCAGGAGATCAAGACCATCCTGGCCAACAGGGTGAAACCCCGTCTTTAC

>Sequence 2063

CCGGGCAGGTACTGTCTGATGACGGGTGAGGGCAGAGTTTTTTATTGAAGC
CTCTCTCACAGTGAGAACACCTGTAAGGCTTTTCACCACTGTGGGTTTTT
CGGTGGGCACTGAAGTGGGAGCTATTGTTGAAGATTTTCCCCCACTGC
ACACTTGTATGGGCTCTCCCACTGTGGATGCGCCGGTGAGCACTGAACT
GGGAACCTGCTGTTGAATCTCTTTCCACAGACAATGCACTGGTCAGGCTTT
TCCCCAGTATGGGTCCTCTGGTGGACAATAAGGCTGGAACTCTGGTTGAA
GCTTTTACCACATTGCCACACTGATAGGGCCTCTCCCCTGAGTGAGTTC
ATATGTGGGCAGTGAGGTTGGAGCGCA

>Sequence 2064

CCGGGCAGGTACCCAGAAAACCAAATGAGCTTAAACATTTTGAAAGATG
TCAACAAAGTTATGCCCTTGGAATAAGTTTGGTTTATGTAAGAGCATTG
TTCTTTTAAATAAAGACACAATAAGTTTGGCTCGCATTGTAAAAGTTTG
AAATCTCATTTAGGTTTTGTTATCCAGAGTAGAAGATATGCAGGAAAAGA
TTCTGATGCATTTGGTGGATATGGGAGATCATGCCTCCATATCAAGCGTG
ACAAAACCTCTTACTGGAGTTAAATACCATAGATGTGTTAAACCCAGCAGC
CCTAAATCACAGCTCAATGACCTACAAAAAATTTGTGCAGGAG

>Sequence 2065

CCGGGCAGGTACTTTGTATTACAAGAATAGCTTTTTATTTCAAATATTTT
TTCTCCTTTTTCGTATCCATGTGTTCTTTTATATGCATATTTTATTTTCA
GTAATCCTGTTCTTTGCCATGATTTTCATTTCTTTGATTCTTTCTTTGAA
AAAAATCAAAATTTTAAAAAAGTCCTTTGTTTATATTTGTGCCATAAAAC
TGTTTTTGTCCAAAGGGAATTTATGTCCTGATGATTTTCTTGGCTGTCTT
TTTTTATTAAGTTAAGTGTCAAAGGTGTTTAAACACTACTATATCTTAT
ATCAATGGTTTACATGTAAATCTATTACTTACATATCACGTATTCACCTA
TATTGTTACAAAAAAGATTTCTCTAAATAAACTTTTAAATATTATCTATC
ATTAACCTTTTTAGTTTTGTTCATTTA

>Sequence 2066

AGGTACCGTATGGAGTCCTCCAGCTGCAGCCCAGCTCACCTCAATGCCA
ACCACTTGATGCCACCCAAAGTGAGGATGTTGTTCTGCCTGTGTTTGGG
ACCCCCAGGACACCCAGATTCATGGCAGATCCAGAGAGCTGGCCAAACC
CTCCATTGCAGTCAGCCAGGCACTGCCATAGAGCAGAAGGACATGGTGA
CCTTCTACTACACCACTAAGGACGTCAACATTACCATCCACTGGGTTTC

Table 3

382/1077

AACAACCTCTCCGTTGTGTTCCATGAGCGCATGCAGCTGTCCAAGGATGG
CAAGATCCTCACCATTCTCATTGTCCAGCGGGAGGACTCGGGGACTTACC
AATGTGAAGCTCGAGATGCCCTTCTGAGCCAGAGGAGCGACCCCATCTTC
CTGGATGTGAAGTATGGTCCTGATCCTGTTGAAATCA

>Sequence 2067

AGGTACTTCTGGGTAAACTGGAGAAGAGCTTCAACTCTGTTACCTGCTT
GCAGGTGGGTTTGTGAGTTCTCTCGTTGTTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTCTTCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCAGAATGGGATTGGTTATGT
GTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAAGCCTGACTTATCCCCGAGTCTC
ATTCCTGCGTGTGCCTGTGAATGACAGCTTTTGTGAGAAAATTTT

>Sequence 2068

CCGGGCAGGTACGGGCCACAAAGTATTTCTGAAGCCAGAAGTCTTACAG
AAGTATATGGTTGATCCAGGCAGAATTTGCATTTCTGGTGACAGTGCTGG
TGGAATCTGGCTGCTGCCCTTGGACAACAGTTTACTCAAGATGCCAGCC
TAAAAAATAAGCTCAAACACAGCTTAAATTTATCCAGTTCTTCAAGCT
TTAGATTTTAAACACACCATCTTATCAGCAAAATGTGAACACCCCAATCCT
GCCCCGCTATGTCATGGTGAAGTATTGGGTGGACTACTTCAAAGGCAACT
ATGACTTTGTGCAGGCAATGATCGTTAACAATCACACTTCACTTGA

>Sequence 2069

ACTTCTACACGCGCAACGATGGCTTGCAGAACCAGGCCGTGCTGTACACC
CTGAAGAACCTGTACGACCAGCCGCGCATGCTGCTCGACCCGAACACCCT
GGCGCTTGATGGCACCCTCGCCCTGGCCGGGCCGAGGTCAGCCCCGACGG
CAAGCTGCTGGCCTACAGCATCGCCGCGTCCGGCTCCGACTGGAACGAGA
TCAAGGTGCGCGACATCGACACCCGCAAGGACCTGCCTGACCACATCAAG
TGGGTCAAGTTCTCGAGCACCGCCTGGACCAAGGATGGCAAGGGCTTCTT
CTACAGCCGCTACGACGAGCCGAAAGAAGCGACCAAGCTGGCCGACGTCA
ACTACTTCCAGAAGCTGTACTTCCACCGCATCGGCACGCCGCAAAGCGCC
GACACCCTGGTGTACGACCGCGCCGACCAGAAGGAATGGGGCTTCGGCGG
CCAGACCACCGACGATGGCCGTTACCTGATCATCACCACCACCAAGGGCA
CCGCGCCGAAGAACC CGCTTTCGTACAAGGACCTGTCCAAGCCCGATGCC
AAGGTGGTCGACCTGATCGACAACCTTCGACGCCGGCTACGACTTCATCGA
CAATGTGCGCACCGTGTTCTACTTCAGCACCGACCGCAACGCGCCCAAGA
AGCGCATCGTCGCGATCGACGTCAGCAAGCCGCTTGAAACCAACTTGAAA
AGAGATCGCCGGCGAAACCGNCGACACCCTGGCCGGCGCCGACATCATCA
ACAACCAGCTGGTGCTCGAGTACCTGGAAGATGCCCAAACGTTGCGCC
TGTGTCCCTCGAAGCAAACCGGTGCC

>Sequence 2070

AGGTACGCGGGGAACCTCAAACCCCTGGAGAAGCCAGTGCTGAGCTAGGG
AAACCTGAACATAACTGACAAATGCTACAGCCTTTTAAATCTCTTTTT
AAGAGATTAAAACTCCAGGGGAACCAAGTCATGGGGTTACCCATCCACA
TTTTTTTTTTTTTTTGGAGACAGAGTCCCACTGTGTCACCAAGGCTGGAG
TGAAATGACACGATCTCTGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAG
CAATTCTACTGTCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAGTCCTGCACC
ACCACGCCTGGCTAATTTTTGTATTTTGTGGAGATGGGGTTTCCCTT
GTTGGTCAGGCTGGTCTCGAACTCCTGACCTCAGGTGATCCACCCGCCTT
GGCCTTCAAAGT

>Sequence 2071

AGGTACTGAGGCCAGCAGGTAGGACATAGGCCTCTGCATTGCAGGTCTGG
GCTACGCCGTCAGCATCACAGTCACACACGCGGATGGTGAGGGTGCTGGT
GCTGCTAAGTGAGGGAGATCCACTGTCCACAATGAAAATTGGCAGATAGT
AAACTGATTGTTCTGTCTCCGGAAGCCGTTTCTCCTGGTCAGTATTGAG
GCTGTGTTGTCTTTGTTATCTTTCAATGAAAAGTTGTGGTTATTTGTTGC
ATCCGTTGTTAAGCTGAAGTAAACTGGTGTCCATTGGATGGCTCATCTT
TATCCACAGCACTGATTTTCTGGATAACCAAACTGAGATTGAACTGCACT

Table 3

383/1077

TAATTCTTAGAATTGTAAGACGCTTAAACCCGGTTGGGTAAGGTAGGAAA
CAGCCCAATCAGCGTACCTGCCCCGGGCGG

>Sequence 2072

AGGTAAGTCTCGGAGGATTTCTGTCAACCTCCGGACTTTCCCTGCCTCAAGCA
GCTGGTGGCCTACGTGCAGCTCAACATGCCAGGCTCAGACCTGGAGTGCC
GTGCCACCTTCTCCTGGCCAGCTGGAGCACTCGGAACCCATTGAGGCA
GAGCCTGAGGCTCTGTCAACAGTGCCAGCTCTAAAACCAACTCCAGAGCT
CGAGCTAGCTCTAACACAGCTCGAGCACCCAGCCAGTGCCGGCTCCAG
CCCCGGAGCCAGAGCCAGCTCCAACACAGCTCCAGGTTCCAGAGCTAGAA
GTAGCTCCAGCACAGCTCCGGAGCTCCAGCAGACTCCAGAGCCAGCTGT
G

>Sequence 2073

AGGTAAGTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTCAAGTAAGTGTAGTA
TATTTAAGAAAATAATACAAGCACAAAGTTAGTATTGAAGTATAATATTG
ATCACAAAATAATATTTAATTTACCATGAGCACATTAACAATGAAATGTT
TCTCTTTAAATGCTGTGATTTAGAAGTATGATGTGGCTTTTAAATGA
ATAAATAGAATGTTAGAATAAGGTTGGAAGGGCAGATATGACTTCTCCCA
TGAAGAACTACAATACACAGGTGGTTAGGATCATAGGATGCAGACAGTG
AAAAATACTAGGGGAGCCTGGGCACGGTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGC
TTTT

>Sequence 2074

AGGTAAGTCTGGGTAAACTGGAGAAGAGCTTCAACTCTGTTACCTGCTT
GCAGGTGGGTTTGTGAGTTCTCTCGTTGTTCCCTGGCCTCTGTGAAGG
AAAATCCACTCTAGTCCCTACCTGCATTTCTCAGCCTTGCTTACCTGTTG
CCAACATTGGGCCAACCCGAATTTCTTCCAATCTTTATCTTGGCTGCCAG
CGAGATGTCCTCAACAAGGAGCTGATGCAGCAGAATGGGATTGGTTATGT
GTAAATGCCAGCAATACCTGTCCAAGCCTGACTTTATCCCCGAGTCTC
ATTTCTCGGTGTGCCTGTGAATGGCAGCTTTTGTGAGAAAATTTTGGCCG
TGGTTGGACAAATCAGTAGATTTTATTGAGAAAGCAAAGCCTCCAATGG
ATGTGTTCTAGTGCCTG

>Sequence 2075

AGGTAAGTCTGTGCAGATGGTGCAGTGGTAGGGCGAGGCGCCGTTGTGCGT
TCTCAGGTGCTTGATCATGGCCGAGTAGTCCCGGGAGCGCTGGTGGCAGA
GCTTACACTCAAAGGGCTTCTCACCTGTGTGCACCCTATAGTGCGTCTCC
AGCTGATGCTTGAGGCTGAACCTTCTTCCACAGCCATTGCACTCGTAGGG
TTTCTCACCCGTGTGGATGCGTTTGTGGCTCTTGAGTGTGCTCTCATCCC
GGAAGCAGCTGCCACAGAACTCACACTCGTAGGGGTGGTCCGCTGTATGT
GAGCGCAGGTGGCGTTTGTAGAGCCGTGTGGCTGGGGAAGGTGCGGTTGCA
CTCA

>Sequence 2076

AGGTACGCGGGGAAGTCTCGGTGGGTTCCCCGCAAAATCAGAGATGGCAT
CTCACTATGTTGCCAGGCTGATCTTGAACCTCTGACCTCAAGTGATCCT
CTCTCCTTGGCCTCCTAAAGTGCTGGGATTCCAGGTGTGAGCCACTTCAC
CCAGCCACATTTATCCATCTTGTAATAATATTGCTTTGTTTTTGGTGCAT
TTCAAACCCACAGGTCCTGACTTCAGGAGCAAGACACTCAAGTGAGGTG
AGGAGGAGGTTCCAGGACCTGGATACCATCCTTTGCAGGGATGTAATTCA
CCAGAGACCAAGATTTCTAGCCAGAAATTGAGGGCAGCTCAAGGAGAGAC
TACAGACACAGATCCTACTTACTGGCTATTTCCCAGTTACAAAAGAAAA
TGATCAAGTCCCAGGAATCACTGACCCTGGAGGT

>Sequence 2077

CCACGCACAACCTCTATAGTCTACACATATCTGTCTAACATTTGAGTGTCT
CAGACNANTGAGTACATNTACTAATCGTTCTATATATAGTTTGACTTATT
ATGAGTATATGACTCTATATTATCCATCTATCTAATATTATCATCGACTA
TTATTATTATCTCTATCNTCAGGAAGATGAGGGCTTGGAACCACTCTCTA
TAAGGCGAATGGGAGCTTCACCGCGGAGGCGGCCCATCTTGGGTCATC
GATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCTGCTTGTGAGGGAAGGACATTAGA

Table 3

384/1077

AAAGGAATTGATGTGTTCCCTTAAAGGATGGGCAGGAAAACAGATCCTGTT
GTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATTTGAAATGAAGTCACAAAGT
GAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGAAAATCTTGATGGCTTCAC
AAGACATGCAACAAACAAAAGGGAATACTGTGATGACATGAGGCAGCCAA
GCTGGGGAGGAGATAACACGGGGCAGAGGGTCAGGATTCTGGCCCTGCT
GCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCATTTCATATTTCTAACCCCTAA
AACAAAGCTGGTGAATATCTGATCTCTACGGTTCCTTTTGGGCCCAACA
TTTCTCATATATCCAGCCACACTCATTTTTAATATTTAGTTCCCAGATC

>Sequence 2078

GGGGGTCTACGCACTCAGGACAACGGAGCTCCTTCGTGTGGAGGCCGAGG
TACACATTGTTTTGTTTCTTATATCCAGAGTCTAGTCCTCAACTTTAACC
AAAGTAAAGGAACTGGAAAGACACACGCTTTTTCAGTCATTAATAGAAA
GTTGTCCAGGTAAGTTTCTGATGGTATATCAGTTAGAAATAATATTTAGC
TATTTGTAATAAAAAGCTGAAAACAGTAGCTTGAATCAATGGAAGACTTT
ATCTTTCTCCTCATACAGCTGACAATAATGTTGTTGCCTTTATGATATCA
AAGCCCCAGGTTCCCTTTTATCTTTCTGCTTAACCTGCCTTGGCAAATGCT
TGCTGCTTCATAGTCACATGATGGCTGACTTTACTGTAAACCTTCAGGTA
GAAAGAAAGGAAGAGGTAAAGAGATAAAGGTTACCTGCCCG

>Sequence 2079

GGGGGCTAACACTACTTAGGGCGAACTGGAGCTCCATCGTGGTGGCGGCC
GAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCC
CTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAANATTCTTTTGCCCTGAATTGTGG
TTCGATGCCAAAGNGGAAGATCCTTGTGAGGAAGTCATTCAATGGCGTTG
AAACAAACTTGGCATGTTTCTGTGTTTGTGGTGTGTAGCCCTGTGGAAAG
CCCCATT

>Sequence 2080

TTCGACCCAATTTACTACTACAGGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGAGGTACAAGGGAATGGAATGGAATGGAATGCAATGTTATGGAATC
ATCCGTAATGGAATGGAAGGAATGGAATGGAATGGAATGGAATGGAATG
GAATGGAATGGAATCAACTCGATTGCAATCGAATGGAATGGAATGGAATT
AACCCAAATAGAATGGAATGGAATGGAATGGAACGGAACGGAATGGAATG
GAATCGAGCGGCCGCCGGGAGGACATATTGTATCTGTGTAACATTTTG
TATATTCCAGGGGTAGGGCCGCCCTGTATCATACCTAGCAGAGGTTGG
AGCTGGCACATGGGGAGGAGGTTCTAATAATTATTTGGGGCTGGGAACT
TATTTATTGATAGCATAGGACAGAGGAAGGAGGCGGGGATGGGGGTCTG
GCGCCCTGGTGATGCGACTCCTGTTTATTTTGCTTTTATTTTCGGAATAA
ATGGATTTAGCCAT

>Sequence 2081

CCGGGCAGGTACTCTTTTTTTTTTTTTCTGTTTTTTAAGATGGGGTGTC
ACCATGTTGCCAAGGCTGGTCTTGAACCTCGTAGGCTCAAGGGAGCCACCT
GCCTCGGCCTCCCAGGGTGCTGGGATTGCAGGTGTGAGCCACCATGCTGG
TCTTTTAAATTATTTTGTCTCTCATGTTCAGGCAGGTAATGTGGGGACA
TGGTAACAAGGTTTGGGGAGGCACATCTCACGCATGAGTGTGAAAAACC
AATAATCATGCTTATGAGCTACAATAGGATCTGGATCCACATGTTTCTGA
CTCCAGGGCTCATGCTCATGCCACAAATAACATTGATTCCAGGACCCAAG
GATGGGATCATCAGGAGCGGGAAGAGCAGCCAGGGTTTCCCATATTTTTT
CCTTAACTTTCCCATCTGTTACCAGTGGGAATCATGTGGGTAGGAGACTC
TGGAAGACCAGCAGAAG

>Sequence 2082

CCGGGCAGGTACATGGTAAGATTTTCATATCTCAATTCAAATAAAATAAA
AAAGAACCAAGAGCAACAAAATTTCCATCTCAGAAACATAAAGAAGAAGT

Table 3

385/1077

TACCATATGAACGCCAGGACATCTTCAGATGAAGCTTCCTGCACCAGGT
CCTCATCGTAATCTAGGAAACACAGAGTAACTGTCATCATGTTGGTTCCA
CTGAAGGAATCCCTTAGGCAACCTTGGATGCTAAGGACAGGGGGCTGGCA
TGTGTAAAGGAGGTGGGTAAAGGGTAGAACTTGGCTGCCACTGGGACAC
CCTCCTGGGTGATGAGGGAAGGCAAATGAGACCATCAGGAAGCCACAGAA
GTCAGGACCTGGTTCTCTGGCTAAGCCCCACACCACTGCAAAAAAGGCA
GAGTCCACACAGGGTGGCACACAAATGCACTGCTGATTTATGACAGTGC
CCATCACCCCT

>Sequence 2083

CCGGGCAGGTACATGGCAGGGACATTGAAGGTTTCAAACATGATCTGGGT
CATCTTCTCCCTGTTGGCCTTGGGATTTAGGGGAGCCTCTGTGAGCAGGG
TGGGGTGCTCTTCAGGTGCTACACGCAGCTCATTGTAGAAGGAGTGGTGC
CAGATCTGGTGGAGACAAAAGCCATATGAGCCTGGCAGACTCCCAATGGC
TGGAAAATTCTCATTGACATTCTCATGCTGGGAGAGTGTGGCACCATTGTT
ACACAGGATGGGATGGATCTGGAGAGGAGAATGGTCAGCCCTGGAAATTT
CTGATTGACATTTAAAGGGTATACTCCTTCTCAACAGGGCCCCAGGT

>Sequence 2084

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATGTTTGGTGTGGAT
GACTTCCAGCCTCTGGGGCCAGCAGTCGCCTCCTCAGTGTATCCTCACCC
TCTTGCCCTGCACTGGAATGACCAGGACTCTGGGCCTCCTGGGAGTCTGT
AGTAGGTGGTTCTGAGATGCTCCAGTTCGTCCTCGCTTCCTTAGGGA
GGGCCACAGAGCTGCTCCCTAAGTGTGCATCTGCTCTTCTACCTGGTCA
CTTGAGAATGGCTGGGATCTGGATCCAAGGGTTCTTTACCCAAATTTTC
TGAAGGGAGGTGATGCCCTTTCCGCCATCCAGAAAACCTCTGCTT

>Sequence 2085

CGAGTTGCGTGAACCACTACTATAGGTTTGAATGGGAGATCCACGCGGNG
GCGGCCGAGGGACTNNNNNTGCTGTNGGTTTTTGTATCCTTAATGGCCAG
GAGTGAACCCTAAAGTGGCTCACATTAGGGCCCTATTTCTTTCAATTACC
TACAAGGACAAACACATCTCAAAGTTGAGATAAGTGACCAGTATGATTTG
CCAAAATTCTAAAGTGTACTCACCATTTTTTTGGANAAAGGTTACCTTG
GGGATTTGCACTGCATGAATTCTGTGAAAAGCTTGTGATATTGTGATA
GAGATAGAGAAATGAAGTATATTATATAAGATACTATGAGGTTCCCTGCC
TTTGCTTCACATCCCAGGCTTACAAACGTGCCCCATAAACATTCCCTCTG
TGGCTCTTGCAATTA

>Sequence 2086

AGGTACTACGAAGCCATCTTGGCTCTGTGGAACCAGCTCTACATCAACAT
GAAGAGCCTGGTGTCTTGGCACTACTGCATGATTGACATAGAGAAGATCA
GGGCCATGACAATCGCCAAGGTATGTCCTCAGGGCCACTTAGGCTGCCTG
GAGGGAGGGCAGCGCTGCCCCCGCAGTGCCTGTGCCCAACAGTTCAACC
TTCTTGCTGTGTAGCAGTGCTTTTGTGTCTCGTCAAGCAAGTCAGCTCAG
CCCTCCTTAGAGGTTCTGGTCTGTCCAATAGAGAACGGGAGGGATTAGCA
TATGGCTGATTATGAGAGAAAGAAGCAATACTAATTCAGGTGGCCTGACA
AGCAAG

>Sequence 2087

CCGGGCAGGTACATCTTGAGAATAATACCTACAGAGGTTCTACTGAAGG
GTAGTCTCAATAATGTAAAGAATTTGACAAGCATGATGCTATTGAAATAG
TTCTGTAAGGAAGTGGTGTCTTTATACATCAATTATTACAAAAAGCAGT
GAATTGTAAGTGTGAGCGTGTTTACTTAGATGTGAAGAGTTCTCCTTAC
TGCTGTGATGGAATAACAAGGGTCAGATTTCTCCTGCCTTAAACAAC
TGGAAGCTATACAATACGTATAATAGGTAATGGTTTTTATGACATAGGACA
AGCACAGGTTTGTGATCCTCAGGAGACTGCAGACAGAGTGAGGTGAGCAC
CATGGTT

>Sequence 2088

AGGTACGCGGGTGAGCTAAAAAGAATTGCAAAAAAAATCTCATAATGT
TTCAAGAAAGTTTACAAATTTGTGTTGGGCCGCATTCAAAGCTGTCCTGG
GCTGCATGCGTCCCGCGGGCCAAGGGTTGGACAAGCTTGAGTTAGAGGTT

Table 3

386/1077

TCTGCAGGATTACAGAGATGTGGGAACCTCCAGCCATTGACGTGTGGAGG
TTAGGATATGAACTACTGTGAGGTGCACTTTCAGAGGTTGAGGCTAATAC
TCCTTTTCCTACTTCCCAAGGAGGTGAAGTTTCCTGAAGACAGTGCTTTT
TTACATGTAGAGTTTTTTGTGGTCTGTTACTCTGTTGTCTCCATTAGTC
AAGGAACACGTTTT

>Sequence 2089

AGGTACCCTGTGGTCAGCATAGTAGATAACATAGTTACAGAAGAATTGAC
AACAGGAAAAGTTGTTTTATAGAGGAGGGAATAAGGGCTCCGTAACATGAC
ATCATAATTTCTAGACAAACGCTTAACTTCCCTGAAGCAGATTCCGCCAA
GAGGGATTGGGCCATGTTGGAAAGAGACCAGTTTGCCTGTAATATTCTTC
CTTTCTCTAATCCTGGGCTCCCTTCAGGTAGAACCCAGATCACCATCAGG
AACCAGAGAATGAGAAAAAGTAGAGAGATTGTGGAACCTCTAAGCCATCT
TCTCACAGAGGAGGAACTAGAGTTCAAAGATGCAGCCACCTGCCCGCTC
TAG

>Sequence 2090

AGGTACGCGGGTGAGCTAAAAAAGAATTGCAAAAAAAAATCTCATAATGT
TTCAAGAAAGTTTACAAATTTGTGTTGGGCCGCAATTCAAAGCTGTCCTGG
GCTGCATCGCTCCCGCGGGCCAAGGGTTGGACAAGCTTGAGTTAGAGGTT
TCTGCAGGATTACAGAGATGTGGGAACCTCCAGCCATTGACGTGTGGAGG
TTAGGATATGAACTACTGTGAGGTGCACTTTCAGAGGTTGAGGCTAATAC
TCCTTTTCCTACTTCCCAAGGAGGTGAAGTTTCCTGAAGACAGTGCTTTT
TTACATGTAGAGTTTTTTGTGGATCTGTTACTCTGCTGTCTCCATTAGTC
AAGGAACACGTTTTGC

>Sequence 2091

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAAAAATTAATTGTTTTGGTC
CAAAGAACAAGACCTGGTACTGGTCTGATCTTTCCTAGTTTTAAATGA
ACATCCATAAAAAGGCAAACTGTCATATCACATTGAACTTTAATTTCATA
AAATGTGTATCTCATGCTCTTCTTCACTTCCCTGTGTAATCCTGGCACCT
GCAAGGCTTGTGCTTGGTCCGTCATTGCAGCGGCAGCAGCCTCATTATG
AATTGTTTATAATTTTATCAAAGTCTGCATGTTTACTAACTTTGGGTCTG
AGCTACAGCATTTTTCATCTGTCATTTTTATATCAAACATATTCAAGGATC
ACACAAAACCTGAT

>Sequence 2092

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATTAGGATCATTAT
TATTTAAATAAGAATATCACTATTTACATATATCAAATCCCAGCAGGAA
TAATTAACATTAGTAATGTCTGGTGAAAATACTATGAGAAATTTAACTA
AAAATGATAAATTTAAAAATTTGTGACTTCGTCACCAATTCTGTTGTATT
CTGAATAATATTGGGTTCCAGACTTGATTTTAAATTTAAATTGTTCCATAA
TGCCTTTCAAAGGCAGCTCCACTGAGTTAAGGCACATGCCTCAAAGGAAT
AAATGGACTTTTATCAGTAGATCATGAAATATATGTTAGATTTATAAGCA
GTTTGTCC

>Sequence 2093

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTTCCCCTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTG

>Sequence 2094

CCGGGCAGGTACTCTTAAGGCCTGACCGCTGAAGTAATCCCAGATATCAT
TTTCCCCATATGGTATTGGGTCAAAGCACTCCCAGGGCCATCCCAGGTTG
GAGGGGAGGGCAAAAAGACTCAGAAATGGTTGGTGTTTCATCTTTGGAGAC
TATTTACACAGTGATTGTATATTAACAAAAACAGCAATTATATCTTTGAA
TTTGAGTAAAGTTAAAGAAATGGTATCTGTGAACTTCGAATAAACAAGT

Table 3

387/1077

GGAGCTTAAAATATTTGATTCTTGCATATTAGGTAAATGTGCTCTATGCT
AATCAGGTTGGAGAAATATTAAGCTCTGCTAGGAATTCTATTGGACTG
>Sequence 2095
CCGGGCAGGTACAGTCATGAGAGATTGAGAATGAAAAAGGCAAATGACAT
TTCAGTATTGTTACAAAAATAGTTCTAACCTATAGGGACCCGTTGAAAAG
TGTCTCAGTGACCCATAGATGACCCTGGAAATCACTTTGAGAACTACCAT
TCTATATTTTTTAATATGAGATAATTCCATTGTAGAAAGCATACTTCAAA
ATTCGAAGTTTGATGTATCTTTCAGTTACCCAAAAATTCAACTTGACTT
TTAATGGTGCAATGATGCCGAAATCCCCCTGTCCGTGCATCAGTTTATTT
TTCTACTGCCTATTTGCATGATGGTTAAAAAT
>Sequence 2096
TGCNAGTGATTTCGACGCCAATACTGAATACCGGGCGAATATTAGCTGCAC
CGCGCTGGCGGCCGAGGTACAGGTTTTTAAAAGCCCCACAGAAGTTTATA
TTACGTTTAAAAACCCATATTAATAATTTGAAAACCTAAAAAAAACCTAA
GAAAACAATGGCATATATTCCTTTTCTTAAACCCGTGAAGTCCATTACTT
TTTGTCTTGTTATATTCTGCCAAAAATGGGATGGGGTGGGAGAGATGCA
TAGAAATTGTTTTATCTGCCTTGTTAACAAAGTGAACCTCAAGGACCAGCT
TTTCTTTTCTTCTTCTTTTCTTTTCTTTTGTGAGACTTCTGTCAACCAGG
CTGGAGTGTCTTAGGTGGCACTTAACACCCGGGAACAGGACCCCTTGAA
ATTCCCTTTTCAAGGGTCTTTTCTTAAAGGAAAAAATTTAAGGGGCC
TTTTTGTCACCCCCAGGCTGGGAGGTTTAAAAAGGGGGGGGGGTTTTTTG
GTTTAAATGGGAAGCCTTTTGCTTCTGGGGGGTTAAACAAAAATTTTT
TGGGCCCCCACCCCTCCCCGAGAGGGGGGGGAAAAATACAGGG
>Sequence 2097
CCGGGCAGGTACTTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCTAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTTAAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACTAT
GGGTACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCC
TGTTAAATGGGGGAGTTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGTTTCTGAAAAGGGAACGTT
>Sequence 2098
CCGGGCAGGTACGCGGGGGTGGCTGGACCCACGTGGCAGGTGTTAACCAC
CGAAGGGAGGTAGAATGTTTTTCCCCACCAGAGGAGGCAGCGACCACGTC
TCCTCTATGGAGGCATTCAAGAGCCGTCCAGCTGAAGCAGCATCACTGTC
TGAGCTCGGAAGGCACAATCCACATAGGTCTGCATGGTCCACCGAGCTGC
ATGCCACGGGGGCCAGCGGGAGGTGGGCAGCTGCTGGGCTCTCTTCTGAA
GCAGACAGGATCTCACTCTGTTGCTGAGGCTGGATCACAGCTCCCTGCAA
CCTTGAACCTCTTCTAAGCAATTCTCCCACTCTGCCTTCCAAGCACTAGC
ATTATAGGCCTAAGCCACCACTCCCATCCACTGTAGTGTAAGTGTCTTC
TTCAATGTTTCCAATAGTTGCGGAGCAGATCAATAAGGGTTCTTTCTGTC
TGTG
>Sequence 2099
AGGTACTAACAGCATTATGTGTGTTGCCTTGTGCAGTTGCTCCAAGAGCC
CCACAGGTCGTTGTATTATTGTGCCATTTTACAGATGAGAAAAACCAAAG
CTCTGAGAGGAGTGACTGGCCCAAGGACACCTAGGGAGTGGTGAGGCAGC
GATTGAAACCCCAAGTCTGGTGACTCCAGAGCTCATGCTCTTCTCCACTTC
TAGAATGTGCCTCCCTGCTCAGAGGAAAGGCTTGGCTCTGATGAGGGTCT
CTAAGGCAGCTGTCCAGCTTCCAGCTCCATCAACATCCTGAGATAATGCA
ATGGGAGGTGTTCTACAACTCACAAACCTGCCATAAAAAATGCAATCTCTG
TGATAATGGTCAGAATAATGGTTGGTCTAACTTAGACAATCGGGGTGTTA
ACTCATTATGGTTGGAAGGGGGCGCCTTACAGAGAATGGGAGACTACGA
AACAGTCACAGGGG
>Sequence 2100
NGGGCGATTGAAATTGTGGCAAACCTCGCACATCGGTGCAANTTTAGCGCC
AACGCCGTGGCGGCCGAGTTACTTATTGACTATTACTGTTTTCTTTNG

Table 3

388/1077

AATTCTCCTCCATTTAGAGAGGAACTTGCCCAGCCTTAACTGATTGCCAC
TGATTTAAACTTCTATTTATGCCAAATTATAAATCACATGCAAAAGACTG
TGTTTAAAAATCTCAAATATTTATCAGGTAACAATACTTCCCTATCTCAA
ATGCTCTGAAAGCTTCTATCGCACTAATATAAAATCCAAATGCTTCAGAT
CACCTTACAAAAACCTTTTATGACGTAGGTCCCAGCCAGTCTCTCCAAAC
CCGTCTCATAACATTGTCTCCTTTCTCTCTAAGCTCCAGCCTTAGTGGC
CCCTTTTTTCTGTTCTTTGACATGCCAAACTCATTCTGGATTAGTAACT
TAGCACAACTCTTCCCTATCTGGAAAAGCCATTCTTATGATCGTGG

>Sequence 2101

CGGCCCTTTGCACCACTTAGGGCGAACTTGGAGCTCCTTCGCGGTGGCGG
CCGAGGTACGCGGGGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCT
TTTCACATCAATGTAGAGTCCCTCTGTGAATTCACAACACCCAACACCCA
TGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGA
CATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCT
CAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGACAGGACCATTCTTAGTGGC
ACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAA
ATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGACCCCTGGATTGT
GAGCTAAGATAAAAAAATTTCTGATGCCCTGAATGTGGAACCATGCCAAC
GGATATACTTGAACCTGCCCAAATGGAAGATTAAAGTGTTTGTTA

>Sequence 2102

CCGGGCACCTACTTGTGCTTATATTCGATCCTTGGCACCCAGCCTCCTGG
ACGGAAATAAAACTGGATTGTTGGGTATATTTTGGAAAGTGTGCCAGAATT
GGTGAACGGAAGAGTCCTTATGTTGCAGTATGCTGTATAGTAATGGCCTT
CAGCATCCTCTTCATACAGTAGCTGGGGAAAATGCCAGAATGTAGTTGCC
ATCAGATTTGATTGTGACCAAGGACTGGCTTGAAAAAATAATGGAAGGGA
TGTTTAACTTTTTTATTTCCAACTTTGAATTGAAAAAAATTTCCCAAG
GGGGTGGCCCTTATTTAAATGGTTTAGGGCCAAATTTTTTTTTTAAAA
AAAATTAAGGGCCCCCTTTTTATTTTTTTTTTTAAAAA
CCATAAATCCCCCTTCCCCTCTTTTAAATAAAAAAAGTTGGGGCCCCCCCC
CGGGGGGGAAGAAAAATTTCTTTTTTCTTTTTT

>Sequence 2103

ATCACCTAATCGANACGGGCAANATTGCTGCAACGCGCCGGCGGCCGCC
GGGCAGTTACTATGCCCGAGTAAGACNCATCTGTGGACACTTCTATTCAC
AATGGCAGGTAGTAGCCTTGCCAGTGCCCCCGGGTCCACATTCTTTTTA
TTTTTGAGACGGAGTCTTGCTCTGTTGCCAGGCCAGGTGCGGTGGGCTC
ACAACACTTTGGGAGGCCGAGGCTCAGGAGTTAGAGACCAACCTGGCCAA
CATAGTGAACCTTATCTTTTCTAAAAAATTACAAAAAATTTGGCCGAGCA
CGGGGGGGGCATGCCCTTTAAATCCCAGTTTATTTGGGAAGGGTTGGGGG
ACCAAAATTTCTTTTAAACCCCAAAGGGTGGGGGGTTTTTTGTGGGGCT
TGAAAAAAACCCACACTTGTGCCCTTTGGGGCCGTTTTTAAAAAATAGG
GGGACCCCCCCCCCGGGTGTGGAAAAAATTTGTAAATATTAAACATTTT
TTAGGACCCCCCCCCCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGCCCCCCCCCCCCCCCC
CATT

>Sequence 2104

CCGGGCAGGTACTTCCCAACTAGGGGTGAGTTTGCCACCCTTACCCCCAC
TCATTGAATATTGCAATTCCTAAAGACGTGTTTTGATTGTCACACCTGG
GTGGGGAACATGCTACTGGCATCTAATGCATAGAGGCAGTAATGCTGCTA
AACATCTTTCAACGCACAGGATAGAGCCCCACAAAAGAGAATTATCTAGC
CCCAAATGTCCATAACACTGCTGTTGAGAAAACCTACCGCAGGATCTTAC
TGGGCTTCATAGGTAAGCTTGCTTTGTTCTGGCTTCTGTAGATATATAA
AATAAAGACACTGCCAGTCCCTCCCTCAACGTCCCGAGCCAGGGCTCAA
GGCAATTCCAATAACAGTAGAATGAACACTAAATATTGATTTCAAAATCT
CAGCAACTAGAAGAATGACCAACCATCCTGGTTGGCCTGGGACTGTCCTA
GTTTAGCATTGAAAGTTTCAGGTTCCAGGAAAGCCCTCAGGCCTGGGCT
GCTGGTCAACCCTAGCGGCTGAGGGACTCTTCAATACAAAATTAGTCTTTG
TGCACTTGAGATGAATATACTTTAATTTGAACATGTGAAAACATCTATAA

Table 3

389/1077

ACATCTACTGAAGCCTGTTCTGTCTGCACCGACATTTTCATTGAGTACCC
TC

>Sequence 2105

CCGGGCAGGTACACAGGAGGATATGTTTCAGGTCATATGCAAATACTACAC
CATTTTCTATCAGAGACTTGATTGAGTCTCTGTGGATTTTGGTATCCTTG
GGGATCTGGAATCAGTCCCCACGGACCCTGAGGGCTGATGTGNNCGTCC
ATCCTGGGATNTGATCENAGTGTCTCCCCAGAGTCTTCCGAGANGGCTCA
GTCTTGCTCTCTCAGTGTGATTTNTGTGATATTATAAGCATGTGACTGGT
CTGTGTCCCCAGTCCCCTGGCAGTAGAGTTCTTAAGCCCTTGCAGTTTTCT
GAGACCTGTAGGGGTGACAGGAGCTTCTTTTTTTCTGAGGTGACTCTTGG
TAGGTCCTAGGAAGCTTCAGGGTGGCCCTGGTCAGAAAGACCACACACA
TGATGAGAGGGTTGAAACAGTCTGTGTGACCTCTGCACCCCCAGGGAGAG
AAGAGGGCTGGAGATAGAGTGAGTCACCACTGGCCAGTGATTAAATAAAT
CATGTACATGATGGAACCCCCATAAAGCCCCCAGGCAACTGGGTCTGA
GAGCTCCACGTTGGTGACCACGGGGAGGTGCTGGGAGGGTGTGTGCCC
AGAAGGTATAGGAACCTCTGGGCACCCCCTGGCACGGTGCCCTGTGCATCT
CTTCTCTGGCTGGTCTGGAGTAGTGTCCCTTATTAATAACCAGTGTTAG
GAAGCCTGATCCTTTCTGAGTCTTGGGCATAATTCAGCTAATATTGGAA
CCGGGGATGGGGTATCCAACCCTTCTTGAAACTGGCCATCAGAATCT

>Sequence 2106

CCGGCAGGNACTATTCTTTTTCTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTGAGACATG
TACTCTTTCTGTACCCCATATTGTGGAGGTTTCTGCCAGTATAAATTAGC
TAAATCTTATCATTTGTGTGTGTGTGCTTTCTCCTCATAGGTGACTTTAC
TTCCTGGGACATACAGGAATCTGAATTCAGTAATGGGTCTGGAGGCAGCA
AGAGATGATACGGGTGGATCTTGAAAAGATTAGCCTAACAGTGAGAGGGT
CCCCAAGTCAGGCAGGACCAGCCCCATAGACTGGGGAAGAAGGGCTGCTT
CTGCTGCCAGGGGAACTCAGTGAGGGTTGGGGTTTAGGGTGCTCAGATC
TATCCAAATCAATCCTGATGTTCCCTATTCTAGTCTCAAGGTCCCATTGN
TCCCTAATCAGTAACCCTGTTTTTGATATGAGACCCGGAGACCCTTATA
AATCCACCTGGCGTGGAATTTAAACACCCTGAAGGAATTGGTTTTAATGT
TGAATTCAAGCTTGAATAAGCCTTGTCTGGAAGAAATAAAAAGGATTCT
TAAAAACCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGGCCCTT

>Sequence 2107

AGGACAAAGAAGTTAATTTTTTCAAAGAATAGGAATTATGACTTTATATT
AATCTCCTTTATGGTTCAATACCATATTTACAGAATCTAAAATTCCACT
GGCTATAAGACATACTATTATTTTATGAATAAGAAAGAAGCACTGTAATA
AACTATGACACAGTGCTAAGACATCACTAATTGTAGCACACATCCTAAT
TTTAGAGACATTAATAATGTAAAAAAGTGTCAAAAAAGCATAC
CTTGTTCATGCAATTTGATAAAATTACAGAAAATCTTAGTTATGTAATA
TGAAATACATGTAAAAATACAAAGTATATATGTAAGCTAAGAAGTATAAT
AGGTCACCCGTGAACCTACCACCCATCTTAAGAAGTACTACTACTAAA
TGCCTTGAATCTATCCGTGTTCTTGAATTTATCCCCATGCTTCCACAAGA
GGTAACCACTATCCTGAATTTTGTATGCATAATTCCCTTGCTTTAAAAAA
TAGTTATCACATAGGTATGTATCTTTAAATAAAATACTGTATATTTTTGC
TTGGCCAATCGATTCCAAAAGTCTTACTGCTCGTTCCCTTGCCTCTCTGC
ATAACTACAGACCCTGTGACTCTATTTACAGACTACTTTTCATTCTCCA
AATAGGCCATGTATTTTTGTCTCTAAATTTCTTCCCTGTCAACCATCAAAT
GCCCCACGTTCAATCTCTGGCGAAATCCTACTTTTTCATGGACCTAAAT
GCTTCCTCCTAAAAAACCTCATCTGAACCTTCAGCTTCATATATCTCAT

>Sequence 2108

CCGGGCAGGTACATCACTCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCAT
ATTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCGGCTTCTGCCTGGTCA
CCAATTTGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGCAAGGCATTGTTCTCCT
CCAATTTGGGCCCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCTG
AATGCCTCATTCCATTGGCTGGGCTCCACCTACCAGTTGGTGGACATCCA
TGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTCCAGCA

Table 3

390/1077

CCCAGCACTTCTACCTGAATTTACCATCACCAACCTACCATATTCCCAG
GACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAGAGGAACAAAAGGAATAT
TGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAGCAGCATCAAGAGTTATT
TTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAAGTCTGTCCCCAACAGGCACCAC
ACCGGGGTGGACTCCCTGTGTAACCTTCTCGCCACTGGCTCGGAGAGTAGA
CAGAGTTGCCATCTATGAAGAATTTTGGCGATGACCCGGAATGGTACCTC
G

>Sequence 2109

CCGGCAGGTACGGAGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAA
AGAATGTGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAG
ACAAAATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCTGCATGT
AAAACAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGA
TGTTTTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACATAA
AATCTGCAAATCTCTGGATAAAGAAGCAGAGATCCCAGCATGGGACAAAT
GGAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGCAGAATGCATC
TCTTCCTTTCTCTTGGCTTTCCTGGATAAAGGACTGCATCATTCTGTGGA
AGGACAGGCCATCAGCTCCGAAACACTGTATGTATTTTCCAGTATATACT
GCTAGCTGTGTGATGTTGGGAAAATTTGTTACCCTGTCTAACCCCCACTT
CCCTCATCTGTAAAATGGAAATAATGATAGTACCT

>Sequence 2110

AGGACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTGAATTGGCAAATGGTTTAATTT
TTCTGTTTTGGGACGCTGGCCTTGCTGGGGCACCATGGAGCGGGGCCCCG
TGCTGGTGGGTTGTTCACTGGGACCACCCTTCTGGAATGTGGAGGCGGCA
TGGCAGGACCCACCGAATGCCTTCAAAGCCAGTGGTCCATGCCCCGTGC
TCCTTCCTTAGAGTCTTCCAGAAAAGACTGGTCAGAGGTGCAGCACAGAT
AAACCTACAAAGCTTTTCATCAAAGCATCACTTACAATGGTGAAAAGGCA
GAAGAATCACTGAATTCCACCAAGGTGGAGCAGCCGAGGAAATCGTGGGT
AGAACACTAGGGAGTCACAAGAAACAACATATTTGAGGGGACATTTATAG
CAGAGGAAAATGCTCATGATCTAATGCTACACTAAAAGGGCAGGATACAA
AATAAGGTGTATTGGAAGAAAGAGGGTAGCATGGTTGTCCATCCACTGCT
TTCAGGGACTGGACTAAGTGACCTGGATCAGAGGGAGGGCAAGAGATCTG
CTTCCTGCCTGAGCCCTGTGAACAGTTGAAATCACTCGTGTGTCTGCAGG
AATCATCTTATACCCGGGTACCTTGCCG

>Sequence 2111

GAGTGCGCGTAGTACTCCTAATATGTACTACTATCTGGAGCTCCACCGTT
GTGGCGGCCGCCCGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGC
GACCTTTTGGCAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCA
TACCTGGTGGTCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTG
AGGCATCCAATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGA
TACTACTGCTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAA
AGGTGTGTATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCT
GTTTCTTTTACTATTGGTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATT
TTTAGCTAAATTACAAGATGCTGTTGAAAAATCTGTCTCTGATGAGACA
CTCAAGGTATTCTTCTTCATATGTTAGCTTTTCAAAATGCGAACCATGAG
TGTAATGAGCCGTGCATTCCATCCTACGTCAAAATTTACCTGATCATGA
GGTGTGCTGCATATATTAAGCTTGTGAAGGCGTTGGATCGGAGACCC
ACAGAGCTATTCTGTGGGCACCGGCCATGAAGCACGGCAACCAAACCTGGC
TCGACTGATTCTTTTCTTGGAGCCTGCTATAATTTGGGGCCAACTGGGT
ATACCAAAAAAACTACACTGTTAAAAAACCTAAAAGCGGGCAACCCGGTT
AACAAACAACGCCAAAAGCTNCTGGTACTGTTTGGCCGCGTTGGCGGAAA
AGTAAACAATTGGCAGGT

>Sequence 2112

GTAGCCTGAGCCCCAACCTACAAATTCGGGCGAATNGGAGTGGCACCCGG
GTGCCGGCCGCCCGGGCAGGTACGCGGTTACATCAATGCAGAGTCCCTTT
GTGAATTTACAATACTCCAACACCCTTGAGTTTCAGTCCTTAAGAAGGAAA
ATTGAGCAAGTGTTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATC

Table 3

391/1077

CAGCTANNACTCTAGAAATTTTAATTCTCAAACGTTAAGTTGGCCCCCTCT
TTTTCTTTCTGTCAGAAGGACCATTTTCNNTTAGTGGCACTGNNGGGAAAT
CTTGGCACCCAGAAGAAATTCAACTGGCGCTTTCACTGCAAAAATACCAAG
ATGGCCTACANTTTGGATTTGTAAGAAGGAGAAAGGGGGAGCCCTGTATT
GTGAGGCTGTGCTATGAAAGAAATTCTTTGGCCCCCTGGAATGGGTGGTCG
ATTGCCAAAAGGAAAGAATCCTTGGAGAAAGTCANTCAATGGGCGTTGGA
AACCCAAACTTTGGCATGGGTTTCCTGGTTTTGTGTGGTGTAGNCCTGGT
GGAAAAGGCCCATTCGGGAACAATTGGTTTTTCACTTTGGNAGGGATGGG
TGGAACCCTACTTGTGAGAACTTGATTAATTATGCCCTCTTTTGGTACCT
TCGGGCCGGCTCTTAGAACTAAGTGGAATCCCCGGGGCTTGGCAGGAAA
TTCGAATATCAAAGCGTTATTCGATACCCGTCCGAACCTTGAGGGGGAGG
GCCCCGATACCCAGCTTTTTGTCCCCTTTTGTGAGGGGGTTAATTG
CGCCGGCTTGGCGGGTAATCATGGGNCAATAGGCTGGTTCCCCGGGGGA
AAATTGGTATTCCGGTTTACAATTCACAACAACATTACCAGGCCGGAAG
CATTAAAGGGTAAAACCCTGGGGTGG

>Sequence 2113

AGTAGCACTGAGCGCTNNAACTGAAGGCGACNNGGAGCTCCACCGTGGTG
GCGGCCGACGACAAGAAATCGAGCACAAATTGTTTCAGAAGAACAGAAGAC
CCTTCCAGCGCCATTTTCTGGGAGGTGGTCCAAAGGAAGTCAGTGGGGC
CAGCTCTCTCCCTCAGACAGCTAACAGGAGCAAGGCTTGGTCAGCCTTCC
TGAACTCTGCAAGTCCAAGGCTTCTGAGCTATTTATTCTATACTTACTTT
GAAAACACAAAATTGCTCCAACAGGATGGATATGTTACGGAACAATTAGG
CATAATAGGATGTGCATTTCTGTCTACTGAGAAACACCAGGTAGAAAAC
GCACCAAGCTGAATTGAGCTTCGTGGTAATACACAAAAAATGCACACAGT
CTCAGCTCAACAAGTGAAGTCACTGAGTCACACCAAAACACATTTGATGTTACAA
CTTCCATCCAATTCCAGATAACCTTCCTCCCACTGCTTCTCAACTGCTC
AAAAGCCTAACTCTCCAAACCCATTTCACAAAGGTAATTTGAAGACTTTT
TCAAATAAAATGCCAAATTTACCATAGTAGTTATGTATTTCTTAACCATT
TAACATTTATAAAACTATATCATTTTTATTAGTTCTTTTTTTCAGATGT
GTCACGTACAAAAGTTTAGAATATTGGGCCCTTAACCAAAATTTCCCGTG
AGACCTGTGGGTCAATTGGGCAGTCTTCTTAATGTGGTAATTTTAGAATG
CGTATGGCATGTGGAATTGAACAGAACTATTCCAGGGCTTAGGGAAAGA
ATTACATCATT

>Sequence 2114

CCGGGCAGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATATTTTTTAG
CATANTAAAAAAGTACTGTTCTCCTTAGGGAAAAAATACATGCAAAATGCTC
ACAAACTTTTAAATTCACACTTTAGCGGGGTGGTGATTTCTGAAGGCCTC
TTTCTGTAACCCCTGGTGTCTTTTCAGGAAANNCCAGGTGGAGATCCCA
TGTTATAAATTACCTTTCCGTTTACAAGAGCANCTTCNNTTAGATTCTTT
AAAAAAGGACCCATCTTAAATTTTACANNTTACTGTTACANNAAAATTAG
CCAGGCAGTGGTGGTATTTATGCCTATAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTG
AGGTGGGAGGATGGCTTTGGGCCTGGGAGGCAGAGTTGCAGTAAGCTAA
GATCGCACTACTGCACTGCAGCC

>Sequence 2115

TGTTGGCTGAGNGTCNACGCTGTANNATCGGGCGAATNNGAGTGGCNAAG
CGGTGCCGGCCGAGGTACGCGGGGGGAGCTTTATGCAGNGCTAGCTCCCT
TTTTNNGGGCCACTGACTACCAGNGNGCTNNGGAGCTGCGTAAGACAATTC
CCCCAACGCGTCCAAAAAATAGGACATGGTCCACTGCAGGAGTTCATAA
TCAGGAGTCCAGAGAGTCCAGGCTCATCATCCCTTCAGAAGAAAGAATCT
TCAGGCCTCTGCTCTTGTGAGAGTAATTTCTCTTAACACCGACAGTGCAG
CAATACAACCTACCACACCTTTCAATTATTGAGAGGCAATCATCTAAAGC
ATTTGGCAAGTGATCCACTTACGGAGCCAAGCTAAGGGAGCTGAAGAGAA
GAGGCCGCCGCCCAACCCAGGTGTTGTTAGTTATCTAGCCTTTTGCAAA
GCCTCTTCCATTTCTACTCTGCTCTTTAAGCTATTTTCATGCCTTGAAGAT
GTCTCTACCAGGGAAAAATAAGAGATTAGCTTTTCCCCACCTCCAGCC
TGTTTCCAAGACAGAGTGGGGCTGATGACTGGAGGTGGGAAGGACTAGAG

Table 3

392/1077

GAAGGATGCCACAAAATTTAACAACCTGGGCCTTGAAATTCACCATTACACA
CCATAAACTGGACTAACAGGAAAGAAGATTATGTAAGGAAGGGTTAAAG
GAGTAACAGGAATAACTCCCGCTTGGAAGAAAGAACCATGCCCTCTTTC
CTTGGTAAGGGTCTGGTAACCTTTTAAACCCCAAAACAAATTGGAAGTGC
TTTTTTTGAAN

>Sequence 2116

AGGTACTGCAATAACCCCTAATAGTTCTTTTACCCACCAATCTGGCCCC
CAACAAAGTTTCCTTTGATTTCTCCTTCTACCAAGACATTCTCAACATT
CTCCCTCCACCAGGTGGATCTGGCCATGATTATCATAAATCTAATTGCCT
TCTGCTTAAATATTTTCAGGGAGACCCATTAATGCATTTGGATAAAAATT
ATTATTAGCTGTGTGACTTTGGGTGAAAGATTTGAGCTCATCTGTAAAG
TAAGGCAATATGGCACCCTGAAGAGTGGTGTGAGGATTATGGTGTTTAA
TGTCACCACAAATGCCTACTGTCTTATAGAAGCTGAGTGGGAACTAACGC
TATTTCTACTTATTTTTGACAAGCTGCACGTGACAGTGGGAAAAGTATTG
TATTTGGAGTCAGATAATAATGATAACAACCACAACTACTAGCAATGC
TTACACAATGCTTTTCTGTGTGGTAGGTCTTTTCCAAATACTNTACAAA
TACTAATTATTTTAATCTTCACAACAACCAGAGGTAGGTGCTGGTTATC
ATGCCCATNTAACAGATGAGAAAAGTGAGGCATGAAGGTTAAAGTAATAG
ATCTCTACAAAAGTATTAAGAATCAGGACTTATGCCGTAGTAGTCTGG
CCTCAGAATCCATGAGCTTAATTAATAATCCCAACTCTATTGCCAGTAACT
TCAGAACCTGCCTAAGTCATTTTAACTACTTGAGGCTAAATTTTTTCTTC
AAAAAAGAAAACATGAACCCCTACCTCAAAAGGGATTACAATCGACTGCT
TT

>Sequence 2117

AGGTACTAGCCTCAAAAGAATCAAACCTAAATTTTTAGTAACTTGATTGTG
TCCCAGAACAAAGGCCAAAAATGTTTAAAGGAATATTTAAAGATCCTGCA
ACATAAAGCTCAGTGTTTAGCATCCAATAAAAAATTATCAGGCATTTAAA
GAAGCTGGAAAATATGGCCCATAAATTAGGGAAAAAATTAACAGAGACATA
GAAATAACCCAGGTAATCAAATTAGATTAAAATGTTAAAGCTACAAATAA
AAGCAAGAATTACTAGAAGCTGTAGAATTATTTCAATTTGAAAAGTATGAA
ATAATCCCATCCTCTCTCTACTCAAGGACTTCACTCCTAATAACTATTT
TATGTCTCTCCTGGATCCATTTAATGGAGATATTGGTTACTAATTCCAAC
AGGAACTTTTTTTTTCTTTGTGAAAGGAAGGCAGATAAATGAGAAAAGA
TG

>Sequence 2118

CCGGGCAGGTACCATGAGACAAAGAGGCAGCTTCAACATCTGTCAGGTC
TCCAACATGTGATGCCATCTTACGATGGCACTAATTCAGGAAAACAAAAC
AAAACCTCTTTTCTTCTTCTCCTCACCCTTTCTGTGCCTTCCAATCCCAG
AGGAGTCAATACCAACGGCTAGCCAGCCTGGATAGCCAAGGAAGGGGAAG
AGCAACCCAGTCTCAATGCCACCCACTTACTCCACTGCACACAGAGACTC
TGTGGTGGGCCCAGCTGGGGGAGGGGAGAAAATGTAAGTTCAATCAAGTT
TAGAGTTTTGGGTTACAATTTGAAATGGACATTCTAATTTCTGGATAGAG
TCTGAGATGATGGTTTAGCATGAATGCAAAGGTCTCTATTGCCTAACAGT
ACCT

>Sequence 2119

GGGTACTTTAACCCATACTTTGGGCAAAATGAACCACTGGATTATAAGAT
GCCTGAGGACACAACCTCCAATTTAATAGTTCCTTGATACCCTCCCAAGC
ACCTAGCACAGTGCTAAGTCTAGAGAATGCTTTTGAAATATCTCTCAAAG
CAGAACTTGTGTATATATTGGGGGAAAGAAAATAGGTCTACTTCTTA
AAAAAAAAGCCTTGACCTACTTGAATGCGATGATGTTAGGGTGCTTCAA
CTTCTCAAATGCTTGATATCCGTCTCATTCTGTTCTCTCACTTTCTTGA
TGCCACCTCTTCCGCCCAGAACTTGCCCAAGAAGACCGCTCCTTGGGCT
CCACTACCCAGCCACTGCAGCTCTGAGATCTCCTCAAATGGCACTTCCCA
AGTATCTAGGCACACAAGCAAGAAATAAGCTTGAAGAGATCTCAGAAGGG
A

>Sequence 2120

Table 3

393/1077

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTTTATTATCAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACTTG
GCATGTTTCCTGTTTTGTGTGTGTAGCCTGTGGAAAGCCCATTCGGAACA
ATGTTT

>Sequence 2121

TGTCGTTTCTGCCCTGGTATCAGAGATCCAAAGGAGGAGGAAGCTGAGGA
GGTGAACCTGGGACCCCATACCTTGGCCCTGACCTGCATCTACACCAAG
AAGAGAGGACAGAGGCCAGACTTCACAGACACCATCATTCTCCGAAAGG
GGCCTCAGTGGAGCACGTGTGCCACCGCATCCACCGGTCACTCGCCAGCC
AGTTCAAGTACCTGCCCCG

>Sequence 2122

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTAAGGCAAAAGCATTTTTGTCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTATGGCAC
AAATACAGCCTTTACCCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTC

>Sequence 2123

AGGTACTTTAAAATAATAGACCTTACAAAGTTTTCTAGACTGACTTCCTG
TGAAGAACAAGGAGCAGGGGGAAGGGGAAGGGGTAGAATTTACCAATCT
GAATATTTTCAAGCAAGGGAAGATGCATGAGTTTTACTATAAAACCACTG
AACATTGCAACAATACTAAATTCATACATATATAAATCACTGAGCTA
TAAGGTTGCTGATGTATTTGTTCTTGAAAGTGAATTAGAGTTACTTTATG
CAGAATCAGCTAGTTTTATGTTTCATAATGTCTTTCCCTTTTTTGAAGTT
TTTTAAGTCTAAAGTAGGGGGAACCAAGCCTGCTGGTGGTGATTTTGA
GAAGTCTTGAATTCGGCTGCAAATGCTAGTGCCACCACCACGGAGCCTCT
TCCAGAAAAGACACAGGAAAGCCTGTGAGATTCTACCTTTGTTCTGCTA
CC

>Sequence 2124

AGGTACAACTGATGGAGTCACCTGCAATCTCATATCCTGGTGGAAATGCC
ATGGTTATTAAAGTGTGTTTGTGATAGTGTGTCGTCAAAAAAGGTTTTGA
ATAGAAATTACATTCTTTGACACCCTCAGTTCTTTCAAACCTTTCAACTCT
GCATTTTATTGCATTTTCTCATTTAACTGTTAGTATATGTTTGAATATAG
GCTGACTTTTTTCTCTATTGCACTTTCTTCTTTTTTCTTTTTAGAAAA
TAAGCAATTAGGGGTTAGATGCAATATGAATATAAAATAGTTCTGTAAAT
ACCAAATATTATTTTAGTTCTGGAAGTTAAAAATACTCTCCATAGTAAT
GTGTGTTATAATAATAAATATTTCTTTTGTGTTGACTTTTTTAAATTTCTA
CAATGGTAAAAGCTATTTTAATCCATGTTAGCAATTTAATTCCTATTAAT
TCAG

>Sequence 2125

AGGTACCAATGAACTTCTTCCCTGAGTTGGTCTTTCTCATATAACACAAA
AGGCAATTGATAGCATGAACAATAAATTTCTTGCCAAAAATATGTGAT
TTGAGTCTAATAAGGTCTTTAGGTTTAATTTCAAGTTTCCTTTGTATGT
TCTCCACTGTGCCCCGTCTTATGCAAGCCCACTGGGAAGGTAGACACAG
GGTCTTTGTGCCCATCCCATAAAGGGCCAAACAGCACTGCATGCCAGGAA
AATGTGTAGAGATCAGTGCAACGCAATCCTCACCAGAAAGGAGCTTTGTG
CAAATTTTGAAGACAGAGGGCAAATAGGTTTTTCCATATTTTCATCGCATT

Table 3

394/1077

ACTTGTTACAGCAAACACGCTGGACTTGTATCTGGATCTCCAAGTATAGC
CATCACAAATGAAGTCCTTGTTTAAAGAATAAATTTAAGCGAAACCAGCTG
TTTTTTTTT

>Sequence 2126

AGGTAATAATTTAAACTATACATTTCTAAGTTAATGATTTTCAGCATCTT
GCGGCCATACCAGACATGGCATGGAATTAACCTTCAGTCCCAGTGTTC
TTTTATTCATACATTAGGGTGGCAAGGGTGGTCTTGCTCATTGCAAGCAA
AGTCATCCTGGTTCATGAAATGAAGAATGTGGACTGTGCAGTTTCCAG
TCATGAAGACTTTTGATACATCACTTGAAATGTTCCCTCCTGAAGTTGAGG
GTCTTTTGTAAATATCACCAGGGCAGTGAATGGCAGAGACCAGATCATGAA
TCGCTTCATTTAGAGCCTGCCTCCGGGCTTCCCTGCACTCTGTGGCTGCT
AATACCACACCCCTGTGTCCCTTGTGGTCTTAAGTCACAAAACCAGCTAT
TATTAGATTTGCCTGGAGTGTCTGAAAACAGGCTTAAAATGAGGAAACCT
TGTCCT

>Sequence 2127

AGGTAATAATTTCTTCTTTTGTGTATGTTTGAAATTTTTTCATTATAAAA
AGGACAAAAAAGAGAGAGAAAACTAAAAAAGAAAAAATAGTGTG
CGCTTGTTAGTAAAACCAATCTTAAGGCCAGTTACTAAAAAGTAACTCC
TACAATTTTGAATAGCTATTTGCTAATACAGTGATTTGCTGCCTTCTTGG
GGTAGTTTAGCCTGTCCATTCCTTATTTAACTTGCTCCCTTCCTTCCCT
TTTAATAAAGTCCTGCCTAAGCTCCAGGCTCTATTTTCCACCTCTCCCT
AAGATTTAGGATTGTTCCGTTTTAAGTCAGTGGCCATATGTCTTCTGT
CTCCTAGTGTAACCTTACCTTACCCAGCAGCAGGCCCTTTGTTAGGGC
AGCCTATAATATTGCTTTTATGATTAATCTTCCCTTATCCACAACTTAA
CTGGGGAGA

>Sequence 2128

GGAGTGTGCTGAACCTCACATTGAAGGCGACTNNGAGCTCCACCGTGGTG
GCGGCCCGGACGCGGGAAGCCGACCAAGCTGAGGGAGGTGGAGCCAGC
ATCATGCAATGGTTTCGTGAAGGGTGAGCAGTGCCTAACAAAGCCCTTC
CATTCACCAGACATNTGTCTCCAACATATNCCTCTTGAACCACTCTCACA
GCTTCTCAAGTTGCACAGCCAAGTTTGCAGATGGACAGCAGTGCTCTGTG
CCAGTTTTTGACATTACACATCAGACACCTCTGTGTGAAGAACATACCAA
AAAAATGGATAATTTCTTGAGAGGAGATAACTCCCGTAAAGTTCAGCACC
AGCAGCAGAGGAAACCCAGGAAAAAACCAGCCTCCTGCACTAACCAAA
AAAAAAAAAAAAAAGGAAAAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 2129

GGGATTATCTATTCGGGCAAGTTAGCGTGAACGCGGCGGGCGAGGCA
CACATTTTCTCCATATGTTTGGACCCTCNGTTTATTACCGCCGGGGAGAG
TCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTACTCAGAAAATTT
GTATTGAGCCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGTCTAAAAAGAATG
AAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCAGAACACATGCCCAAGCAGAG
ACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAGGGGTAGAGGGCAGGAAAGG
GTGACAGCATGCCCCGCGAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAGGCCTGAAAGAAT
GAAAGTATCTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTTGGGCACTACCAGCA
GCTCAGCAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAAGGCTAAAGATGGA
GAGCGGGGCGAGAAAGTCACAATATGAAAGCCCTATGTGGAATTTAAGAA
GCTTGGACATTATGTAA

>Sequence 2130

CCGGGCAGGTTCTATGCTGTGGATCTGTGCACCACGCATTGTTTCTATA
CATATTACATTAACTGTGCCTCATCTGGATTGTGGCACAAGGTAAAATA
GATGCAGGCTGTCAAGGCTGAGAAAAATGTATAAAACAAGACCAGAAGAC
TGGAGGGACCAAAAGAGGTGATGCATACACAAGGTTCTAAAGCCCAAGTC
TGGACTCCATATGCACATTCAAATTTGAGGAACACTGAGCAGTAACATGC
AAATCACCTGAGAATCTTGCTTAATCAGCTTCTCATTACAGCAGGTCTGGG
GGAGAGGCTGAGAGTCAGCATTTCTTGCAAGTTCCCAGGTGATGCCAGTC
TGCGGCCACATGTTTCATCTAGACCCCAAACTAGTAGCAATGTGTGTGA

Table 3

395/1077

CAAGGCTGGGTAACAGGCATGAACAATCCTCCAGTCATGAGTAATTTCTT
TGAGAGCAGTTGTTTTCTGTGGAAGACCCAGCGCTCAGCCTCCATGAACA
TGGTCGAGCCTTCCTTGAAAACACTGCCCTCCTATGCTAGCACCTGTGAA
AACATATTGGAACAGGCTATAAAGAGAGAAAAACCTACAGTGTGACACC
TGGGCAGGCCACAAGTGGGCACCTGAGAGAAAAGCAGACTGGTTTTAACAC
TTCAGTGGTTCTTTTCTAGAAAGGCAGTTCCACCAAAATCCTGTTATTTT
TGACAACTGGCGGTAACCAAAAGCCCTGAGGGGTGGAACACACACGGAG
TT

>Sequence 2131

AGGTACATGATGATTTTCCTTGTAGTAAATAGTTTTTTCTAATTTTCCCA
TGTAGACAAATCCAAAATGCATACATGCTCATTTAAATAATTTGTCCACT
GGTAACCTCAGCTGAGCGCTGCCCTTGGCAGAATATGTTTACAGGATANT
TAAATGTGTTTAAATATTCTTTCATATTACTTGGTTGGCATTTAGATGT
CTTAAGTTGTTTAAATAAATTAGGGAAAGCTAGAATATAAAAGGTAGAAA
ATATATACATTTTCAGTGTTCGAAGACACTTTGGTGGACTATAGAATGCT
TTAAATGCAAGTTAAGATGAATATTTTATATTGGCTGGGCATAATGGCT
CATGCCCTATAATCTCAGCACTTTGGGAAGCCGAGGTGGGAGGATCGCTTG
AGCCCGGGAGTTCGGGACCAGCCTGAGCAACATAGTGGGATCCCGTTTGT
ACCTGCCCG

>Sequence 2132

GGTGTTCCTTACTNANTTTCGGCGTANNTTAGCAGCACCGCCCCGGCCG
CCGCCCCGCTCAGTTTCTGACTTTGATTCTCACCATTGTTACCTATCCCA
ANNACAGGAGGNAAGAGAGCCTGATTACAGCAAAAGGGGGGAAGGAGGCC
CAGAANNANNGGGCCANCAGAGNNNAGACCAGAGGGGCCACCAACCCCN
NCGCCCCGCGNNCAGAAGCCGGGGANGCCACAANCNCAAANGCCAANCCA
GGCACAGNACCCGCAAAACCCAGCCAGGAGAAAAAANAACCAACCCCGG
GAGGNNANCAACACCAGCCGCCAGCCGCAANACAAGAACCGCCCCGGCCCC
AGAGGGCCAAGANGGAACCCAGGCGGNGCGNCCCGGGCCAAANAGCAAGG
CACCANANCAACAACCCACGGCGAAGGCGGNGGAACCAACGGGACCCCGG
CCGCCCCAAACAAGNGGAACCCCCGGGCCGAGGAAANCGAAAACAAAC
CAAACGAAACCCGCCACCCCCAGG

>Sequence 2133

GTCCCATGGCAATTGAAATCGCAATGTAGCTCCCCGGGGGCGGCGGGTCT
GTATTGTAAGGTTTTAAAGTGCTTGCTCTTACGTAAGGGTTCATAAGAAA
GACAAAAGTTTATGAAACTGTTACTACCAGTCATAAAAGACCTTTTCCTC
CCTCATTCACAGGCTGGCTTATTAGCTGTAATGGCCAGATGGGTGTTA
CGTCCCTGCTGAAGTGTGCAGGCTCACACCAATTGATAGAGTGTTTACTA
GACTTGGTGCCTCAGACAGAATAATGTCAGGAGAGTTTTGGGTTCCCAT
TAAGGTTCTTATTCAGTCATTTAGATGTGATAAAAGATATTTGCTTCTTG
TATATGAGCCTTTTAAATCTAATATTTGATTTTCTGGTGTACTTTAAA
AACATCACTTTTTAAGAACTGCATAGNCTCTCTCTTTTTTTTTTGAGA
TGGAGTTTCCCTCTTGTTGCCCAAGCTGGAGTGCAATGGCCCC

>Sequence 2134

AGGTACTTACCATCTTGTTTCTCAGTAGGTTTTTGATACCAAAGAGGAAA
ATGTTTAAATATTTGCTTTATCTATTAGATCAGAACCTCTTCGAAAAAAGA
AGAAGGTGGATCCTAAAAAAGACCAAGAAGCAAAGGAGCGCTTGAAAAGG
AAGATCCGAAAACCTGGAAGGCTACTCAAGAGCTAATTCCTATTGAAGA
TTTTATTACCCCTCTAAAGTTCTTGGATAAAGCAAGGTAAGGATCCTTCT
CTAGGGATGAAGTCTCAGGACAAAGGAGTAATATCAACTTCAGGTAGTT
GTGTCTGTAGTTCACACCTGTGATAGTCATTGGTCAGTAGGCTTGAGCTG
ACTTGGCCCTAATGAGTCCTTGCTCCTTTTGGAAGCAGGAGAAAGCATCC
TTGGGGTGGTACCTGCCCG

>Sequence 2135

AGGTACCTGCAATGGGACTCTATTTCTGATATTAGAAAACCACCCAATGG
AACTGATAAAAAATGAGTTGGAACCTGTGACCAGCAGCTGGATGAGAGGAG
TGTGAATCCCCCAAATCTTATGGATATAGTGTGCTTCTTTGATGTTCT

Table 3

396/1077

GCCAAAGTGAGGCTGGAAAGCTAGGAAGATCTGTAAGACGTGTGCCAGCA
CAAAGTGACTACAATTCAAAAAGTTCCAAAAACCTTGCTTGAAACAATTGC
AAATAGCTTATCATTTTAAACCAGTGAGCCCAAGGCTGAGTGTTTCATCA
ATTTACAGAAAACCAAGAAGAGACATCTTGCCGCTTATCCAGTGTATGAC
TTACCCTGGAGATCTTTCAAAAAGAATCATTTTGGTTTGGGAAAAAAAAA
AAAAATTAAAAAGGGGTCCTTGCCCGGGCGGGGCTATTTAAATTAGGG
GCCCCCGGGGCGGAAGAATTCAATTTAAGTTTATCAAACCGGCAAC
CTTGGGGGGGGC

>Sequence 2136

CCGGGCAGGTACTCATTGAACTTGAGCTCCGAGTTCTGATTACATCCAA
GCTCTTCATCTTCTCATCAAGAGAGCCCACATCCCGAGGAGACACCAAAG
GGAAGGGTAGAGTTAGAACTGGGGTTCTTGAGAAAGTAGGGAGGGAAGA
ACTGTCAGCTGCTATTCTCTCAAGGCCCTTCCCTCAGAGAGCAGTGGCAC
CTGCCCCCTTCTCTAAAGAAGGAGGCTGCAGCCCCAAAAGTGCACCGCCAC
GGGGTGCTCTCCAAGGAGCACCAGCAGAGAAAGGTGGGGGGGCCTGAGT
CCTAATGCTTGCCGTTGTGTAAATACTTCCACGATGGCTGCTTACAAACC
ACAAACAGGTTGTGCTGAATACAAAGCTGGAAGAAATCCACACAATCT
TCTCTACCAGCACACCACTGCAGCTGCTGTGGGATCGCCCCAAGGAATG
CCAGCATCTCAGG

>Sequence 2137

GGGAAATCGCTAATCGACTACNNGGCGAATTTTAGCTCCACCGCCGTGGC
GGCCGCCCCGGGCAGTTACCTGAAACCATAGCTGGGGTCATTTTGTGTCAG
CCAACCTGTGCAGAGAGGGCAACTTCTCGTTGCCTTGAGTTGTGGCCCTC
CCTGTCTGGTAAGAGAGGAGGAGACGCCTCCCCGATTCAGGGAAGGAGGA
AGAGAATGAGCGGCAGGTCGCCTACCTGGACATTCTTCATTGCTGCAGAT
CCACTGGCTGTTTCGGCAAATGCTGTTGGAGGGAAGAACACAGGTCATT
GGTGGTTCTGCAACACAAAGGATGCAAAATGGATTTAGAGCTCATGGTA
GTTATCACAGTCCCCAACGAAGGATGTGGGAAAAGAAAAGAGCTGGTG
CTAGCAAATCTTCATAGGGTTAAAATTGTACCT

>Sequence 2138

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTATTATCCTTATACCTTTTATT
AAAAAGTAAAGCAATTCTACTCTCCTTATGAGTTTGTGTTAACAATGAT
GAAATATGTTAATTTGTGCATGCATAATGAGATGAACTCTGGATTATTTT
ATCTCTGCGATTACATGTGGAATAGAGTGATTAATCATAAAATGTCTTCC
TCATGATTCCAAAACCTTGGAATTGAAGAGAGCAACAGACTATATGTTT
CTAAACTGATATATCTCCTTGATCTAAGGGGATTATTTTCAGTGTCCA
TATATATATAAACAGCCTGAGGGGGAACCTCAAAGTGTGACATTAGA
ACAAGCACCGCTGGTAACAAATGGAAAAGTGAATAACAATGCTTATTT
TTTCAAAACGTTTAAAGTGGACTTTCTAGCCATTTGGTGGAGTTGCAAA
AAGCATAAATTTACCCAATCCATGGTTTT

>Sequence 2139

AGGTACATCAGTTCAGCTTCTGCTGGCAGGATTCCACTAAAATCAAAATA
GCACCAAAGGAAGAAATGGTTAAGGGCAGCCAGTGGAAGATCCCACTCTC
CCGATGGCAAATTCAGAGCTGTGGTTAGCTCTAGTTTCTGGGAAGAGC
AATCATTACCCAAGTGTGAGGGTAGGGTGCATTACTAAGTAATTCATTGA
CATTTTTCCCAGTAGCCTTTTACTTAACAGCGAATAATAAGAGGAAGGTA
AAGTATTTAATTAAGAGCCACAGCCCTGTAAACATGAAATCATTATTTCCA
GACATCCCTTCGAATATGTTGCCTACTTTAAAAAGAAGTTATTTTCTCC
CATCTGGGAGAAATCCTCACTATTAAGGAGGAGGAGGAGTTTATCATG
AGGATAATATTTTGGGAGTCAAAGGCCGTGGCTCATGCCTATAATCCCAA
CACTTTGGGAGGCCGAGGAGGNCAGATCATTGAGGTC

>Sequence 2140

CCGGGCAGGTACTGTTGCTTCTTGTTTCATTGTTGGTTAAGGAAATCCACA
CTGTTCACTACTACGGTTCCTTATACTACTGATCGCGAGAGCTTATACGTC
TCGAAGACATTTAGAATCGCTAGGCTCTTACTGGGGCTAAAGGTCTAACT
TGAAAGTTAGATTATTTTGAAGAGGGGGCTAATAGACAGTACCAGGGAA

Table 3

397/1077

GAGAGGGGTAGCTTATTTTAACCAACCCAATAAATTGGGGCGAAAAATCA
CATAGGGAGAAAGAACTTGATGGGGGAGGGAATATATGTCTGCCGACCAT
ATTCACAGGGTGCCGCACTCAGTTTACATTGGTGGAATTTAAAGGCATAT
ATATAGCCGCCGTTGCTCCTCTCTGTAATACCCCAAGACTGTAAATCTAT
AACCACTGCAATGATTTAGTGATTA AAAACATGATAACCTATTGTGTAAC
TGCAAACCACAGAACCCTGCCAACTTTTTTTTCTA

>Sequence 2141

CCGGGCAGGTACAAAGGAAGTGCTCACATCATAGGGTAAGAAAAAGCAA
TGTTATGCAAAGAACAAAATAAAGAACATTCCAAGAAAAGGGAACAGCCA
GTGTGAAAACCCAGAGGCAGAAAAAACTTAGGTGTGATAAAAAAAAAAAAA
TGTAAGAGAAGCTGGTTTACCCGGAATATCCTGAGCTTGAGTGAAGTAGA
AATACAAAAGTTTGGCAAGGCTGGCAGGATTAAAAACATGAAGATTTTGG
AGGAAGACTTTGTTAGAACTGGAATTTATGCTAAGAACAATGGCAGTAA
GCCACCAACATTTTTTTGCCAAGAAAACATGTTCTGAATTGACAGTTCC
AAAACATGACTGTCCTATGGAGAATGAATTGAAAAGATGAAATTATAGAA
GGGAATATGCTGGAGGTTATGGCAGAATTCAGATGGCTTGATCAGGAATA
ATTACAATGGAAATGGAGAA

>Sequence 2142

AGGTACTCAGCTGAAAACACTGTTTCAGCCCCCTCTCTGGTGACCTCAGC
CTTCTCCAGGTGTATCTCTTGATGATCTTGAGAGACCAGCAGCCACAGCTG
CTGCTACTCCTGCAGGAGACTGTCAGGCTGTGGTGGGGGGCAGGGGTGTT
GGAGGAGAAGTTGAAAATCCGTGTGTTCTCTGCCCCCTCTGCTCCTCCATC
TTAGCTTCTGGAGGAGTTAAGGCACCAAGGGCACCAAGTCAGGTTGGCAG
TTTTGTTGCCCTTGCCCAAGCCTCCAGCAAACTAGCTGGTCCCCTGCTT
TGCTGGGTCCCAGCCAGGTGTGATTTTGGTTGTTGATTAGTAACCAACACA
TTGTTTTTCCCCACCTTTTTCATTAGTGGAGGTTTTTGTGTTTTGTTTGT
TTTGTGTTTGTGAGACAAAGTCTCACGCTCTTTTCAGACTGGAGTGCAA
TGGTGCGATGTCAGCTCACTGCAACCTCCAC

>Sequence 2143

AGGTACATAACAAAATGAAAAGTCTCCCATGTCTACCTGTTTATACACAG
ACATGGCAACCATCCGATTTCTCAATCTTTCCCCATCTCTTTAAAAAAA
AAATGGGAATGACAATAATTATATCTGCCTCATAGTGTTATTGTGAGGAT
TGGTTAATACAGGTAAAGGATTTAGAAAGGGGCTGGCATATAGTAAGCA
GTAATTTTATTAATTAATTTACCTTAAGCCCTGTCCCAACACTCCTTTT
TAATATGAAAATACTCAGGCCAGCACTATGGCTCACACCTGTAATCCTAA
TACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGGTGCTTGAGGCCGGGAGTTTGAGA
CCAGTCTGGGTAATAGAACAAAGACTCCTGTCTCTACAAAAATGGGTAAAT
NATATTTGGTAGAAAAAAAATAAGTACCTGCCCC

>Sequence 2144

AGGTACGCGGGCCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTCCCAACCTTG
GCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATACCAATGACTG
GGTCCCAGCCTAGAGTGATTA AATCAGAATCTCTGGAGGTAGACTTGAGA
ATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGGAAGACTGCT
GCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCTTTCCCTCAG
CTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTTATGGCACAATAACAGCCTTTCA
CCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAAATTCAATAAATTAATCACTGGC
ATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGTTTCCAGTTTGATAGGAGACAATTA
AAGGCTGGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGTGGACTTTCAAACCTGG
GGCACTACTGAAACGATGGGATGGCN

>Sequence 2145

CCGGGCAGGTACACAAGGATTCATTATCTGTATTAATTTTTCTACTTTTC
TATGTTTATGGAAATTACCTTCAAAATGTAAATATATGTTTGGAAACAT
AAAAATATATCCAAAATAGCTCATGAATTA AATGTAAGTCACCATAGAA
ATTACACGTTTTTTGGAATAGAACAGTCATGAATTATACTATTTCAAAC
ATGTGGGATGCAGGTAAAGCAGGACTTAAGGGTAAGTTTATTGACTTAAG
TCTTCAAAAAAAGATGTAAATGAATTAAGTTCAATTCAAAAGTTAGAAA

Table 3

398/1077

ATGAAACACAGAAAAGCTGGAGGGAAAAAGAACAGAAAAAATAGAAATAA
GTTAATAATGCAGTCATCTTTTATTAACAGGTAGCTGAGAAGATTGGATT
GAACTAAGGCATTATTCTGAGGGAGGTTGGTCTGTAATATTCCTCTCTTT
AATATCCTTGTTCTGTCTCGGG

>Sequence 2146

CCGGGCAGGTACTATTACTAGGTTTCATTGTTTCCAGAGGGGTGAAACGGG
GCTTTGGAGAGGTTAAATAACTTGCCAGGGTCACACAGCTATTAAGTGG
TAAAGCTGGGATTTACATGAGCCCAGACAAAGAACCCAAGAAGCTAAGCT
ATTCTCTGTAAATACCTCCAACATAGGAGGCAAGAAGTGAGGTATTATAC
AGGTTGAGGAGATAAAGGGGAGAGAGGCCTGCAGTGCTAACAGGAGGAGC
TGGGATTCATCCTGGCTTGTCTGATAGGTCAGTTAGTCTTAGAGATACC
CATGAGGTCACCTACTCAAATGGGGCTCAGAGTAGCCTTGTCCCATT

>Sequence 2147

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCGCTGCCCGTCATCTTGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTCGACAGC
GCATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTCTTTTCCATTGAGAGTCCTCTGATTCAGATTTTAA
TGTTAACATTTTGGAAGACAGTATTACAGAAAAAAATTCCTTAATAAAA
ATACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTT
TTCAATATTATTTTCT

>Sequence 2148

AGGTACGCGGGGACATTAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGA

>Sequence 2149

GCCGGCAGGTACACATTTCTGATGTAGGAAATACTAAAATTTTCAGAGCC
TATGGCATTGGCTTTCACCACCTATGCAATTTTCTACACATCTGAAAATT
ACCAGTTTATCTAACTCCTTAAATGTTCTCTCTTCAACAACAAAAAACA
CAAACAAAAATTGCTGGAAGAAACAGGAAGCATCCAGGTCCAAATGACAG
CATAACAGACTATGAAGAAACAGGGCTTAAGTGCCCATCTAGAACAAGAT
GGTCTAGATTACAATAAGGACCCCATGGGACAGAACATCAAAACATTCAA
CTTTCAAGTAAATGTCTTGGAAGTAAACATTTAAAATTTATAGGACTTCC
TCTGGCATGTAGG

>Sequence 2150

AGGTACAATCAGAATGCTGCATTCTCCAGCCATAAAGATCGCTCCCTCTT
CTTTTAAACATCCCTGTCCCTCAAGGCCTAGCTCAAGACGGTCACCTTAA
GAAAAGCTCCTTTTGTGCGAGCAGTGACTCCATACCAGGCCCTGCTTTAAA
CGCTTTATCTGCATTATCTTACTTGATTCTCGCAATAGCCCTGGGTGGTA
GGTGCAATTATTATCTCCAGTTTATAAAAGAAGATACTGAGGGTCAGAGA
AGTTAAGTGACCGGCTCAAGGTGTCACATTGAGTAAGCGTTGAAGGGGTC
TGTGTTGGTCTGTCTTGAAGATGCCCCCTACGACTACACTTCAATGAT
TTCTGCCT

>Sequence 2151

AGGTACGAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA

Table 3

399/1077

TTAAAAGGAAAN

>Sequence 2152

CCGGGCAGGACGCGGGTCAGTTAAAAATTATTTGAATTTTTCCAAACAAT
CAGCGTGGGCAAAAAATATTATGTCTGAATGTATTAATAAATAGACAAAAC
ATTTTTGTAAATTAATTACATTGAAAGTTTTAGTCAGCTTTATTCCAAA
ACTGGTATTTGTTACTTCTTAAGTCAGTTTGGTAATTTCTGATTTCTTA
GAAATTGGTGTATTTCTGAACATTTATAATTTAGTAGCATAAAATTGTTT
GTTTTGAATCTCTTGTCTCACTTCTATATTTAAATATAAATATATATC
TACATATACATACACACAGACCCTTAATGGGTTTGCCAATGATTTATC
ATCCA

>Sequence 2153

AGGTACGCGGGAACCACATATATGTATAAATTCACCGTTACTTTTTAGCA
ATACTATAAAATCCAACAGAAAAAATAGCATTTACTATTAAAAAAGAA
TTAGTCTTTGTGGGTTTGGGGCAAACTGCCCTTCTCAGTTAGGATGG
GGGAGTTCTGGACATTTCTAGCTAAAGCCCAGGGGTCAAGGGAATGATAA
ACTCCTCGGTCTTGAGCATTGAGAGAAATCTACCAGCTCGCCCTCAGTA
GAAGGGTCTATAGTCTGCCCTCACCCGCCTGGCAGGGAGAGCTGCCTT
TCTCTCCTGCCATCCCCCTATATCCACGGCTTCTCTCAGAGGAGCTGCTG
AGTGCATNTTG

>Sequence 2154

AGGTACTACTCGATTGTCAACGTCAAGGAGTCGCAGGTGCGCTGGTTCTA
GGAATAATGGGGGGGGGAAAGGCAGAGGTGAATATGGAAGAGACAGTTG
CCCTCAGCTTGGTCCAGGAAAAAATGCTGTGTGATATGATGATTCAGAGC
ATGGGCCTGAGGCCAGGCTCATATTGGTGTGAATCCTAGCTCTGCCTCTC
ATTTGGTGGGAAGTTTACCTCTCCATATCTTATATTCTTAGCTCTAAAA
TGGAATAATAATATCTGTCTCATAGGGTACTGTTAATATTAATGTGT
TAGAAAGCAAATTATTGCCGAGTGAAAAATGCCATTAAAAATCTATCCATGT
GTTCAAACCTCAAAAAATTTTTGAAGAAGCAGGTCAATATTCGATGGAAA
CAATCTAGTGCCAAAAAACACAAGAAAGGGCAAAGCCAGTTTAAATATAA
TTGCT

>Sequence 2155

CCGGGCAGGTACTACCGCATTGCTTGAACAGCTGGAAGAGACAACGAGAG
AAGGAGAAAGGAGGGAGCAGGTGTTGAAAGCCTTATCTGAAGAGAAAGAC
GTATTGAAACAACAGTTGTCTGCTGCAACCTCACGAATTGCTGAACTTGA
AAGCAAAACCAATACACTCCGTTTATCACAGACTGTGGCTCCAACTGCT
TCAACTCATCAATAAATAATTCATGAAATGGAAATACAGCTGAAAGAT
GCTCTGGAGAAAAATCAGCAGTGGCTCGTGTATGATCAGCAGCGGGAAGT
CTATGTAAAAGGACTTTTAGCAAAGATCTTTGAGTTGGAAAAGAAAACGG
AAACAG

>Sequence 2156

AGGTACTGACATGACACTTAAAGAAAATGCTCATTGAACCAGCATTTTAG
GTTTCAGATTTTTGGATTGGAATATAACTTATACTTCTGGCTTACTTGT
TTCTTAAGGTCATCCCTTTAATGACCTTGAAAATTAGAAGAAGCAAAATT
ACTTTTCTTATGGTTAGCCTTCTACGCTGTGCCTCAGCTCTAAATAGACA
TTAACAAGTAGAACATAGAGATTTCTGGGGCTTGTAGATGTAGGAAGTAT
TGATATAAGATGTCGAGAAAGTTCTGAATGGAGCCTGTTACCAGGAGGCT
AGAAAAAATCCTTCCCTCTAAGTAACTGCTATAATGTTTTGCAGAGGCA
ATAN

>Sequence 2157

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAATTTCCACCGGTGCCGAGGCCTCA
GTGGAGCCTGGCTGGCGGCTTGTAGAGCCTGCAGCCTACCTGTCCTGCA
TAGGAATGAAGCCGGGAGGAGTTACATGATATGCCCTAGTTGCAGGCCGG
GGACACAGCTACCGCATTACAGAGACCAGGAAACAGAGCAAAAGCTGTTCT
CAGAGTGGGCTGAGCGAGGAGCTACAGGGGAATGGAGGGGGCCAAGCTG
CATGGAAGATTGTCCCATTAACCTGGCTTTTTACCAGGGTGGTCCTCTCC
CTAACCCTAAGAATCACACCCTGCATCCAAACGGCAGCAACCCCAGAAA

Table 3

400/1077

ACGGGCTAAGAA

>Sequence 2158

CCGGGCAGGTACTTTTTCTTTCTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGGGG
TTATGTGAATTATATCTCAACAAAGTTGTTAAAAAGAATCCTTTCTATGT
GAGCATTAACTTTTGTTTTTTGTTTTGAGACAGTGCCCAGGCTGGTGTGC
AATGGCGTGATCTCAGTTCATTGCAACCTCTGGGCAAAAGAGGGAAACTG
TCTCTAAATAAGTAAATAAAATAAAATAAAATAAAATTTCTTAACCCTA
GGTGTGACTTTCTTCAGGCCTAGGGTCAGTGATAGTAATAGAATGGCTAC
ATTAAGATTTTCCATTTTAGACAATACATTCAGGTATTCATAGATCCAA
GGCAAAAATA

>Sequence 2159

CCGGGCAGGACCAAGGCCCAATCACCCCAAACAGTGACAGGAACATAATT
TCCTGTTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGACCAACATGATCCCATAGTT
CCACATCTAACGTTTCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCACT
GCCCTGAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCATT
TTAACAGGAATTTAATATAGCAGAGATAAGCATAATGTTTAGACTCTGCG
TGACCCATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACCTACCAATCGTCGGG
GAGCCGAACAAGCATTCTGTGGACTGGACCGATGAACATTTCTCCGCAC
CTACCAAAGG

>Sequence 2160

CCGGGCAGGTACTGTCTGGGACACCTTTGACCACCCGACTCTCATAGAAAA
CGAGAGTATATGCGATGAGTTTGCGCCAAATCTTAAAGGCAGACCACGCA
AAAAGAAACCATGCCACAAAGAAGAGATCATTAGTGGTGTTAAGGATT
CCAACAACAATTCCGATGGCAAAGCCGTTGCCAAGGTGAAATGTGAGGCC
AGGTCAGCCTTGACCAAGCCGAAGAATAACCATAACTGTAAAAAAGTCTC
AAATGAAGAAAAACCAAAGGTTGCCATTGGTGAAGAGTGCAGGGCAGATG
GACAAGCCTTCTTGGTGGCACTTTATAAATACATGAAAGAAAGGA

>Sequence 2161

CCGGCCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTGTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCTT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGTGAGGTGATTCAGTACCT
TGCCTATAACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAGGGCAAAAAGACAGAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGC
ATCCTGATTGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATT
GACTCTTTTAAC

>Sequence 2162

CCGGGCAGGTACAATGCAGTTCTAACTAGCTTCCTTAAATAGCTAATATT
AAATGTCGCTCATCAACTTTCACAAAAAGTGTTTTGGGAGACTCTAAAA
TGCACCATCTTACCTTAAGGATGTTTTAGGAGAAGCTCCACTACACAAGG
CAGCAAAAGTTGGAAGCCTGGAGTGCCTAAGCCTGCTGTAGCCAGTGAT
GCCCAAATTGAGTGAGTATGAAAACAGTGGCTTCACATTTTATGTTTTCT
TGGATTAACTAATCAGACTCCTGAAGCTTAGTTACATGTGCTTTTAAAA
ATAATGCTTGCGTAATTGATAATTTAGTGTTAATCATTTAAATGTAACT
TAGGTTGTTGGT

>Sequence 2163

AGGTACCTGTGAGTGTCAATATTTAACAAACTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTCAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTTCTATTATCCATGTGCCCAACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTAAAAATTTTCTTTCAATTGTCATTTTTT
TAATAATTGCAATCAGTGAGAGGAGAAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GACCTTTCACCATCCTACACAGGAGATGACTGATGACATGGATTTCATACA
CTAATGTATATCGTATATTCTCCAAAGACCCTCAAAAATCGCAAGAAGTT
TTGAAAAATTCTGAGATCATAAACTGGAAACAGAACTCCAAATCC

>Sequence 2164

AGGTACCCAGAACTTAAAGTATAATTTTAAAAGAACAAATTTTCTTTTA
ATTAAGCTTTTATCATAGAACTTGTAAGAAAAATCGTTTTCAGTCTCTTA

Table 3

401/1077

CTACCACATCATAGCTGGGACAACTGCTGATATTTTAAAAGCAACACAA
ATATCAAACAGAAAGAACTAGACTTAGGAACCAAACCTCAGGTTTCTGTAG
TGAACAGGGCAGAATCTTAACATTCCGGTCCCCACCATTACTCCTTCAGTT
TGGCCTTTGCTAGCAAAAGATGGCCTTGTTATGTAGATGAGACCACTTAT
ATAAAAAAAGTTTTAAAAAATTTCCAACCTGGATTTTCTGTGTTTTTTTT
TG

>Sequence 2165

CCGGGCAGGTACTTGATTGTTCTGAAATTCCTTATGCATGATTAGAGAAA
GAGTAAATGACGTATTTTAGGATTGTGTTTAACAAAAGTGAGATGCTAAT
TCTTGAAAATTAGGCCTCTCTATGGGGACTGCACGTAATCACATTACCCT
AGATCTTGAGTTAGCGAGAGAATATTCAGTGCAGGTGATTCACTGACCT
TGCCTATAACTTGAAACCAATAGCAAATCCAGATGTAGTTTCACTGGCCT
TTGAAGTCCAGGGCAAAAAGACAAAGCGTGACTCCCTGTCTCCCCATTGC
ATCCTGATTGTCTCCCTGTCCAGGGACAGAATAAATATCCTCAAGACATT
G

>Sequence 2166

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAGCCAAATGCAGTGCTTGCTTCCTATCTGTG
GTCCATTGCATAGCAGTGTGCTTGGGTGCTGCGTAAGACAATTCCCCCA
ACGCCTCCAAAAAATAGGACATGGTCCACTGCAGGAGTTCATAATCTAGG
AGTCCAGAGAGTCCAGGCTCATCATCCCTTCAGAAGAAAGAATCTTCAGG
CCCCTGCTCTTGAGAGTAATTTCTCTTAACACCGACAGTGCAGCAATA
CAACTACCACCACCTTTCAATTATTGAGAGGCAATCATCTAAAGCATTG
GCAAGTGATCCACTACGGAGCCAAGCTAAGGGAGCTGAAGAGAAGA

>Sequence 2167

CCGGGCAGGTACGCGGGGGAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAG
GAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGT
CCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAA
GGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCC
ATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTT
TTTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCAC
CAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAA

>Sequence 2168

AGGTACTCTTAAAAATCTGTTAAGAGAGTGGATCTCATTTTAAGGGTTCT
TACCACAATAAAATTAATTTTTGAAATAAATCAGTCATATTTGAGTGAA
ATGAAACCTTTCCGAGTAGTTTCAGACAATTGATAATACCTAGTTTACAG
TTCCTGTAGTCATTTTGGAGGGTGAGGACTTGATGTGTTTAGTAAAGTTG
AGAAATAAATACATGAAAGAATGTGTGGGGAAGAGAAATTGTGGGGAAGA
GAAATTGTCTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCAC
CCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGC

>Sequence 2169

AGGTACTCACTCTCAAGTTTACGTTAAATACTATCCCATACAAAAACCAC
TCTTTCTCTTGTTCATTATTTATATGTTGTCTTGTTTAAAGGAAGAAC
ACAAAAATGCCCTGCTAAAGGGATTCTGTTTGGCTGCAGGCAGCAAGAGG
GAAAAACACAGAGCATATTTTGCAGAAAAATGATTTATTAGAAGTCAGAAC
TATGACACGAAGCCAAGCAGGGCACTCTAGGACTGAATTTGCTGTGCTGC
CTTCATACGCTCCTTGCTCTTTCTTTTCTGGTAGCTGTGACTCACACAGC
TCATGGAGAGTATCATTCCCTAAGAG

>Sequence 2170

CCGGGCAGGTACTAGGGGTTAAGATGTCAACATATGGATTTAGGGGGGAC
ACAATTCAGCCCATGACAGAAGGTGGCAGAGTATACCTAAGGCAGGAGGT
AGAAGGAGGGCAAGGAGGGCCTCTCTGAGATGACAATGAGCTGAGATCTG
AATGAAAAGAGGGAGCTAGCCACGCAATGTCTAGGAGAGCATTCCAGGC
ACAGGAACAACAGGTGCTCACCCGAGGTGAGGACATGGCTCAGGACTAC
TTGGCATACTCCATCTTCAACGATAGTAAGAATGGGATGGGATGATGGGA
AAAAGGGAGATGTTAGTCAAAATGTAC

>Sequence 2171

Table 3

402/1077

AGGTACCTGCCTATAGGCCATATCATACTTGACAGCAAGAAGTATCTTCA
TGGCTAAGTAACTTCATTGTGGGGCAAATGAAAATAGGAGGACTCCAAAA
AAGCCCTTGCCATTAACAACCTATGCCATTACTGCTACAACTTTTACAA
CCTAGGCCACTGAGGAAAAACAAAGTTACTGCCAACATTAAATACTGTTGA
TAAAGCTGAACAAAGACTATACCATTTCATTATCTGGAAACAGAGTTAC
TACACCCTTCTCAACTAGCACACTAAGGACCAAGTGCAGGTGAAAGCCTC
TATGAAAGTGACTGTAGAAAAATGGGAAGACGCCATTGTTTCACCAGATG
CA

>Sequence 2172

CCGGGCAGGTACACAAAGAAAAATAAGGCAGAGGAAGGGGATGGTGACTG
AGAGGGGAAAGGGTCAAGATTCTCTCAGGAGGTGCTACTTAAGGAGAGAC
GAGAATAAAATGAGGGTGTGAACCATGAGGATATTTTGGGGAGAAGGCAG
AGGAAACAACAAGTGCAAAGTTCCCAAGGCAGGCACACACTTGATCTGCT
CTAAGAACAGCAAAAGGATGGATGGAGCAGGGTGAGCAGAAGGTGTGGAA
AGCTAGATCACCTGAGGCCATGATAAGGACTTCAGCATTAAATTCTGAGGA
AGGTGGAGAGCCCCAGAGGGGCACTAGCAAAGAAGTGACATGTTTTA

>Sequence 2173

AGGTACGCGGGGACACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACA
CATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTTGATA
CGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAAT
TCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCAAAGAAATTCT
CGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAAATGGAAGAAGCTGGGGATG
AAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACC
AGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGN

>Sequence 2174

CCGGGCAGGTACGCGGGGTAGAAGTAAAGTATATTCTGATTCTGGTGTGT
GTATAAGGAAATATACACCAGTATATGCATTAAAACGTCAAGAAGAGCTG
GGCACAGTGTACATGCCTGTAAACCCAGCTATTCAGGAGGCTGAGGTGG
GAGGATCGGTTGAGGCCAGGAGTTTGAGGCTGCAGTGAGCTATGATTGCA
CAGCTGCACTCCAGCCTGTGTGACAGAGACTCTGTCTCAAAAAATAATTA
TTTGCCTCTTCTCTAATTTATTTCAATTAATATATTTTATTGTAAAGATT
TTTTTACCTCCTTGTTTAAATTTGTTCTCAGAAATATTTTAATGCTACT
GTAAATAAGATTGTTTTCTTAATAATCAGTTTGCTTTAAGTGTATGGAAC
CATAACTTAACTTGATGTTAATTTTATATTTTGCTAATTTACTGAATG
TATTTATTAATTTAAACAGGTTTTAGTGTACCT

>Sequence 2175

CCGGGCAGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAATGGGT
CTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCAC
TTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTC
TATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTTCAGCAC
TGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTT
TCTGTCTCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTACCTGCTACACAAAATTA
TTCTTATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCACTTATTCGACCTCTCACCT
GGATG

>Sequence 2176

CCGGGCAGGTACAATGAGGATACAATGTGTAGAGCACAGCATACTGAATG
GCAGGGAAGTGAACAGCCAGGTCACTGTGCACAATCATCAAATTCTTACT
CAGAAGTGCAAAGACAGTTGGAGATAGCGCCACATCCCTATTAGTGAGT
TTTTGGCATTTCGAATTGTAGTCAGGGCACTGAGGTCAAATTTAACTACA
AATTTTGCATTGTCTACATTGAACACATGATTCTTAAAGCCTCATGTTT
TATTTCAGAACAGGACTCAGGAAGCTGCAGACTGTGCAGGAGGTTGTTTA
GGGCACAAGTCATTTCTCCCAATATTAAGTTATAGGCAGTCTCCAAAAAG

>Sequence 2177

CCGGGCAGGTACGCGGGGGACTCTTTCCAGACCTTTGATAAAGGGGCTGC
TCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCCCTGCTAAAACCATGGCTTTAAGTAA
GGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCCCTCTTCTAATCTCTTATGT

Table 3

403/1077

CCTGTGAGTGTACCCATTGAGTAAACCCAAGTGGAAGTCAGCAGGAAAG
TAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGGTCTCTGTACCCAGGCTGAA
GTGAAATGGTGTGATCTCGGCTCACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTCAA
GTGATTCTCCAGCCTCAGCCTCCCAAATAGATACCAGTAAAGATGTCATC
TGGCCAATTTGTGTGAAAAAAGAGAATAATTCTCATCCAAACCGCCTGT
CTCTGGAAATAAGAAAAGCTCTGAGGGTCTCCAAAGTTACCAGAGGAAGG
CTGAATTTTATGGCGATTGATAATATTCCAAGCTTATGAAGAAAAAATA
TCATTAGTCTTTTCCATGGTAGAAAAGAGTAAAGCCTGTAAACAAAAAAG
TGATACAGTGGATGGGATGATGAGACCCTTGAAATAAGCAAGGATGGACC
ANAAACTGGNNACAA

>Sequence 2178

AGGTACTTTAGGCACTAACTGTCAGCATGTGGTATAAAGTTAGACGTTAA
GAGAAATTCCTGTGCTCCTAGCTGCTTCATCATAAGTGATGAAAGCAGA
AAGCACAAACACAGGGTCAAAGTGGAGACCGGAATCACAGGTGTGCATCC
CAACCCACCATGACTGGCAAACAGCAGTGGGTTCAGGGGCACTGCTGGC
CTCTTCCTCTCCTTTTCATAACAATGAGGAGCAACAGAAACACTGAGTCAGC
GCTGGTCAGGGCCGAGGACACAGCTCATCTACCCAACCGTGCCCAAAATA
CAGTTGGTATCACAGGCAGGTGACATCATGCAGGGGCTTTTAACTCAAG
TGAGCAAACACGAATGAGCTGCAAATACCCCAAATGGACAAACGCGCTTC
CCAGTGGCCCTGTGTGTGTGCTGGCGTGTGGGCAAACACCCATACACTCT
GGAGGTAGATGTGGGGTATAGGTACCTGCCCCG

>Sequence 2179

CCGGGCAGGTACGATTCCTTAGTGTGGGAGTTCCTGGAAGTGGAGGTTGT
TCACTTTCCTCATTATCCTTCTTTAAAAGGGAGCCAAAATCTATACCAGA
TTTTAGGAACTCAGTGTAAGTCCCCCTCTGCACCATTTTACCCTAAAATA
AAAATAAAGAATTCAGAGAGATACATGTGCAGGTGATAATGTTAACCTA
ATCTAATTCTAATCCAGAAAAAGTAACTGATCTTAAGTTATGATTATACT
TAGGTCCGGAATCCTAGTTGACAAATCTAATACAATTCAACTTGATACAC
AACTGAGTGTCTGTTCTCAGCCAGACTCTGTGTTAGGTCCTGAAGAAT
ATTTTAAAATGGTAATAGTGTGTTACAAATGGCGATTATTATCAACAAA
TGTTGGTGACCGTATTGGTAGTCTTATTACAGAACATGAAAAGTGTGATA
AACCTTATGCAATAAGATTGAAGGAATGAGTAAA

>Sequence 2180

CCGGGCAGGTACGGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTA
GAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGAC
CATTCTTAGTGCCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCCTGAATGTG
GTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAAGAGACGGGGGTTACCCCGGTAGC
CCGGAGGGTTTCGGATCTCCTAACTTCGGAATCCCCCCCCCTGGGGCCTA
AAAAGGGTGGGGTTCTCGAAAGGAT

>Sequence 2181

AGGTACAATTTTACTGCAATTTCCCTTTGAACTTTCTTGCCACTGTTTGA
ATCTTAAAAATTCATTAGCCTTCTCCTCTCTGACATAAAGCTACTCTTCA
TCAGAGATGAGTTCCTATGCATGTCCTTTGTCCTTCAATAGCTAATTAA
TGTGCTTGAGGATACTTCAGTGGAAGAAAGGTTTAAATATGCAAATTAC
TAATAAATGTGTAACTTATGTAACCTTGTGTACATCAAGTAACAAGCTA
ATCTAGTTTGTTCCTGACTAGGCTTGTGCTCCCTACTTCAGTATTTT
GATGCTTTCCCTTGATCTTTGTTTCACAAAATGTTGTGAATTTTGGTATCA
TTCAAAACAAATGACATTTATTAGGTTTCATTTTGAAACGATGTACCTGC
CCG

>Sequence 2182

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGATTTTCTTTTCCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG

>Sequence 2187
CCGGGCAGGTACCTTAGTCTTGAGGACTTATCAGCCTGATGGCTCTCATG
ACCAGCACGCAGTTATGCAGAGCTCAGCACTCAGATCAGAGCCACCTCTA
GGAACCACATGGCTGAGAGCAGACACAGACAGGCTCCGCAGCCCCTGACA

Table 3

405/1077

CAGTCCCATGGCTGGGTTTACTTAAGACAACAGCTACACACAGAACGATG
TCAAGCCCCATTCTCCCATGTTTTCTTACCTAAGGTAATGATGGCATGT
GCTCTAATCACAGAGGGCATGACAGACCCTCGGACCTGGGGGGGTGGCTG
AGACGCTGGGGGCTCACTGGTTCCCTTGAAAAAAGGGGCCCAAAAAAG
GGGGGAAAAGGTCCCCCGAAACCTTTAAAAAGGGGTGCGGGCTTCCAA
AGGGTGATTTTAAAAGCCTCTTCAGGGGGGAGAATTAGGAGACAAAACCC
GGAGGGCTTTGATTTAAAAGGGGGGAAGGCCTTTTCCCCCGGTGGGGAA

>Sequence 2188

AGGTACATACCATAGGTTAAGTAGGCGCCTGATATTAGGAAGATCAATAA
TTCATCTAAGTGCTGTATGAAACAGCATCTACAAAAGTTGCTTTATTCAA
CAAACCTTTGAGGGAACCGTGGTACATCACCTGCTGAGGGACATCCAGGA
CAAGGTCACCACACTCTACAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCT
TCTGCCTGGTCACCAACTTGACGATGGACTTCCGTGTGGTCACTGTCAAG
GCATTGTTCTTCTCAATTTGGACCCCAGCCTGTTGGAGCAAGTCTTTT
AGGATAGACCCTTAATGCCCCATTCATTTGCTGGGCTCCACCTTACAAG
TGGTGGACATCCATGTGACAGAAAAGGGGGTCCCTCAGTTTATTAAACCAC
AAGGAAGTTTTCGGCCCCCAAACTTTTTCTTGATTTTCCCCATTACC
CAACCTCCTTTTTTCCAGGCCAAAAACCCCCCGGCCCCCCCCATTTA
CAAAGGA

>Sequence 2189

AGGTTCTCTCCAAAGCCCTCAGGCTGGAATGTTTAAGTTGCCCCAACGGG
AAAGATGGCGGCCTGCCCCATCTTTTCTCTCAGAGTTTATCTTGTTTCA
TGGAACCTTAATTTTTAGCCTGTTGATTTTACTGTCTACATTAGACTTGT
GAGAAAGATTCTGTAATCTTTTAGGTTAGACAAATGAGAATTCATTGTCT
TCTGTAAATAAACCTGTTTCATGTCTTGTTCTCTGGAAAGAAGTCTCTTTC
AGCTCTCTGACTTTGGTCACAATCATGTAGAGCAGTAGCCAGTCTACAAT
GATGTAATTGAATTTCCATTTCCAGTGTTTCGTCGTTGTGTCTTACATTG
TCCAGTTCAGAACTGAGCATTTTATTCTCAGTTGTCAACATGCTAAGCTG
TCCACTGTACCTGCCCC

>Sequence 2190

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCATCAGAGGTTCCC
AACCTTGGCTGCACATTGGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATACCA
ATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTGGAGGTAGA
CTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGGAA
GACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCTTT
CCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCACAAATACAG
CCTTTCACCCTCACAGAAAAGACACAGGACAACAAATTCATAAATTAATT
CACTGGCATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGTTTCCAGTTTGATAGGAG
ACAATTAAGGCTGGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGTGGACTTTC
AAACTGGGGCACTACTGAAACGATGGGATGGCCAGAGACACAAGAGATCA
AGTGGAGCAAGCTCAATAAACAAGTGGTTCAACGAGGACTTGAAATGCAT
GGAGCTGGAGCTGAGTTTAAACCCAATGTTTACTAGNTGAATGAAATGTG
ATGAATGGATGACAATTTAACTCTGGCCTTAGGTTCCCAACCATAAAGG
GATCACAGTTGACTATA

>Sequence 2191

NNTTGTATAGTTCTATACTACGGGTCAANNNGAGTGGCAATGCGGAGCCG
GCCGAGGTACTTGGATCAAATTTCTACTTTAATTGGTACGGTATCATTA
TGAATATTAATTTTGNCGGAAATGACCCAGATAAAATCACTGTTCCCTT
CAACAAGCAACAGGTTAGACANAGCCTTTATCAATTCTGGGCATGGCAGA
TGTCTTGCCGATTTTGTGGGAATTATTGACAATCGTTACCCCAAAACAAA
AATCTTCCAGTTTTTAAAATTGACTACTTGGATTTTACCTAAAGTTACCA
AACATAAGCCTTTAAAAAATGCTCTGGCAGTGTTTACTGATGGTTCAGC
AATGGAAAAGTGGCTTACACCGGGCCAAAAGAATGAGTCATCAAAACTCA
GTATCACTTGACTCAAAGAGCAGAGTTGGTTGCCGTCATTACAGTGTTAA

Table 3

406/1077

CAAGATTTTAATCAGTCTATTAACATTGTATCAGATTCTGCATATGTAGG
AACAGCTACAAAGGATATTGAGAGAAGCCTAATCAAATACATTATGGATG
ATCAGGTAAACCCCGCTGTTTAAATTGGTACAACAAAATGTAAGGAAAAA
GAAATTCCCAATTTAATATTACTCATATTCGAGCACACCACTATTTACCA
GGGCCTTTTACTTAAAGCAAATGAACCAACTGACTTTGCTGGTATAATCT
GCAATCATGGGAAGCCCAAGAACCTCATGCCTTGACTCAAGTAAATGCCA
ATAGAATAAAAAAATAAATTGGTATTACATGGGAAACGCCCAAAAATATG
GAACTTGGCCCGGCGGGCGTTTATAACAAGGGAATCCCCGGCTTGG

>Sequence 2192

CGCCAGACTTANGCTTTGATTTGACAGCGCCAACNCGAGTTGCAATTGCG
ANGCGCGGCCGAGGTACTCGGATCAAATTCTGCTTTAATAGAGCACGTTT
ACTATGANATTTAATTTTGTGCGGAAATGACCCAGATAAAATCACTGTTC
CTTTCAACAGGCAACAGGTTAGACAAGCCTTTATCAATTCTGGCGCTGCA
GATGTCTTGCCGATTTTGTGGGAAATATTGACAATCGTTACCACAAAACA
AAAATCTTCCAGTTTTTAAAATTGACTACTTGGAATTTACCTAAAGTTAC
CAAACATAAGCCTTTAAAAAATGCTCTGGCAGTGTTTACTGATGGTTCCA
GCAATGGAAAAGTGGCTTACACCGGGCCAAAAGAATGAGTCATCAAAACT
CAGTATCACTTGACTCAAAGAGCAGAGTTGGTTGCCGTCATTACAGCGCT
AACAAGATTTTAATCAGTCTATTAACATTGTATCAGATTCTGCATATGTA
GTACAGGCTACAAAGGATATTGAGAGAGCCCTAATCAAATACATTATGGA
TGATCAGTTAAACCCGTTGTTAATTTGTTACAACCAAAAGGAAGAAAAA
AAAATTTCCAATTTATATTACCAAAATCCGGGGCAACACTAATTTACCGG
GGCCCTTTACTTAAGCCAATGAACCAGCTGACCTGGTAGGATAATCCGCA
TCATGGAAGCCCAAAAACCTTAGCCTTGGCTAAGGAAAGGCCAAAGGGTT
AAAACAAAAATTTGTTTTCCATGGAACACACCAAAATATTTGCCCTGCGC
CGCGGCGTTTAAAAAAGGGGACCCCGGCTCG

>Sequence 2193

AGGTACCTTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
TACTCTCCACTGCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCTCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTCACGCGC
ATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTGTC
AGTGATCAAACCTTCTTTTCCATTGAGAGTCTCTGATTGAGATTTTAATG
TTAACATTTTGAAGACAGTATTGAGAAAAAAATTTTCTTAATAAAAAAT
ACAACCTCAGATCCTTCAAAATATGAAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTTT
CAATATTATTTTCTTCTTTGGTTTCTTGCTACATATAATTATTAATACCC
TGACTAGGTTGTGGTTGGAGGGTTATTACTTTTCATTTTACCATGCAGTC
CAAATCTAAACTGCTTCTACTGATGGTTTACAGCATTCTGAGATAAGAAT
GTTACCTTGCCG

>Sequence 2194

CCCCCTGAGTGCTATTCTAAAACCTACANGGCGAATNGGAGTGGCAACGCG
GTGCCGGCCGCGCCGAGGTACTGTGTTATGGCGCAGTGGGTGACAGTTG
GCCACATAGTTGTCAAAGCCATGGCCAGCAGCACTGTGGATTCCATGCC
AGATAAGGAGTGGATGGCAAACATCTGTAGCAGACAAGCATCAAACCTGGA
TGGAGGAATTGAACCAGAAGATGGCCAGCATTTTGGGCATGGATGAGGTG
GAGATGAGGATGTCAATGCCTGAAAGCATGCAAAGAAATATATACATGGG
CTCATGCAGGCTGTGCTCAGTCCGCACAATGTAGATGATTGTCAAGTTAC
CTAGCAGACAAATAAGGTAGAGGGAGCACAATGGGAAGGCCAACCAGAAC
TGAGCCTCTTCTAAACCAGGGAGGCCTATTAAGATGAAGTATGTAGCACT
GGATTCATTGCCATTGGGATCCACCATCATGAAGAAGCTGAACTGTGACC
AGCACCAGGCAGGTAGAGGCTCAACCGTATTGGAGGAATGTGTGACCCCC
TTTGTCCAGTCTTTCTTCCCCCGCGTACCT

>Sequence 2195

CCCAAGACGGCGAAATGCACACTACANGGCGAATTGGATTGCACCGCGGT
GCCGGCCGCGCCGAGGTACTTTTTGGCCACAAGATCCACCATCTTTTGT
ATGTGAGTTTATTAACCCTTTTGAAGACTGCTGCTAACCAGAGGAAGGTA
ACCATTCCTCCTTATATAAACACATATGGCTTGCAGTCTGGAAATGCTG

Table 3

407/1077

TTACCAAGGGTTAACCATCAAAATCCTCACTTGCTGGCCCTCCCTCCACC
CTCTCTTTGCCTGCAGCAAGGCAGGGAAGAGATAGGTGGTAGGGGAGGGA
GAACAAGACTGTTTAGACCCACAGGCCCTTTTAATGGAGATTAAGTGAC
CAGATTGGTCCTTCTCCAGTTCTCTATTTGTTCTATGGTCTCATTTCTTC
CTCTCATTATTTTGGTTTCACAACGGGAAACGTTGATTTCTTGGTGCAA
GGCTGGTTTTTGAATAATCGACACTTACTATCCAATTTTTTGGCGACGTC
AGCACCTCGGGCTCAGGGGGGAGGGGGGAAAATTTTGGAGGGAAAAAAT
TAAACAACCCACCCGGGACCAAACTTAATTATTTAAGGGGGCCTTAATG
GATCAAAAAGGCTTTTAAAAAAATAAAGCCCACTCAATATTCATTTTCC
CCCCACCCAACCTTCATTTAAGGGAGGGGGGGCGCACGAAAAAGGTTCTG
AGTGGGTTCAAAAAGGAAACCTTTGATGAGAGAAAATTTGGTTGTTTTG
GGAAAGGGAAAGTGGTTATATTTTTTTGTGGGTATGTATTGCTCTCTCAA
TCGTTCCCTGTTGAACCGGCTCATTAGTGCAACCCACAGTTCTTC

>Sequence 2196

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAACCTCAAGGGTATGGTGT
TTAAGAATAGAGGTAGCAGTTTGGTGCCACTGCCTTGATTTGTGCTAAGG
CACAAGCAGGTCACAAACCATTTGCTTTTGCACCACAAGCAGAATTTCAA
AATGATAAAAAGGCAAATAATGGCTTAGTATGAAAATAGTTTTGACCTCT
TGAAGAATCACCTATCTCTAGGATGTCATCTTTGGCCTGGGTAACCATA
ACAATTTTCTAACTACTCTCCCTGCATTCACCCTTGCATCCAAATCCTTC
CCTATACTGTTTTCTGGCCGATTTTTCTGGGATTCATTACTTGTTATTTA
AAACTCTTCAAAGCTGTCTAATTTTTCTTTGACATCTCAGTTCTTTAATT
AGCCTATAACGCTGTACCTGCCCC

>Sequence 2197

ACCGGACAGGTACTTATATTATTATTTNTTTNTTTAATGGGAGATTAT
TTTTTTATTGACGTGTTAAAAAAAATGCTGGTCTGTCAGTGAGGCATGG
GTTTGTAGGGGTAGCACAGAAACTTTCATCGTTCATACTAGATTACTCTG
AAATTGGCTCTGTCCCCCACCAGAACATCAGTAAACTGAAAGAACTC
AGTCAGAGCCTGGGATGATGAAGATGATGATGAGAATATCATTCTTTCT
CTCTATGTCCATGGAGAATTTAGCAACTTCCATCGTGAAGAACTGAAC
CTTTCATTACTTTTTCTAAGGGAAGACACAGTTCACAAGATTATTAGCA
CAAGAGGAAATTTTATGTAATGTTAGAGCTGAAAGGAACTATAGAGATTA
TGAGGCAGCACCTCATTTTACAGATAAGGAAACTGAGCCTTAAAAAATGA
ATGACCTTTGGCAAGCACATTTTACAGAGGAAGAAGCACAAATTTCCCTA
GTTACGCGGAAATTTCCCCCTCTGTTGGCTCTTTGATTTACAGAGCCCCC
TGACCACCCAAGGTTTACCCCAAGAAAGGGTCTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTGGTTCCTACTTTTAGGGTTAAATTATTTTTTTTTTTTAAAAGGTT
GTTTATACCAAAGCCCCAACGGTCCATTCTTTTTTTGGCTCCGAACC
TGGCCGGGATTAAGGCTCCCGGGGGTCTTTTAAGAAGCCGGAGTTAA
AAAAGAT

>Sequence 2198

AGGTACAAGATATCGAGCACAATTGGGTGAGATTAAACAGAAGATTTTCC
AGCGCCAATTTTCTGGGAGGTGGTCCAAAGGAAGTCAGTGGGGCCAGCTC
TCTCCCTCAGACAGCTAACAGGAGCAAGGCTTGTGAGCTTCTGAAGCTCT
GCAAGTCCAAGGCTTCTGAGCTATTTATTCTATACTTACTTTGAAAACAC
AAAATTGCTCCAACAGGATGGATATGTTACGGAACAATTAGGCATAATAG
GATGTGCATTTCTGTCTACTGAGAAACACCAGGTAGAAAACCTGCACCAAG
CTGAATTGAGCTTCGTGGTAATACAAAAAATGCACACAGCTCAGCTCA
ACAAGTGCAGTGAAGTACACCAAAACACATTTGATGTTACAACCTTCCATC
CAATTCCAGATAACCTTCCCTCCCACTGCTTCTCAACTGCTCAAAAGCCTA
ACTCTCCAAACCCATTTCCACAAGGTAATTTGAAGACTTTTTCAAATAAA
ATGCCAAATTTACCATAGTAGTTATGTATTTCTTAACCCATTTAACATTA
TAAACTATATCATTTTAAATTCAGNTCCTTTTTTCAGATGTGTCACTGA
CAAAGTTTTAAAAATATGTGCCCTTAACCAAATTTCCCGTGAGACCTG
GGGTTCAATGGCAAGTCTGCTTATGTGGAATTTTAGAATGCGATGGCAT
GTTGAATGAACAGACTATTTCCAGGCTCTAGGGAGAGATTTACATCATTC

Table 3

408/1077

CTAAAATACAATAA

>Sequence 2199

CCGGGCAGGTACGCGGGGACTCTGATGAGGGCTCAGACTTGATAACGCCC
GTGGTGCCCCATCCCTATAGGAGCTGGTGAGATTGCAGCCTGCTGCCCC
CCTCCATCAGCCACAGCTATTGGATTTCACCCAGAATCTTTAGGTAAA
TGAGGTAAGTCCTGATTTTAAACTTCTTTGAATCTGGAATCCAAACA
CCTGAGTGGAAAGAGAAGCCTGCTTTAACTGGACAGATGAACTAGAAC
AGACTCTTGGAGACGGCTGGCAGGAAGTGAAGCTCACCTTACCTGGGCTT
ACCTCACTGGGTCAAATCAGAATTTATTTTGGAGGGCGGGTTGGCTACC
TTGGATATTATCTGTGAATTCCTGCATTGTCTGGACTTCTAATCTCTGT
GAAATTAAGCCCCCTCGTTTCCCTATGCCTGGGTGGCAAACCATTC
CCTGGGTTGAATCTTCTGGAACAAATAGGCAGCTAGAGATAGGTGGCTC
TGATATAGCTCAAAAAGAAGTGGNTGGGCTAAGTAGCTTGTAGGGCTCA
GAGGNACTT

>Sequence 2200

AGGTACACGCTTGTCTTATTCAGTCTCCATGTTTTAGAACTTTTTTGG
TTTTCAGGCCGCAGCCTTGTTGGGGTCAATCCAGTACACAAAAGAGAGA
AGAGCCCCAAGATCTCAGTGTGAGGCAGTCTGATGCTTACAGTCAGGAT
GATAAGGAAGAAACACCAAAAAACAGAAGGAACAGTTTGGAGATGCGGG
AATAAAACCACGAGAGCGCAGGGTCTTGGAAAGCCACCTGCTGGAGGGTTT
TCCAGGTGGAGGAGCTATTGGCTGAGTCAGGGAGAGGAGCCCTGAGCAT
TGGCCATGGGAGTTAGTAATGCAAAACCATTTGGTGCTAATGAGAGGGTAG
TGCTGTGGAGTCAAGTGAATAAGTTAATAGAGAATGAAAGGAGAGAGAT
TGGAGACCGTGGGCAGACATTCACAACCTTTTTCATGTTATCTGACTTGTA
AAGAAAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTCCTTGCCCGCGGGT

>Sequence 2201

GGGCGTACGTAGGCTGATACGTTACATCTGGGCGAATTGGATTGCCACAC
GCGGTCGCGGCCCGGGCAGGTACTTTTTTTTTNNNNNNAACCCCT
TTTCGGTTTATTTATTGCCCCNCCCTCNGCCTTGCCCTAAATGTTGG
CATGTCCCATGCAATGGTCTTGAGCCCTCCTCATTCTCTTATCCCACTC
TCTCCTTAAGCATCCACATCCAGATCTTCTCTGATGATGACCTCCCCAGG
TGGATATCTCTCAGTCCAAGGCCGTCTTCCCTGTACCCANNACTAACGTG
CCCACTCTCTTCTTATTTACCAGCGACCTACCAAGTATTGCCTTTACAG
GCACTCTCANNACTTAACATTGTCTAAAACAGANNACTTTTTTCTGGC
CCCTGGTACCTCGGCCCGCTCATAGAACNNTAGTGGATCCCCCNCGGGC
TTGCAGGAATNTTCGATATCAAAGCCTTAATCTGATACCCGTCCGACCCT
CGAGGGGGGGGGCCCCCGGTACCCAGGCTTTTGGTTCCCCTTTAGGTGA
GGGGTTAAANTGGGCGCGCCTTGNNCGTAATCAATGGGTCATAAGCCTG
TTTCTCGTGTGAATAATTGTTAATCCCGCTTCACAAATTTCCACACA
AACAATACTGAGCCCGGGGAGCCATAAAGGTTGTAAGCCCTGGGGGTG
CCTTAATGAAGTGAAGCTAAGTTACATTTAATTTGGCGTTGGCGGCTTC
AACTGACCCGCTTTTTCAAGTCGGGAAAACCCCTTGTCGTGGCCACGCTTG
GATTTAATTGAATCCGGGCCACCGCCGCTGGGAGGAGGGCCGGGTTTG
CGGGATTTGGGCGCCTAATTACGCTTTTCTTCGTTACATTGACTCGCT
GGGCCTTCGGACCGTCCGGCTTGCGGGCAAGGCGGTATTAAGCTTAAATC
AAAAGCCCGGNAATAACGGTTAATCCACCT

>Sequence 2202

AGGTACTACCTATCTCCTCTACCCAACCTGTGTTTTAGATGAGTCCTTT
TGGATCTTTTTCCCCATAATGGCCTCTCTCCTTTTGCTTTACAGTGCAAT
CAGGGCAGAATAACAGATATGTTGAGTAACTAATTTATATTCTGAAGAT
CTCCATAGAACTCTTAAGTTCTAAGTCTTCATAGTCTTTGCACCTTGCCA
AGTTTGCTTTCTTTGGGAATTCTGTCATAACCACAAGGTTATTCCCCAG
ACATGCAGTTTGGGGAAATTAACCCGGCAGTAGTAAACAGACTGGATTAG
AAAAGGTGGCAGTCGTAATAAGGATATTCCAATAACCGGTGAAAGCTACA
GAAGGGATCTTGAGCTAAGATGATGACAGTTACAATAGAAGGAGACGCTC
GNNNNNCCTNTTGGTNAAACCGGACCGCCGGTCAGGGTACTACATATGCA

Table 3

409/1077

GGATCTGATACAATGN

>Sequence 2203

AGGTACGCGGGGCTTCTGGGAATCTCCACACCCTGAAGACACAGTGAGTT
AGCACCACCACCAGGAATTGGCCTTTCAGCTCTGTGCCTGTCTCCAGTCA
GGCTGGAATAAGTCTCCTCATATTTGCAAGCTCGGCCCTCCCCTGGAATC
TAAAGCCTCCTCAGCCTTCTGAGTCAGCCTGAAAGGAACAGGCCGAAGT
CTGTATGGGCTCTGTAAGTAAACTGTTTTGTTCAATGAAAATGCTTGAC
TCTAGATGAATTGGACTTCTCACCCACAGGGAGTAATTCCTCACAATG
TGCAGAATTAGATTAGATGTTGGTATGGTGGGCTGAGGAGGACGGTAGAA
TTTCAGAATTATTTATTCCCAGGAAATACGTAGAGAATGGGTATTTTCGT
TCTGCCTGATATAGGTTAGATAACTTGTTTTTAGTCAAATGGTTAATCAG
TGTGCTGATATATTTATCACAGTCAGT

>Sequence 2204

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTAGTGTTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTTCTTTCTTTTTTTTATTATGGGTTAGCTGTCAC
ATACAACCTTTTTTTTTTTGAGATGGGGGTCTCGCTTCTGTCACCAGGCT
GGAGTTGCAGTGGCNGCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCCAT
GTTTGGAAAGTAATTCTTCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTGAGG
GAACGTGCCACCATGACTGGCTAATTTTCTGTATTTTTTAGTAGAGACAG
AAGTTAACCATGTTGCCAGGAG

>Sequence 2205

GGGGCGTACCTCGAGGCAACTGCGCACTACNNGGCGAATTTTAGCTCCAC
CGCCGTGGCGGCCGCCGGGCAGTTACGCGGGGCTCTCAACGCGGTGTGT
AAGGTAGCCTGTTACAGTGCTGGATTTCATAAAAGGGCCTTTATGGTTGT
GAAAGAATATCTGTGTGCTTAGGGAGGAACTTTTTGATCTGCAGAAAAG
CCAGAAGACATCTAGGACATCCATAAAAATTCATCAGAGAGCATTTTACT
ACTGAGCTGCAAAGGGAAAAACTTAAATGGATATGAAAAGTGAAGAAAG
TGATCATAGGAGAAAACCATTTTCAGATGACAAGAGCACCTCAAAGGCAGC
AGCCTCAAGGAGCAGCCATGGCCCCAGACTTGTCGCACGGATGCAGAAAA
CTTAATGGAGGAGGCTGAGGTCAGAAAGGGAAGAGTTTTTAAAAAATAAAA
AGGGGAGCTAATATGTGAGGAAAAAATAATAATTTAATTTTT
AAAAAATGACGCCCCGTGCCCC

>Sequence 2206

CCGGGCAGGTACTTCAAAAATATTATCTGTTTCCTTCCAACCTTCATGGT
TTCAGATGGAAAAATCTGCTGTGGTTTACATTATTGTTTTCTGTAAGAAA
TGTGCCATTTTCTCTGTTTGCTTTCAAGATTTTAAATTTTTTTTTTTTCA
TTTCCAGAAATTGAATGTATTGGGTGATTCTATTTAGGGTTTGCTCTG
TTTCTTGAATATTTAGGTTTATGTCCTCCATCTAATTTGGGAAGGTTGAA
GTCATTATTTTTTAATAGTTTTTTTAGTCCCACATTCTATCTCCTCGTCT
TCTATATCTCCTGTGATTATGAATGTTAGCTCTTTTATTATTGTTCTAAA
GTTTCCTGAAATGCTGTTAAATTTTTTTATCGGGNNTTCTTCTTCTGTC
TCAGACAGTAAATTTCTGTTGGCATGTTTTCAGATTCATGATTCCATCT
TCTGCTCTGTGCTCTCTT

>Sequence 2207

GCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTAGTTCATCTACTGCAGGAATA
TTTGGCTCTTCAAGTAGACTTTAACATCATTTTTGGGGGCCCCCTCTCT
CCAAAAATAATTCTTTTGAGATTTTCACTGGGTTTCAATTTTTAGTTTTA
ATTTCAAATTTTAAATGTTTTCTAAATGTGATTCTAAATTAGCTTTTTA
TATTCATTACTGAAACACATTTCTACATTAACATGAAATTTTATTAACAT
ATTGAGACTCACGAAAAGAATTAAGCACCTTATTGATTTTCTCTTTTC
TTTTTTTAAAAACAGGGCCTGACTCTCTCACCAAGGGAAGAATGTGGCAG
CATGATCTCAGCTTCTGCCACCTGTGCCTCTTGGCCTCAGGTGATCCTTC
CACCTTACCTCCTAAGTATTAATAATTGGGATCATAA

Table 3

410/1077

>Sequence 2208

GGGGGGGGGGCCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTACACTGTAGTGA
GATAGTTGGTCCTGGATGAGGGGCCTGTTGAAAATCTGATAAAAATATGC
ACAATATACAATACGTGCAAATACATAATATTTGCCTATAATTTCAGAAT
TGAACATGAACATCTGAAGTCAATTTGTGGATTCCCACTTCAGATCTCCT
CCATGTCCAATACTTGTGTTGGTAGCCCTAATGCTCAAAACATTTCATTGAC
GTGCCCAGAGATCTATGGGCAGCTGGTGGTGTATTTTTTTAAAGCTGGAA
TATTAGACTGAGGATACAGCATTGAGCTTCAGGTGCTGGGAAGAGAATGA
GTATAAATGCTCTGGGAAAAACAAAAGATGGTACCT

>Sequence 2209

AGGTACGTTGAAATATATGGGGCAAGTCCCCCATTATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTGTCCTAGGTGCATGTGGGGACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCGGCTC
CCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACATATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAATTCCTGTAA
AATGGGGGAGTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTCAACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGCAAATTCGAGAACTGGTCCCAACAGGA
AATTATGTTCTGTCACTGTTTGGGGTGATTGGGC

>Sequence 2210

AGGTACGCGGGGGGAGTGAGATTATGGTTGGATTAGCTTCAATTTTTTT
TTCTTTGTGGGGGATGCAATTTGCAAAAGAAAGTCTTATAAGAGTGAGA
CTTTGTTCAATTTGAAGAATGATGGAGCTGGCTTTTCTGTCAATTTCTGCA
GCTTTTTCTTATTCTCCAAAAACCAGAAAGTGGTAATATTTGTAGTGAT
CAAATCAAAGATGATATTTAAAAACACATGTTGACAGGAGGACCTAGAGG
CATTATGAGTATTAGAAAGTCTGCAAATTAAGTTGTTTGGCTTTGTGGTGA
GGTGTGAAACAGGATATGCATTTTTGAAAATGTATCTTTGGATTGTCTGA
ACTGGGCTCAAATGTGGTCAAATTGAGAGAGCTTATGATGCCCGTTTTAC
TGCATTTCTTTTAGATGGGTTCCCCCAAATCCTGG

>Sequence 2211

CCGGGCAGGTACTATTCAAAGGACAGAGAGTTAAAGAATAAAAAACAAAC
AGAGCTGCAGAAAAAATGCGGGAAATTCGTATGTTAAAATCTAATTTCCA
ATGTGATGGTTTTAAGAGAGAGGGCCTTTGGGAGAGAATTATAAGGGGGA
TTAGTGCCCTTATAAAAGGTGCCCTTATAAAAGTGGCAAAGAACCTAGAA
GAATTGTTTGTGTCTACTGTTTTGTAAAAAAGAATTTGTAAGGAATGAT
ATAGAATATTTGGCTGAATACATTTCTTTCTTTATTTTTTGAGACAGGA
GTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCGGCTCAC
TGCAACCTCTGCCTCCCAGGTTTCATGCAATTCTGTCTCAGCCTCCAGAGT
AGTTGAGATTACAGGCACGTGCCACCACGC

>Sequence 2212

AGGTACGCGGGACACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCC
CTGAATTGTGAGCTGTGCTATGAAAAAAGTATTCGCCCCCTGAATGTGGTCG
ATGCCAAAGGAAGATTCTTGGGACAAGTCTTAATGAGCACAAATCAACCTT
GCCTGATTCTGTTTGTGTGTGCGGCCCGTGGA

>Sequence 2213

AGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCAGTAGTTCT
AAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCCTGGGATTTTGTGT
TTTAAACAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTTCAGAATCA
CTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTTCTCAGCCTTCCCCACTGCTGGCTT
AGGTGTTTGTCTTCTTGGGCCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTATCTGTTT
CCTTCCAGTTTCCAAAATTTTGTGCTATCTTTTCTCTCCAGTTTTC

Table 3

411/1077

CTCATATGTGTGAATTTATATCTTTTTTAAAAAATCTCTTTATTGTAT
AAGAGGCCAGGTATGGTGGCTCACGCCTGTGGTCCCAGCACTTTGGGAGG
CCGAGGTGGGCGGATCACTTGGGGTCACGAAGTTCAGACCAGCCTGGCCG
ACGTGTTGAACTTCGTCTCTGTTAAAGGACCTGCCCCGGGCGGCGTA

>Sequence 2214

CCGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGCGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTGGTTACCAGGAGCTCTGCCACTGCATGTCCACTAGTGACGGGTC
GCTCCACCACCCAGCTGGGTAGCCGCTGCTCTCACATAAGGGGTCCAAT
TAAAATTGCCAGGAATAAATCCCCCGACTTTGACTTCTCAAGAGCTAA
GAAGGTTTGCTGAGTATTCTGGCATGATGTTTGGTGATCAAACAAGTCT
GGCAAAAATGATGAGTATTTCCCCCTCTTGCTGAAGATGTGCTCCATAC
AATAGTCCATCACATTCATCATTATCAGTCTGGAAGTGTGCAGCCAATC
ATATTATCTATTACATGGTGTCTGGGCTTTTTTTTTTTCCCATGGCCAG
CCTAAACTATAAAGGTCCTCGGCCCGTCTAAAACTAGTGGATCCCCCG

>Sequence 2215

CCGGGCAGGTACAGGGCACATGCACAGAGCTTTGAAGAACATACACAAAC
CTGTTGAATCAAGTTACTTTCTCATCTCAGAGACTTGACAATTCAGA
GCTCACAGATGGCAGGGGAATTCTCAGGCTTCCCTTCTCCTGATTGAC
ACTTTTTAAAGGAAGTGATGTGGAAGTTGTTCTAGAAGTTAGATGGACAG
TGGGAGCACATTCGTGAGTGGGGCTTGGGAGAGCCCCAAAAGTGGCACTT
GATTTTAGGCTGGGCAGGCAGAAGTCTCACAGTAAAATATATTTCACTAG
ACGTCCAAACCAACACTGCATTGTAGTAACCTCTTCTGAAGTAACTGGTT
AAATTAATAACTGGTCCCATAAGTCAGGGTCAAGCCACATTTATAACCCA
TTCGGGCCGGCCATGAAGGGTTCTGACTCGACATTGGTATTTAAATGCTG
TTACTTTCCCCATGCTTAGTAGCACTTGAGACTTTATTTCATCGG

>Sequence 2216

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTTATATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAAGTCCCTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCTGAGAGGACCATC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCGGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGAATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCCA
AGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCATTGAAACAAACTTG
GCATGGTTCTGTTTCGTGTGTGAAACCTGTGGAAGGCCATTCCGGAAC
ATTGTTTTTCACTTGAGGATGGGGAACCTACTGGGAGACTGATG

>Sequence 2217

AAAAAATTGATCCGTTGGCACACCNGTGCGACCTTACGCCCCGTTCTCTAC
CTTGTGTGATGGTGTGTTGTTTCGTCTTCCCAGAGGCCGGTCTCTTCCTTAT
GTGATGGTGTGTTGTTCTGTCTTCCCAGAGGCTGTTCTCTGCCTTGTGTGA
TGGTGTGTTGTTCTGTCTTCCCAGAGGCTGTGGCCCTGAGAAAGATCACGT
CTACCTGCAGCTGCACCACCTGCCTCCGGAGCAGCTGGCCACGCGCCTGC
CCGGCATTTCAGAGACAGCCATGATCTTCGTGGTGTGGACGTACGAAG
GAGCCGATCCCTGTCTTCCCCACCGTGCATTATAACATGGGCGGGATTCC
CACCAACTACAAGGGGCAGGTCTGAAGCACGTGAATGGCCAGGATCAGA
TTGTGCCCCGGGCTGTACGCTGTGGGGAAGGCCGCTGTGCCTCGGGACAT
GGGGGCCACCGGCTCGGGGCCAACTTCTGTGGGACTGGTTCGTTTTTGG
GCGGGCTTGTGCCCTGGACT

>Sequence 2218

GGCAGGTACGGAAAAACAAAATAAGGTGATTTATAAAGCGAAGCAGGTGT
CCAGGTAGATTGTTTCTGCTTTTGGAAGCCATTTGCTAAACTCATCCAT
CAAACCATCAATGTCTCCAGGATAAGAACTTTTGAAGTATATGATAAT
GATCTTGATTCTTCCAGAACTCTTTTTTGTGAGAAGCTTGAAGTCC
TCAAAAACCTTTTCTAACGTCCAGGTGCTCCAGATATTCTCTAGGGAG
TTTCTTCAGTTTCATCCAAAGTTGCTACTGATGTCTAGATCTCTTGTCT

Table 3

412/1077

ACCAAAGTGTCCACCATCACCCGGAAGTAGGCCCAAACTGTGTCTTCCC
AGGTGTCACAGACAGGAAGCAGCTACTTAAGATTCCCACTTAAAGCTGCA
TAAATTGCTCTCTCGTATCTATTA AAAAAGCTCATCTTCTGCCAT
>Sequence 2219
AGGTACAAATAAATGTTAACGAAATTACATTATTTTCACACTATCTTTTT
CCACGATTAATATGTATTTCTTCAATTTTCAGTGAAGACTTTTCTAATA
ATACTATTATTACCTTCACCCCATTTCTGTCTCATCTACTATTTAGAT
CACCTACATCAAAGAAATAAAAAATAGGCTGGGCCCAAGTGGCCCATACCTG
TAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGATAGGCAGATCACAAGGTCAGGAG
TTCGAAACCAGCCCTGCCAACATGATGAAACCCCATCTCTACTAAAAATA
CAAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCGCGCGCTATAGTTCCAGCTACTCGG
GAGGCTGAGGAAGAAGAATCGCTTGAACCCGGGAGGCCGAGGCTGCAGTG
AGCCGAGATCGCACCCTGCACTCCAGCCTGGGCAACA
>Sequence 2220
AGGTACATGGATTCTTCACTTGTTAAGAGTTATTTATACCAAATCCTACA
GGGGATTGTGTTTTGTCACTCTAGAGGAGTTCTTCACAGAGACTTAAAC
CTCAAAATCTCTTGATTGATGACAAAGGAACAATTAAGTGGCTGATTTT
GGCCTTGCCAGAGCTTTTGGAAATACCTATCAGAGTATATACACATGAGGT
AGTAACACTCTGGTACATGGATTCTTCACTTGTTAAGAGTTATTTATACC
AAATCCTACAGAGGGATTGTGTTTTGTCACTCTAGAAGAGTTCTTCACAGA
GACTTAAACCTCAAAATCTCTTGATTGATGACAAAGGAACAATTAAGT
GGCTGATTTTGGCCTTGCCAGAGCTTTTGGAAATACCTATCAGAGTATATA
CACACGAGGTAGTAACACTCTGGTACCTGCC
>Sequence 2221
AGGTACTGCTCCCTGCACGATCCAGTCAGCCCCCGCCCGGCTGGTTATGT
AACAAACAAGTCTGTGTCTGTGTGGAGTGTGTCAGGACGAGTGGAATGA
CTGTTTCCAAGTTCATGGCAATTCAGAAGGTCCTTCAGCCAGACTGGTTC
CAGTGCCTCTCCGATGGAGGAAGTATCTTGTAAGGGAAGCAAACCTTTCAT
AAAAAAGGGGTCTAGAAAGTTCTTGTTGACACGATCACCTTTCTTTTTTC
TTTGATAACCTTGTCTGTGCGCCTGCGGGGTAAAGAAAGTCAAGAGGGTT
TCTTTTCAGCAAGCAAGTGGTGATTCATTTGGAAGGTTGGATTGAAAAGG
TTGTAAGAAATGTGATCGGAAAGCAGAAGGGCCTGGAGGGTGTACCTCT
CGTATAAGAATAGGCCCAATATACTGTACATGTGGGGTGGGACTTTCCCT
TCGTGGGTCCGGTATATTCTTTGAAATTTTCCTTTCAATCCCTCTTGAA
GGGCTAACTACTTACAG
>Sequence 2222
AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCACTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATT
TTAGCGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCCA
TGCCAAAGGGAGATCCTTGAGAAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACCTGG
ATTTCCGTTTG
>Sequence 2223
GGGGATATTGACTTTATGAGTCTGGGCAAATTAGCTCACCGCGGTGGCGG
CCGCCCCGGCATGTACTTGATGGATTCATCATTACAGATAACTCCTCGTT
CGAAGGGGGTATGCCTTGAAGTAAGAATTGCAAAAGGCAATCCAGCTAGC
AAAAGGGAATAAATGAAAATATCATTAAAAAAGAAATATCAAACTAATT
AATGGCAATAATTATCCACAGACTCTGTCTAAAAATGCATTTGCCATGA
AAATAAATGAGAGCACATGTAAAAAAGGAAATGCAGCAATGCATGCAACA
GAAGTTAGAAAGATTACAGTTTTAAGATAAAGATGTTTTGTCTACAGCAA
ACAAAGTGTTCAAATCCTCTATTAACCAATTTAACAAGAGTTATCTTTC
CTTTGTTTCTGTCCAAACACACTAAATGGATTTTGGAAAAATCTCTTCTC
ACGTTCTTGGTGTCAATTAATCACCAGGTTTTTAACCCCTAT

Table 3

413/1077

>Sequence 2224

CCGGGCAGGTACAAAAGTTAATAGCATGTTAGAGTTTTGATGGCAGTTGT
TGTTTATGAATAAGCTTCATTCCATCCTAATACCTTAAAATAACTAATTT
GCTTTCCTTTCAGGTATTCCTGATGACAGTCTGCCTCTATCTTACAGTA
AGTTGTTTTTCGAATTCTATGGGCCTATTATCTAATAGATAACTTAGCCA
TTTTGATATTTGTTACCAAAGCCTGCTTAACCCATAAAGTTTTCTGGTTC
CTCTTGTTCTCTGTAGTGATGTTTCTAGATAGATGCCCACTGATATATGC
CCCTTTTTTCTCAGATAGATGCCCACTGATCTGCCAGGGTCAGACGAAT
GCTTGTCAAGTTGTAGCTTTCAGGATTCTGCTCCAATGAGGAGGAAACAT
CCTGCCTTACCCCTGTTTTAGCCTGGGAACCAGTAATTGTGAACTCACCC
GGGTAAACATGAAAAG

>Sequence 2225

AGGTACTTTGCAGTGTATGATGGACACGGTGGACCTGCAGCAGCTGATTT
CTGTCATACCCACATGGAGAAATGTATTATGGATTTGCTTCCTAAGGAGA
AGAACTTGGAAACTTTGTTGACCTTGGCTTTTCTAGAAATAGATAAAGCC
TTTTCGAGTCATGCCCGCCTGTCTGCTGATGCAACTCTTCTGACCTCTGG
GACTACTGCAACAGTAGCCCTATTGCGAGATGGTATTGAACTGGTTGTAG
CCAGTGTTGGGGACAGCCGGCTATTTTGTGTAGAAAAGGAAAACCCATG
AAGCTGACCATTTGACCATACTCCAGAAAGAAAAGATGAAAAGAAAGGAT
CAAGAAATGGGGTGGTTTTGTAGCTTGAATAGTTTGGGGCAGCCTCACG
TAAATGGCAGGCTTGCAATGACAAGAAGTATTGGAGATTGGACCTTAGA
CAAGTGTTGTC

>Sequence 2226

AGGTCACTATTCCTCCACATGTCTGTCCCCTTTGCTCCAAGACTGCAGAG
GACAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTATTTTACTCAGAA
ATTTCTTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTANGTGTTAGGGTTTAAAAA
GAATGAAAATAAAGCCTGTCCAGGGATCGCTTTTCTAGAACACCTGCCAA
GCAGAGACTTAAATATTGAGGCTAGCTAGATTAAAAGTGGTAGAGGGCAA
GAAAGGGTGACAGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCAGGAGCGAGGCCTGA
AAGAGTGAAAGTATTTGCCTGCAATAGAAGGAGGAGTGAGTAGGGCATT
AGAGCCACTCAGTAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAGGGCTAAA
GATGTAGAATAGGGCAGAAAGTCAGATTATGAAAGCCTTATGTGTAATTT
AAGATGCTG

>Sequence 2227

AGGTATTCAAAGTTCAAATGGAGCCCAGCAAGCCAGATCTCCTTTACTCC
TAAGTTCCTCAACAGTTTCTCCTCTGCTTTAGAGACTGCCTTGAAAATA
TTCTTGTCCTGTGTTGTGTTTGGCTTTGGAATGATGTGATGCAGCTCA
ATGGGTCTACCCCCAAGTTGATCAGAGTAAGAAACAGCTGGGAAAGTCA
GTGCAAATTCAAGTTCATCATCTCCTTACAGGGATTCTGATTACAGAGGG
CTCAGGTGGGGCCTGGAATGTGTTTGTAAACATGACTCAAATGTGCAGTC
AGTTTGGGGACCCGCTGATACCATCGACCTTATAGTTTATGGGATGATT
TGTTTTGCTGATAAAGAACTGAGGCATAGACAGTCTGTAACCTGCCCAA
GTTCCCCTTGCTGGAAGTCCTGGAACCAGATTTAAGGGGAGCAGCCCTT
TCCCCATCCCCTTCCCC

>Sequence 2228

AGGTACACTAGCCGCACTTCAGGTGCCCACTGTCCACACTGACTAGTGGT
GACGGCGTTGGACAGTGACAGATACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGT
TCCTTTGGACAGAGCCATGTTAAGTGATGTTATCACAAGATGGACAGAAA
CATTCCTGTTTGATTTATTTTTCAGACCCAGTTTGTGGAGAAAAATAATG
ATGCTTTACATATGTCTCTTGAATCCTTAATATGTGAATCCAGAGATAAG
TTTATACGGGAATTATTTGAATCATCCACAAATAACAACAAAGATACTAA
ACAAAAAGCAGGAAAACTTAGCTTCATCAGCGTGGGAAACAAGTTTAAGA
CACAGTTAAATTTGCTTCTGGATAACTTTTGGAAGT

>Sequence 2229

GGACGTGTTGTGCGAACTATTTAGCACTACAGGGCGAATTTGAGCTCCACC
GCCGTGGCGGCCCGCCGGGCTTGTAACAAGATGCTATCACCGGATAAATG

Table 3

414/1077

GGGATCTGGTGATCCTAATTTTGTACCAGCTTTGAAATCTTTAGCTAGG
CATTTTCAGCCCTATAAAAAATCCATTTTCTCACTTGTAAGAAAGAAGAGTTG
AAGTTATGTTTTTCCAGGGCTTTTTTCTCTGACAAACCGAATTGCAGAAC
AATTTTATGACTCAACCGACGTAGCAGAGTCCAGAGAGAGTTTGAAAAAA
CACCTTACAAAACCTTATAACTGAAGTTCTCCCTCCAAGGGCACTTAATTT
TTTCAAGTGAAAGCATGCATGCAGATTATCCAGCTGTTACCCTGGAAGA
GGACAGAGTAAATATACTCCATTTTATATGAAGCCCAAAGTGTGATTGTT
AAAAATCCCATGCACAATTAGAAAACAGTGGCTGGTCTCTGGCTCATC
TATA

>Sequence 2230

AGGTACGGTATTCTGTGAGCTGGGGAAGACAGATACCCTTTTATTGGGGG
CAGGGGGAGGATGTATCAAAGGACCAATTTTCTTGAGATCCTATTACGT
GAAGGGACTTATACTGGACACATCATGGAGAAAATCAGAAAGAAGGCTGC
TTAATAAGACCCACTCCTGGATATGGCCACTCTCAATTCTCAGTGTCTTT
GGGAAGCAAGGTTTCGCCATCCACTTGTCTAAACAGATGATGACAGCAGAG
GTGCTGCACACCTTCTCCCTGTGACTTGTGAATGCCTTTCGTGCTCCCAA
ATAAGGAACCTCCTTCACTGCTGTCTGCTCTTGAGCTGTATTTCATTTTG
ATAGCCATTTTGCAGGAAACACCTTTGAACCTCATGCAATGTAAAAAAAT
GTGGTTTGAGAAATTCTTTAATGGGAATTCTTTCCCTTTTTCCCCCG

>Sequence 2231

AGGTACGCGGGGGAACCTGGGCGGGTGTGATTTACAGAGGTACACAGCGCT
GCTCTGCCTCAGAGAACCGGACACTTCGGCCCCCTGAGACCAGTTACGG
ACGGTGGCAAATATCACATCTGCTGGTCTCTGAGTCTGAAGGAAATGAG
TGGGTGTGTAAGGTCAGGATACAAACAGGAATGCTCGACATCAACAGAGA
ACAATGGTGGCCAGTGTTAGAATTGAGGCCAACCTCAGACACATGGCCAC
AGAAGACAAAGTGGCACAGCTTTGTCCTTCACTAAACCACTCACCTAGCT
GTCTGCCCCCTGTCTCCTAGAAGAGAGTCCTTTGACATCTCCATTAAAAA
AAATTAATAACAATATAAAAGGTTCCCTGCCCCG

>Sequence 2232

CCGGGCAGGTACATGTTACAGCTCGATTTTTTTGTTCAAATATTTGCCATG
TAAGGTTGGGTGACTTTATGGATGCAGAACCCATGTATATGGAGAGCCAA
CCGTAATCTGTAATACATATAAAAAATAGTGAATAGAGCAGCCATGTGTG
TAACTGTATACCACACAGAAAAGGGCCTATGAATTTACGCTTAAACAGAG
AGAGACAGACAGTAAACATCAAAACCTGGGTAATTAATAATATAATCAT
GTCTCACCTTCAGCTAACTTGGGTCATTTAACTTAGAAAGGTATGATAGA
TAACCAACCTGAAAAGTGTGAGCAACTCGATGTAGGAACTCAATTACAAA
GAGAGGTGGCACTTCGGTCTGTATGACAGATACAAAGAAGAGCTTATCCC
GGTAGATACTGATGAGGTAGTGGTGAGGTGTTGAAATGACA

>Sequence 2233

CCGGGCAGGTACAGCCCACAGAACTGTGAGCCTTTTCAATCCCTTTTCTT
TTTCAATTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGAT
TAATACACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATG
CCAGGTGTTCTAGGGTGTTATCTTAGCCAATAATTCTTCCTCTTCAGCAA
GATCTATTTGCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCTACCATACTTGTC
GTAACAAGTAGCCCATACATCTGAATGGACTTCATTGAAATCACAGAGG
GTCTTTAGTTCTCTACTTTATTAGCAGGCATTCGGGAAACACATCAACTT
TCTAATTTAATAAGGTGCCTGTTGCTTTGAAAACTGCTCAAAAGAAGAT
AGGAGAGGCTTACTTAAAGATATCACTATAGGCATGGCATGCT

>Sequence 2234

AGGTACAACATCATCAAGGCAGAAACAGTTTTCCAACAGGTTATATTTTC
TTAATGGTAGTCATGAAGTCATAAATAAAAAAATGGAATCATTTAGTATG
TTCTCTTGATTTGACTTTTTCTTTTTTTTGGAGACAGAGTCTCACTCTGT
CGCCCAGGCTGGAGTGCAAGTGACGCGATCTAGGCTCACTGCAACCTCTG
CCTCCCAGGTTCAAGCAAACCTCTCCTGCCTCAAGCCTCCTGAGTAGCCTG
GGATTATGGGGCACCCACCACACCCAGCTAATTTTTTGTAAATTTT
AGTAAGAGGCCATGTTTTTACCCAATTTTGGCCCAGGGCTGGGTCTCG

Table 3

415/1077

AAAACTCCTGAACCTTCAAGGTGAATCCAACCCACCCTTGGGCCCTCCCA
AATGGGGCCGGGAATAATAGGCCATGGAAGCCAACCGGAACCCAAACCT
CTTCCTTTGTCTTTTTCTTCTTGTTCCTCG

>Sequence 2235

AGGTACGCGGGCCTGTGGAGGTGAGTGAAGGGTCTGCTGCTGAAATTTG
GGGGCAAATAACCGGAGTAGGTTTGTTCCTGTGCCTTGGCGAGTCGCCGG
TGCGTATCGGAGTCTCTGCCAGCCATTGATTTCTACGGGTTTCAAGAAGA
GGGAGAACAGGATGGAGGAGATGTTGGGCTGATGGTGTGGTCCCTGA
CACCCGGAGAACGGCTGCCCGGGTTATCCCAGTTAAATTCCTGGGCCTGA
ACGGAGTGAAACGATGTTTTGTTCGTGTGCAGTTGTCCATGAGGCAGTG
CTTCCTTCATCCGTTTCCTCCCAGTCCATACCTTCCTTGGCTTGTCTGAC
CAGTCTCTTTCCTCAGCTTTTCTCCCCCAGCCATTGCATAAAAGTCTTAC
GTGTGGGGTTTCTCTTTAAAGCTTTCATTCTTTTCTGAGGTGTTGGC
CCACTGGTTACCG

>Sequence 2236

CCGGGCAGGTACATGCTTCAGTCAGGGCTCACATCTTCAAATTCAGTGTC
TGTTCTGTAGAGAAACCTTAATAATGTGATATATGTGACAGCAAAGAGTT
ATAAGATATGAATATGTTAATTTTAGTAGATACTCCGAAAAGTATTTCA
AACTGGTTGTGCCACTATAAACTCTGACCATTATTAGGCAAGAATTGGCT
TTTTTTTGTCTTTTGTGAGACAGTCTTGCTCTGTCACCCAGACTGGCAT
GCAGTGGAATGATCACGGCTCCCTGCAGCCTTGACCTCCCAGGCTCAAGA
AATCCTTCTGCCTCAAACCCTCAAAGCTGGGACTATTGGCATGCAACAA
CACGCCTGGCTAAATTTTGGTGCAGAGAAGGGGTCTCACTATGGTGCC
CAAATTGGGCCTTAAACTTCTGGGCTTCAAGCGATTTCCCTTCTAAGCC
TTCCAAGG

>Sequence 2237

ACGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGTGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTAAGAGGATGCCTGTGGCAGCCAGATGATAGGGGCCTTATAGGGTG
GGCCAGTGCAATTGAGGGTGACAGCAGAGGTGGTTGTATTGGCATCAGTGC
TAGTGGTGGCAGCAGCAGCAAGTCTGGGAAAAGAAAAGATGAAAAAGAAA
AATTCACAACCTGCCAGATCTTCTCCTGTCTGGAAGTGTGTGTGCTAC
CAGTACCT

>Sequence 2238

CCGGGCAGGTATTTCAAAAGTTTGATTACTTTGGTGGGCACAGTAAAGA
TAAAGTAACCTTTCTAGAGCAGTGCTGCTCAAACCTTTTCATGTGCATACGA
AACAGCTGGGATCTTGTTAAAATGCAGCTTTAGATTCACTAGGGAGGAGC
TTAAGATTCTACATTCCTAACAAAGCTCCCAGGGACTGCCGAGGCCACACT
GCCAGTCCAAGGACCACACTGTGCATCTTAACAAGGTTCTGGAGAATCTT
CCCCTCCAGGCAAATAAAGCTAGAAAAGTGTGCTGGGTGCACATGAATGCC
TCACTGAAGTGGGACGTGGGGACAGCCTCCAGTCACTCCAGGCCAGGAAG
ACTGTAGCTGCGCCCACTGGACAAGAATGGGACAAGGCTACTCTGAGCCC
CATTTTGAGTAGGTGACCTCATGGGTATCTCTAAGACTAACTGACCTATC
AGAACAAGCCAGGATGAATCCCAGCTCCTCCTGTTAGCACT

>Sequence 2239

AGGTACACACAACATTCTGGAATGGCGGCACGTTTTGGTTATGAGAGAGT
TAAATGTCATTACACTGGAACATAGTGCTAAATAAAAGGAGACATCA
TTCTACTTCAAATGCACCTACAACCTTAAATGGCATCTGACACCAACCT
GGATTCTTCGGATGCTGACGATTGCCTCTGACACCCTCTCAATGGCTGAG
GGGAAGAAGAGGGTAACCGCCAGCCGCACAGCCCCATACAGCGTCACTGC
CACGAACACGCGGCTGGCTGTGATCACACTGCCGAGGAGCACGTAGGTGG
TGAAGGTCACAAACACGATGATTTTGCTTGCCTGAAATAATGAAGCCAAA
TTCATCCCTCTGAGGCAGGAACCTTCTCAGAATCTTGAAATCTCCTTCT
GAAGAGAGT

>Sequence 2240

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC

Table 3

416/1077

GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCTGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAAGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAAGAG

>Sequence 2241

AGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGAAAAGAT
GAGATGGCAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAAGACAAA
ATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCACTCAGCCATTCCTGACATGTAAAA
CAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAAGATGTT
TTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACATAAAATC
TGCAAATCTCTGGATAAAGAAGCAGAGATCCCAGCATGGGACAAATGGAG
CCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGCAGAATGCATCTCTT
CCTTTCTCTTGGCTTTCCTGGATAAGGACTGCATCATTCCTGTGGAAGGA
CAGGCCATCAGCTCCGAAACACTGTATGTATTTTCCAGTATATACTGCTA
GCTGTGTGATGTTGGGAAAATTTGGTCCCCTGTCTAACC

>Sequence 2242

CGTGGTCGCGGCCGAGGTACTTCTTGGATCTTACATAGGCCTGAAAAGTTT
AGTTGCACTACTTTAGGAATCTCTTTTATGCATTTGTTCAATTAAAAGG
CAACAAAGACAAATCCTTAAGAAAATACCAGCATTTTTCCTACATATGAA
ATCAAGGGTCCTTGTCTGACGATGGATTTTACTAGCGTGGTCGCGGCCGA
GGTACGCGGGGGGACTGACAACCCGGATAGCTCAAGGTCCAAAAAACCAG
TTTTCAAACATTATAAGTTCCAGGCTTTTGCAAGTCTTTATTCTCTGGGGT
AATATCCAGTCTTTCTGTTATTGTCTCTTAAAATTCTCTTCCATGGCCCA
CATTAAAGGGAGTTTGCAGAGAGTGAGGGAGGCAAACTTGAAAAGGGCCT
GCAACACTTTAAACCTTCTCAGGTTACCCACATGAAACAGCTGTGCTGA
GTGTGCTGCCGGTGCCCGGGGAGCTTCTCTGACTGTGACCCGCAGAG

>Sequence 2243

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTGTGTGTGGGATCACATC
CAGAGTTGTTGCTGCTGATCTGGGCACCTGCCCTGGATGTGCAAAAGTGG
TGGTGGGAAGCTGAGTGGAAGTCTGCTCTGCCTTTTGGCTTGTGGGATCT
GGTCTTGAAAAAGTAACCTCAGAGCTCCTTGCCATTGCAGCTGGTGTGAC
TGACTTGTAAATGTGCCCTATAGAGAAGGGCAACTGTGAGGTAGCTGGGC
TGATCATGGTTTCCAAAGTGAGTTCCTGGGGAGTTGTGGCCCCCTGAGGA
GCTGAGGTAGTGGCTGTGGCTGATGAACGGAGATCTCCAGTGTCCCAGT
CAAGAGTGGACAGAGAATCAAACAGAAAAGTGGACAGGGGCGTATTTGGG
GTCAATCTTTTTTACCTTTGCCGTTTGAAGTGTGATCCCCCG

>Sequence 2244

CCGGGCAGGTACGCGGGTGTGACAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACC
AACAAGCAGCTCCAGCACCCAGCACTTCTACCTGAATTCACCATCACCA
ACCTACCATATTCCCAGGACAAAGCCCAGCCAGGCACCACCAATTACCAG
AGGAACAAAAGGAATATTGAGGATGCGCTCAACCAACTCTTCCGAAACAG
CAGCATCAAGAGTTATTTTCTGACTGTCAAGTTTCAACATTCAGGTCTG
TCCCCAACAGGCACCACACCGGGGTGGACTCCCTGTGTAACCTTCTCGCCA
CTGGCTCGGAGAGTAGACAGAGTTGCCATCTATGAGGAATTTCTGCGGAT
GACCCGGAATGGTACCT

>Sequence 2245

CCGGGCAGGTACTAATATGATCCACAGTTTTTCAGCTGTGGAGGATCTGAG
AAACAGAGGGGTCAAATGACTTGACTAGAGTCACACAGCTGGAATGTGGA
GCCAGGATATGAACACAAACAGTTTGAATCCAGAAGCTTTACTCATAACC
ATGATTCTATGTCATTTCCAGAAATGGTGGCCGGCACATAATCTCCCTTT
GCACATAACAGATTTACACAAGCCTTTCTTGCCAAGAATCAGGTTCACT

Table 3

417/1077

TCGTGAATGCTCTTGTTAGTAGAAAAGATAATTTCAATCTGACAATTCTA
TATTTCCCAACGTTTCATGGGCCCTTTCAACCATCTTATCACCCAGCTAAT
CAAGAATCAGTGTTCCAGCAATTTCTCGAAACGTCATGGGCAGGATGGA
GAAAG

>Sequence 2246

AGGTACCCACAAATAATGCAAAAATATATATGTAAATTGGATGATGAGG
CTGATTAAAAAGCTTGGGCTCAGTGGTCAGACTTGGGCAAGTGGCCTAAT
GTCGTCCCCTAGTAAGTGGACTTAGAGTGGGGTCTCCAAATACGGAGAAT
CTTTGGGTTGCAGCAGGAGCTTTCACTGACTGCTGCGTGAGTTGCTCGTT
CTTTTTCTTCATCAGGTGCGTAGTTTCTCTGAAAAGCATCACCCAGGTC
AGAATGAAAGGAACTCTCTGTGCAGACCGTTGTATGTGGGACCTTTGAA
GACAGTCAAATAGTGTTCAATTCTTTTGTAAAGCAGATTTTCTTGGTCTTT
CTGGAGAATTACAGTTTTTTGGTTAAAAATTGATCCAGGTTTTTTT

>Sequence 2247

CCGGGCAGGTACTACAACCTGATTACTCTGTTTGAGGAATTCATGAATTTG
TCTCAGTCAAACAAGATGAAGAGGAAGTCTCCCCGCCTAGCGCCTTGCCT
CCAGGTTTGGGTAGTCGGGCCCTGGAGAGAAAAGATTGAGGTGAGCGCAA
GCCCAGAGAAGGCATCCTGACCTCATCTAATACAATCACTAATGAGCTC
ATTTCTTGAAGCTGTATTGATTCTAATCCTTGCTTATTGAGATTGTAGT
TTTTACGGCAATCTTTCATTACGTTTCTCTTACAAGAAAATAATGTAT
TGAGAAACAATTAATTTTGCATGATACACACGCATTCAAGGATCTAGCCA
AAAATACCCAGGGGTTGGTCTATCATTTTTAATATTTAGCAA

>Sequence 2248

AGGTACGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTTTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAAGTCTAGAAATTT
TATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTCTT
AGTGGCACTGGGGAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACT
GCAAAAATGCAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTG
TATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATG
CCAAAGGAAGATCCTTGGAAGAGTCATCAATGGCTTGAAACAA

>Sequence 2249

CGTCCATGTACCATGAGATCAATTACCCTAAACAGTGACAGAAACATAAT
TTTCTGTTGGGACCAGTTCTCGGAATTTTGACCAACATGATCCCATAGT
TCCACATCTAACGTTCCCTTTTCAGGAAACCAAGGACAGTGTTCTTCCAC
TGCCCTGAATAGGGTGACCATATTTTCCATGGGAACCCGAACCTCCCCAT
TTTAACAGGAATTTTCATATATCCCAAATAAGCATACTGTCTAAACTCTGT
GTGACCCATAGTTACCCCGGACAATACACAGACAACTACCAATCGTCGG
GGAGCCGAACAAGCATTCTGTGGACTGGACCGATGAACATTTCTCCGCA
CCTACCAAAGGGAATCGGGTTCCACATGCACCTTAGGAAAAAGAAAACCA
CGTTGGGCGCCAGATATTGGGGGAACCTGCCCTAATATTTCAACGTACC
TTGGGCGGTCTACAAC TAGAAAG

>Sequence 2250

CCGGGCAGGTACTGCAGACACCATTTAGTTTTGCATTGACCTTACTAGCA
ATTATTATTTTATACTGGCTTTGCCCTTTTCATTCTGTTTTTTGGCACTA
GTCTGTTTTCCATCAGAAATATTAGACCTGCTTACTTCTAAAATATTTTTG
TGAGTTTGAACACATGGATAGATTTAATGGCATTTTTACTCTGCATTAT
TTTGCTTTCTAACACATTTAATATTCACAGTAACCCTATGAGACAGATAT
TATTATTTCCATTTTAGAGCTAAGAAATATAAGATATGGAGAGGTAACT
TCCACCAAATGAGAGGCAGAGCTAGGATTCACACCAATATGAGCCTGGC
CTCAGGCCCATGCTCTGAATCATCATATCACACAGCATTTTTTCTGAC
C

>Sequence 2251

AGGTACATCTACATTTTCTTAACTCTTAAATATATAGTAGCTGCAGAAT
CTGTTTGTGTATACTTAATAGAGGTAATTTTTTCTTCCCCTAGTTATTC
TTTCCCATGAATCAAGTTACATACAAGTTTCTAACCATTCCTGTTATAG

>Sequence Z25b
GGCGCTCGTGCAATAGTACTACNGGCCGAATTTGAGTTCCACCGCCGTGG
CGGCCGCCCGGCATGTACTTTCTTCTTTTTTTTTTAGATATATTTTGGG
CTGATAGAATTTGACATTGTTCAACTTTAACTTTGTCTCATTGAACTTT
ATCCTGCTAAGGAGCTAAAAGGTCCATATGATCAAAAAGGCAGCTCTCAA
CCCAGCACGAAATCTAGGCTCATTCTTTCTGTTTACCTACTGCCAAT
AAGTCAGACAACCTGCATACTTGCTTTACAGACGAATAGAGGACAGCATGT

Table 3

419/1077

TGTTCAATAATTGAAGTTTAAAAAGTATATGTAAGATACATCCACAAGAA
GAAAGATAGAGGGAGCATACCGGTTGTCTTCTAAGTATAGGCTCCCTGCC
CATGGAGATCACACAGTAGAATTATGATGGGTGCCTTAAAGACCAGCCTC
CTCAAGAACATGAGTTCACCTTGGACCAAAGGTTTGGCA

>Sequence 2257

CGGCGGCTGAGCANCTAGTACGCAGGCNGAACTGAGTTCCACCGCGGCGG
CGGCCGAGGTACCATTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATTCCTTAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGG
GATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCT
ACTTGATTTTCTTTGGGGGTTTGTGCTTGCTAACCCCGGTTGG

>Sequence 2258

AGGTACTCACCAGACCCTATATCCCTAGAGTTGCTCCCTCCATTCCAACA
CCCTTCCCAGCATATTCCAACCTACCGCCCCAACTCTGAGCTCTGTCTTCT
CAGCTCAGTAGGACCACCACTGCTGAACTTCGTTCTTCCTCTGAGTCAGT
CCTATAAGTGATTCCAGGTAGACAGCTGGAATCATTCTAGGGCTCACCTT
GTTTCCCATTTTTAGGAATTCCAATCCTATACTACCTACCTCCATCCAA
TGTTTGAACGTTTTTTCATATGGATTTTTTCTCTTTTCTAGTTGTTTTG
GCAACAGAGCTAATCCAGTACCTGCCCCG

>Sequence 2259

AGGTACACTAGCCACACTTCAGGTGCCCAGTGTCCACACTGACTAGTGGT
GACTGCGTTGGGCAGTGCAGATACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGT
TCCTTTGGACAGAGCCATGTAAAGTGATGTTATCACAAGATGGACAGAAA
CATTCTGTGTTGATTTATTTTTTCAGACCCAGTTTGTGGAGAAAAATAATG
ATGCTTTACATATGTCTCTTGAATCCTTAATATGTGAATCCAGAGATAAG
TTTATACGGGAATTATTTGAATCATCCACAAATAACAACAAAGATACTAA
ACAAAAAGCAGGAAAACCTTAGCTTCATCAGCGTGGGAAACAAGTTTAAGA
CACAGTTAAATTTGCTTCTGGATAAAATTTCCGAAGT

>Sequence 2260

CTAGTAGCTCCACCGCGGTGGCGGCCGCCGGGCAGGTACGCGGGGCTCA
CAAGGTCTCATTGTTTAAAAGTGTGTAGCACCTCCCCCTTCGCTCTGTCT
CTCCTGCTGTCTTGTGAAGAAGGGACTTGCTTCCTCTTTGCCTTCCACCA
TGATTGTAAGTTTCCTGAGGCCTCCCAGCCATGCTTCCTCTGAAGCCTGC
GGAACCTCCTGAGCCTCCTACCTCTGCTGGAAGCCAGATCCCATTGTGT
GCCAACCTAGTACCGGTGCCCATCACCAACGCCACCCTGGACCAGATCAC
TGGCAAGTGGTTTTATATCGCATCGGCCTTTCGAAACGAGGAGTACCT

>Sequence 2261

AGGTACAGATCTGGGAACTAAATATTAATAAATGAGTGTGGCTGGATATAT
GGAGAATGTCGGGCCCAGAAAGGAACCGTATAGATCAGATATTACAACAGC
TTTGTGTTTGAGGGTTAGAAATATGAAATGATTTGGTTATGAACGCACAGT
TTAGGCAGCAGGGCCAGAATCCTGACCCTCTGCCCCGTGGTTATCTCCTC
CCCAGCTTGGCTTGCCTCATGTCATCACAGTATTCATTTTGTGTTGTC
ATGTCTTTGTGAAGCCATCAAGATTTTCTCGTCTGTTTTTCTTTCATTGG
TAATGCTTACTTTGTGACTTCATTTCAAATCTGTAATCCCCTCAAATAA
ATATCCACAACAGGATCTGTTTTCTGCCCCATTCTTTAAGGAACCAATCA
ATTCATTTTCTAATGTACTTCCTTTACAAGCGGGACCAGGCACATGGGCA
GGCTTAT

>Sequence 2262

GCCGGGGTCCGCGGGGACACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACACATC
TCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTTGATACGTG
TATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAATTTCAG
AAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCAAAGAAATTCTCGAA

Table 3

420/1077

TGTTCTCACCTATTAACAGTTATTA AAAATGGAAGAAGCTGGGGATGAAAT
TGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACCAGTG
AGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGAGTGG
AACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAATGACCGCCGATG
GGAGTCTGCTGACCTTCAAAAAGTCATGTTTACGGCTCTCATAAAGGACA
GACCCAAGTTT

>Sequence 2263

CCGGGCAGGTACTTAGGAAGACCACAGCTAGATGGACAAACAGCATTGGG
AGGCCTTAGCCCTGCTCCTCTCAATTCCATCCTGTAGAGAACAGGAGTCA
GGAGCCGCTGGCGGGAGACAGCATGTCACCCAGGACTCTGCCGGTGCAGA
ATATGAACAATGCCATGTTCTTGCAAAAACGCTTAGCCCCGAGTTTCATA
GGAGGTAATCACCAGACAGCTGCAGAATGTAGAACACTGAGTAGGACAGC
TGACCTGTCTCCTTCACATAGTCCATGTCACCACAAATCACACCAACAAA
AAGGAGAGGATTTATTTTGGGTTCCAAAAAAGTTAAAAGATAATGGAAC
CTGCATTTCTTTTAGTTATTTTGGGCCCCCAATATTTCCCTCATTTTTT
TTGTTGGTTGCCATGGATGGGTGGTGGACATGGGCCTTTGTTTTTAGAAG
GGCCGGGTTAACCTTTTTGGTTTTGGG

>Sequence 2264

AGGTACGCGGGGTTGTATGTGGGTGCGCATTCTTG CATGATGGGAGTGG
CCACCTGCTTTTCATATTCTGAAGTCAGAGTGTTCCAGACAGAAGAAATAG
CAAGTGCCGAGAAGTTGGCATCAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGC
TGCAGCCGAGGGAGACCAGGAAGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGA
TACAGAGGTCTGTAGGCCATGGGAATGGGTTTGGAATTTTATTCAAAGAG
CTATGGGAAGTGACTAGAAGGTTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTT
CTGTTATATTTGTGTTTTATACAAATTACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGG
ACAGCAAAAGGGTAGGAGCAGGGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTA
AGGTGAGAGGTGGTGGGCTTGGGCCTAGGCCTTTTGGAGTGAACCAGCT
ATTTGCTTGTTTCC

>Sequence 2265

AGGTACATGCATGAGTGAACATAAAGAGGATGGGATTAGAGAAGTTCTGT
AGCGAAGTCCTAAAATGATTAAATGCTGAGAAACATGCAAAAAAGCTTCT
TAGGGCAGCTATCACTGATAGGTATGGTTTAGTGTGAATCCTAATAAACA
GTCGAATGGATTGAGGACTGGACATAAAATGATAAAAGGGACCAGAAAAA
GAGAACCAAGTTTTTGCACATAGCATTTATTATCATTAGGGTGTAACA
TCATGATAAATTATTGTAATGATAATAGCACTTTTGAGGCCTTGCCATG
TGCCAGCCACTCTACCAGCCCTTATCTGACACGAGAGATTCCACTTTTG
ATCACTGCCACTTAAAAGCAAAATGCTGGCCAGTTACACAGAATTAGATT
GATTTGTATTGGGAGGGCGGTGGGATTTCAGGGATGTAGGGAAAGTTCT
TGCTGGGCGGCCGTTTTT

>Sequence 2266

AGGTACAAAAATGAGGCAGGTGTATTTTTTCCATCTAACAGGGGATGAC
CACATGAAAAGAACTGGTGGCCTGTGTGTCCCATGGTCTTACAGGGCAGT
GGTGGAAGGTGGCCCGTCATCCACTTTCTGGGGAGGCAGAACCAAGC
ACCAGTTGGACAACCTGCATATGATTTTCATGTATTTGGAAATAAAAACCTCA
TGGATAGTGACTGGAAGTGGATCAGTGGTTACCCATAAATTCATTGCCAA
GTGCAAAGTCCAGACGAATATTTCTAGGTTTCTTCCAGGATTTTTATA
GTCAGAGGATGTAATCTTATGCCAACGGGTCTTAATAATCAAATGACTTC
ACAGTGAGAATCATTACTCTGAAAAATTGATTTTGTAGAAATGATGGGA
AATTTAAATATTTGAAAGTGAAAAACACATGCCACCTTTTCTAGAACTC
TGCAAGGCAAAT

>Sequence 2267

AGGTACTGGAACAGGGATAAGTTCTTGGATTAGGTGCCAACATACCTATA
AAAGCTGATTTTTGAGTAAATTATTGATTCTAACATATGTAATGGATTTG
GTGTGATAATTTCTGATCTTTAACTATAAGTGACTTTTTATTCTCCACC
AGAAAAGATAAATGACTGAGAATGTAAGTCTGCGCTCTGATTAACACAAT
GGAGAAACGGAAAAACTATCTGTGTTAAAAACTGATTCTGTCAATCTTC

Table 3

421/1077

TGATATCAAATAAGAGGAAGGAAAATAAACTTTTTTGTGTGTAGATAGAA
AAACATACCTGAGGCCAGGTGCAGTGGATCACGCCTGTAATCCCAGCACT
TTGGGAGGCCAAGGCGGGCAGATCAGCTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAG
CCTGGCCAACATGGTGAAATTAACGTCTTTACTAAAAATACAAAAATTAT
CTGGGTGTAACCGGTGCCTGT

>Sequence 2268

AGGTACGATTTACCTTTACACCTCAAAGTTTTTTAGATGTGAGCAGCGCT
GGATTATGGCAATTTACCTTATAATAACTCACCATAGTTGGCTGTTATAA
GAATAAATATTGTTCTTCTAAGATTTTTTAATTAGTTGCTTCAGTTACTAC
ATTTTTTTCTATTTTTTTTTTTTAAATAGAGATGAGGTTTTGCTATGTTGC
CCAGGCTGGTCTCCTGGACTCAAGCAATCTCCCACTTCAGGCTACCAAAG
TGCTGGGATTTACAGGCATGAGCCACCTCTCCCACTTCAGTTATTATTT
TAATAAATGAGACTGAACGTCCTCTTATAAGGCTCACTCCCTTGTCCTA
CTACATTTGCTCTGGTTAAGTATCTCTTTAAATTCTTCAGTTAAGATCAT
CCCTTTTATCAGAAACCTAGACACCACCAAGTAGCTTTCTTCCCTTTTAA
TTTTTCTAGGGGATCACTATTATACTTTAA

>Sequence 2269

AGGTACATTGGTGGAACAATTCAAGTATGATGTATTTTCTGTGGTTTGAAT
GTATTCCTCCAAAATTCAGTATTGTCAATGTGATAGTAATAAAGAATG
GGGCGTTTAAAGAGGTGATTAGTCTGTGAAGGCTCCTCTCTCCTTACTG
GAAGTAAGAACCTTATGAAAGAGGTGCCACGCAACATTCCACTAGCTTGC
TCTCCTGTCCGTATGCCATGAGAAAACATGAAGTTCCTCCTCTCTGGAGG
ATGCAGCCCTCACCAGACAACCAAACCTGCTGGTGCCTTGAATCTTGGAC
TTTCTGGAGCCTTGAATCTGGAAAGTTCCCAGCTTCCAAAGCTGTGAGGA
AATAAATTTCCATTCATTATAAATTATTCAGTCTCAGTTATTCTATTATA
GCAACCAAAACGTCTGGTTTCATTCAAGGCTTTTGGGCATTAAACATTAGT
ACCTGCCCCGGCGGGCCGTCTAAAACAATGGG

>Sequence 2270

AGGTACTATGGGGAATGTGGAAGTGGAAGTAGTGTGGAGTTTTTGGAAAG
ATATTTCTGCCTAGGAGAGTAGTTGGGCATGAGGACAGGACTAAGAAAGA
GTGAGTGAAGGAAAAGGTGTGAAGGGAGCAGAAAAGTGGAGGGGGGACTC
GAGGTTTGGAGACTTGTCCATTAATTCCTACAACAGACACCTGGGAGGAC
TGGGTGGTTCTGAAAAATTAGGTAAAGCAGAGTAGGTTGCCTGGTATTA
ATTTAAAAATATACTGGCCTACCTGCCACCATCAGGGTTACCCTTGGCTT
GGATGAGGCAAAGGTTAGTTGCCAGGGTGTCTGTTCCAGGGCACCATCA
TTCTTCAATGGCAAGGCCGATGAGATATAAGTGGGAAGGGTTGGCTTGC
TCAAGAAGGAGATTGGGGCAATCCCTTGTGGGAGCTGA

>Sequence 2271

CCGGGCAGGTACCAAATGAAGTGTGAAGACAAGGCCATCCACCACTTTAT
AGAGGGTGTAATAAATAAACCAGAAATCAAGGGAGAAAAGAAAAGATGAAAG
ACAAACTGCAAAAAAATTGCCAAAATGCGACTTTCTAAAAATGGAGCAGAT
TCTGAGGCTTTGCATGTCTTGGCATTCTTCAGGAGCTGAATGAAAAAAT
GCAACAAGCAGATGAAGACTCTGAGAGGGGTTNTGGAGTCTGGAAGCCTC
ATCCCTTCAGCATCAAGCTGGAATGGGGAATGAAGAAAGNAGATGTTGGT
GCCCACTAGGCTACTGCTGAAAGGGAGCTGAAATTCCTTCACCAAGTTGG
TATTCAAATATGTAATGACTGGTATGGCAAAAAGATTGGACTAAGACAC
TGGCCATACCTGGACAGGGGTTATGTTAACCACCGAAT

>Sequence 2272

CCGGGCAGGTACGCGGGGCAGTCTTTATGGGAAAAAGTTTGTGAAAATCA
GAGAAACCTGAACGTGGAAACCACCAGAATCAGCCACTGGAAGGATTATG
TGAATGTAAGGCTAGAAGCTATTAGAGCTGAGTATCAGAAGATGCCTGCA
TTTCATCATGAAGAATAAAAAACATAATTTGGAGATGCTGAAAAAGAAGGG
GAAAGAAATTTTTCATCGACTTCATTAAAGTAAAGCCAAAATGGCTCACA
TGAGGGAGATTTTAAAGAGGAACGTATGCGGAGCTGATGAAAATGTGCCAT
AAACCAGATGTGGAGCTACTTCAGGCTTTTGGAGACATATTACACAGGAG
TGAGTCCGTGCTGCTGCACATGCCCCAACCTTTTAAATTTAACTTAGGG

Table 3

422/1077

CATGGCCCATACTGGACTGATGGACGGCTCAA

>Sequence 2273

CCGGGCAGTTACATGCTCCTTGCTAGTAGTCCTAGTCTTTGAACCCTCAG
AGCCCAGGTTCCAAACATGATTGAAGCCATCTTGAATCCATCAAACCAAC
CCATCTGCCAGATGAGTACGCGGGTCCTATATTCCGTTCAATGTAAGCTC
TATGAGACCAAGAACCTGGGCAGTTTTATTACCATAAGTATTCCAAGCC
CTAGTGGTTCCTGGCACATTTTGTATTACAATAAATATTTGTTAAGTCA
ATGACCAGATGAATGGCTTTTAAACTCAAGATAGTTTTTTTTTGGTTTGG
TATTTATTTATTTATTTACTTTGACAGACTTTTGCTCTTGTTGCCCGGT
GGAGTGCAATTGGGGCGATCTTGGGTACTGCCTAACCTCCCGAGTAGC
TGGGATTACAAGGGCCCCATACACCATCCTGGTTA

>Sequence 2274

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCTTGGAGGAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTGTCCCTA
CTTTCTCTCTTTTTCTTTTTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCACA
TACAACTTTTTTTTTTGGAGATGGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTGGAG
TTGCAGTGGGCGCCGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCAATCCCATGTTGA
AAGTAATTCTTCTGCCTCACCTCCCGAGTAGCTGGGACTAAAGGAACGTG
CCACCATGACTGGCTATTTTCTGTATTTTTTAGTAAG

>Sequence 2275

AGGTACGCGGGGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTT
AATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGA
AATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCA
TTCTTAGTGGCACTGGGGAATCTTGGCACCAGAGAATTCAACTGCGC
TCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAG
CCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTCCCTTGATGTGGGT
CGATGCCAAGGAAAGATCCTTGGAAGAAGTCATCAATGCCGTTGAAACAA
ACTGGGCATGTTTCTGTTTTGGGGTGTGTAGCCCTGTGGAAAGCCCATT
CGGAACAATGGTTTTTACTTGGAGGGTGGGGAACCCCTCT

>Sequence 2276

AGGTACTCCAGCCTTTCCATGACTTTTTGGACAGTGGCGCTTACCTCCTG
AGGATATGGGTGCGCTCTGTTGACCATCTGCAGCAGAGACACAATGGGTG
TTCAGCCATTAACACTGGGAAGGCCCCGAGAGCCTCTGACTATGTGCTGA
CACAGTGTGAGCCCTGGAACAAAGCCCTCCCTTTCTGTCTCCTGCACCAA
TGATGATATGGTCTGAGTTCAATCACCAAACTTCTTAGTTCCACTTCTT
CATCAGCCAAAGAAAAACACCGCAGTCAATCATCTCTAAGGTCCCTAAGA
GGGTGGAGAATTCCATGTTCCACGTTATTCATGGGGGACTCACAAGATCT
AACTAAAGAGGATGGTTCTCTCCTCATCCAATAGATGAAGAAGACAC
AGAAAAGCTTGGCAGGATGGGAAACTTCTACCCTGGTGGTCATGTGTGTA
GTTGATTTACAAACAGGAAGTGAACAGTGCTGCATGGACAATGTACCTG
CCCG

>Sequence 2277

CCGGCAGGTACTTCCCCTTTATACTCTTCTGTATATTTGATTTTTTTTTT
TTTTAAGACAGAGTCCTGGCTCTGTGCGCCAGGCTGGAGTGCAGCGACAT
AGTCTCAGCTCACTGCAGCATCCGTGGAGGCTGAAACAGGAGAATCCATG
AATTTTAAAAAATCTAAACATGTAATTTTAAACGGGCTTAAGAAGAATG
ATAACAGTTTTGGTCTTCTTTTTTATCAACCATGCTTTTATTTTACTTGA
ATCTCGTGCCAATTGCTTTGTAATATTAAGTAGGATTTACACAAGTGGA
ATTTAGAAAAGATGATAATCTGTCAAATCTGTCAATACCAATTAGAATGT
AATCAAGAAATTAGGATAGTGGAGGTTTGGACACGTAAGGCTCACCCAA
ATTCAAAGCCATTACTTGATGCTGAGAGGGGAATATTCTGGGAAGGTAA
TTTTTAAAAAATTAAAGTCACAATTTTAAATTTGTATATTGTCCTAATAA
AAGAAATCTCAACTCATGGGACAATTTTGAATTTAAACGCTAATTGGTC
CTCATTCAGTGATGAACAAGTCAAAACGTTTCATAACAGAAAGCCTTTAA

Table 3

423/1077

GAAGAATCCCGGCCAGAAAATGTCCTTTTGAAATTGCCTTCTTCCCCAT
CTCTAATGCCTATGTTAAATTTCTGACTTGCCCATTAAGTAACAGTGAGG
TTTTCTGTGCCGAAATTACAATTTATTGACCTGTCACATTTGAAGAAAT
TCAATTATGTACCCAGAAGCTTGAATAACTGGCATGGTTACCTGGCATAA
GCGCTTTTGTGTTTCGGTATTAACTTTATCAAGAAATTGGAATCTTAAA
TATAGGCGGCAATGCTGGTGCTCAAACGCCCNTCTATAAGGGGTATATTT
GCTCTTAGCCCGATTACG

>Sequence 2278

AGGTACGCGGGATAAAATAGTATGATCAATCACAATGTCCATCTTTAGAC
AGTTGGTTAAATAAATTATCTGGTCTTTGAAAAGACCGTGCTGGGCGCGG
TGGTTCTTGCCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGCAGATCA
CCTGAGATCGGGAGTTTGAGACCAAGCCTGACCAATATGGAGAAACCCTG
TCTCTACTAAGAATACAAAATTAGCTGGGCATGGTGGTGCATGCCTGTAA
TCCCAGCTACTTGGGAGGCCGAGGCAGGAGAATTGCTTGAACCCGGGAGG
CAGAGGTTGCAGTGAGGTGAGATAGCGCCATTGCACTCCAGCCTGNGCAA
CAAGAGCAAACTCTGTCTCAAAGAAAAAAAAAATGATGGAGCTCCGAA
TGTGCTTAAGTGGAAGATATCTATTGAAATATGGGTGGTTTTTTAAAA
CACAAAATTATAGAATATGGGATCCCGTGTGTGTGTGTGTGTGTGTG
TGTGTGTGTGTG

>Sequence 2279

AGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCAGTAGTTCT
AAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCGTTTGTGT
TTTAAACAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTCAGAATCA
CTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTCTCAGCCTTCCCCACTGCTGGCTT
AGGTGTTTGCTTTCTTGGGTCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTATCTGTT
CCTTTCAGTTTCCAAAATTTTGTGCAATCTTTTCTCTCCAGTTTTC
CTCATATGTGTGAATTTATATCTTTTTTTAAAAAATCTCTTTATTGTAT
AAGAGCCACTGCACC

>Sequence 2280

CCGGCAGGTACGCGGCGAGGGGAGGGGAGAGCCCGAGCGCTGAATTTGT
TGCTGGGAAACCCGGGGCTAAGGTTGACAACAGGCTCGAGATTGCTCTGG
GTCACATAATGCCAGCTGAGCGTAAAAAGCCAACAAGTTTGGAAGAAAA
GACTCTTTACCAACAACAAGGAAAAAGACTGCAGTGAAAGGCGGACAGT
GAGCAGCATGGAGAGGCCAAATGACGATATCAAGCTCACTGCCAAGAATG
AGGTCAGCAAGGCCCTGAAGACAAGAAGAAGAGACTGGAAGATGATAAG
AGAAAAAAGGAAGACAAGGAACGCATGATAAAAGACGAATAAAAGGTGAA
GGCAGAGGAAGAATCAAAGAAAAAAGAAGAGGAAGAAAAAAGAAACAT
CAGGAGGAAGAGAGAAAGAAGCAAGAAGAGCAGGCCAAACGTCAGCAAGA
AGAAAAAGCAGCTGCTTAGATGAAAGAAAAAAGAAGAATCCATTCACTTC
ATCAGGAAGCTTGGGAACCACATCATTTAAGAAAGGGAACCTTTGTAGCAA
AAACCAAAATGCTCCGGACAAGCCGACCAGAGAAAACTTCTTCAGGCGCC
TTGACTCAGGTTTGAGAANAATACTGTTTTGGCAAGAACCTTAACTTTA
CAGAACCACAGAGAGACTTCTTTGTCCATGAATTTAAGGGCCTAAATNTA
ACCAATTCTTTGCAAAGCCTGTAGCCTTCATTGTGGAACCAAAACTAAAA
ATCTCTGATGTGAACCGGGCTGTGCACCCTTGGTTCTTTTTTACAACGT
TATGCTACCTTGGCCCATACT

>Sequence 2281

TCGGAGGCTCCACCGCCGTGCCGGTCCACCGGTCAGGTACAGATCCTGTA
TTGCCACCCCTTCTCTATTGCTTTGTCCCCGCGGCCCTCTGTTTGCCT
AAATGGGTTCAGGCCATAGCCACCGACTCTCGCTTTGCCTTCTGGCCTC
TCGGCAGTGCGCTTCAGCACCATTGCGCCAGGTGACGCTGCTGAAAACAG
CTGAGTGGCCGGCACTAGTGCAGCTGGAAGCCAAGGCCCATATTCTCAG
GAATCTGCACTGTACCCAGGCGAAAAGCCCAAGGGCTCTCCCCACAGCTT
CCCAACATCCGTCTACAGAGTGTTTAAATATTAGACTTATTAACCTGTAG
AGATGGAGAGAATCAAAGAAATCACAAGGTATCTCTGAGGGAAAAAGAAG
AGCACCAGCAGTAAATCACTTAAGAGTATTGAACCAGCAAGCCAGGGATA

Table 3

424/1077

GGAGAATGGAATGGAACTGACAGGATGACTGCAGAGGATGGTACCT

>Sequence 2282

CCGGGCAGGTACAGCAATGACTTCAGTAAGCCAGGCATCCTTGGATGTCT
CCATGATAATAATAATCCCTTAGGACCAATTTGTGCAGGGTTGCTGGTA
ATAATGGCGCTATTTGCAACTAGGTGTACCCGCGAGAAAGAAGGACACTT
AGATCCTATAACTGCAGGGTGGCCGAATCAACTTACCAGCACCACCCAAA
AAGGCCATCCCGGCAGATTCACAAAGGGGACATCACATTGGTGCCTACCA
TAAATGGCACTCTGCCCATCAGATCTCATCACAGATCGTCTCCATCTTCA
TCTACTACCTTAGAAAGAGGGCAGATGGGCAGCCGGCAGAGTCACAACAG
TCACCAGTCACTCAACAGTTTGGTGACAATCTCATCAAACCACGTGCCAG
AGAATTTCTCATTAGAACTCACCACGCCACTCCTGCTGTTGAGCAGGTC
TCTCAGCTTCTTCAATGCTTCACCAGGGGCAATATCAGCCAAGACCAAG
TTTTCGAGGAAACAAATATTCCAGGAGCTACAGATATGCCCTTCAAGACA
TGGACAAATTTAGCTTGAAAGACAGTGGCCGTGGTGACAGTGAAGCAGGA
GACAGTGATTATGATTTGGGGCGAGATTCTCCAATAGATAGGCTGGCTGG
TGAAGGATTCANCGACCTGTTTCTTACAGATTGGAAGATTTCAACACCTA
TAAAATCTTCACCGAGAAGTCAAGGTCCTGGACATTTTTACCATGCTGGA
TGCAACACTGGCCCCACCCTTTTTGATTATTGGAGTACCATGTTCTTTCA
GGGAAGAATTCCAA

>Sequence 2283

CCGGGCAGGTACACCACTGTGCCTGCTTTGAATCCTTTACGAAGAGAAAA
AAAAATTAAAGAAAGCCTTTAGATTTATCCAATGTTTACTACTGGGATTG
CTTAAAGTGAGGCCCTCCNCACCAGGGGGTTAATTCCTGTGATTGTGAA
AGGGGCTACTTCCAAGGCATCTTCATGCAGGCAGCCCCTTGGGAGGGCAC
CTGAGAGCTGGTAGAGTCTGAAATTAGGGATGTGAGCCTCGTGGTACTG
AGTAAGGTAAAATTGCATCCACCATTGTTTGTGATACCTTAGGGAATTGC
TTGGACCTGGTGACGAGGGCTCCTGTTCAATAGTGGTGTGTTGGGGAGAGAG
AGAGCAGTGATTATAGACCGAGAGAGTAGGAGTTGAGGTGAGGTGAATGA
GGTGCTGGGGGTGAGAATGTCGCCCTTTCCCCCTGGGTTTTGGATCACTAA
ATTAAGGCTCTTCTGGATGTTTCTCTGGGTGGGGCTGGAGTTCAATGAA
GTTTATTTTAGCTGGCCCACCCAAATACACTCAGCCAGAATACCTAAGA
TTAATACCTTGGGCC

>Sequence 2284

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGTCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGA AAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTNTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAAGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAATGGCTC
AAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTTGGGGAA
AAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCACTCTGAAAAGGAGTTGCCAG
GCCTTAAATAAACGGAATATTATTAATCAGGCTATTAACAACAAAAATA
AAAGGCCTTTGGCCTGGTTCCCCAAATGTGGAAAAGCAAAACATTGGGCC
AATCAATGTCATTCTAAATTGGATAAGATGGGCCACCCATTGTTTAAAA
CAGGAAAGGGGCCAGCCTTAGGCCCCCAACAACCTGGGGGCTTTCCAAGT
TAACTGTTGTCCTAAGGTTTTAAAGGACACCAACCCTACCGAAATACC
ACCCTTTT

>Sequence 2285

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGATTGTCCGGNGTAACTAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCC

Table 3

425/1077

TGTTAAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGAACATATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCGAGAACTGGTCCCA
ACAGGAAATTATGTTCTGTCACTGTTTGGGGTGATTGGGCCTTGGTACC
T

>Sequence 2286

AGGTACACCATGAAGTGATAAGTATTAATCATTTCATTCAATATGTCCAA
TGGACCAAAAAAGGGGCAGATGGGTATTAATGATTCCCAAAATAAATATC
CCCTGTTTTAAAATTTGGCTAAAGAGTAGCTTTGCATTTTCCTGGAAAAG
AGGTTGGTGGGAAAAAAGATAATATTTGAACCTGTACTTAAATGGGCG
GCATTTCCCAATGACTGAATTGTAGTAGAATCTGTTCTCATTGGCACGAC
ACAATCCTCTGTCTGCTGGAGTGAGACACCATGAGGGGCCGTGAAATTCA
AAAAGGCTGGGAACCTTGGTTGATTGCGGAGTCAGGGAGTTATTC

>Sequence 2287

AGGTACGCGGGACACACAGCACCTGCACGCAGATGCACACATCTCTAGTC
AAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTCGATACGTGTATAACC
AATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGCAATTCAGAAATGAG
AAGCTGATCCGGAACCTCCACTACAGCTCAAAGAAATTCTCGAATGTTCTC
ACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCTGGGGATGAAATTGTGAGC
AATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCAGCACCAGTGAGCAAGG
CAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTGCTGGAGTGGAACCN

>Sequence 2288

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTCAAGATTATGGTATAAAGTTTTATT
TTAAATAACATACCTATTAACATACCACCACATGGGACCAACCTTATCCC
AGAACTATATTCACTACTGACCCTAACAGCAAAGCTCAGGAACCTTTAT
CATTTATTTATGTAGTCACTCATTCAATTATTCCTCATTAGCAAGCA
TTCAACCAACAAGGCACATGGAATTTACTACTTATCATTAAGTGGCTGG
CACTTGGGGGTGGGGGTTACAATTATGGTAAAATAAGGTAATTTTCTATA
ATGATTCAAATGTAGGGGGAGCAAGAAAGAATG

>Sequence 2289

CCGGGCAGGTACTGCTTTTATAATTTCTTCAGATAAGGTCATTTTAAAAT
TTAATCCAGTGGTTTTCAACTAGGGGACAATTTTGGTCCCCAGGGAACAT
TTGGCAGGGCTGGAGACATTTTGGTTGTCATAGCTTGGGGGAGAGTTGC
TACTGGCATCCAGTGGGTAGGCCAGAGGTGCTGCTGAACATCCCATAGAG
CATAGTTCCTCACAGTGCAGGGTTATCCTGCCCAAAATGCCAGTGGTACT
ATGGAGAAGAGAAGTGACTTGTGAGTCCTTTGCCAGGGGTAAGTGGGGGG
GAGGGGGGCNNTNTATCTTTATGAAGTGTTCAATCTAATGACCAGTG

>Sequence 2290

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGAAGAAATGGCAAGTGCCGAGAAGCTGGCAT
CAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCGAGGGAGACCAGGA
AGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAGGTCTGTAGGCCATG
GGAATGGGTTTGGAAATTTTATTCAAAGAGCTATGGGAAGTGACTAGAAGG
TTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTTATATTTGTGTTTTATA
CAAATTACTCTAGTTGCTGTGTTGATAGGACAGCAGAAGGGTAGGAGCAG
GGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTGAGAGGTGGTGGCTGGG

>Sequence 2291

AGGTACGCGGGGTTTGACCACATATCTGGGCACCGTGGCCCAGCCAAGTT
GACATATTAATTAACCCTTGATAGTCCCTTTTAAACTTACACCCATTGC
AATTTAGGTGCTGCTATGGAGCAAGCCACAGAACCTGGCCTTTAACTCA
TTTACCCGGGCTGACCCATTAGGCCTTTGAGTCACCAACACCTCACTAGA
GAACAAGCATAATGAAGAAGCTCTGCTGTAATTCGTTAATGTTAACACTT
TTTTCTTTAAAGATGTCTCATGCTGAGCTTCGTGGCACACGCCTATAATC
CCAGCACTTTGGGAGGCTGAGATGAGAGGATGGCTTGAGCTCAGAGGTTT
GAGACCAGCCTGTGCAGCATAGTAAGATTCCGTCTCTACAAAAAAGAAAA
GAAAAAAGTTGTCTCATAATTATTAATAAACCACTATTCCAGATCA

>Sequence 2292

Table 3

426/1077

AGGTACATTTTAAACAGAGGGATATAACACCATTAAGGCTCATGGACTTAA
TTCCTGTCTCCAGGGCTATGTATCTTTCAACTGCCATACTGAGGACTTTT
CAGCCGTGGTCCCGGATGTCTGGCCATACCCATCACTTGAAACAACCTGTG
TGATAGTGAGAGCACTGACTCCTAATTTTCAGAGACTGACCAAATCAACC
TCACGTCTTTGCCCCATAATACTCCTTTTTCTTAAGTCCTACACCACTGG
TTTCCCTTTCTTTGAAGGGCGTCTGTATTTTGCCAAGGTTAACTCTAAGC
TTGTGCTCTTAATTCCATCCTCTTGTGCTTTCTTTGAGAATTTACCTTC
CCATTTCTTTCTTACCAGCTTCTAGCTCCTCTGCCTACAAATGTGATTTCT
TTCCTATCCTAAAAACAACAAAACCCAAATAAACCCTCCTCTGACTTTGCA
CTAGCTGAGCTGTTCTCCATCTTCTTTCTTTTCTTACCATCTGATCTT
AAGATATGTCTGCATTTCATGAAGTCCACTACTCTCTCACTCTCAAATCC
AGTGCCTCTACTCTCACAAATCCTTGATTCTTTAATCCTGCATCTGCCCT
GACCACCTTATATCAATAGATCTGTCAAAGATTTAACTACAACTTTTCAA
GTGCCACATTAACCTGGCCTTTTAACTCTTCCATTACAAAAAACTGCAGC
GGTTGACACTGAGACAACCTTCTTCTCTTTGTAAATATTTTGATCACTG
GCACACCAAACATGCAAGCCTTAGGTTTCTTCTCTCTTTGAGCCCCG
GT

>Sequence 2293

AGGTACCCCTGACCCCTCCTCCGAATATACTTTTGTCTCTTGTCTTTT
ATTCCTGTGTTACCCCACTGTGTTTCAGTCCCCCTAGGTCTGTGCGGGAT
ACAAGTGGCGCCCAACAGGGACAGAATTGGGTGCTCTACACCCTCTCCT
TGAGCAGGGACTGGCCTAGTGACTTACCTCTATTGAGAATACGGCAAAGG
CGTTGGAGTCTCACCTCCTTAATTAAGCTATACATGTTTAAAAAAATTAT
TCAATGAGAATTGTTAAAGCACAGTAAGGAAGACTTTATTGAGGGCCATT
ATGACAGGTATATAGACAAATGTAATGGGATTTTGCAGTGGTAGAGGGTG
AA

>Sequence 2294

GCATTACAATTGCACCCCATCCTCCTACCCACTCTGATCCCAGAGGAGA
GTGCTTCTGCTGTAACCTCTAAGGCACAAGTGGGTCCCAAGTCCTTAAA
TATGGAGGGATGTGGGGAAGCAGTGGTGAAGATGCGGCAAAGGTCAGCAG
GCAACACTGGTCTTTGTTGTAGGTAACCTTCATCTAGAGATTCTTCTAGT
TCTTTCCAGATTTATCTTCTAAAACTAACTGGTATGGACATATTACAGT
CCTGTAATTCTTTCTTCTAGGTCATATTGAACATTCCAGATACCTATCAT
TACTCGATGCTGTTGATAACAGCAAGATGGCTTTGAACTCAGTAAGTGGT
TAATTATTACCTTCCCTGGCCTTTTCTTTGTTCCCTTGTCCCTTCTGTTAT
TCCCAACATTGTTTGGGGTCAGCAATTGCAAGGGCTATTTGTAGGGAACG
CCGGGCCACGCTGATGCTGTTCAAGGCACCCTCTAGAAAGAGTGAGTCAG
GTGCGCAGCCACACAACCTGCCCAAGTGAGTCGCAAGAGCCATGGCTGTTG
GGTACCT

>Sequence 2295

AGGTACAGCAGAACTGCATGATCAGGTAAGTGTGCTGAGCTGTTGATCCT
CCTCATTCCTGAGCTGGGTGTGTAGAGACAAGAGCAGGAGACTAGGGGCT
GATGATCTTTTAGTCACATCCATTTACCCCAAGAGTGCTCTATACAAATAG
CATTTTTATGTATTCCCCGGCATGAAAAAGCTGGAAAGCACCAAGAGAAG
GTTGGTGTTAAACAACATGAAGTTTGGAAATCTCAGAAAGTCTGAATGAG
TTAATTTTTTTGAGCTTTAGCATACTTATCATTTTTATAATGAGGATAATT
CCTTAAAGCAATTCTGTCCAATAGAAGTTTGGGATGATAGAAATGTTCTG
TATCTGAGCTGTCCAATGGTGTAGCCACTAGTCACATGTGGCTTTTCAGC
ATTTAAAAAATGGCTAGTAAGGTTGGGGCACAGTGGCTTATGCCTGTTAT
ACCAGCTGGTTGGGAGGCCGATGTGGGAGAACTGCTTGAGTGTAGGAATC
TGAGGCTGGAATAGGCTTTATATAATGGGCCAGTTCACTCCAAGTGGGT
GACAAGAGTGAGACATTGGCTTTTAAATAATTTAATAAATATGTTGAGGG
TCCCTGGCCGGGCGGGCCGTTTAA

>Sequence 2296

AGGTACAGAGTGATGCCAGGCGTTCATCTCCCCACTGAGCTCCTGCTGAG
TGTTTGCTGGGGCCAGGTCCTCCTTCCGGGAAGTCATTTTAGCTGGAAA

Table 3

427/1077

GAACAGGGTGGGGGCGGGTGGCAAGGGATCAGAGCATGAGCGTTTGAGGG
CTTCGTCAGGGGCAGTGAGGAGCCTCTAAAGGACTCTACATTTAGGAATG
ACAGAGTCAAACAATTTAACAAAGCCCTAAAGGTCCCTGCCAGGAAAGAA
TGAGCCCCATGTATCACCATAAGCAACTTCTTAGAAACATAACCCACCCC
TGTCATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAGGGAGGGAGGATTGCTTGAGGTCA
GGAGCTCGGGATCAGCCTGGTCAACATGGTGAGACCCCATCTTTGCAAAA
AAAAAAAAAAGTACCTGCCCG

>Sequence 2297

AGGTACTAGTTCCCATAAAATACACAATAAATACCAGTTCCCATTTTCAC
TATCACTATCCATACCTACTTCAATCTATTATCTCCACATAGCAGACAGA
GTAATCTTAAAAATGGTAATTTATAGACCTGTGGTACGGCCGGGCGCGGT
GGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGGCAGATCA
CGAGGTCAGGAGATCGAGACCATCCTGGCTAACATGATGAAACCCCGTCT
CTACTAAAAATACAAAAAAGTAGCCGGGCGTGGTGGTGGGCGCCTGTAGT
CCCAGCTACTCGGAAGGCTGAGCCAGGCAATTTATGGCTGGGCACAGTGG
CTTATACCTGTAATCCCAGTACCTGCCCG

>Sequence 2298

GNGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCTTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAAATCAGACTTCATCATGTGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCTTAGGATCTACTGGGGG
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCCACTGA
AGTTCCTTATGCTACTTTCACTGAGCATCCTATGAAATACACCAGTGAGA
AATTCCTTGAATTTGCAAGTTGTCTGGGTTCATGTCTAAGCTTGTTCGA
GCTATCCAGAATGCCCAACAAGAATTCAACTGGATCTGGAAGAAGAAAGAA
ACTGATGGTGGTAACTGAACCCATTTTGAATGAGACCTACACAGGGCTGA
TGTCATTCAATTGGGNACCGGAACAACTTGGCTATTCCCTTGCCCGGGGG
AGTATTGGTTATTGAGAGTCTTTTGGTACCTTGGG

>Sequence 2299

AGGTACTTACTAACTTTTAGGGCTGTGTAAGTGTAAGTGTGTTGTTGAAGCT
CTGTGTGTGTTTCTGTAAAGACTGGTCTGGAAACTGACCAGAGGAAAC
ATTTCCCTTGCTTTTCTCTGCTCTCACATGAAAACAACAAACACAGTTAG
AGTCAACACCAAAGACTTCAATGACCCCAAGATATGTGGGGATTTCCTCC
TACCAGCAAGCAAGCAATCAATTCTGCAGCAGACACTAACTGTGTATCCT
CCAATTTAATTCTGACACTATCTGCCTGGAAATAGCATCAGATCCCTCAT
GTTGAGGGCTCAGTCCCCAAGACTGCCATCCCTTCAGACACCATGTGCAA
GTCTGGGCCTATAGAACTTCTGACCAGCTGAGCTTCAAATTGGCATTCCC
AGACATTTACAGTGGCTCATGGCTGGAGGATCACTTGAGGCCAAGAGTAC
AAGACCAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACCTGTCTTAAGAAAATAAAAAGT
TAAAATAGCTGTGCCCTGAGGGACCTATTAATATTTCTATTCTAACGACA
TTATATTAAAGTATTTGATACGTATATATTTGATGTAGTTTCTGATATAT
CACTGAATGTGAGCTTAGGAATATGTTATATATGAGTGAAATTATTTAGA
TAATATGTATGAGGTATTATGTGACATATAAATATAATATTTACGCTAAA
TATTTGATGTATAAGATGAACGTAATATTTTATATTAATGACATGAATTA
GGATCGATGTGAGGTAATACGCTATTTATGAGAGTTAAGTGACTGTGAAA
CGTGATTAATCATTAAATATATTAGATATAATAATTC

>Sequence 2300

CCGGGCAGGACGCGGGTGAGAATGGAGTCAAAAAGGATTTCAGGTGTTTAG
AGGAGCTGCTTTTCATTAGGACCTTGGAGAGTCCCTCAGTTTTGACACC
CTTGTTTCACCACAAGAAAGCACCCGACACCCTGGGTTGCATACTTACTA
CTCAGGGGCTTTCCCCCAGCTTTCGGAGCACTGAATTATTGTGAGCTGG
TGACTCTGCAGGCCTGAGTGGTATTAGGGTTGTGGAATG

>Sequence 2301

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC

Table 3

428/1077

GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTT
GGGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAGTTG
CCCAGGCTTAAATAACAGAATATAATAAATCAAGCTATTAACAGCAAAAA
ATAAAAAGCCATCTGGCCTGTGTTCAAATGTGGAAAAGCAAACATTGGG
CCAATAATGGCATTCTTAATTTGATTAAAGATGGGCACCCATTGTCTGGAA
ACAGAAGAGAGGGCAGCTTAAGCCCCCAACAACTGGGGCATTCCCAGA
TAAACTGTTTGTCTTAGGGTTTTAAGGGACAACACCTCCTCAAGAAAT
AACCCCACTTAGGAGGTAGGCAATTCAAACATTCAACGCTTTCT

>Sequence 2302

AGGTACCAAATGCGGTATGGGGGGCATAGGCAGCACTAGAGACATGAGAG
TTGATTGTGATCACATAAATCACAATTACTTATTTGTCAGACGGCAGGCA
GAGGTCAGGGGCATGGGGTATGGCCAGGGAAAAAGAGAAAGTTATTGGTCC
AAGAAGGGTTGCCTCATGTCTTGGCTTCTGGAACATTGAAATAGGATGTA
AGAGTGAAGGACACATATGCACACACACAAACACACATACATGCACAC
ACATGCATGTATACCCCATATACACACACTCACATACCTGCACTTGTGG
GGAGAGGGGAGAAGCAAATAATAAGTGAGAAAGATTGGATCATGGGAGAG
AGGCTTGAGAAGCTTGAAGCTTTTGAGACATGAGGAGTATGAATCAACCT
GTCATAAGACAACCAAGAGTCATTCTTCCATCTTTGTTTTTCCCATCAA
CACTAGTTTATGTGTAATAAATAAAGAAACAATTGGNGATATGATATT
TTTTTCTCCCAACAGACACTTTTGTTTTAACTCTAAGTCTTTAATTTCT
TCTCAAAACAACCTGTGGCCAAAACCTGGGTATTTGGTGATGTCCAAGAT
CCAGAAAATCCATAGTGGCCAAAATATACGTGACTTCTTGGAATTTTG
CCTCTCAATTTGAACATTTTATTTTCCAGTTTGTGTTTTCCAAATTCTG
GTTTCCAGTGGCCAGAGCTTTTAAATGATCCAAAAGGTATTTTCTTTAA
TCCTAAACTCATTAGAAAGATGGGTAAATGTAGTATGTGCAAATTATATA
TAATTTCCGTT

>Sequence 2303

AGGTACCTGTCAGTGTTCAATATTTAACAACTCCAGTTAAACAGGTAAG
AGGTCAGCAGTAGCTTATAGGCCTTGGTTCTATTATCCATGTGCCCACT
GCAGCCATCGTGGGCTGGTGTAAAAATTTTCTTTCAATTGTCATTTTTT
TAATAATTGCAATCAGTGAGAGGAGAAGAAAAAGTTCAAGGGAATGACCT
GACCTTTCACCATCCTACACAGGAGATGACTGATGACATGGGTTCATACA
CTAATGTATATCGTATATTCTCCAAAGACCCTCAAAAATCACAAGAAGTT
TTGAAAAATTCTGAGATCATAAACTGGAAACAGAAGCTCCAAATCCAAGG
TAACAAGTCTGAAGAAATGGGCAAGCAGCTGTGCTTCTCAAATTGTGTCT
TCAACTAACAGCATTAGCATCACCTGAGAGCTCATTAGAAATGTAAATTC
ATAGAACTCTTTGAGCTGGGAAAAGTGGAACAATCTGTGGTGTGCCAAG
GACTATAGCTGATTGTGGGTGTAACCTCACTTTGAAAAACACTAAGCACT
GAGGTATTAAATAAGGTGGGAACAATGTAAATTGAGAAATGTATGGTTTC
CCCCCCCCCCCCCGCCTTTTTTTCAGGTTTAAAGAAAATTTAGGGAGGG
GAATAAAACACATTCATTTTTAAATTCGGGAGGGAGAGCTTTCTAAACCC
TTCTTTTGTGCACGAAAATTCTTAGACTTATTCACCAATAAAACACACTT
GGTACTTGGCTTAAACAGCCACCCCATATCCAATTTGAAAGGTCCTTCCC
GGGCGGCCTTATAGAATATGAGGACCCCGGCTCGAGGT

>Sequence 2304

AGGTACAGTTATGCAGTAAAGCCATTAACATCAGATATCGACAATCCT
AGCCACTTTGAAAAGCAATATGAATCTAGTTCTTCTAGCACTCACAGTGA
TAGTAGCAGTGACAATGAGCAAGACTTTGTTTCTCCTCCATTCTACCAGGAA

Table 3

429/1077

ACAGACCAAATTCAACAAATATTAGACCACAGCTGCACCAAAAAAGCATA
ATGAAAAAGAAAGCTGGTCACAAAGCTAACTCCAAACACAAAGACAAAGA
ACAGACAGTAGTAGATGTCAGTACTGAGCAGTTAGGCGATTGCAAATTAGATA
GTCAGGAGAAAGATGCTACATGTGAACTTCCTTTACAGAAAGTAAATACT
CAGAGTTCTTCAAATAGCACTTTGCCTGAAAGATTAAAAGCGTCAGAAAA
TTCTGAAAGTGAATACAGTAGGTCAGAAATAACTCTAGTAGGCATAAGTA
AGAAAAGTGCAGAGCATTTTAAGAGAAAAATTTGCCAAATCAAACCAAGTG
TCTAGGTCAGTGTCTAGTTCAGTGCAGGTGTGTTCTGAAGTTGGAAAGAG
AAACTTACTTAAAGTTTTGAAGGAGACTTTGATTGAGTGGAAGACAGAAG
AAACATTGAGGTTTTTGATGGCCAGATTATGCCTTGGGTGTCTGAAACC
CTAAGCTTTCTTGGTAAAGAAGAAGCTTGATGAAAATGACCTAATCTTAGA
ACCAGATGGCATTTCCTGCCCCAAGGAATTTAAACCGCTTGATGAAGCT
TAACTTTAGGGCTCAGTCCCCGCCG

>Sequence 2305

CCGGGCAGGTACCTACACATGGGGAGGGTTATTGCAGGGGTTGGGGAGCA
GTGCATTTAAATTTTGTCTTCCCTGGATCTTTCACAAACAATTATCGG
TAAGGTTCCCTCCTTCCCCTTGAAGCACAGAAAAGACACTGCCTATTTGA
AATTATATTATTTGGGGTTGTCTTGGGCTTCTCTTACATGGAGGTGCCAC
CTTCATTTTGTAGAACGGTGTAAGTGGTTTCCATTCCAGCATGAATGTGG
TCGGTCACATGGCAGTGGAGTAACCAAAATCCAGGTGTTCTTGGAAACAT
TTCTAGGGTTTGGTATGTTCCAGGGAAAATGTCAAAGACATCAGAACTAT
AAACTCCCCTGTGCTTGTATTGGAAGCTATGGCCGTGAAAATGTACCT

>Sequence 2306

CCGGGCAGGTACGCGGGGGATGTGAACTCTTTTAACTATAACATGGACA
CTTTATTGGAACCAAACTTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTA
ACTTTGCTTCATTGAAAAAATAATTGCTTGTTCTCTGTCAGATGCACTTC
GTCTTAGTAACATGGCCATGGGGAAGACGACCACAGGCCAGATAGTCAAT
CTGCTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTCTTACA
CTTCTGTGGGCAGGACCACTGCAGGCGATCGCAGTGAAGTGCCTACTCT
GGATGGAGATAGGAATATCGTGCCTTGTCTGGGATGGCAGTTCTAATCATT
CTCCTGCCCTTGCAAAGCTGTTTTGGGAAGTTGTTCTTATCACTGAGGAG
TGAAACTGCAACTGTCACGGATGCCATGATCAGGACCATGTATGAAGTTA
TAACTGGTATTAGGATAATTAATAATGGACCT

>Sequence 2307

CCGGGCAGGTACTTGGGATATATTGGTGAACAAAACAGAAATGTCTGTGC
CTTCTTGGATCGTGTGTTTTAGAATTATGAGAATTAAATGAAAATAAATA
TTCAATATGGTGCCAGACACATAGAGGTGCCACAGTGTCTTATCTCACT
TTCTTCCTGCTTGCCATATCTTTCCATCAGGGCCAAAGAGAATGGGAAG
TGGAAGAAATAAACTATATATTTTCAATTTGTATAGCTGTGGAGAGTAACA
GGCCCTGTGTCCCTTTGGGGAGGTCATGCGAACTGGGCATGGCCTTCTGT
CAAGAATTATTAGACCAGGCATGGTGGCTCATGCCTGTAATCCTAGCACT
TTGGAGGCTGATGCAAGAGGATTGCTTGAGGCCAGTAGTTTGAGAACAG
CATTACCCACCATGGCGAAACCCTGTCTCTAATAAAAAATATAAAATTAG
CCAGGCCTGGTGGCACATGCCTGAAATCTCAAGTCTTCCAGAAGGCTGAG
GCATGAGAATTGCTTGAAGTTCGAGGTTGAGGGTTAAATTAATTTGAGA
TTGGGCCAATGCACTTCCACCTTGGCCAACGAGATGAGAACTATGTGCTT
CCGATGGAACTATGTGACGAGAGTTCCTTTGCCGTTATTAATACTAGT
GGAGTCCCTCCGATACGGCATGAATTTTCGATGTGAGATTTAGTCGAGACCT
GTGACGCTATAAGAGGGAGCCCCGAGACACAACATATGTTTCCATTAGAG
AGGAGATAAGAGGACACATGACGTGATATATCGTCATGACACAATATCAG
GTGGAATAGGATGATCGTGATATGATGTCATATGATATACTACGCTGAG
ACGCTGAGACTAAAGCTCGAGGCG

>Sequence 2308

CCGGGCAGGTACCAACAACGCACTTACCCACTGTTTTAATCTAGGTTATT
CTTGAAAGCAGAGCCTGAGACAAAGGTAGACACATTCTATTTATGAGTCT
AACACCCAGGAGCAGGAATGAGAGATAGGGGAGTGAAGTGGGGAAAAGGG

Table 3

430/1077

AAACTAAGTCCGAGCAAAACCAGATACTGCTCTTATCAAGTGGTCCACCC
CTATTAATGGCTACATAATGCAGAACTTTCTCAGGATTCTTCTTAACTT
TATCTCAGAACTGTCTGCCTCAGGGAGAAAGGAGAAGTATTCTCCATCA
GCAGCCACCTCCTGTGTGTTGAGGGCTGCTCCTTTTGGGCATTAACCCAC
TGCTCCACCACCCCAACCCTCTGGGCTGCAAAGAGCTAGCTGACAGTCC
AGCTGGTACCT

>Sequence 2309

CCGGGCAGGTACAGACAGAATTAAGACCTGGAGAAACAGTTCGTAAAGC
CTGATGGTGAGAATAGAGCTCGCTTCCTTCAGGGAAAGATCTGACCGAA
AAAGAAATGATCCAAAAATAGACAAGATGAATGGCTATCAAAGAAGGATC
AAAAATGCAACTGAGAAAATGATGGCTCTTGTTGCTGAGCTGTCCATGAA
ACAAGCCCTAACCATTGAACCTCCAAAAGGAAGTCAGGGAGAAAGAAGACT
TCATCTTCACTTGCAATTCCAGGATAGAAAAAGGTCTGCCACTCAATAAG
GAAATTGAGAAAGAATGGTTGAAAGTCCTTCGAGATGAAGAAATGCACGC
CTTGCCCATCGCTGAAAAGTCTTAGGAGTCTTGGAAGCAGAATATCGCC
AACTGCCCAATGGTGTTTACCCAAGTGCAGAGCAGCGTACGTATGCCTAC
ATCCCAGAAGCAGATGCCACTTCTTACTTTTGCAAAAATCTTATGGGGCC
TTTGGCTCCTTTTAAACCCAGTGAACCTCTGAGCCATTATTAGGCACATT
AAGGAAACCGGTTTATAAGCCAGTTGAAGTCTGAATTTGTGAACCAATCC
GGCCCTTTCAGGGAAAAAATTTAACAAGCTTTCCTGTTCTGCGGCTTTT
AGAAGTATGGAACCCACGGCTGTGAGAATTGGAGTAAGCATATCCACTCC
CGAACTTAGGGGGGGCCCGAAACCCAGTATTATTACATTTGAGGGGGAA
AAGCGCCTATGGGTATGAAGGTATAGG

>Sequence 2310

AGGTACTAAGAACTACTTTGTGATCAATATAAATCTCTTCATCTCACTGT
ATCATTATGTCTATATGGTTTCCATTTGTCTAACAGAAGCTGTTGGGAT
GGAAGCCAAAAACACCTTTGAGACTTGTATTGAACAGTTTTCATATGCA
ATAAAGATAACTTTATGCACATGCAGGGAAATAAGAGAGTTGAAAATGGA
AGGAAAATATTTGCCAAATTGTTTAAGTGTTTAAAGTGATTACTGGTAA
CACAGTAAAGTTTCCAGGGGAAAATTCATCTCTCACCTCCACATAAAA
ACTCACAGTCACTGATCACTGCTTGCCAAAGTTTGAGTTCAGCTCTATTT
CTGGCTTTAAGATTGAAGATTCAACAGAATCAATTTGAGGGCCTGATGTG
GGTGGCTAACGCCTGGGATCCCCAACTTTTGGGAGGCCAAGACGTGCCG
ATCATGATGTCAAGAGATCAAGATCATTCTGGACACATGGTGAACCCCTG
TTTT

>Sequence 2311

CCGGGCAGGTACACTCACACACACACACACACAGAGCTCTTAACAAC
GGTCTGAGTAGCTCTTTGTAAATTTCTTTATTGCCAGGAGTGAACCCATA
AGTGGCTCACAAGAGTGCCCTATTTATTTCAATTAACCTCATGGACAAAC
ACATCTCACAGTTGAGATACGTGACCTTGTGAGATGGCATGTTTCTAAA
AGAATGTCACATACAAGAGTGTAGCAGTCAGCTGTGCAGCTGATATCTTT
GAAGGCCACCAAGAGGACAGGTTGGATGAGGTCATTAACATTGACATAC
CTCTCATCAAGAAGAACTCACTTGAAAGCAGTGGGGTCCGGACAACCAAA
AATGAAGAGGAGAATGAAAAGGAAAAGGAGCTCCAGCTGGAATATCTGCT
GGGTGCCTTTGAAAGCCTGGGCAAAGCCTGGCCGCGAAACGCGGAGACCC
AACGTTGGTATCGTCAGGAGCTGTGCAACTGATGTGTG

>Sequence 2312

AGGTACATATTTTAAATCCAGCAGAATAAATGTGAATGTTTTGATTACC
CATCATTAATTTTTTAAAAAATATCCCTACTTCAGCTGTTGGAAAATA
TTATCTGGCAACTTCAGGTGACAGATTAACCTCTGTTGTTTGTAAAAATA
AAGTTTAAAGGAAATAAGTATCTAATACCATTTTCAACTAGCCATGCAAA
ATTGGCTTCTCTCCCCAAATCCTGTATTTGAAAAAATAACTTTAACATAA
CGTTTGGCATTAACCTTATATTTGCTCATCATAAAAAACCAAAAGAAATTT
TTATATCTCAAATTGGTAACTTTACAAAATATTTAACATATGAGGAAGA
GGTATATCTTACAGAATTATTTGGCTATGTCATAAGGCAGTAATGAAGAT
GGAATTTTCTCTATCATAAATCTGACATAAGTGAAAGTCTATAACATGGT

Table 3

431/1077

CATTCTCCATAAATCTGAAAGCTTGTTGGTG

>Sequence 2313

AGGTACTCCACACCTGATCAAGTGACAGCGTGGCGTCATGTCAGCCAGCA
AAATGTTTGAGTGACTTTTGAGTAATGGTGGCATAGAAGGTAGAGGGGGT
TGAAGGAAATAATAATGGGAATTTTTTCTTTCTTATATATTTTAGCAT
GTATAATGCTTCAACTCTCTGGTGGAATTTGGAACACAGGATAGTAAAA
TATTCCTTTTCTAGAGGGTAGTAAAAGTGGAGTAGAAAAGTAGGAGCTGT
TAGAATTTCCATGATAAATATAATTTGATTACATATGTTGGGGTGGGTTC
CCTCTGAGCTGAGGATTTTACTTTGAGAGTTGTTTCACAATGGTATATTT
CTTCCAGTTTTTCAGAAGCAAATTTAGCCTTAAGAATTTGCCCTGGCCAG
TCCCAATGGCTTATGCTTGAAATCCCAACACTTTGGGAGGCTTAGGTGGG
CGGATCACTAGGTTAGGAAAATCAGACC

>Sequence 2314

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCACAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCGAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAATGGCTC
AAGCAATGAAGGGGCTCACTTAAGAGGAC

>Sequence 2315

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTGTCCCTA
CTTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCACA
TACAACTTTTTTTTTTGAGATGGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTGGAGT
GCAGTGGCGCGATCTCGGATCACTGCAACCTCCACATCCCATGTTGAAGT
AATTCTTTTGCCTTAACCTTCCGAGTAGCTGGGACTAGAGGAACGTGCCA
CCATGACTGGCTAAATTTTCGGATTTATTAGTAGAGACAGAGTTTACCATG
TTTGGCCAGGATTGTTTTGATCTTCTGCCCTTG

>Sequence 2316

AGGTACTATTTTCTACAAGAAGCCTTCAGGGGAAATAATGGATCCTAGTT
ATGTCAAAGAAAACAATGAGACAAAATGGCAACTTCACAGTCTTCAAGTA
AATATAATCCCTGATATAAATGGAAATTAACATGTAATTTTGGGGGCAAT
AGAAACAACAACAAAAACCTGTGACAACTCTGTCCTACTCCTTTAAAAAT
GAGCTTTGACTCTGTAGTCTCTTAAGGCACAAAACCTGATAGACGGCATT
TAACTGGTGGCCTGCACCTCTGATTTGGATTTTAAAAAACAACATTGAC
ATTAAATAAAAAATAAACCATTTTGTAGAGCTGGAGATTCTTGGATAAG
TTGGGAGAAATATTTCAATGAACTAGCATCTTGGATGTATAAATATTTAG
TGCCAAAGTTAAAAAAAAGTACCTGGCCTGGCGGTCTATTTAGAACTAGA
GGATCCCCCTCGGCTGGAAGAATTCTATTATAATGTT

>Sequence 2317

CCGGGCAGGTACAGCCACAGAAGTGTGAGCCAATTCAATCCCTTTTCTT
TTTCAATTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGAT
TAATACACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATG
CCAGGTGTTCTAGGGTGTTATCTTAGCCAATACTTCTTCTCTTCAGCAA
GATCTATTTGCCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCTTACCATACTTGTTA
GTAACAAGTAGCCATAACATCTTGATGGACTTAATTTGAATCACCAGAG
GGTTTTTTAGTTTTCTACTTTTATTTTCCGGGCTTTTTTGAAACCCACAT
AACTTTTTTAATTAATTAAGGTGCCTTGTGGTTTTGAAAAAACTGTTAA
AAAAAAAATGGGAAGGGCTTCTTTTAAAAAATTTCCATTTTTTGGCTT
GGGCATGGTTGTTTAAACACTTTGAAATTTTAACTCTTTGGGAGGTTGTG

Table 3

432/1077

GAGAGAAGAATCATTTGAGCG

>Sequence 2318

AGGTACGCGGGGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTT
AATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGA
AATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTCAGAGGACCA
TTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGC
TCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAG
CCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGT
CGATGCCAAAGGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATTAATGGCGTTGAAACAA
ACCTGGGGGGTTGTCCCTTTTGGGGGGTTACCCCGGGGAAAGGCCCAT
TTGGACCAATGTTTTTAATTTGGAGGAGGGGGACACCTTCTGGGAGACT
GGATATTTTGCCCTTTTGGGGCCCTGCCCCGGCGGCCTTTTAAACACGG
GGGGGCCCCCG

>Sequence 2319

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCGTGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGACCAACCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATGAA
CCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGGTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTTTGGGGTTGTGCTTGAATACCCGAGTTG

>Sequence 2320

AGGTACTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCACACCCGGGCTCTGTGATTTG
TTTGTTTTTTGAGATGGAGTCTCGCACTGTCATCCAGGCTGGAGTGCAAT
GGTGCAATCTCTGCTCACTGCAAACCTCCGCCTCCTGGCTCAAGCTGATTC
TCCTGCCTCAGCACTCCCGAGTATGCTGGGATTACAGGCACATGCCACTG
CGCCAAACTAATTTTTGTATTTTAGTAAACGGGGTTTACCATGTTG
CCTGGGCTGGTCTTGAATTCCTGACCTCAGGTGATACTTGCCCTGCCCTC
CCAAAGTGCTTGGGTTACAGGCGTGAGCCAGAGCGCCAGCCGCCTCTGT
GATTTTTTAAATTGTGTCACTCACACTAAATTTAACAGCACATTTTTTGA
TAACTCATTTTTTTTGGAGTCTTTCCAAAACATTAAACCTAAGTTTCAA
GAAAATCGCAATTCTTTTGATTTAATTAACCTTACCTAATTAATAAC
ACTGGCCATAAACCAGAACTTGGGGAAAACCTTAACTCTTGGTAAGGTTA
AAAACCTCAATTGGAGGGGAGTTGAAGTTTTCCGGAAAAAAAACAGGAAT
TGGGGGAAAACCTATTAAACCTGGAATATTTAGGGGTTTTTTTGGCATA
AGCAGGGATGCTTTACACCAGAAGAGGCCTTTGGATTGGGGAACTTGGGG
GGGTAGGTTAAGAAAACACCTCTAATTTGGGGCCCCCCCCCCCCAAAAAA
ATAATTCTCTGTGGCCCCCCCCACAAAAAAGAAAAA

>Sequence 2321

AGGTACGCGGGGAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCA
GATAAGACCATCTAGTTGCAGAAAAATAAGCTCAGAGCTTCCACTGATTC
TACATTATGGATATGGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTATTTTACA
CATGCCTAGTGATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAGCT
AACCTACCTGAGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCTGTGAGCTAG
AGTTTGAAAATATCTTAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAGCTTGGAC
GATTTTTATTATCATGTAAATCGGGTCACTCAAGGGGCAACCACAGCTG
GGAGCCACTGCTCAGGGGAAGGTTTCATATGGGACTTTCTACTGCCCAAGG
TTCTATACAGGATATAAAGGTGGCTCACAGTATAAATCTGGTAGCCAAGT
AAGAAGAAACAACACTGATCTCTTTCTGCCACCCTCTTGACCCTTTGG
AACTCCTCTGACCCTTTAGGACAAGCCTACCTAAATATCTGGTAAAAAA
AGACCAACAACGGCCTTAAAGGAATTCTTACCATTGAAGGCTTAGACTAA
TCTTGGCTTAAATGGGGTTCCAAATTAGGGTCTGAATATTGGGGGGAAG
GGGCACAATTGCTAATTTTGGGGGGGGGATAAAAGGTAGGGATGCTCACA
GGGCCCCAAACCAGGGGGGGCTTGCTTGCCTTTTTTGGGGGGGAAACC

Table 3

433/1077

CAAAAATTTTGGGCGGCCCTTTTTGTGGAAAAGGCCCCG

>Sequence 2322

CCGGGCAGGTACGCGGGACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATGC
ACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTTG
ATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTCATTGC
ACATTCAGAAATGAGAAGTCTGATCCCGGAACTCCACTACTAGCTCAAAG
AAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATAATGGAAGAAGCT
GGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTT
CAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTT
TGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAAT
GACCGCCGATGGGAGTCTGCTGACCTTCAAGAAGTCATGTTTACGGCTCT
CATAAAGGACAGACCCAAGTTTGTCCGCCTCTTTCTGGAGAATGGCTTGA
ACCTACGGAAAGTTCTCACCCATGATGTCCTTACTGAACTCTTTTCAAC
CACTTCAGCACGCTTGGGTACCTCGGGCCGTT

>Sequence 2323

CCGGCAGGCACAGTGGTGCGATCTCAGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCTG
GGTTCACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCGAGTAGCTGGGACTACAGG
CATCTGCCACCACGCTGGCTAATTTTTTTTGTTTTAGAGAGACGGGATT
TCACTGTATTAGCCAGGATGGTCTCAATCTCCTGACCTCATGATCCACCT
GCCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCATGAGCCACTGCGCCCA
GCCGAGTCATTTTTTAATACTACTGCATGTGAGTTAACACAATCATTCCC
AAATTGAAGTTTTAGATGGGCCCTCAAAATTTTTAGGATATGGTTTTCTT
ACAGGTTTATATTGAAAGTATGGGGTATCTCCTATTACTCCTCTTTTTAT
TTGTCTTAAAGGAGAAAGGGAGAGGCCAGAGACCAAATGTCCCCATTTCC
CTATAGCTAATCTCTCTGGAAGACAAGCAGCCCAGACTTGAGCTTCTAGA
TGGATAACAACAGGTGCATGTCCAAGGCACAGAGGAGGGTATTTATAACC
CATAGTAACATTAAATGCAGTGCCTTCTCCTGGCTTGAGCGGGCACGGTT
AATCTGGAGTTGCAGGCATCCACACCCTATATGTAGTATAGATTTCTGGC
GGAGCCTTCTTCCAGGTGGGAAGGCCAAATAAGTGGGAGGAAAAAGGCAC
CATTAAAGCCCCCCCCAATTTTTGGGGGAAAAATTTTAGAATTTTTTTTT
TTTGGGGGG

>Sequence 2324

AGGTACGCGGGGAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCC
CTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCT
GTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAAGGAAAATT
GAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAG
GCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCT
GTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGA
ATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAG
AGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCC
CCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGC
GTTGAAACAAACTTGGCATGTTTCTGTTTGGGTGTGGAGCCTGTGGAA
AAGCCATTGGAACAATGTTTTTCACTTGGAGGATGGTGAACCCTACTTG
GAGACTGATTATTATGCCCTCTTTGGAACCTGGCCCCGCCGCGGTT

>Sequence 2325

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAATACAGCCTTTACCCCTCACAGAAAGACACAGGACAACAATTAATA
AATTAATTCACTGGCATGGATGATTTTCTCAGACTAATTGGTTCCAGTT
GATAGGAGACAATTAAGGCTTGAAGGCACTGGATGCCTGATGATGAAGT

Table 3

434/1077

GGACTTTTAAACTGGGGCACTACTTGAACGATTGGATTGGCCGAGACACC
AGGAAATCAGATGGAGCAAGCTTATAACAAAATGGGTCAACCAGGACTTG
GAAATTGCTTGGAACCTTGAACCTTAAATTTAACCCCAATTGGTTAACTTA
GATTGGGAGTGGAAAATTGGTGTGGGGGAATATGAAAATAATTGGGGG
GGAAAATTTT

>Sequence 2326

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTAAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCCTATGTGCCTTTTCTCCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCCTGGAAC
ACAGATGACCGTTGCACCGCTC

>Sequence 2327

AGGTACGCGGGGAGAAGAAATAGCAAGTGCCGAGAAGCTGGCATCAGAAA
AACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAGCCGAGGGAGACCAGGAAGATCT
GCATGGTGGGAAGGACCTGATGATACAGAGGTCTGTAGGCCATGGGAATG
GGTTTGGAATTTTATTCAAAGAGCTATGGGAAGTGAAGGTTTAA
GTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTTATATTTGTGTTTTATACAAATT
ACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGGACAGCAGAAGGGTAGGAGCAGGGACAC
CAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTGAGAGGTGGTGGCTGGGCCTAGG
CCTTTTGGAGTGAACAAGCTATTTGCTTGGCTTCCATGATCCTTCTCCC
TCCACTGGAATGGAG

>Sequence 2328

AGGTACCAGTTGTAATAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGACACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTAGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATGAA
CCTCTGAAGGAGGCGGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGAT
N

>Sequence 2329

AGGTACCGCACACAATTGTATGCGCTGCACTTTTCATCTGACTGGAAGCAC
AGTGGGCTTACACCAGCATCAACACAAACAGTGAGCAGCGCCTTGCACT
ACAACAGACACGATATCCCTAGGGGACAGCACTGTTTTAGCCCCATTAT
AATCTCATGGGACTACTGTTACAGATGAGGTCCACCATTGACCAAAACAT
GTGGAGCACGGCAATTAATTCTGGATTTGGATGGGGACGCAAAATAAGCA
CAGCTCTGGCAGGTCTAATCAAGATTAAGAGAGAAAAGCAACTAAAACAT
CTGAGAAAACAGATACAGAGGGCATAACACCACACAGAAAATACTACATA
CAACTGAGCTATAATTTTAAATTGACTTGCTGGAAATTACTAAATTACTA
AAATTG

>Sequence 2330

CCGGGCAGGTACATTATTTCTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGT
CTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCAGAACACAT
GCCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTAGA
GGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAG
GCCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAGG
GCACTACCAGCAGCTCAGCAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAGG
GCTAA

>Sequence 2331

Table 3

435/1077

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATAGGGT
TTCACCATGTTGGCCAGGCTGGTCTTGAACCTCGGGCTCAAGTGATCCA
CCTGCCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGTGTGAGCCACCACAC
CCAGCCCCAAGTTCAACTTTTTTTTTCATTCTGTTTGCTGCTTGTGTTTCT
TCTGCTGTGAACACTCTCTGTTTCATGTCCTTTGTCCATTGTTCTATGGGG
GTGTTAACACTGTTTTCTTATTGATCTACAACCACAGATATTAAGGCATT
TGTTTGTCATACTTTTGTCAAATGCTTTTCTCATTTGCTATTTGCCTTTT
AACTGTACAGAAAAGGTGAATCTGTGTTCTGTATATTCTGCCTAAGGCAA
AGAT

>Sequence 2332

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTTCTTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
TGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACTAT
GGGTACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAATTC
TGTTAAAATGGGGGAGTTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGAACATATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCGAGAACTGG

>Sequence 2333

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCAGTGTTACACCTTTATGTAGTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAAGTGTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTAGTCTTGC

>Sequence 2334

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCCCTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTAGCTTTT
TATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATGATTTTCTTGCTTTGA
ATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCATAGGCT
GAGAACTGTTTAGCCAAGTTCGGATAAAATTGTATCCAAAGTAAGAGTA
TACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTACAGGACCATTGTTCT
CTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCTTCCAGCTTCTGGGTG
GCTGCTGGCATT

>Sequence 2335

CCGGGCAGGTACATTATTCCTCCACATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAATATTTTATTGAGTCCTGCTAAATACATGCTAGTCATTAGGGT
TTAAAAAGAATTAAAAATAAAGCCTGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACA
TGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAGAGGGGTAG
AGGGCAGGAAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGA
GGCCTGAAAGAGTGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAG
GGCATTGCCCCGACGTTAATAATGCCAGATACAGGGCACACAGGGGAAAG
GGCTAAAGATGG

>Sequence 2336

CCGTGTTGGCAGGAGGCTGATACAGCCACAGGCTCTCCCCATCCCTCCA
GCCTTATCTAGGATCACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAAACT
AACTTGATATCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCTTTATGCCAG
AGAAGCTTTTGCTTGACTCTGAAATCTAGAATGACGTAAAGATTGAATA
AGTTGACTATCTAACTTCATGCAAGAAGGGACACATATGAGATTCATCA
TCACATGAGACAGCAAATACTAAAAGTGTAATTCGATTATAAGAGTCTAG
ATAAATATATGAAATGCAAGAGCCACACAGGGAATGTT

>Sequence 2337

Table 3

436/1077

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAATTGCCTTTCTCCT
TTACCTTCCCTGGAGTTCACCTTTGTAATTGTTAGAGAAAATCCCTCTG
GGCCTTCAGGATAGTCATCATCAAGGATTCAACATGCAGACTTTTCCTC
ATCTCCCCTGCTTCAAAGAGGAGCTCCCCTGCTGCAGGAACAAAATCCAA
GCCTGCTTCCGCTGTCCCCTCATCGTCTTGTGGACGCGGGGACACTTCA
GGTGCCCACTGTCCACACTGACTAGTGGTGACGCGCTTGGACAGTGCAGA
TACAGAACATTTCTGTCATCACAGAAAGTTCCTTTGGACAGAGCCATG

>Sequence 2338

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTGATGGC
TCAATGAACCTCCACCCTCCCAGTGTTCACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTG

>Sequence 2339

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAA ^TAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTCATGGC
TCAATGAACCTCCACCCTCCCAGTGTTCACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATA

>Sequence 2340

CCGGGCAGGTACAACCAATCTGGAGCTTACTTAGGATTTTCTAGTGCAGT
AGTTCTAAAATATGGTCCCTGGATCAGTAGTGTTAGCATCCCCTGGGATT
TTGTGTTTTAACAAAGTTCTCTATATGATTCTGATGCACACTAAAGCTTCA
GAATCACTGCTGTAGTATAAACTGTGATGGTTCTCAGCCTTCCCCACTGC
TGGCTTAGGTGTTTGCTTTCTTGGGTCTACTAAGTCAGTTAGTTCTTTAT
CTGTTTCTTTCCAGTTTCCAAAATTTTGTGCTATCTTTTCTCTCCA
GTTTT

>Sequence 2341

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGCCAAGTCCAAAATCAAGCTG

>Sequence 2342

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTACATATTTTGCTTTT
TATAGGCTTTCTTGGTCTTCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGCTTTG
AATCTGTAAGAATCTAGTTGAATCTCTTTTCATTATACATTTCATGCATTA
GGCTTCAAACCATTTTTTAAAAAACTTGACAACCTATTTATGTGATTCC
AAATGTTATAGATTTACAATTCCTATGTTACTTATTTTCAAAGAATTAA
GCATTTACTTCTTTTTTTTAAAAATACCAATTAATTCCTGTTTATTGATTA
AAAATTTACAGG

>Sequence 2343

CCGGGCAGGTACAAGGAATTTGAGCCCAAGGGGTCTGCCTCCTGAGGCT
GGCTCTCAGCCAGGAGACCTGTGCTTCTCAAACGGGAGCGATTGCACCCC
CCGGGGACATGTGATTGTGTCAGGAAACATCTTCCATTTGTACAGCTTG
GTCGGGTATGGGGGAATGCTACTGTCATCTCGCGGGCAGAAGCTGGGGAT
GCTGCTAATCACCATAACAACGCACAGGGCAAAGAATTATGCAGCCCAGTT

Table 3

437/1077

CCGAGCCTGAGAAGCCGCATATCACCCAACATGGCCTCTCTGTAATGCCT
TTTAAATAACCAGCTCTTAAGCCCTCAGTGAGCAGAACTGTATGAAGTTG
CCACGGCACGACTGAAGAGTGAT

>Sequence 2344

CGAGGTACGCGGGGGTCTTGTTAAGTGGAACCTGCTGCTTTAGAGTTTG
TTTGGAAGGTCCGGGTGACTCATCCCAACATTTACATCCTTAATTGTTAA
AGCGCTGCCTCCGAGCGCACGCATCCTGAGAACCCGAGCCTTTGGTTAAG
ACCGAGCTTCTATTAAGCTTGAAAAGAATAAACTCCTCCAGATGTTCT
TCCAGTTAATGTTTGAACGTTTTTCATCCCAAGTGCCACCAAGGGAAAAC
AACCAATGCGCTTCCCCTCCGCGGACAGACTTTTCAAATGAACCTTGAA
GGCCATTTTACTTGAAAGGGAAGCTTGTTTAAAGTTTTTCAATTAAC
CATCCTGGCTATTCGGAGGTAAAAAACTGGAAGGAGGTGGGCTTTTTCTT
ACCTTTGGTACGAAAAAACCCAGTTTTGAGGAAAAGGAAAAATAATTAA
TCCGCAATTATTT

>Sequence 2345

CCGGGCAGGTACTTTTAGCGTGTGCTCATGGTTCTTTAAGGGCCACGATG
CCGGCTCTTTAACTTTTTACAACTTTTACCACCCTCCCTTTATTAATA
AAGTCTTCAATTTTTCTTCTGATTATAAAAAATATACTACCGTTTGGG
GAGAATTAACCTGTTACTGAAATATTTAAAGAAAAATGTTTCTTAATGAG
TCATATTTTAGCATATTTCTTTTCAGTCCTTTTTTTCAGGGACTACTCTT
AAGGGAAGCCATTGAGAAATGGAAGAGGCCATATTTTGTTAAGAAATAA
AATGTGNNCCGGAACACAAGTGACTTCACGCCCTTGTAATTCCCAAGCAC
TTTTTGGAAGGCTTGAGGGTGGGCCCGGAA

>Sequence 2346

CCGGGCAGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGG
CAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGG
TCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGTTTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCC
AATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTG
CTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGT
ATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTT
TACTATTGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATCTTGATTTTTTAGCTA
AATTACAAGATGCTGTTGAAAAAATCTG

>Sequence 2347

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCCTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GGTGCAGAAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTACAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCCAGCTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAATCCAGAATGTCAGTCGGTCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTAC

>Sequence 2348

AGGTACCAATGTGATTGAAGCAAGGGAAATTGCTATGGGATATCTGACCA
ACTGGATATTCTGCTGGAAGAGCAGAATGCACTTCAAAGACTAGCCAATA
AACTCTCATGTAAGATATGTTTTCTTTTGTCTATTTAATACTAATGA
ATAGAACCTCAGTGATTTAAGGAAAGGCAGGCCCATGATATGGAAAGAGA
AGGGGATGATGATGATATTCTGGAATGGTCGTGCAAGGCTTCAGGAGGAA
GTGAGAGTGGTGATTGAATCATATAACTCCTGAATAAATATCTGGAATAA
ACATCTCCAGAATAAAACATCTGGAGGATTCTCAGTATACTTAGAATAAA
ATTGAGCCTCCTCATGAAAGCCTACTAGCACCTTCAT

>Sequence 2349

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG

Table 3

438/1077

CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATC

>Sequence 2350

AGGTACATTATTCCTCCACGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGACTGCAGGGG
AGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTACTCAGAAA
TATTTTATTGAGTCCTGCTAAATACATGCTAGGCATTAGGGTTTAAAAAG
AATTAATAAAGCATGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACATGCCCAAG
CAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAAAGGTGTAGAGGGCAGG
AAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGAGGCCTGAA
AGAGTGAAAATATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTAGGGCATTGC
CAGCAGCTCAGTAATGCCAGAGAAAGGGCACGCAGG

>Sequence 2351

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCCGGCTC
CCCACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACATATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTAA
AATGGGGGAGTTCCGGTACCCATGGAAAATATGGTCACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCGAGAA

>Sequence 2352

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTATTTGTTTGTTTTTTAAGAAAGACTCAA
AAGGAAAAAAAAAAAAAAAAAGAACTATAGTTATTTTCTCATGATATAAAAAG
ATTCTGTAGTTGTATATACATTTGAACCTTTTGTAAAGACATCTCCTACCC
CCCTAAAATTGGAAGTCATTTATTAAGACTTTGTGTTCTGTAAGAGGATT
GGAAATGAATAATTAAGAACATTAAGAGGAAAGCAGGGGGTGGTGGGAA
AGTGTGGTCTTGAGGGGGTAATAAACCTTCTACAGGCCACACACACACAA
GAAAAAAAAAAGGGCAATAAGTGTACCCAGTAACAATAAGGTGGGGGAT
AAGGATAGGGTAAGGTTTATTCTACAAGTTCAAAGCCCAGA

>Sequence 2353

AGGTACATGGTTTGCCAACCCTGTATTATGTTTATAGCATTTGTTTTACA
AAATATACCTGATTCTGAAAAAATGAAAAATGGTACTATAGGCTAGATA
GTAGGTAGTTAAGTCCTATAACTACTAGTAGGTAGTTATAGGACTTAATT
AACAGATAGATATGATGTGACAATTCAGTTTAAGTGCAACTTTCAGTTTC
TATCTTAACTATAACTTGAGAGATTAATTTAGAATTACAAATGTGTGTAT
ATATATATATGAGCATATGTATACATAACATATTTACACACAAGGCACAC
ATACTATGAGCACCTGCAGTTTGTAGGCATTTTACATGCGAATGTTAT
TGGAACAGATAGGCATCACGGGAAGAAATTTTGCC

>Sequence 2354

CCGGGCAGGTACTTAGTTTTAATTGAGGAAAGCTCCTTAAACACAGGATC
TCAGTGAATTTGTCTTCATCCGTGCCCCATCTGTTCTACCAGCTTTATA
GAGAATCTATTACAAGAGAATGATATTAGAGACACAATTATTTTCTTTT
TGAGAGGTGACATGAGAAGAATCGGAGTTGTATTTTCAGAGGTCAAGTGCCA
TCATCTATTATCTAAATCTCTCACTTTCAGAAGACTAGAAATCAAAAATT
GGGCTGTCAGGAGCCAAGGAGAATGATAACTACCACTGGGGCAGGCAAAA
AGTTAGGGTTTCCGATCCCCAAGCTTCAGGCTTCTCTTTCAAACAGGAAA
AAAAAAAAGGGAAAAGTCCCTGT

>Sequence 2355

AGGTCCCACCAACCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTGTGTGGCT
GCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTTGAACAGCATCAGCGTG
GCCCCGGCTTCCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCAACAATG
TTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGGAAGGTAA
TAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCAACAGCAT
CGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTAGAAGAAAGAAT
TGCAGGACTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTTAGAAGATAAATCTG

Table 3

439/1077

GAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGAAGGTTACCT

>Sequence 2356

AGGTACGCGGGGAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAA
GTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAA
TTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAG
CAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCT
AACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTC
AGAGGACCATTCCTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATT
CAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGG
AGAAAGGAGCCCTGTATTGTGG

>Sequence 2357

AGGTACACAATTACCTTAACCTCAAATAAAGTGTTCTTTTCTCCATACTC
TTCTATTCCCTTAACAATCCCTGTTCTCAAAGGCCTTTGTGTTTTATTTT
CTGCTTTATAACAAAACAAAAAACAAACACCCACCGTCCATGACACAG
GTGTTTTTGAATCCATGTCAATTTTTGTAGTTAGTATATGCTGGTTAAAC
CACATAGCATATCCCCCAAAAAGCCAGAGGCAAGCAAAAACCTTAATTTGA
TGCCCTTCAAGTTTCGGAAGGTCCCATTCTTTTTATTAACCAAAAAGATA
AGATGAAAGCTCAGCATGGCTATTGGCTGTGATTAGATAAATTTTTGATA
TTTTCATTTTCCCTTACCGAGCTGCTGCTTCTAAGCTGAACCTCAT

>Sequence 2358

TTTTACGGACCGCTATTCTACGACTATATGGACCTCTCAGCAGGCTCCAC
CGCGGTAGGCGGCCGAGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTCTCT
GACGCGAACGTCTCTTCCCTCGTGGTTTTTATTGTCAGTATTCACACGAAG
TTTAAGTCTCCTAGTGGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAAA
ACACAAGCATACCCCTCTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCCCAGG
TATTGGTTTGGGAGTTTTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAG
AATTTTTTGCTGTATAATNAGTTTTTTATTCTACATTTTCAAGATATTG
TTTCTAGGAACCATTTAAAAAAGCTTTATATCTCTGCTAAATATTATT
CTTTTTCTTTGTTTTTATCTTTTTGTTTAATATTTTATTTTTTCAATA
TGTTATTTATTTCTATAATTTTATTATTATT

>Sequence 2359

AGGTACTTGTAGTGAAAAAATATACATTTTTACTTTCAAGGTTAAAATAG
ACCATCAGCTCATTATCTCTCTTAGCCAATAGCTATGAAGACTAAAATGG
CTCTTCTTGCTTCTGGCTCACTTGAACATCTTATTTGTACTGAAGACAAA
AAGGATAGCAGTGCTAAAGAAAAGGGTATACCCGGTCCCAAGATAGGTG
CGGTTGAGGTTCTCGCACAAGGTGACTTAAACAAAAATAACACAACCTCA
GTTGATCCAATCTACACACAATGGGTGTTGCATAATCAACTTGTTCACG
CCTCAGAGAAGAAGCTCCCTGGAAAGGAGCTTTTAAGGATTCTGGCCCTT
TGTTTGTTTCAACAAGAGGGCCTTCAAGGGATGGGAAACTTGCTC

>Sequence 2360

CCGGGCAGGTACGCCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAA

>Sequence 2361

CCGGGCAGGTACGCCGGGAAGACACCTGTGATTTGATGTGAGCCAGTCAC
AGAGGAAGCCATTTCCAGAGAGGAACAACCGTGTAGACTGCTTTCCTGGG
AGTCAAGTTAAAACCTTCTCTCTGTGACCTTGTACCCGGCAGTGGAAG
TTACCCTTGGCTGCAGCCACGACTTCCGCATACTCTTCAGAACTTGCTCT
GCCCTTGAGTTTTCCAGCTTTCCTTTAATGCACTAAACCTTTAATATTGT
ATTCTCCTAAATGAGACGTCTCGCATTTGAGCAGGGAGAGTCCCGTATTC
TCAGAGTAAAAGTTGTTTCTGGAATTGATCTCGCCAAAAAGGACATTTTT

Table 3

440/1077

GGAGCCAGTGATCCCTATGTGAACTTTTCATTGTA

>Sequence 2362

CGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACAC
TGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTGC
AGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTG
CTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGC
TTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCAT
AGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTAA
GAGTATACAAGGCTATGGGCAAAGTCCAAAATCAAAGCTGTTACAGGGA
CCAATGTTCTCTCTTAAAGGGTTC

>Sequence 2363

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCT
CCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACAC
CCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTA
ATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAA
ATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGGAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTG

>Sequence 2364

CCGGGCAGGTACCGCCTGCAGAGCCATAATCCAAATATATCTTTTTTCTT
TGTAATTTACTGTCTCAGGTATTCCTTTATATAATGCACAAATAGCCTAA
CATAACACGCATCTCAATAATTGCCCATTTGTCACATTTCAAAAATACCT
TGTGAAGGTTGTTATAGAGATATTGGCTATCTGGGTGTTTTGTTTTGAG
AGGACAGTAACATTTGATTATTAATAAAAAAAAAATCCTAGCACAAATGTGGC
TTGGCATTGTTTATTGTTTTCTATACAAGTCATAAACCATTATTATATGT
GTCATGTTCTTTATATAGAAAATATATAAAAAAAGGATTTTGTTTTA
CTCTTTAAAAAGTTTTCATGGCTGGGCGTGATTGGCTCACTTCT

>Sequence 2365

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTG
TAAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGATTGGTCAGTCGGCCA
TAAAGCCATTAAAGGGAAAAGTTCC

>Sequence 2366

CCGGGCAGGTACTTTGCAAATGATTATCGAGTAGTTAACCAATTTGCCAG
ACATTATCAGACTGGACAGCCACTGCCAAAAAATATGGTGTCTCGTCTTT
GTGAATCTAAAAAGGTTTGTGCTGCAACTGATATGCAACTATTAGGGTTT
TTTATGCCCACTTTTGGGATCAAAATCTTACCATTGTGGAAGGCATCCCC
TCTGAAGGGAATTTCAATCCACCAGTACAATTCTTCAAAGGATAACCATC
AAGGAGAAAATTTTCTTATGGGCCCTTACCAATTATGTTTCCCAAAATTA
CCTTGCTTGAGCAAGCTTGACGATTTCCAGACCCAACCTTTCGTAGGGG
GTTATTGGTTGCCTTAAGATAATCTAATTTCTTTAACCCTTCAATGTTCC
AAGTAGGCCGGGTCCGCCCATCCCAATTGGGTTTTTGGGAAAGAAAAGTG
GTTTTTTTCTTACCATGGAATTCCCTTTATCAACCAAGGGGCTTGGCCCT
GGGG

>Sequence 2367

AGGTACGCGGGGGAAATAAGGAATGAACGTTATGTAAAGACCATAATGCT
AGTCAGAGAATGTTCCAATGGAAAACTGATGTTTCCTTCTGCCACCAGGA
CAAACTTTTGTGATCTAAAGGCAAAACAATAACAAAAACAGCAACAGCA
ACAAAAACCAGCCTAACAGTCCCAAGTGGTCTTCACTGTCATGATTATTA
AGCATTTTCTCAAAGTCTGAACTACAGTTTGTGAGGTTTCATTGAAAA
TGATACTAAAACAAATTTGCTTAAAGTAAAATGGAGTTATTGGCATCAC

Table 3

441/1077

AAAGATCATAGTCACCTTTCTTAAGAATTGCATAACCTTTAATGACTGTA
AAGGATTTTTAAAGAACGAATCCTTGC

>Sequence 2368

AGGTACGCGGGGAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACCTTTCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGAC
ATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTC
AAACTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCA
CTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAA
TACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTG
AGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGCCAAAGG
AAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACA

>Sequence 2369

GTAGCCCCGATACACTACTATGGGCGGATTGAGCTACCTCGCCGTGGCGGG
CGGCCGCCCCGGGCAGGTACCGAGGTCAATTTGCTTCCTATAGACTGCGAC
CTTTTGGCAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTACAAATCCATAC
CTGGTGGTCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATG
GCAATTCCATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGAT
ACTACTGCTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAA
GGTGTGTATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCAGGCCAAGCAAAGG
TTGCTGGTACTATGGTTAAACAGGGTAACATTGAATTATTTTTTTGAAAA
TCCAGCTTAGGGTTTCCAGATGTTTGTGAAAAAACTGGCTTTAAATGAA
CACACTCAA

>Sequence 2370

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATAATTTT
GGCTTTTAATAAGCTTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCT
TGCTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTC
CATAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAG
TAATAGTATTCAAATATGGTTCAAGTCCAAAAATCAATCTTGATCACAA
GAACCCTGTTTCTCTCTAAAAGGCTCTAAGAAAAATAATCCCTCAATT

>Sequence 2371

AGGTACGCGGGGGAAATGACACATGAAAAAAGGTTACATCAGCCCATAA
AGCACATAGCCACCGTAAGTAATTGCATAATGGAACAGATATAAAAGGAC
TGTATGAGGCAAAAGAAGTCTTCTGGGAATTCTCACACCCCTGAAGACAC
AGTGAGTTACCACCACCAGGAATTGGCCTTTCAGCTCTGTGCCTGTC
TCCAGTCAGGCTGGAATAAGTCTCCTCATATTTGCAAGCTCGGCCCTCCC
CTGGAATCTAAAGCCTCCTCAGCCTTCTGAGTCAGCCTGAAAGGAACAGG
CCGAAGTGTGTATGGGCTCTACTGCCAGTGTGACCTTACCCTTTCCAGT
CACCCCTTCTTATTTCAGGCTATGAATTTCTCTGC

>Sequence 2372

CCGGGCAGGTACTTTCTTCTCCTCATACTGACTATAGTCATCCACCTCCATT
CGAGACTCCAAGAGAGAAAGAGGATCACTGCAGCACACCCCATTTTCATG
AAGCCCTCTGTATAAGACCCCTATTTTCTCATCTCGTTTTAGCTGGA
TTTTTAATTTTGTAGAACTACTGCCTGATCCTGAGTTAAATCCATTATTA
AGCTTTGCTACATAGAGATTGTTATCGTTGTCATGGTCTTTGCTTAACTT
GATGCTTATTTGGAAGAGTTTATTTCCATCATTTCTCTTGGTCATTTTGT
TTTGTCTGGATGCTATTATGATCTCTCTCTGAAGTAGTCAATATTGGGAT
TTCTCCTAATTTATTTTCTAGGAATTTACCTGTTCTATTATTCT

>Sequence 2373

CCGGGCAGGTACCGAGGTCAATTTTGGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGG
CAAAAGCTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGG
TCAGAGGAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCC
AATTACTCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTG
CTCATTTAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGT
ATGAGAGCTTGGGATAAATTACGCACCCCAAGCTTCTGTTTCTTT

Table 3

442/1077

TACTATTGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTA
AATTACAAGATGCTGTTGAAAAATCTGA

>Sequence 2374

AGGTACTTCCAAACCCCTCCTGTTCTTTCCTTTTTGTTTTCCCAATTTTA
ACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACT
CCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTG
AATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGAT
CTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTCT
AGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCAGGGAGTAAAAAGACCATTGTTGGTGG
AACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAACCTTGTTG
ATTTGATGTATATGTCTGGCCTTCTTGTATGTGTT

>Sequence 2375

AGGTACGCGTCACAGTAGATAGTGTCTATAGCCACTGGAATGTCCTAAA
CCGAATGAATCTGACTCTGGTGACCTTTCAAACAGAAGTCACATGAGCTC
CTTCATTTGGTTGTAGTTCTTCTTAGAAGGTGTGATAACCACGATCTCAG
GGGAAAGAATTAGAAATGGGGTTGTTGGAACCATTCTTACAAACCAATT
ACAGTAATTTCCACAAGCCCAATTAGCCATGTCTGTTTGCTTACCCTTGG
GGATGTTCAATTTTGATGTTTATTCCATATTAAATATATCCATTGGTACA
CAAAAGCCCAACCTTTTTTCATTTTTTTTTAAATTTATTTTTTGCTTT
ATTTACCGGGAAAAAACAACAACCCACATTATATTCAAACCTATGCC
AAAGGAAGGAACCTGCTTTCAGGGGTCGGTGTTAAAAATGGAAAGGGCT
TTTCCAGGGCTAGG

>Sequence 2376

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGGTGAAGATA
CAGCGCCGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAATCGGTTTGGGTCTTATTTTTCTACCGGCTGATATT
GTGGAATACTGTTTCTGGATTAGGCATTGTACTGGAATAGAGAATTGTT
CCCTTT

>Sequence 2377

AGGTACGCGGGGCTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCTTAAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCTAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCA
AAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTAT
TGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGC

>Sequence 2378

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTGTCCCT
ACTTCTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTATTATGGTAAGCTGTCAC
ATACAACTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGATGGGGTCATAGCTCTGGTCAC
CATGTTTTTGAATGGATTGGGCTTCGATATTTATGTTTTAACTGTAATCT
CTAACAATTCTCTAATGGTTTAAATTTATTTTATTTTGTATTATTATAA
ATTTTTCTGAGTTTGATCTTTGCAATTATGTTTTGAACCTG

>Sequence 2379

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTCCATCCAGAGGTTC
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTAAAAAATA

Table 3

443/1077

CCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGT
AGACTTGAGAACTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTGAG
GAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACC
TTTCCCTCAGCTCTTCTAAAAACAGCCAGCATTCT

>Sequence 2380

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTAT
CTAGCCAGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCC
CTCACAGACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGA
GCAACTGCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACA
AACTCTTGAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAAACA
GAAGGTTTACAAGTAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTCTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATGAAT

>Sequence 2381

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTGAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCAT

>Sequence 2382

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCGTGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTA
GAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTTCTGTGAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAAG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTG
GTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTT

>Sequence 2383

AGGTACTTTCTTTCACAAATGGTGGAACTCCTGAGAAGACATGGCTTCTT
CCATGGATATCAATGACTGCCATCAGGCCAGCCAGGCAGACTCAGTCATC
AATTGGGCCCACCATTAAAATCAGCTTTCCTGGTTGAGGAGAACGCTAAT
TCTTTCTTTGGAAAGGACACAAGCAAGCAGTGGGTGAATACAGGTGTGAA
GGACTTAAAAGCTTTTACCAAAAGCAGCTTACCTTTTTTATTGAATTGG
TTCCCTCCTATTCAATTTAATTTTATTTTTTTGAGGACCAAGAGTTCTTT
AACCTTCTGGTCACCTTCAACTTGCCAACCCTTCTGGCTTTCCCTGGGGT
TTTCAATAACGGAATTTCTTCCCTGCCCTTCCATGGAGATAGGCTTGGG
GGATTTACCAAGGATTGTTGGCCCCCGGCCGGAATTTTTCTGGAATTT
TTTTTAGCTAAGGAGAAATAGGG

>Sequence 2384

CCGGGCAGGTACATACATTCTATGACAGACTCTAAAAGTTCTCTGCTAGA
CATGCATGATTTATAACACTTAACTGATCTATGATCGCGAATATCTGAAA
TGCTGACTGCTACTCTGAGAGACTGAATGACAGAAAGATGTGTGTGAA
CCCAAGGCTGCGCATAATAGCTAACTCTATAAAATAGATGGATAATTCTA
AGGGTCTCCTGCAAAAGATGGCCTTCTGAAGGCTAACTGCTGAATGAAAG
TTTCTATTCCAATAAGCCTTAGAATAGATGGACATGCAAACTTTCAA
GGCAGAGCCTCCCGAGAAGCCATCTGCCTTCGAGCCTGCCATTGAAATGC
AAAAGTCTGTTCCAAATAAAGCCTTGAATGAAGAATGAA

>Sequence 2385

AGGTACCATGCTGACTTCTTGGTATCTTTTAAGGCCTAATTTCCCTTCC
TTGAGATTACTGTAGTGTGTTCCAGCTAATTTCTATTTGGAAACGAGTTG
GAACAGCTGAAAACAGGTATTATTGAAGGCAAAGCAGCCTCACGTCATT
TTTTTATCAGCTCATTTGGGAAGNNNTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT

Table 3

444/1077

GGGGTAATTAGAAAAGTAGGCTGGGCACGGGGGCTCATGCCTATAATCCCA
GCACTTGGGGAGGCCGAGGATCTCCTCTCTGGTGGATCACTTGAGGGCAG
GAGTTAAGAGACCATCCCGCCAACATGATGAAACCCTGTCTCTACTAAA
AATACAAAAAGTTGCTGGGCGTGGTGGCATACTCTTACAATCC

>Sequence 2386

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAAAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTACAGGATTATAGGTAGC
CCTGTATTGTCTAACTTGTGCTATACAAAAATTTTAATGCCCTTGTAC
CTTTTACCTTTCCCGTAGGAATTACTCCCTTGATTATCCTTTGCAAAG
C

>Sequence 2387

CCGGGCAGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGT
CTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAACCCCTCTAACTAATCCCAC
TTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTC
TATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTCCTCAGCAC
TGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACTT
TCTGTCTCACCAGTTTCCCTTAAACTGATTACCTGCTACACAAAATTA
TTCTTATTGGGCTTATGTGCTTTTCTCCTCCACTTATTCGACCTCTCACCT
GGATGGATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCC

>Sequence 2388

AGGTACCGGCCCTCCAAGTAGTGTGTTGCGAATACACGTCCTGTTGTGAAA
GAGGTGAGGAGAAAGGAGTAGGAAGGCTCATAGGACATAACAGGCAAAAA
GAAACAAGAGAGGTAAATAAAAAGAATTAATCTAATGGCTTCACCCGGT
TAGGCGCAGTTTTAAGGGGCCTGACCCAGGCTTTGGGACCCATGTTTCTA
GTTGGGCTCTGTTGGCCTTTTTGTTGTGGGAGTGATGAATCCAAGCAGGA
ATTCCATTCCCCTCCAGAACCCTTGGCGTTCTGTGAGGATGTATGGTGTG
AGGTTTCTTTACAAGCAGTGCCGTAAGTCCTTTCTTTTTTTGGAACTTT
TTTAACAATACACTTAAGTTCTACTATGACTTGAAACAATAT

>Sequence 2389

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAAGATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGAGAA

>Sequence 2390

GGCATTCTCCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTC
GCAGATGTGTGGCCTCAGATGGTAAAGTCAGCAGCCTTTCTTATTTCTCA
CCTGGAAATACATACGACCATTTGAGGAGACAAATGGCAAGGTGTCAGCA
TACCCTGAACTTGAGTTGAGAGCTACACACAATATTATTGGTTTCCGAGC
ATCACAACACCCCTCTGTGTTTCTTCACTGGGCACAGAAATTTAATACTT
ATTTCACTGGGCTGTTGGCAGGAACAAATGAAGCAATCTACATAAA

>Sequence 2391

AGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCGACCTTTTGGCAAAAG
CTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGGTCAGAG
GAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCCAATTAC
TCAGGCTCAGCTCACAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTGCTCATT
TAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGTATGAGA

Table 3

445/1077

GCTTGGGATAAATTACGCACCCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTTTACTAT
TGTTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTAAATTAC
AAGATGCTGTTGAAAAATCTGTCTCTGATGAGCACACTCAAGGTATTCTT
CC

>Sequence 2392

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTAATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCAA
TGCCAAAGGTAAGATCCTTTTAGAAAGTCATTAAATC

>Sequence 2393

GCCGCCCCGGGCAGGTACTTCCTAGAAGCACTGGAAGAGGACTGGTGATGG
TGGAGGGTGAGAGGGTGCCGTTTCCTGCTCCAGCTCCAGACCTTGTCTGC
AGAAAACATCTGCAGTGCAGCAAATCCATGTCCAGCCAGGCAACCAGCTG
CTGCCTGTGGCGTGTGTGGGCTGGATCCCTTGAAGGCTGAGTTTTGAGG
GCAGAAAGCTAGCTATGGGTAGCCAGGTGTTACAAAGGTGCTGCTCCTTC
TCCAACCCCTACTTGGTTTCCCTCACCCCAAGCCTCATGTTACATACCAGC
CAGTGGGTTACAGCAACGCATGACACCTTATCACCTCCCTCCTTGGGTG
AGCTCTGAACACCAGCTTTGGCCCCTCCACAGTAAGGCTGCTACATCAGG
GGC

>Sequence 2394

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAAATAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCT

>Sequence 2395

AGGTACTTGGAGCTTAAATACAAGGCAATTGTGTGCCTGCAAAAACAAAA
AGAGCAATATTATCCTTAAGATTTCAACAAGACACAGTGTCTCATCAT
AATCCAAAGAAGTCCAGGTTACAAGCCCCAAAATATTCAGCATTATGAAA
AACCAGGGAGATCTTAATTCACATGGCAAAGAGAATCCTTGATAACAAT
ATTGAGAGGACACATATGTCAAAATCATCTGACACATAATTAAAGCAGT
TATTATAACAATGCTCCTAGAATTACGGGATAGCATTTCATGAAGTGAATG
GAAAGTTGAAAAGTCTCACCAAATATTTGGAATATGTAAACACCAATTTA
AACTTAAGAATTAAAGTATTAACCAAACTATTAGGGGAAAT

>Sequence 2396

AGGTACGCGGGATAGGAACCTTGGCTTGAAATGTTAAAAAGGCAGGAAAAA
ACAGCAGAATCTATTTTTTCAATTGTGGGAGAGCCCAGGTTGTCCTGCTTAT
CTGAAATTAAGCCCAAATCCTAAAATTTCTGAATACCTGCTGTCAGCTTC
CTGCAAACGGGCCAGGTTGCCTAAGGAATGTCATGAGAGAGCTGACAGAG
GCAGGGGACAGGACAGGCACCAGCAAACACCACTTCACCATGCAGCTATT
TTCATGTCCTCCAGCCCACTGAAGTGCTGATAATGGCTTGGATCAATTC
AACAAACACATTTTCGTATACCTCCTTTGCACCAGACAGTGTTACCGAGG
CACGCAGGGTGGCCGCAGGTTTAAACTTACACGAATCGCTTTT

>Sequence 2397

AGGTACAAGCTTCATTTGCCACAAAACCTCACAAAAAAGTAATTGATTAAA
GAATATCTCTTTTATGCAAAATATACATTTTAGGATATAATTTAATTGAT
ATTCTACTATATACTGACATTGCTCCTTGATCATTGAATAAAAAAATACT
CTCATTGCCAGAATTATGTTTTGTAAATATTATAATTGAGGTAATAATG
ATAAAAGACTTAAACTATGAATAATGTTGGTGAGTTCATTTAAGCTATA

Table 3

446/1077

ACAATTTCCCAGAACTAAACAAATATGTGACTAAACATAGGTCATTTTTG
ATAAATGAATACTAACAATTTTACAACATAATTGACAAGCTGATTACATC
AGTAATTTATAAGAAAATTATACAATCAAGTTCATAGA

>Sequence 2398

AGGTACCGAGGTCATTTTGCTTCCTATAGACTGCCACCTTTTGGCAAAAG
CTGTTCTAACTCCATCTCAGCATTTACAATTCCATACCTGGTGGTCAGAG
GAGGCCCGCCTGCAGGCTCAGCTAAATCGGGCTGATGGCATTCCAATTAC
TCAGGCTCAGCTCAGAGGCTCCGATAATTACTCTGATACTACTGCTCATT
TAGGCTTTGATGCTCTCACCACGGAACAAGTAACAAAGGTGTGTATGAGA
GCTTGGGATAAATTACGCACCCAGGCCAAGCTTCTGTTTCTTTTACTAT
TGGTAAACAGGGTCACAATGAATTATATCTTGATTTTTTAGCTAAATTAC
AAGATGCTTGTGAAAAATCTGTCTCTGGTGAGCACA

>Sequence 2399

AGGTACCGGTGCCATCACACGCTGGTCAGAGTGGCCATTTGTCTTGTCTT
TCTACCGATGATAAAATCAGGAATTGAAGGATATATGCACAACGGTATAC
TCTTCGACCATCAAACCTCCGGACATCAGTTCCTACCAGCAAGATGGAG
AAACCTGTCCATCCATAGATGAAGGGATGAAGAACTGCAGTATATCTGC
ACAACACAATACTCTTCATCCATAATTAATGTAATTTTCATTTGGAGCCA
TATGGATGAACCATGAAAGAAAAACGCCCCAAAGAAGCTGGGCCACGGAG
AAACCACGCCAAAGCACTGTCTCAGCAGTTAGCACCATGGACAGGAAGG
TGGTTTCTTCCCCAAGATGCGCCCTCAAGTTATCC

>Sequence 2400

CCGGGCAGGTACCATCATGCCTCACTAATTTTTTTTTTTGTATTTTTAGT
AGAGATGGGGTTTCATCATGTTGGTCAGGCTGGTCGTGAACCTCCTTACCT
CGTGATCCGCCCCGCTTGGCCTCCCAAAGTCTGAGATGACAGGTGTGAGC
CACCGTGCTTGGCTGACATATGATTCTTTTGATTATGTTGCAACCATTGA
AAAATATAAAATCACTCTTTTTTAATATATATTTTTCTTTTTTTAGGAAA
TTAAAGGAAATAAGAATGGCTCCTACATAGGCAGAGTAGGCTAAATCAC
ACTTAGCTGACTGTGAAGTCATATACTGCATATCGTTACTTCATTGATCT
CCTTGCTCACTTTCCCACTTCCCTCACCCCA

>Sequence 2401

AGGTACCCCTCCAAGCCGGACAACCCGGGCGAGGACGCACCAGCGGAGGA
CATGGCCAGATACTACTCAGCGCTGCGACACTACATCAACCTCATACCA
GGCAGAGATATGGAAAACGATCTAGCCCAGAGACACTGATTTTCAGACCTC
TTGATGAGAAGAAAAGCACATAAAATGTTTCCAGAAACTTCGGCTTGAA
AAACCCCTGCCAATGGTGGTGAATGGGGAAAATGGAGAACTTGCTTCTTC
TGGGCCTTTTTTCTTATTTTTCAAGCCCCCATAATTTTCAATCGGTGGT
AAAAACGAAGAAATTCCCACCCCAATTCCTTACCCCAATGGCCATTGCC
AAGCCCAACTGTGGCTTGAAAATTTCCTTGGCAAATGGTTTTTTCCCTTTT
TGGCCAATCCATTTGGTAATAATAATGGTGGTGGTTTTAAATTAAG
GTATTCAATGGCCATTTCACAAAAA

>Sequence 2402

AGGTACGCGGGGCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATG
CAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACCCCATGAGTTCAGTCCT
TAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAG
AAGGTCCATATTCCAGGCTTAACCTCTAGAAATTTTTATTCTCAAANCTT
AGTTTTGGCCTCTTTTTTCTTCTGTTTCAGAGGGACCATTCTTAGTAGT
GCACTGGGTGAATATCTTTGGTCACTCCATGAAGGAATTTCAAACCTTGGC
TCTTACCTGGCAAAATAATATCAAATGAGCTCTACCATTGGAATTTTG
TAGGAAGGAAGAAATAGGGAGGCCCCCTGTTATTTTATGGAAGCCTTGT
TGCCTATTGGAGGAAAAATTTTTTTTTTGGCCCCCCTTGAAATTTGTAGG
GTTTCGATATGGCCCCAAAAGG

>Sequence 2403

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTGCCTTAGGGCCT

Table 3

447/1077

GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAAGTCGGCCATAAAGCC
ATTAAAAGGAAAAGTTTCCAGCAGGAGTTGGATGTAATTACAGAATT

>Sequence 2404

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TGTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGTGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTTGTAGAGGGAAAAGGAGCC
CTGTTTTTGTGAAGCTGGGGCCTTTGAAGAAAATTGCTTTTGGCCCTGA
AATGTGGGTCCTATGCCCAAAGGGAAAGAATCCCTTGGGAAGAA

>Sequence 2405

AGGTACATCATATTTGCTTGTGGCTTTATGATAACTTAGAAAATAATATT
CTGGATTAACTGTGTGACTCATGAGAAGATTTGTGCAACTATGTTTCCAA
ATTTACTTGATTTTCAAGACTTACACTAGAACCGTGAGAACAGGGTAATA
AATAAGCATATGTATTAATATCACCTTTGGTCAACTCTTGGGTAGCCCCA
ACGGTAGTGTAGGAATTAACGTAATTTTCTACTAAAAGTATTGGATTT
GTTTTGAGAGACCACAGTTGAAAATCATTGACATACAAAGTTTAAAAATT
GTTAGGTTAAAAAATTTTAAATGCATTTGAAGTGGTTTTATAGAAAAATA
ATTATCTAACTTGGTTTATATTGACAGGTTGTTTTCTTGGATAAGAA

>Sequence 2406

CCGGGCAGGTACCATTCTCTAAATTTACTACCTAATTCTTTGCCTTTAA
TTGTCCCCATGGGGGTCCTGCGCCCTTACCTCAAGGTTCCGTGGGCCTG
GTGTTAGGCAGGGCATCCACCTCATGATACTAAAGGTATCATAGTTCATA
CTAGTCTCATTAATTCTGATTCTCTGATGAGATTAACTTATGTAACT
TATGGTGTCTGCCAAAGTTCCTGTTTCCATTCCGGCCAGTGAGTCAATTG
CTCAATTACTTTTACTACCTAACATTGTTTTAAACAAAGGAGATAAGACA
TGGGGCCCTGGGATGGGCTCCAGCGGTGAAAAAGCCGCTTATTGGATTAA
TGTAATTTCTAAACAATGGCCTACCTGA

>Sequence 2407

AGGTACGCGGGGAGTGATAACATTAGAACTCATTGGAGCACGAACCCCTG
TTGTGAAGTGCCTATCCGAAGGATCTAGGTTGTGTGCTTCGTATGAGAAT
CTAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCAGATAAGACCA
TCTAGTTGCAGAAAAATAAGCCCAGAGCTTCCACTGATTCTACATTATGG
ATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTACTTTTACACATGCCTAGT
GATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAACCTAACCTACCTG
AGATTCTGAGATTTCTCTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAGAGTTTGAAAA
TATCTTAAAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTA

>Sequence 2408

AGGTACCATACTCTTTTGGTTGCTATAATTCTGTGGTATAATATGAAGTC
AGAAAATATAATTCCTCCAATTTTATTTATTTATTTTGGCTTAGGA
TAGTATTATTTCTTATAGTGAAAGCATTCTATGTTATTTATTATTAGTCT
AATTTTGTAGTTTTACAATGCTATCCTCTTTTACAAAGCTATGATCAACT
CAGTGTGTCCAGATCAGGATCATTGTAGCTATTTGCAAAAGTAGCAATA
TTCTGGCTGGGCATGGTGGCTCATGCTTATATCCAGCACTTTGGGAGG
CCAAGACAGGCAGATCACCTGAGGTCAGAGGTTCAAGATCAGCCTGGTCA
ACATGGTGAAACCCTGTCTCCAATAAAAA

>Sequence 2409

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCCTGGGGAAAAATTCAGGATCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA

Table 3

448/1077

AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTCCAGCAG

>Sequence 2410

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTTGTATCCAAAGTA
AAGAGTATACAATGCTATGGGCCAAGTCCAAAATCAAAGCTTGTTACAG
GGACCAATGTTCTCTCTAAAAGGTTCTAGGAG

>Sequence 2411

AGGTACAGGTTTTTTTTCCCTCTCCCTCATGTATCATGTTTGAAAATGAA
GAATCTTTACCCAGTCTCTAAACTGGATTCCCTTGACACAGTTATGGAAT
AAAATCTTTGATGTTTCTTCTAAACAGTGTTACATTTGAGGGTTGATG
GACTTAAACACTAATAAAGATAGGCATAAACAGGGCCTTTTGAAATAG
GGGAAGTTGCTGTTGTTGCTGAAAGAAGAAAGGTCATAGGAAGGGTTGGC
TGATGTGGGAAAAGTGACTATTCCATAGTGAAGCTTTGAGTATCTCCCAT
TAATTATGGACCTGTTTTACTGAATAAAAGAATATGTTGGTTGTTTACA
TGAAACCGATCCAAACGAATGCTGATGGATTAAATG

>Sequence 2412

CCGGGCAGGTACCAAAGAGGGCATAATAATCAGTCTCACAGTAGGGTTCA
CCATCCTCCAAGTGAAAAACATTGTTCCGAATGGGCTTTCCACAGGCTAC
ACACACAAAACAGGAAACATGCCAAGTTGTTTCAACGCATTGATGACTT
ACCACCTTTCCTTCAAAGGAGGAAAATTATCTCCCCTGCAAAGCCCGGT
CTACACAGATTTCAAAATTGTGCTAAGAACCGTCCGTGTTCTCAGAAAG
CCCAGTGTTTTTGCAAATAATGAAAAGGGACCCCATATGTAGCAAAAATC
AGGGCTGGGGGAGAGCCGGGTTTATTCCCTGTCCTCATTGGTTCGTCCCTA
TGAATTGTACCTGCCCCGGCGGCCGCTTCTAGAAC

>Sequence 2413

CCGGGCAGGTACTTTATACAGAGTCCTTGTTTGCCTTTAGTCTGATGCCG
TGGGTGAGCCTGAGTTGTCTGTGGTCCACGTTCCCTGACCAGGTGTCTTT
CTCACCCACTGGTTTCAAAAAGATGTTACTGGGTATAGAAGGCTGGGA
TGGAACAGGATACCAAGTTCGCATGAAGACAGTATCTGAAAAGAGAGGT
AATTTACTTTAACATTTTCAAAAGAAGATGCATATCCATATTGTGAAGAA
ACGAAGAACAAAACCTTCACTCCAACTTCTCTACCTGGTTGCAAAGTAT
TTGAAGGGAAAGCTCACTAAGGAAGCTACTCCCATAGATCCCAGAACTGT
TACTGGGTGTGGCAGGGGACTGCAGA

>Sequence 2414

CCGGGCAGGTACGCGGGGCTAAGGTAAGATTTAATTAATAATTTTGGC
CTCTCATAGTTTTCTCTCTCTTTAAAGAGAATAAATAGAGGGCCAGGTGT
GGTGGCTCACGCCTGTGATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGAGGGGCGGA
TCATGAGGTCAAGAGATCAAGATCATCCTGGCCAACGTGGTGAAACCTGT
TCTCTACTAAAAATACAAAATGAGCTGGGCATGGTGGGGCGTGCCTGTA
GTCCCATGTACCTCGGCCCGCCGGGCAGGTCCGGGCAGGTACATTGATGG
GCTGGAGAGCAGGGTGGCAGCCTGTTCTTGACAGAACCAAGAATTACAG
AAAAAAGTCCAGGAAGCTGGAGAGGCCAACATCTTCTTGGTAGCTCA

>Sequence 2415

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTATGTGAGGTTAGAGGGGACCAATCATGTATTTTCCATCCAC
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAAATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGGCAAGTCAAG
GCCTGAGGAAAGACTGCTTGCAGGCCATTTGTAAGAGCCAGGGCGTTGAA

Table 3

449/1077

TCTCATTTTCAACCCCTTTCCCTCAACCTCTTTCT

>Sequence 2416

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTC
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGGTCG
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAA

>Sequence 2417

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCACTGCCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAAGGAGATTCGACAGC
GCATCCTTCGACTTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTCTTTTCCATTGAGAGTCTCTGATTGAGATTTTAA
TGTTAACATTTTGAAGACAGTATTCAGAAAAAAATTTCTTAATAAAAA
ATACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAACTGGTTGGGGAATCTCCATTTT
TTCAATATTATTTTCTTCTTTGTTTTCTTGCTACATAT

>Sequence 2418

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCA
ATTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCTTATA
ATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGAC
TTGATCTCCCTAAAATAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATAT
ACCCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTCCAGGGAGTAAAGAGACCAT
TTTGGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGAC
AGCTGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTTTC
TTAGGG

>Sequence 2419

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTCGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTTTGAAGGAGGCCGATTTCTGAAAGCTTCGGTTGGGCAGCCCGGTAT
TTGAATTAACCTTACCAAGCGGTTTGGGTCTTAATTTTCTAACCCGGG
CTGGATAATTGTGGGGAATACTGGGATTCTTGAAATTGGGCATTTGCCC
GGGGTATAGAAAACCTT

>Sequence 2420

AGGTACTTTTTTTTACTTTGGCAACAAATATTTATACATAACAAGATGCTA
GTTCAATTTGAATATTTCTCCCAACTTATCCAAGGATCTCCAGCTCTAACA
AAATGGTTTATTTTTATTTAAATGTCAATAGTCGTTTTTTAAAATCCAAA
TCAAGAGGTGCAGGCCACCAGTTAAATGCCGTCTATCAGGTTTTGTGCCT
TAAGAGACTACAGAGTCAAAGCTCATTTTTAAAGGAGTAGGACAAAGTTG
TCACAGGTTTTTGTGTTGTTTTTATTGCCCCCAAAATTACATGTNTAAT
TTCCATTTATATCAGGGAATTCTATTTACTTTGAAGACCTGTGAAGTTGC
CATTTTGGTCTCATTGTTTTTCTTTTGACATTAACCTAGGGATCCCAT
ATTT

>Sequence 2421

CCGGGCAGGTACTTTCTCTTTTTTTTTTTTTTAAATAAATGAAAAATTATA
AATAAAATTATAATTTAACTTACAATATTGAAACAAATACAGACTTTCAG
GAGGTTGTAAATTAATAGTCTTGCATGCCCTTACCCAGTGATGACATT
TTTTTTTTTGTAGACGGGGTCTTGTCTTGTACCCAGGCTTGGAGTGCA
GTTGGCTTCGATACTCAAGCTCACTTGCAATGCTCTCGCCTTCCAGGTT
TCATTTGCCGTTCTCCCTTGAACCTAATCCCTCCCATAGCTTGACTTG

Table 3

450/1077

TTATCTTAACAGGGTTGCCTCGTTTTACCACTTCACCTCATCCTAAATTC
TCTTTTGTAATTTATTTAGATTTAAATAACATCTCCAATTTATTATAAT
TTGGCCTTTTTTCCCATTCTAGGGTTTATTTGTTTATATAATTCTCTTG
TGCCAAGAAGTTCTTCCCTCCCC

>Sequence 2422

AGGTACATTGGATGTGAACCTTTTTAACTATAACATGGACACTTTATTG
GAACCAAACCTTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTAACCTTGCT
TCATTGAAAAAATAAATTGCTTGTTCTCTGTCAGATGCACTTCGTCTTAGT
AACATGGCCATGGGGAAGACAACCACAGGCCAGATAGTCAATCTGCTGTC
CAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTTCTTACACTTCCTGT
GGCAGGACCACTGCAGGCGATCGCAGAGACTGCCCTACTCTGGATGGAG
AAAGGAATATTCGCGCCTTGTTGGGATGGGATGTTCTAATTACTTTTACT
GGCCCTTGATAGTCTGTTTTGGGGAAGCTTGTTTCTATATATTATGT
GCTCATAACCTGATTC

>Sequence 2423

AGGTACTCTGCACGGGGTGGGAGAAAGACAACANAGGGCAGGTGAAGTGG
GCAGGCATGTGCTTTGGCGACCCCAAAAGCTGGCAAGGCTGCGGAGGTT
CAAACCTACCTTGAACACCAGGGGGGACAAAGATGACAGTAATCATGATC
ACTACAGCTAAGGAGAATCCCATAGGGAGACTTCTTTGGGACAGGGTTTC
TGCATTTTGGCCCTGAGGAAAGGGGATTGGGAAGAGCAACACAGCAGG
CTCAGCTTGCAAGGGGAATGTGTGTGCTGCAGCACCCCAAGAACTCTTCAG
GGACCAGGGAAATGGGAGCCCCACGCTTTCTTTTACTTTCATCTCCAG
ATAGTATAGGACCAGTCATGATTCCATAGNTAATTTATAAGGAAA

>Sequence 2424

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGACAGGGTTTCACC
ATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCGTCTT
GGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCT
CTATTTATCTCTTTAAAGAGAGAGAAAACCTATGAGAGGCCAAAATTATT
TAATTAATCTTTACCTTAGCGCAAGGGAAAAATGGAATTTGCCTAATAT
AGGTGATGAAGCATACACAATGAACAGAAACAATCACATTTTAGTAAAAG
GCAAAAATTTGAGACTTATTAAGCTTTATGGTAAGCTTATTTTTGGGTGG
GGGAAGAAATGAGAAAAGAATTTTACATCTCTT

>Sequence 2425

CCGGGCAGGTACCATGACCCGTTGCAGCCATCAGCAGTCTCCCTATCAGC
TTCTGTTTGGGGAACCTACATCTTTGAAGAACTTCTGAGCTTGAAGATC
CGCATCTCTCAGATGCCTTTTTCCAGATTAAACACAGCTGGTGCAGAGAT
GCTGTATCGGACTGTGGGGGAGCTGACTGGAGTGAACCTCTGACACCATCC
TTCTTGACATCTGCTGTGGAAGTGGTGTGATTGGCCTCTCTCTGGCTCAG
CATACATCTCGGTCCTTGGGATTGAATTGTTGGAGCAGGCAGTGGAGGA
TGCAAGATGGACTGCAGCCTTCAATGGCATCACCAACTCTGAATTCATA
CTGGTCAAGCAGAGAAGATTTA

>Sequence 2426

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATACAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAN

>Sequence 2427

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA

Table 3

451/1077

CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGGAAAGGGAGC
CCTGTATTGTGAGGCTGTGCTATGAGAAAATTTCTTTGCCCCCTGAATGG
TGGGTCGATGGCCTAAGGGAAGAATCCTTGAAGAA

>Sequence 2428

AGGTACAAAAATATCACGCTACTAACCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCATAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GTGGAAAAATTACAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGGATGACAATTGCCGAAAAGTTATTGTAAG
AATTAATGGGCCTATGCAAAATAGCAAATTCCATGAATGGTCAGGTCGGC
GCATAAAAGCCATTTAAAAGGGAAAAAGTTTCCACGCAGGAAG

>Sequence 2429

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTT
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTTAGGCAAGTCAAGGCTGAGG
AAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAACCT
TTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTT

>Sequence 2430

AGGTACCACCCTCTTGCTGAAAGCACTGGTTCCTTGTTGANAGCTTGCT
AGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACATTTAA
GTATTTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGCGAAGT
AATAAATTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAACACGTGGT
AAGGTGTTCATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAGCAGAAAA
TAGGAAGCAGAGAAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAAAGAAATG
AAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTACTTATAA
TAATAGAGAAATGGTTAGAAAAGAAGGGAAAAAGCAAGAAAAATGT

>Sequence 2431

CCGGGCAGGTACACATAACAGAAAAATTTAAAAGGTTAGGGATCATTTAG
GAAAAAATGCAATGCCAACAAATGTGAGAAAATGCTCAATCTTACTTAT
AATTTAAGAACTACAATTCAGCCAGGCGCGGTGGCTCATGCCTGTAATTC
CCAGCTACTTTGGGAGGCTGAGGCACGAGAATTGCTTGAACCCAAGAGGG
AGAGGGTTGCAGTGAGCCAAGAATCATGNCCACTTGGGCACTCCAGCCTG
GGGCGACAGTAGCAAAGAAGTTGGTCTTCTAAAAACAAAACAAAACAAA
AATACAACCAATAAAAAAATTTACCCAATTTAAAAAATGAGAAGGAGTTTT
TTTCATTTGGGCAANAAGTTTAAAAAAAGGAAAAGGGTGGAAGAAAAA
ANACCTTAACCTCTTTCTTCCGATTG

>Sequence 2432

AGGTACATCCTGACTCTCAATTCTTGTTCCTTTGAAGATCCTTCGAAC
CCAACGTCTCAACTCACCTGGACTGGTTTACCCCAAGGGTTCAGGGATAG
CCCCATCTATTGGCCAGGCATTAGCCCAAGACTTGAGCCAGTTCTCAT
ACCTGGACCTCTTGTCTTTGGTACGCGGGGCCTCTCCTCTGGCCGCCG
CGCGGGAGAGAGGCCGAGATGGCAGATGAGATTGCCAAGGGCTCAGGTCG
CTTCGGCCCTGGTGGTCGACACCGATCTTTTGGGGAAGAATCATCCCGCT
AAGGGAAATAACCAGCCCCAAAAATCATTTTTTTGAGGGAATGAACCCGG
TGCCCTTGCTTTTTCCCATGGACAATTTCCCCCTTTAAGCCACCCAA

>Sequence 2433

CCGGGCAGGTACTGGAACGTTTGTGAGTGAGTTTCATTTCCAAAGTTTAC
CCTACATAGGGAATTGTAGAAGTGAGTTAGTAGAAGTGAGTTCGTGTGAA
ACCCTGGAAAGAAAACAAAAGCCCCATGCAACGCGTTCCGGGCTGTTGTG
TAGATGCTTATTCTAGTCACTAGGGGAAGCACATAAAAAACCTGAGGTG
TGTGTGCTGAAGGGCGAATTTTGTCTTTTGGGGAGTTCATGATATAAAC
ATCTAGAACCAAAAAGGTCAAATCATAAGGGTCAGTTTTAGGTCTTTTAG

Table 3

452/1077

TTTTTCTTTGAGGGAAAGATTTTAAAAGGCAATTAGACCTATATTTAGTT
TTACCCCGGTTTGTAACCTAAAAAAATTTGGCCTTTTAAATTTCTTT

>Sequence 2434

AGGTACAATGAAAGTTTCACATACGGATCACTGGCTCCAAAGATGTCCTT
TTTGGCGAGATCAATTCCAGAAACAACCTTTTACTCTGAGAATACGGGACT
CTCCCGAGTGTTACTTGCTCAAATGCGAGACGTCTCATTTAGGAGAATTC
AATATTAAGGTTTGTGCTTAAAGGAAAGCTGGAAAACCTCAAGGGCAG
AGCAAGTTCTGAAGAGTATGCGGAAGTCGTGGCTGCAGCCAAGGGTAAC
TTCCACTGCCGGGTGACAAGGTCACAGGTAGAGAAGTTTAACTTTGACC
TCCCAGGGAAAGGCAGTCTACACGGGTGTTTCCTCTTCTTGGAATGGG
CTTCCTTCTGGTGACTCCCCCGCGGTACCTG

>Sequence 2435

CCGGGCAGGTACGCGGGGATGTCTCTTGTGCTGCTTTTCAGAAGACCT
GGTGGGGCAAGTCCGTGGGCATCATGTTGACCGAGCTGGAGAAAGCCTTG
AACTCTATCATCGACGTCTACCACAAGTACACCTTTCACAGCAGTCTTAA
AGTTGCAGCAGAAGAATTTAAAGTTCTGCTGCAACAAGTGCAATTATTA
CCAATGATGGAATAGGAATAAATCCTGCACAGACTGCTGGAAATGTTTTT
CTAAAACATGGTTCAGAACTGCGGATTATTCCTAGAGATCGTGTGGAAAG
GTTGTTAATATCTGCTACTTGNAAACATACGATTGCCTTTCAGGGATAAA
TATTGGTATTTTTTTGTTTGTTG

>Sequence 2436

AGGTACTAACAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAGG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
AATAGTGATACCTCTGTGTTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTTCAGGACAAATTTCAAGAA
AACTAGAAAACCATCTTTACAGCTGAAATCTTTCCTAACCATTGTTAT
TTCCACTTTTAAGTCCTTAAGAGATGAGAAAAGG

>Sequence 2437

AGGTACTATTGCATTTCATGAATGATTACGCACTTAGTTTATAGGCTCTTA
GCCTGAATAGATGTTTCAGTAAACAAGGAACTTTTGAAAAATTACATCATA
TTATCAGTTACATTTAATAATTAATTTCTGACATTAATTTGATTCTCTAA
AAGTGTTGATGATCCTCTCTTATTGAGTATGTAGTTGATGCCCATCATTT
TCAATATCAGTTCATTGTAAAAGTTAAAATAGCATGAGTCTTTAGTGCTA
TCTTTACCAGTTGTGAAATTAGTAGTATTTAATAACACTAAAAATTCTCC
ATCTTCATTGTCTTCAGTGATTTTATAGATTTTGGTTATTGACTGATAAT
TCAATGAGATCTTTTGTTAAAAACTAAATTGTTACTTTCTGTTG

>Sequence 2438

AGGTACAAGGATAAGAATTATTGAAATATGTTACTAGTTAGCTTTTTCTT
TTGTATTTCAATTCCTTTTGAATCTTGGAAGTTTGGCTTAGTCTTTGAT
TACACCAAGGATACAGGGCTTTGAAGACCTGGAGAAACTAGTGAGTATTC
ATTTCAAAAGCAAGTCTTAAGACTGGTTCAGAACCACAAGCATGTTTTTT
TGGGAAAAGTGGGAGGATTATTGAACCAATTGAATCACCTTTTTAACTG
AAGCAAACCTGAAATGAATATAGCAAACCCATCAGTTATATCACTATATTC
TTTTTAACTAATCTACCATTTCTTGCTCACCTATCAGTTCATCCATGT
TGTATGTATGAGACAGTATGACGTGGTGATTAAAAGTTTGAA

>Sequence 2439

AGGTACATTATTCCTCCACGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAGACTGCAGGGG
AGAGTCTTGACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTACTCAGAAA
TATTTTATTGAGTCTGCTAAATACATGCTAGGCATTAGGGTTTAAAAAG
AATTAATAAAGCATGTCAGAGATGGCTTTTCTAGAACACATGCCCAAG
CAGAGACTTAAATATTGAGACTAGCCAGATTAAGAGGTGTAGAGGGCAGG
AAAGGGTGACGGCATGCCACGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGACTCCTGAA
AGAGTGAAAGTATTTGCCTACAATAAGAGGATGAGTGAGTAGGGCACTGC
CAGCAGTTC

Table 3

453/1077

>Sequence 2440

CCGGGCAGGTACACTGGAGGCTGGAGCCTGCAGATGGCATGGCTCTGCGG
CTCACCTTGCTGCAGTTGGTGGTGGTGACAGAGACTGCAGCTTGACTGTA
GTGGTGGTTACCAGGAGCTCTGCCACTGCATGTCCACTAGTGACGGGTTC
GCTCCACCACCCAGCTGGGTAGCCGCTGCTCTCACATAAGGGGTCCAAT
TAAAATTGCCAGGAATAAATTCCCCCGGACTTTGACTTCTCAAGAGCTAA
GAAGGTTTGTGAGTATTCTGGCATGATGTTTGGTGATCAAACAAGTCT
GGCCAAAATGATGAGTATTCCCCCTCTTGCTGAAGATGTGCTCCATAC
AATTATTCCATCACGTTTCATTATTCATCAGTCG

>Sequence 2441

CCGGGCAGGTACGCGGGGTGACACACACACACACACAGCACCTGCACG
CAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGG
CTTTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGAC
TCATTGCAATTGAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAAGTCCACTACAGCTCA
AAGAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATGGAAGAA
GCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGC
CTTCAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGC
TTCTGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGAT

>Sequence 2442

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAATCATGTATTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCA

>Sequence 2443

AGGTACTGGGCAAAGCTTTGCAGTATAGATCGCCCTGAAGAAGGAGGTCT
GCCACCTTATGTGTTTGCCCTGATGGCCATTTTCTTTCTTCAGCAGAGGA
AAGAACCCTTTTGCCTGTATATCTAGGATCATGGATTGAAGGATTCTCA
TTAAGCAAAGTGGGAATTTCAACCTTCAAGACATTGAAAAAGATGTTGT
GATCTGGGAACATACTGACAGTGCTGCAGGGGACACAGGCATAACAAAAG
AAGAGGCACCAAGAGAAACGCCGATTAAAAGGGGACAGGTGGTATCATCC
CTACTCTGCAGATAATGATAGCGCCCATTTTTTGAACACTGTGTGCCAGG
CACTGTGCTAAGCACTTTACAGACACTATCTCACTCAGTCCTCCCAACAA
CCC

>Sequence 2444

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTTGTGCCATTGCT
TTATCTCTATTTGGAATGACACTCTTTCGTCCTTGGTCTCTCACCAATCC
CTACTTCATAGTCATCATTAAAACCCAAATTTTCCTTTTACGCCCAATTC
AAATGCCAGTTCTACCCTGAAAGCTTTCTGGGTCTGCCAAATAAGCACTA
ACTACTTGTCTCTCTCTGTTTCTGTAATGGCCATCACATGAGAACGACAA
GTGATTTTACAGCTGACAATATATATCCTATCAGCCCTCCGAATTCTTT
CTCCATCCAGCTCTGTGCCCTGGATGTCTCGCATGGCCTAACTTGATGGA
TGTCTTGCCTTCTAGCTTCTCACTGGGTTAC

>Sequence 2445

AGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCTTTTGTGTTTCCCAATTTTA
ACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACT
CCGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTG
AATAAATTACCCAGTTTGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGAT
CTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTCT
AGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAGACCATTGGGTGG
AACATAAATTCTACTTGCAGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGACAAAGCTGT
TGGGATTGATTGTAATTGGGCTGACCTCCCTGAAGTTGGTGGTAT

>Sequence 2446

Table 3

454/1077

AGGTACTTAATCCTGGTTGGTTTACCCATTCTAAATTATTTATGTGAGAT
AGCTATCTATTTGGAAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTTACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACCTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTAGTCTTG

>Sequence 2447

AGGTACGCGGGGAGTGATAACATTAGAACTCATTGGAGCACGAACCCTG
TTGTGAACTGCCTATCCGAAGGATCTAGGTTGTGTGCTTCGTATGAGAAT
CTAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCAGATAAGACCA
TCTAGTTGCAGAAAAATAAGCCCAGAGCTTCCACTGATTCTACATTATGG
ATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCCTACTTTTACACATGCCTAGT
GATGCTTCATGGACAAGGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAACCTAACCTACCTG
AGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAGAGTTTGAAAA
TATCTTAAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAG

>Sequence 2448

AGGTACTTGGCCTGGCTGTGCGAAATAATTCATTCCATTCTTTGGTGATT
GTCAGGAAGCTCTTAATATTTTCTGTAAGTTTTTTCTTGGTTTACCAA
CAGGCTTCATCGATCCACCTCTGTTTAATATAAATGATGCAATAGGGATG
TTGCTGAGCAAGTAATTATAGTGAGTTATTTTGTCAATATATGGGCTTTT
GGGAGTAACAATAATATTCAGATGTTCTCCCACTAGCAAAGCCTTATGGT
TATCAGTCCAATCAATATAAAGGTAACCTTTGGCTGAGAGATGAGTATGCT
ATTGCTCGGTAACCTTCCCTGGCCTGATTTTCTTCTGGAAGATCTGGAGC
ATCAGTTTTGACATTAACTCCAGCACCGTCA

>Sequence 2449

CCGGGCAGGTACCCATCTACTTGGTTACAGTGACTACACCGTAAGTGGAC
ACTTCAATCAAGAAAGGCCTATCAGAGTCTTCCTCTAGACTAACCTATGG
TCTGAGGGAAAAAAATTTCTTTCCATTAAAAGCTATGGCTGCTGG
CAGCCATTTTGCTTGTCCCTTAAGAAGAGGCCATCTGTTGAACAGAGACC
ACTGGATTCAAAGATGGAGAGACATTATCTGAGCTCCCAGATCCAGCTCA
GCCTAAGCCCTAACCAAGCTTGCCAATTATTACACACATTAACTTGGTTT
TTTTTGCTTAAGGTTACTGAAATCATATTCCAACACCTGCATCCAAGAG
TCCTATATACCACAAGGGGGGGTAAACA

>Sequence 2450

CCGGGCAGGTACTTCAGATACTCACACAACCATCGTGTTTTTCACTTCTG
GTGAATAAAGCAGCCCTTATCGATACAGTTTCTACTGAATGTGTATCGTG
TTCACACCATCATCAAGTCGAAAAATCATCAAGTTGAACCGTTTTAAGCC
GGGGACCATCTGTGTTCAACTTTCTGATGACTTTCACAAGCTCTGCATTT
TATCTCCCAGCTCTGTTGTAAGGTATTGTGAGTGCCTTGCAGAAAAGAAT
CAAATTCCTTCCAAGTGACATAGACAGCAAGTTTTGGAGAGCTAAGGACA
AACAGGGCCCGCAGCTTAGCTCAGTTGGCTTTTGCTTTCTCCACACCAG
CATTTCCCTTGCGCAGCCCCAAGTTTCTTAAATACCTTCTGAT

>Sequence 2451

AGGTACATTTACACATGAATGGGTGCTTGGCAAGGTTAAGAACTTGCAC
AAGGTCACACAGCCAATAAATGGGGGATCCAGAATTCCAGCCAGGTCTG
TTGGGCTCTAAAGCCTTTGCACAGTCTTAGCTGTTATGTTGATTATATT
GCCTCCTAGGTTATGTATGTAGAATTTTGGTCACATTTAAATATTCCCC
TTCGATTATAGTTGTTAAGAAATATACTTAAGCAGCTACGTATTTACTAG
GGATGAAAAATGTTTCCAATTCATAAGCCAGAACACTTTTTCTTCAGATA
TTTAACACAAAGAAGGGATGAAGACCATTTTTTTATTCCCATCTCCCATGG
TTTCATATTTTTTTTAAACATTTCTTGAATGCTTCAT

>Sequence 2452

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCAACACCCATGAGTTCAAGTCCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA

Table 3

455/1077

TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACCCCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACA
AA

>Sequence 2453

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGTATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTACTAATGATTTAGTGTTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTCTTTCTTTTGTATTATGGGAAGCTTATCAAC
ATAAAATTTGTTTTTATTTAAAAAGGAAGAATATTAAATTTTGTGATTA
AACTTTGAATTTCTTTAAGTTACATATTTAATTTTATTTGATAATAAGT
GGTTATTTTGAATAATACGAAGAGTAATTGAGATTTTAGGAAGATATG
GAGTATGTGTTGTTATGATTATGG

>Sequence 2454

CCGGGCAGGTACTTTAAAGTTATAATGCTGATGAACAAAAAGGTATGTA
AAAACCTCAGGATTTAATTAATTAGATATATTTCCACCATTAGAACATTT
CTGCTCAGAGGTCTTATTACAAAGCTACATTTCTGATAGTCTACTACGGT
GCAGCTTCTGCCAAAGCCACTCAATACTAACCTCTTACATAGCAACTCTA
CTTACATGACTAAAATGTATATCATACTTTACATAGCCAAAAAGATAAAG
AACCACCTGATTTCTATTTCCAAGCTACTCAACCCTAGTAAATGGCCTTA
TCATTTACCCTACCCAGGCACTGATGTAAAAAATCTGGGAGTTAATCATA
ATTTTCTCTTCTCTTATATCCCATATCATTGTAAATTTTCACTTT

>Sequence 2455

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGTGCTGGT
ATGGTGGCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCC

>Sequence 2456

AGGTACGCGGGGTAACCACCTGGGAAAACCTTCACAGAAAATGAGAGTTTC
AGATGCTGAGATAAGAACCCTAAGAAGCAGAAAAGAGAAGATATTCTCG
TGGGGGAGAACCAACGGCTGGGAGGGGAGGAAGCATGGCCAAGGCAAAGAG
GTGGGCATTAATAAGAAGTCTTCTGCTGCCGCCATATGAAGAAGGACG
TGTTGCTTCCCCTTCCCTCCATGATTGTAAGTTTCTGAGACCTTGCCAG
CCATGCTGAAGTGAATACAACATGTTTAAGACCACAGAACATCTGCATAG
GCTGTAAATTTGTTGAATGATGGATGCAAAGATGGAAGACAGATGGATA
GAGGAAAAGACAGAATCAGATACTGGAT

>Sequence 2457

AGGTACCTACAGTCAGTGCTACCAGTAGATTTACTTATCACATGGTAAGT
GGAATGTCACAGATAAATAATTTACAGGACCCTTCTTATCAAAGATCATT
ACAATGTAGGCCTAAGGGGAAGGCTTGCCCCAAGGAAATCCCAAAGAAT
CAAAAAGCCCCAGAAGTCTTAGTCTGCGGAGAATGTGTGGCTGATACTGCA
GTGTAGTACCTGCCCGGGCGGCCGAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAG
TCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGA
AGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTC
CATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCT
TTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGA
CCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTG
GATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAA

Table 3

456/1077

TTCTTTGCCCTGAATGTGGTCCATTGCCAAAGAAGATCCTTGGAGAAGT
CATCAATGCCTTGAAACAAACATGGCATGGTTCCTGGTTTGGGTGGGAAC
CCTGGGAAAGCCCATTCGGAACAATGGTTTTCACTTGTGAGGATGGTGAA
CCCTAATGTGAGACAGATATTATGCCCTCTTTGGTACCTGCCCCGCCGGC
AAGGTCAAGCGTGTCTGTATAACCAACCCCCCTGGGGACTTAATTCCAT
TTAT

>Sequence 2458

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTCAGAGGACCATT
TGTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCTGA
TGCCAAAGGAAGAATCCCTGGAGAAGTCATCAATGCCTTTGAAACAACT
C

>Sequence 2459

AGGTACGCGGGTAATCTCTTGGGTATGATTACTGCAAAATACCCATATA
TTCATAATATTGTCTCTGTTATAAACTTGTAATTTCTATTGGCAGAACAT
ATACTCAAATTATTTTTCTAAGTATGGGTGATATATTGTTTTAATTCAT
TTTACTTTTGTCCCTAAGATCCAACAATCTATAATGTGAAGAGAGTTAAC
TGGGTTTAAAAGTATAATCTGTTCAACAGGGTGGAGTCTTAGTCCACAGA
AAAGTAAATTATATAAACTCAATTCCTTCATTTTAAGTTGGGTATAACA
CCAACTACTCGACACCTCATAGCATTAAATATGAGGACACAACGACGTAAT
AAAGACATTAGTGTTACTGAAGATTGGCAGCCAATGCTGATGTAGTAGC

>Sequence 2460

TCGAGGTACGTTCAATCCGGGGAATGATGACATGTTCAATGGCATTTACA
CGCCTGTTGGTTATCTTAATAGCTTCATCCAAAGTAACAAAAGAAGTCTG
CAGAGAAGCTAGTTCCACCAGTAGTCCACTGCTTGGCATAATTCCTCT
TTAAATCAAGCCTAACTGGTTCCCCCACCTTATGGCTAAAACCTAGTCCA
GTTTCATTAACTGTACAGTTTCTTTCAATGGTAAATTGTTCAAAAATA
ACTTGTGCAAAAAGTAACTACCCTGCCTTACCAATTAATCCTTGGCTTT
CACCTTCGAAATTCTTTCACCTATGCCGCTTTTAATATGACCAATTTTT
TGGAATTAACCTTGTAAGTTGCCTGGAAAAGTTACCCCTTGCTTGTAG
AAAACCTTTGGGTCTTTTCAAGCCTTAGCTGGAAAAAAGGGCCGGGCTTT
TCTATCTTCCAATTACACTTTTTTCCCTCCCAATTTCAAACCAATTTTT
TTAAGGTCTTCTCTATG

>Sequence 2461

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCTGTGTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGNTCTTATTTCTACCGGCTGATATTGT
GGATACTGTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGT

>Sequence 2462

CATCTTGGGTATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACCGATTGAAA
ATGAAAGTCAACAAAGTTGAGCATTACCCAATGAAGAGGAAAAACACGA
CGAGTAAAAATCTTTGATGGGCTTTCACAATGACATTGCCAACAAAAAC
AAAATTGGTAATACCTTGTGATGAACATTGAGGGCAGCCCAAAGCCTGTG
GGAGTGAGAATAATCCAACGGGGGGCCAAGAAGGGGTTCAGTGATTTTCT
TGGGCCCTTGTCTTGCACCTAAAACCTGTTGGCGTTTTTCATTAAACACA
AAAATCCATTTTCAATTATTTTCTTAAACCCCTCAAAAAACAAAAAG

Table 3

457/1077

CCTTGTTTGTTAAATTAATTCTTGGAATCTTCTTAACCGGGTTC

>Sequence 2463

AGGTACAGGATAGTTGGGAAATGTTTCTCAACCCTCAGAGAATGCTCACT
AGGCACATGCATAACATGTAGATGCCCAAAGCATTTCAGAAGTAGAATTA
CAAAAAACCCCCAAAACACTTGTCATGAAGGTTTGTGAACCTAATCTCGC
CTGTATAGACTGGGCTAATTCTGATAGTAAGAGGAGTTCTCCCTTCTCTT
AAGTAAACAAAACTATTGGCTTTCATCCAATCGGTTATTCTAAGACCAC
TGCAACTTTTTTCTCTCACAAAAAGGAGTTGCCCTAAAGAAGTTTCATT
GCTTTGATCTTTTTTTCCTCCCTCCTCTAAAGGAAAAAAGGTATGTGTG
TGTTGAAATCTAAAATATGGCAAAGTTTCCATTTAAAAATACTTTTTAAA
TAACCAAGATTTGCTCTTCGCACAATGAGGTCTTTGGTCCCTGGGAGATAT
TTTATATCATATTCCCGAATTTGTTCTGGAGTCATCTTTAACGGGGCTA
GGGAACTTATTGNGTGCTGTAAGAACTGTTGGTATGACCCACCATGCTCT
CTCTGGCTCTCTCTGGAACCTACAACCTTTGACTTTGAGATAGATCTAA
AGAAGTGAGCTATCAAATTGTGGAAATATCAGGTAAGAAGTTAAGATGGG
TTGGTCATGGGGGCTCACACCTGTAATCCCAACACTTTAGGAGGCCCAAG
CAGGCAGGTCACTTGAGACCAGGAGTTCAAGACCAGGAGTTTGAGACCAC
CTGGCCAACATGGTGAACCACATCTCTACTAAATTCAAAAATTACAGGT
TGGGTGCAT

>Sequence 2464

CCGGGCAGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAACTGAAAACC
CATCACCTCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGNGGTTTATTAT
CTAGCCAGTTCACAACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAATGTCTTACTTCC
CTTACAGACAAACCATTTCTCAAGCCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAG
AGCAACTGCTGCTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACAC
AAACTCTTGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTC
AGAAGGTTTACAAGTAAAAGTAAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTTATA
TCTGTAATGGTTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATGAATTAGG
AGGAATTTAAAAACAATCCTTAACCACATGAAATGGTCCAAGTAAGAAG
ATACCATATTTTTCCAAATATTTAAAGTGAATGCTCCAAATATGGGAAG
CTTACAGTTTTCAACCAAAGCTTTTTAGAAAAATATTTGGACACTTTTTTA
AAGAGAGCTAAACATTTCTTTGCCTTAGGCCGAAATTCCCGAACACAGAT
TCACCTTTTCTGTACCTTT

>Sequence 2465

CCGGGCAGGTACCGGAGTTGGAGCCACCTGGGTCTGACTCTTACCTCAGT
CATGGCCCAGCTCTTGAAGTCACAGTCTCCTCAGTGCAAACAGGGATGAA
TCCCTGAGCCTCACAGATCTTTGTGAGATGATTTTCAGCCCTATATGAAC
AGGCCTAACATGTTTCTAACTCTGTAAGTGCTTACTATACTGCTATACTT
CTGCTATGACTAGACAAGACCATTGCAGAACACAGGAACCGATCATTCTA
TAGAAACCAAGCATCTAGTGTGCTATGCTGTGTCTGGGCCACCTCAGGAA
AGCTCTAAGCATAGGCAGCATGAGGCATTCCAGAGATGACATGTGAGCAG
CAGTGAAGGAGAGAGGCTTCCGTGTGAAGGTGGCCTGAGCCAACCTAGAT
TCTTCAGTCTGAAAAGACACATAGAGAATGTGACAGAATCTGGAAAATAA
TAAAGAAAATGGTGGAGGTAACATCACTGTCCCATTGAAATNTGAATA
TAGTAATTTCCAGGCACACAATACGCAATGAGTAGTAAAAAGAACATGTT
ATATCCCATAAAGCTGTGATAGAGGCTAAACATAGAAATTAATCAAAGGTT
TATTAATAAATTCTTGATTGACCGGGCACAGTGGCTTAGGCTTGATTCC
CAACACTTGTGAAGGCCAGGCAGGTGGATCACTTGCAATCAGGAATCCG
GACCAGCCTGGCCAACATGTGAAAACCCCTCTTTCTTAAAATTCAAAAAT
TGCCAGCCATGGGGGCTATGCCTGTTATCCAACCTTCTGGATAGGCTAAGG
CAAAAATTCTT

>Sequence 2466

AGGTACCTGTCTCATATGTGGCAACTACGTGGGGCAGCACACTCAAGGAA
TGAAGGAAGTTTCAGTGAATGACAACCTTTATAAAGACAGTGTTGAGGCAG
CCCAGTGCAGCGGTTTGGGAGCCAGGAACAGCGTGTGGCCGGAGTGTGGC
TGCAGGACAGGAGGTCAAAAATAAGGGTTGAGGGTGAATAGGAAGACCC

Table 3

458/1077

CGGAACGTCATCCTGGGAGCTTGAGATTTTATTCTACATTTCTCTTGTTTC
TTAACTATTTAGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCAT
GGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATCTGG
AAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCAT
ACTGGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTCCATAAAAAAC
AGGAAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATGGAAG
CAGAGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCCACCC
AGAAGCTTGAAGGAAATGAAGGATTCTTTCTAAAACCTTTAGAGAAGAC
ATGGTCCTGTAAACAGCTTGATTTTGACTTGCCCATTACTTGTATACTCT
TACTTTGGATACCAATTTATTCAAACCTGGCTAACAGTTTCTTAGGCCAT
GGAAAATTAAATGGAGAAAATTAATTCGTTTTTACGATTAAAGCAGGAAA
TGATGGGACCTATGAGAGACAAGAAAGCTATAAAGGCAAAATTTAAGTGA
CCTT

>Sequence 2467

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTCTGTGAGAGGAC
CATTCTTAGTGCCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAAACGTC
GCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTG
GTGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAT

>Sequence 2468

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTC
TLAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAAACGTCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTCTGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGA

>Sequence 2469

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCTCCTGTTCTTTCTTTTTGTGTTTCCCCA
ATTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTAT
AATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGA
CTTGATCTCCCTCAAAGGCCTACCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATA
CCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATTT
GGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGC
TGTTGGATTGTTGAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTG

>Sequence 2470

AGGTACGCGGGGAATGCCAGATGATCTATCATTGTCTCACTTTGCCCCCA
GATAAGACCATCTAGTTGCAGAAAAATAAGCTCAGAGCTTGCACTGATTC
TACATTATGGATATGTGCCGCCGAAGCAAGCACAAAGCCTACTTTTACAC
ATGCCTAGTGATGCTTCATGGACAACGCTTGGCTCTGTTGAGTCCAGCTA
ACCTACCTGAGATTCTGAGATTTCTCTTCAATGGCTTCCTGTGAGCTAGA
GTTTGAAAATATCTTAAATCTTGAGCTAGAGATGGAAGTAGCTTGGACG
ATTTTCATTATCATGTAATCGGGTAACTCAAGGGGCCAACCACAGCTGG
GAGCCACTGCTCACGGGAAGGTTTATATGGGACTTTCTACTGCCCAAGGT
TCTATACAGGATATAAAGGTGCCTTACAGTATAGATCTGGGAGCAAAGTA
AGAAGAAACAAACACTGATCTCTTTCTGCCACCCCTCTGACCCTTTGGAA
CTCCTCTGACCCTTTAGGACAAGCCTACCTAATATCTGCTAGAGAAAAGA
CCAACAACGGCCTCAAAGGATCTCTTACCATGAAAGTTTAGCTAATTCTT
GGGCTAAGATGTGGGATCCACATTAGGTTCTGAATATGGGGGGAAGGGTC
AATTTGCTCATTTGTGTGTGGGATAAATAAGATGCCAGGGGCCATAACA
GGGGGCTGCTTGTTTTGGAACATGGCTGTACCAATTACCTATGGATGGG

Table 3

459/1077

AACAAAAACACCAAAGACCTTGATTAATTGGCATGAGACTGTGGGACCT
GATCTTACCGATATT

>Sequence 2471

AGGTACAATACACCTTAATTAGAGAACAAAAATGTAAGCTCAGGGTTTTG
AAATCCTGGCTTTTCATTGAGTTTTTGCAGATCATAAAATATACTTAATT
CGGCAAAATATCTAACAGTCCAAAACATATAAACAACATTAAAAAGCTA
CAGGGATTGGGTTAAGACAGGCCAACACATTTATCAGGTTTCATCTGTTTT
AACAAAATGAAATATATTAATTGTAGATAAAAAACATAGCTGGAGAGAAAG
CACCAAGGTAATCAAATAGTAAGCAGCAGCAGAACCACATGCCAAGACAC
TAAGTGCTTCACCTTGCCTTACATCTCATTTATTCCCCACAACAACCTAGG
AGACAAACAGTATTACTCTGCCCCCTTTATCAACTATGAAGCA

>Sequence 2472

CCGGGCAGGTACCCTTACAAAGAAGACACCATACCTTATGCGTTATTGGG
TGGAATAATCATTCCATTCACTATTATCGTTGTAAGTTAAATCCACTTTT
CCAAGTTTATAACTTTTGGGCACTTGGCTTAATTTCTGTACTCTTTTAAT
GCTTAAATGTGTAATCCTCCAAAAACAATGTATGCTTTTTAAACCTTTAA
TTGATGCTTTATTTGATCAAGAGAATCTCAGCTATTTAAGTGGAGTCAA
AAAATAACAATGTGTAATTGTAAGAGCCAGGCATGGTGACATGCCTGTAG
TCCCAGCTACTCGAGAGGCTGAGGCTAGAGGATTGCTTGAGTCTCGGAGT
TGGATACTATAATATGTGATGATCACATCTGTGAATAGCCATTATACTCC
AGCCCAGACAACACTGCAACATCCCATCTAAAAAAAACAGAAAAAAA
CACGAAAAGAACCTTGCTGGCTATGTATAGATTTTATGCTAATCTTTTCC
ATGTCACCGTGATTGTTAGAGCTCTAATTTTATTGTTTTAATAATCTTGT
GATCAATAGTTGAATGTTATAGCAATATGATTCTAGCATACTTTATACAT
AGGATATCATTTTATAATTTATTGGATCTGAATGATTGACCTCGGCCGCC
CGGGCAGGGACTTTAAATAAATAATTTTAATACTATATGATGGGAGCAAT
TTGTTGTAAAGTATAAATATAAAAAAGATATTTATTGAGAGTATATATGAT
TTATTGATAATAAAAAAAGAAATTGTGTTTTTATGATAAAAAAAAACA
ATCTTTTC

>Sequence 2473

AGGTACATTTGGTGGAAGTGAAGAAATGGCATAACACCAAATTTAATATAT
GTCAGATGTTACTATGATTATCATTCAATCTCATAGTTTTGTGATGGCCC
AATTTATCCTCACTTGTGCCTCAACAAATTGAACTGTTAACAAAGGAATC
TCTGGTCCTGGGTTATGGCTGAGCACCCTGAGCATTTCCTTCCAGTTG
GCTTCTTGGGTTTGCTAGCTGCATCACTAGTCATCTTAAATAAATGAAGT
TTAACATTTCTCCAGTGATTTTTTTATCTCACCTTTGAAGATACTATGT
TATGTGATTAAATAAAGAAGTGAAGAAACAGGTTTCATTAAACATAAA
ATCAATGTAAACGCAAATTTCTGGATGGGCAATAC

>Sequence 2474

AGGTACAGCCACAGAACTGTGAGCCAATTCAATCCCTTTTCTTTTTCAA
TTACCCACTCTCATGTATATCTTTATAGCAGTGTGAGAACAGATTAATAC
ACTCCTCCTCAGAAAGCATTCAATTTAGCTGTGTCTAAAGTATGCCAGGT
GTTCTAGGGTGTTATCTTAGCCAATAATTCTTCCTCTTCAGCAAGATCTA
TTTGCCCTATGACAGCTTGACCTACATTTCCCTACCATACTTGTGAGTAACA
AGTAGCCCATAAACATCTGAATGGACTTCATTGAAATCACAGAGGTTCTTT
AGTTCTCTACTTTATTAGCAGGCATTTCGGGAAACACATCAACTTTCTAAT
TTAATAAGGTGCCTGTTGCTTTGAAAACTGCT

>Sequence 2475

AGGTACGAAAAAATCGGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATG

Table 3

460/1077

>Sequence 2476

AGGTACATCATATTTGCTTGTTGGCTTTATGATAACCTAGAAATAATATT
CTGGATTAACGTGTGACTCATGAGAAGATTTGTGCAACTATGTTTCCAA
ATTTACTTGATTTTCAAGACTTACACTAGAACTGTGAGAACAGGGTAATT
AAATAAACATATTGTATTAAATATCAACCTTTGGTCAAACCTTTGGGT
CGCCCCAACGGTTAGTGTAGAGAATTAACAGTAATTTTTTCACTACTTA
AAAGATATTTGCGATTATTGTTTTGAAGAAGACCACCAGATTGACAAA
TTCAATTTGACAATGTCAATAGTTTTTAAGAAAATTTGTTTATGGTTTAT
AAACAAATTTTATAAATGGCAATTCTGCAAAGTGGGTTTTTTATTAGGA
AATAACTAAATCTATTCTTAGACTGTGGGTTTTTTATTATTTGAACAAG
TTTTGTTTATTCTTT

>Sequence 2477

GGCATTCTCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGTAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGATTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGATGTGTGGCCTCAGATGGTAAAAGTCAAGCAGCCTTTCTTAATTCC
TCACCCTCTGTATTATTCAGGTTCCCTTTCCACCATGCCAAATCTTCCT
GGGTCTTCCTTCGGCTGGAAGCCCCACACAAAATCTCCCCCTCTGGTT
TTTTCGGAAGGGCCACCTTTCTCGGGCACCTTGGCTAATTTTTTTTCCCC
CCCCGGGTACCTTGCCCGGGGCGGGCCGGCTCTTAGAACCTAAGGGGA
ATCCCCCGGGCCTTGCAAGGAAATTCCGAAAATTCAAGCCTTAATCGA
ATACCCCGTCCGACCCTTCAAGGGGGGGGGGGCCCCGGGTACCCCAAACG

>Sequence 2478

AGGTACGTGCAAAGCATTCTATGTATTTTTAGCAGAACAGGAGACTTACT
TTACACTAGCTGAACTAGGTGTCCATCAGTGCCTCTGCCAACCATTGGAT
GTTAGAGGATTCTGCCACCTAGCTTATTTTATTTGTATTAAAGTGAATAT
ACCAAACATTTATATGAGCAAACCAAGTTTTACATAACATGCTTTTGGA
TGTATTATGACTTTTTACATTTCTACTTGGATTTCTCTTCAGATCTCAG
TTTCCACAAATCTGCATCCAGGTTTCAGGGCCTCTGATTCTGCACAAATCA
TATGAGCCAAAGTGGATTGATTACTTGACAGATCAGATCTCTTCCCCAGCT
AATAACTCTGCCTTCTGATTCCAGTCTCTCAAATAAATT

>Sequence 2479

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACACCCTCTAACTAATCCCACTTCTC
CTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTA
GCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGAT
CTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGT
CTCACCAGTTTCCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTT
ATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATG
GATGCTCCTGCACAAATCTATACTAACGATAGTGTGTGGATGCCTGGAAC
TACAGATGG

>Sequence 2480

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTACAGGACCA
TGTTTCTCTCTAAAGGTTCTAGGAAAGAATCC

>Sequence 2481

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTTTATCTCATTGTT
AGAATGGGAACAATGTTCTTTTCAGCTTTCTACATCTTAGCCAGAAACAG
AAATCTCTTTCCTTTGGTATGGCTCCACCTATATGATATCAAGATAATTT
AATAGTATGTAGCCACAGTGCCTAGGAAAATTAATTGGCTTTTACCAGC
TTTCTGCTGATAATGCCTTAACTTGAAGAAGTTAAATAATTTTGGAAGAAG

Table 3

461/1077

TCAGATATTGGGAACAATCAAATTTCTGAATATACACATCCAATATAATCA
GATAAGTAGTAAATAGTTAACAACAACAATTAACGTCAGAAAATAGATCC
AAGCTCTCATACATTTGTCTATCAAGA

>Sequence 2482

AGGTACGCGGGGAGGTGTGCTGAGGTCCCTCGGCAAGGGACGCTGCTTTC
CCCTGGCAGCCACACTGCTGAGCATAAATGCTTTAAAGTGTGAGCAATTG
ATGTGTGGAGAGAAGTATGACTGCATTACAGCTTAAAGAGCTTTCACATT
CAGGTCTCTACAGGAGAAGACGAGATCGCCCCGATAGTTTGAGAGTAAAT
GGGTTACCAGAGGAAGAGCTAAGCAACATGGCCAACGCCCTGGCCAGCGC
CACTTGCGAGCGCTGCAAGGGCGGCTTTGCGCCCGCTGAGAAGATCGTGA
ACAGTAATGGGGAGCTGTACCTGCCCCG

>Sequence 2483

AGGTACTTAAATTTACAGCTGACTCAAATTGCCTCACAGAATTATTTGA
TGTAGAAGGCTAGTTGTCTTACTTCAGATCAGCAGGACAGTTGGGCTCTC
AGACTCATGACCACTGAGTTTGTCTGTGTTGAACTGTGGTTTCATCCAA
CATATGCTATTGGACATGATTATTATTCATTCAAATGGATTACAGACTT
CTTGAGGACAGGACAACTTATCTCTCATGGTGTTTTTTTAGAATACTTT
TATAACCAAGGAAGAAACCATGCCAGCTGTTACCATTCAACTTCTTAAGC
AGAGATTAAGCTTTTTCATATCTGTCTTATCCTGGACATCAGTAGTTTT
TAATTGCCAGCATCCGTTCCATCTTGTAACAACCTCCCTGATGTTTCTTA
AAACCACCTCTTCTATTTTCG

>Sequence 2484

AGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACTAATGAA
GTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTATAACATT
AAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAATAGCATA
TGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTGTCCCTA
CTTCTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTTTATTATGGTTAGCTGTCAC
ATACAACTTTTTTTTTTTTGAGGTGGGTCTCGCTCTGTCACCAGGCTG
GAGTGCAGTGGCGGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCCATGTTG
AAGTAATTCTTCTGCCTTAACCTCCT

>Sequence 2485

CCGGCCAGGTACCCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGG
TCTGGTTCAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCA
CTTCTCCTAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATT
CTATTAGCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCTCCTCCTCAGCA
CTGGATCTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCTTACACT
TTCTGTCTCACCAGTTTCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATT
ATTCTTATTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCACTTATTTCGACCTCTCACC
TGGATGGATGCTCCTGCAGAAAACCTATACT

>Sequence 2486

AGGTACTAACAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAAG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
AATAGTGATACCTCTGTGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTTCAGGACAAATTTCAAGAA
AACTAGAAAACCATTTTACAGCTGAAATCTTTCCCTAACCATTTGGTAT
TTCCACTTTTAAGTCCTCAAGAGATGC

>Sequence 2487

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT

Table 3

462/1077

GGATCTGAATTGGCATTGCCGGGATAGAGACTGTG

>Sequence 2488

CCGGGCAGGTACTTATTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCTTAAGCTAAAA
AAATATATAAACTTTAGGGAAGAGCAGAACACTCAGGAAGTGCACCCATA
CAGACTTTATATTCTTCACTTCAAGAAATACAGGGTACGGGCTGGGCGTG
GTGGCTCATGCCTGTAATCCCAGCACTTTATCACTTGAGGTCAGCAGTTT
GAGACCAACCTGGCCAACATGGTGAACTCCCTCTCTACTAAAAATACAA
AAATTAGCCGGGTGTGGTGGCAGGCGCCTATAGTCCCAGCTACTCAGGAG
GCTGAGGCAGGAGGATCACTTGAACCCAGGAGGCAAAGGTTGCAGTGAGC
CAAGATCACCCCAATGTATTCCAG

>Sequence 2489

AGGTCCAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGA

>Sequence 2490

CCGGGCAGGTACTATTATAATATCGATTTTATAGGAAATTGAGACACAGA
TATTAAGATATCAACGCAAAGTCATAGGGGAGGGAGGAGAGGGGGACTG
TAATTTGAACACAGTTTGTCTCCAGAGTTTGTGCTTTTAGCCACTGAGTA
GTTGTTAAACTTTAGTGTGCATCAGAATTACTTGGAAGCCTTGTTCAAAC
ATTGCTGGGCTCCCCCGCAATTTCTGATTCAGTAGCCCTAGGATGGGGA
CTGAGAATTTTATTTCTAACAAGTTCCCAGGGGATGCTGGTGTGTCAGG
TTCAGGGAACACACATTGAGCCAGTGCCTAAGCCCTGCTGCCTCTTTG
GGTAATCTGTGCCCATGTTT

>Sequence 2491

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCCTTTTCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGATAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTTCGGCTC
CCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACTATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTAA
AATGGGGGAGTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCACCCTATTCAGGGC
AGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCTGAAAAGGGAACGTTAGATGTGG
AACTATGGGATCATGTTGGTGT

>Sequence 2492

AGGTACGCGGGCTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCCTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTTTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGGGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCGCCCAGAAGAATTCAACTGCGCTTACTGCA
AAAATACAGTGGGCCTACATTGGATTTGGTAGAGGAGGAAAGGGAGCCCT
GTATTTGGGAGGCTGTGCCTTGAAGAAATTTTTTGGCCCCG

>Sequence 2493

CCGGGCAGGTACTCATTTTCCCTCATACTTCGGATTGACCACAGTTGTTA
CGGCACTCTTATAAATAGGATTTTACCCTACAACAAAAAAGTGAGA
AAAATTATCAGTTACCTACTAAAATTATGTAGAATAATTTTTATAAATC
AAGACTAAAAGTTGCAATCATCTTAAGAAGTCATTTCTATTTTATTTGTC
CAGATATCACAGTTGTTTTAAAGGCATTAATAATGGTTTATATAAAATA
GAAAATGGAAGCTTTGCTTTACAAGTCTAATGATGCCCCGTTATCTGGTG
CTATTTCAATTCTTGAGTCCTTCCCTCCACTGGAGGCTTGATTTAAGAATGT
TCTCCATGGCACAGAATGTGCTGTATCG

>Sequence 2494

Table 3

463/1077

AGGTACATTTTTATTATCCTTATACCAGTTATAAAGTTCATTTCATGGTCTCCT
GATCCTGGCATCCGTGAAAGTTGCAGTTTTACTCCTAAGGGGAACAGAC
ACGGGAGATGAGCCTGAGCGATCACAGCCTGCCCTTATCAGCGGCAGGCA
CAGGCAGGGACCTGCATCGCATGGTTCCTACAGCGCTTTTGATTCCGAC
AACACAGACAGGTCTACTCAAAATCCAATTGAAAAAGACTTTCATTG
GAGTTAACAAATTATGCCCACTTAACAAGTATTTTGGAGAATATGTAATA
TTCTGCTGAGGGAAGACATTGAAATTGAGTTCAAATGTTTCATTCTGGTCC
CCTTCGAGGGGCTTAACAGGGTGGGCGAGGAAAGGGCAAT

>Sequence 2495
NCCGGCCAGGTACGCTTCCCTTGGCACCATGTTATACCATCTGTGCTGGG
CTGAATAGTGTCCCCCAAAATTGAATAATGTCCCCCAAAATTCGTGTA
TACCCTGAACATTAGAATGTGATCTTACTTGGTATTACTTGGTATAGGGT
GTTGTAGAAATAATCAAATAAAGATGAGGTCATACTGCATCAGGGTAGAC
CCTAAATTCAATGACCAGGATTTTATAAGTGAAAGGAGAGGGCGGATTCA
GAGAAAAAGACACAGACACACAGAGAGAAGACAGCCATGTGAAGACAC
AAGCATAAATTGAAGTGACACAGCTACAAGTCCAAGGGAATGCCAAAAAT
TGCTGGTAACCACCATGAAGTAGGGAAGA

>Sequence 2496
AGGTACGTGCAAAGCATTCTATGTATTTTTAGCAGAACAGGAGACTTACT
TTACACTAGCTGAAGTAGGTGTCCATCAGTGCCTCTGCCAACCATTGGAT
GTTAGAGGATTCTGCCACCTAGCTTATTTTATTTGTATTTAAGTGAATAT
ACCAAACATTTATATGAGCAAACCAAGTTTTACATAACATGCTTTTGGTA
TGTATTATGACTTTTTACATTTCTACTTGGATTTCTCTTCAGATCTCAG
TTCCACAAATCTGCATCCAGGTTTCAGGGGCCTCTGATTCTGCACANAAT
CATATGAGNCCANNAGTGGATTGATTACTANGACAGAAATCCAGATCCTT
TCCCCCAGCTAAATAAACCTCTGCCCTTCTTGATTTCCTCA

>Sequence 2497
CTCACCCCGGGGCGGGCCGAGGTCTTGGAATCCAGGCCCCGCCCCACC
ATGCCCAGCTCATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTCCACCATGTT
GGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCCTCTGGCCT
CCCAAAGTGCCGGGATCACAGGCGTGAGCCGCCACACCTGGCCCTCTATT
TATTCTCTTTAAAGAGAGAGAGAAAATATGAGAGGCCAAAATTATTTAATT
AAATCTTTACCTTAGCACAAGGGAAAAAATGGAATTTGCCTAATATAGGT
GATGAAGCATACACAATGAACAGAAACAATCACATTTTAGTAAAAGGCAA
AAATTTGAGACTTATAAGCTATATGGTACGCTTATTTTTGGGTGGGG

>Sequence 2498
AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCCGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGAGA

>Sequence 2499
CCGGCCAGGTCCCCGGGGAGTGCAATCTGGGCGATCGCTTCCTGGTCCTC
GCCTCCTCCGCTGTCTCCCTGGAGTTCTTGCAAGTCGGCCAGGATGTCTC
AGGCTGAGTTTGAGAAAGCTGCAGAGGAGGTTAGTGCACCTTTAAGACCA
AAGCCATCCGGAATGAAGGAGATGCCTGTTTCATTCTATTGGCCCACTTA
CAAAACCAAGCAACCTGTTGGGTGCAACATAAAATAACCAGAAACGGGGC
CCCGGGAATAGTTTGGAAACATTTACCGGGGCAAAGGTCTCAAAGTTGGG
GAATTGCCTCTTGGGAAATGAAGACTTGTAAAAGTGTGAAACTTTCCCAA
AGTGTAAGTATTGTCTCAATTTGAAAAGGCCTTTAACAATTCTAAACCA
AAAGTTTATGTAAAGTAAGGCCTTAAAAGGTAAAAAAGATTAACCGGG
GGCATTATTGGAAGAAGGAACCTGGGGGAATTTTTGGG

Table 3

464/1077

>Sequence 2500

CCGGGCAGGTACGGGGAGGAACAGAGTCCCTCCTTTACTTCTCCATTAGA
AAGAATGAGATGACAAGACAATGAAACAGGCAAAGTGAACAGAGATGCAA
GACAAAATTCAGGTGAGAGAGCCAGAGCATCGCTCAGCCATTCTGACAT
GTAAAACAGGCAACTAGAAATTTGCAGAAAGGAAGCGAAGTCTCCATAAA
GATGTTTTTAAAGTGAGCTTGAAGTATTTGGAGACAATTCAGTGTTACAT
AAAATCTGCAAATCTTTGGATAAAGAAAGCGAGATCCCAGCATGGGACAA
ATGGAGCCTCAAAAGTGGGAAGAAGACAGAGAAGACCAGGGGCAGAATGC
ATTATCTTCCTTTTCTCTTGGCTTTTCCTGGGATAAGGACCTGGCATT
ATTCCT

>Sequence 2501

AGGTACCAGTTGTAAAATTCCCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGAT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTTTGGGGTTT

>Sequence 2502

CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATT
TTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGG
ATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTCTATTTATTCTCTTTAAAG
AGAGAGAAAACTATGAGAGGCCAAAATTATTTAATTAAATCTTTACCTTA
GCACAAGGGAAAAAATGGAATTTGCCTAATATAGGTGATGAAGCATACAC
ATTGGACAGAAACCATCCCATTTTAGTAAAAGGCAAAAATTTGAGACTTA
TAAGCTATATGGGAGCTTATTTTGGGGTGGGGGAAGAAATGAGAAAAGG
AATTTTTC

>Sequence 2503

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAATAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATT
Ttagtggcactggggaaatcttggcaccagagaagaattcaactgcgctca
ccgcaaaaatacaatggncctacanttggatttgtangaggagaaagnga
gccctgntattgtgangctnngtctatgagaannattctttgccctgn
annatgtggtcgaatgccaa

>Sequence 2504

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATTCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAACGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGCTGATATTGGGGATACT
GTATCTGAATTGGCATTGCCCGGATAGAAACTCTGTCCCTTTCTACTTGG
TTTTCTTTGGGGTTGGGCTTGTCTAACCTGCGTTTGG

>Sequence 2505

AGGTACTGGTGCCAATATTGCCATGGTGAGTCTCTCTAATGTCTTCCA
GGGCACCAATATCTGCCCATGTCACATTAGGGACAGTGACAAAGCCTTCC
CTTTTGGCAGAGGGTTGGACTGAGGATTGAGCAAACCAATGAAATCATTC
AATTTCAATGCACAAGTCTTGCAATCCGCTTCCTCTGAGAGGGGGATCT
TTTGGTCTCTTAGCAAACCCAGACAGCCTTTTGTAAATTCATTCCTGTG
TTTTCAGTAAGTTGGGTCTCAGTTTCTCCAGCCTTTCCCTTCCTTGA

Table 3

465/1077

CTTCCTTTTTAGATGGGCAAAAATTCTTCCATTTTCAAGGAATTTTTTTC
TTCTTGACTGTTTCCCTGTTAGCCTTTCATTTAAAGAACCTCTAATTGA
ACTGGCACAACCATTGGCTTGCCCTCTTCGGCAACAAGTGGCCCATGAAG
AATCAGGCAACCAAAACAAAAGCCCTGGGAAGTTTAGGGTTGTTGCCTAAAGATGAA

>Sequence 2506

AGGTACTTCCAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCAATTTTAA
CATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATTGGCACTC
CGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCCCCTTTATAATCTGAA
TAAATTACCCAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGACTTGATCT
CCCTAAAATAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATACCCCTC
TAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAGAGACCATTGTTGGGTG
GAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGCTGTTG
GATTGTTGTAATTGGCTGACTCCTGAAGTGGGGGTATTTTCTGAGGAGTT
TGTTGTCCT

>Sequence 2507

AGGTACACTAGTATTTAACCTGGACATGAGGAAGGAGTAGGAAATTTTCT
GGTGAATACAGGAGAGCAAAGAGCAGCAGGTCAGCAGGAATGACTAATTT
TTTTCTATGCATGTTTAAATGGAATATTCGTGTAGGATATTTTGTAGTAGT
CATTGGATAATCAGCATTTATAACTCACATCCTACTAGTTTGATTCTCAG
TAATAAGACTTGTCAAAGATCCAAGAATCTGAAAGTCAGTAATAAATGTC
CATGTGCATCATCGTCCGTGACAGAAAGTCAGCATCCACAGAACACAGAA
TTGGGACAGATGAACTTAATAGATAAAGATGAATATCGGAGTTGTTCCCTC
TTAGGGAATGATACTCTCCATGACCTGTGTGAGTCACAGCTGCAGAAAAG
AAAGAGCAAGGAGA

>Sequence 2508

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCAGGGCAAGCTCTAGGAGCTGGTGAGTCTAG
AAGGACGGACTAGAGAGAGCTGGCATTGGAATGGACAATCGCTAGAGGGC
GCCGGAGCACTAGCAGAGTCAACCTCCGGGACCCATAAGCAGGGCTTCTA
GGATAAGGAATGGAGTTTGACCCAACCCCAAGATATGCCCTGGGGATATT
GGTTTTCTCAGGTGCATCTGACTCTCCGGCCTGGATTGCCTCGCTGCGGA
GAGGGGACAAAAGGTTTTGCCCTGAGCATCTGGTGATGTCTTCCAGTGCC
TGGTTAGGTTGCTCCGCGGCTGGACAGTCTGACTACTCTCAAACTCCTC
GTGACAGGCCTTTCTGGGGTCTGAACGCCCTTTGTTTCCT

>Sequence 2509

CCGGGCAGGTACAAGAAAAAATCAAACAATCACATCAAAAAGTGGGCGAA
GGATATGAACAGACACTTATCAAAAGAAGACATTTATGCAGCCAACAGAC
ACATGAAAAAATGTTTCATCATCACTGGTCATCAGAGAAATGCAAATCAAA
ACCACAATCCGGGAGGTCTTGCCAAAGACCACCTGGGCTTTCCGGGCAAC
GTGCTAGAGCTTCTGGGAAGCAGTCATGGCCCTTTGGAGATTCCACGGCT
TCAGATCCCTACTGCAGGATGCTCCACTGTGCCTGCCGGCCTCTGGCGTT
TTGCTGAGGGGTAACTCGGAATGGTTAGAAACAAGAACTGAGATGGC
CCAGTCGTGCCCCAGGCATTCCCGCACACGTGGTGGCAAAGA

>Sequence 2510

CCGGGCAGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACA
CTGTGATATGGGGATTCCCCTTGGGGGTTTTTCATGTGTATAGGGTGCCTG
CAGCTACACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTT
GCTTTTTATAGGCTTTCTTGGTCTCCTCTATGTTCCCATCATTTTCTTG
CTTTGAATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCTCCATTTTAAATTTTCCA
TAGGCTGAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTA
AGAGTATACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAATCTGTTACAGGACC
ATGTTCTCTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCCCTCCAGCTT
CTGGGGTGGCTGGTG

>Sequence 2511

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT

Table 3

466/1077

TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCCGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCT
TTAGTGACACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAAACCTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCCTGAATGTGGTCTGA
TGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGG

>Sequence 2512

CCGGGCAGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGAT
CGCCCTGTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGT
CCACTACGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGGGGGCGGTTGAGGATA
CAGCGCCGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGT
GCTGGTATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTG
TATTGAACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTA
TTGATAAACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTCTACCGGCTGATATTGTG
GATACTGGATCTGGGTTGGCATTTGGCGGGATAGAGAATCTGTCCCTTTCT
ACTTGAATTTCTCTTGGGGGT

>Sequence 2513

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGTGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTTCCTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGGATTACAGATTTTGA
AATTGAAAGTCACAAAGTTGAGCCATTACCAAATGACGAGGAAAAACAGT
ACGAAGAAAAATCTTGAATGGCCCTCACAAGTACCATGCAAACAAACAAA
AATGGGAATACTTGTGAATGACATTGAAGGCATTCCCAAGCTGTGGGAGG
TAGATAACCCACGGGTGCTAGAGGGGTCAGGGAATTCTGGTCCCTTGCC
TGTCCTTAACTGGTGCCGTTTCATAAACCAAAATCCAATTTCAATATTT
TCTTAAACCCTTCAAAAACAAAAGCTTGGTTGTAAATATTCTTGATCTTC
TAACGGGTTTCCTTTCTTGGGCCCAACATTTCTTC

>Sequence 2514

CCGGGCAGGTACTGAGTTTCAGGAAACAGTGAGATACTTTTCAGCAAAACA
GTGGGCTTCATGCTGAAAGAAGTCACTCCAAGTAAACACACATCACACAC
ACACACACACACACACACACACATACACACACCCGCAGACACCCTAGT
GGCCAATGGGTCTCTCACCAAAAACCTGTGATCAGGAGAGCAGAAAGCC
TCCCAGGGGTCCATCACTGCCCTTTCTGGAGCCCCTTATCAGATGGCCAG
CCCCAGGACAGCACTGTCTGATCCTGGTCCAGTCCAAACCGCCATCACCC
TGTGATGTGGGAGCTGGCCACTTCACCAGAACCTCTGTGTCAGAAAAATT
TCTCTTCCTTTTAAATGATGAGGG

>Sequence 2515

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCCTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTTCCTCCTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCTTATGTGCCTTTTCTTCACTTATTTGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGAT

>Sequence 2516

GTGTTGGAATCCTATTATAAGGCCAAGGGGAGCTGTACCGCGGTGGCGGC
GCGAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACTCA
GACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATC
AGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAGGG
CCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCAATT
AGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGA
TGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAG
AATTAATGGCCTATGAAAATGCAAAATCCAGAATGTTTCAGTCGGCCATAAA
GCCATTAAGGAAAAAGTTCCAGCAGGAGTTTGATGGTAATTACA

>Sequence 2517

Table 3

467/1077

CCGGTCAGGTACAAAGTCTTTGAGGCAAAAGTTTGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCA

>Sequence 2518

CCGGGCAGGTACTACAGATTACAGTGCTATCCAGAGGAAGGGAGGCTGAA
AGTGTCTGATTTTTATAGCATTAGGTTTCAGTCTCACTGGCATTACTACT
TTTATACTGAGCTGCAGCCAATGCTGCCTTGTGCTTTTTTAAATGGATAA
AATCAGTTGTGCCTGAGAACCCAGAACTGGGTGAACAACACTTCCTGTC
TTACTACTGGCTAATGTAAGTGGTGCTGTGGTGCTGACCTTGCATTCTTG
TTTTTGAGCCACTGGCTGACTGACACTTTTTGAAGATACACATTCTGATG
ATGTAGAGGCCAAAATGGTATTTGATAAAGAGGAAATTACTTCTGAACCA
CCCCAGCTGGAACACTGGTAGTATCGGCAGCAA

>Sequence 2519

CGCACCGGTCGTTCCACCTAACTATTACGGCGAAGCGAAGCTCCACCGCG
GTGGCGGCCGAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTAAATAT
AGACGCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAAC
AACAATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGC
CTCAGGGCCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAA
TTCAATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGAT
TACAAGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCAAAAGTT
ATTGTAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGC
CATAAAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAG
AATATGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATG
CTAATGG

>Sequence 2520

CCGGGCAGGACGCGGGGAGAAAAACAGAGGGGAGATTTGTGTGGCTGCAG
CCGAGGGAGACCAGGAAGATCTGCATGGTGGGAAGGACCTGATGATGCAG
AGGTCTGTAGGCCATGGGAATGGGTTTGGAAATTTATTCAAAGAGCTATG
GGAAGTGACTAGAAGGTTTAAAGTTGGGGAAGAGGTTTTGTGTTTCTGTT
ATATTTGTGTTTTATACAAATTACTCTGGTTGCTGTGTTGATAGGACAGC
AGAAGGGTAGGAGCAGGGACACCAGTTAAGTTATTGCAATGGTTAAGGTG
AGAGGTGGTGGCTGGGCCTAGGCCTTTTGGAGTGAACAAGCTATTTGCT
TGGCTTCCATGATCCTTCTCCCTCCACTGGAATGGAAGGTCCTC

>Sequence 2521

AGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTAAATC
AACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGC
CCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCATCACGTTATTTTCATCTGGAA
ATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCATA
TGGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAAAACAG
GAAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATGGAGGCA
GAGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCCACCCAG
AAGCTGGAAGGAAATGAGGGATTCTTTCCTAGAACCCTTATAGAGAACA

>Sequence 2522

AGGTACTTTTGGCAATCTGTTGCAACACAATGCTGTGTTTAATTGATTCT
ACCATGCTATTTGTGTCTCTTTGAGAGTTTCAATTTTCTTCTCTGTTT
ATCTTCTTTGCAGTTTTGAAGCTTGTCTCAAAAAGCTTTAATTGTTCAA
TCAAGATTTGTAGGTAAGCATCAGCTTCTGTAAGTTTCTTATCAAAATCT
TGGACACTAGGAACAAAATCCTGAATCCAAACCTTGAAGCTGGAGAGTATG
TCGAAGAATTGTTTCTTCTAAGGCATGGATCCACTTCTCTCGCTCATCAG
CATCACGGGCCTGGAATGGAAGGTTTTCTGATCAACAGTTATTGTGAAG
GTGCTGTGCTCTCATCGTCTATACCAATCACAGCTCCTCTGAGTC

Table 3

468/1077

>Sequence 2523

GGGGGGGGTTCGTTGAAATCCGTCTGTGAAGGCAATTGGAGCTTCACCGCG
ATGGCCGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCCGCAAA
ATTTTTCATTAGATATTTGCTGAGATTTTGTCTTTTATCTAACCTCA
TTTGGTGTCTGTAAAGCGCATCTTGAACAGCCCCTAGAGCTAAAGGGTA
GTCAGTAGACCAGCAGCATCAACATCAGCTGGGAGCTTTACTGAATTGCA
GAATATGAGGCCCCAGTCCAGATGGACTGAGTCAAAGTCTGGGGGGATGT
GACCCAGCAATCTGTGTTCCAACAAGCCCTCTAGAAGATTGGAACACACA
CGAAAGTTGGACAACCATTTGCTTTGAATTTTGACACCAGAACTCAGGGA
AAGCTACAGAATGACGTTTGAATGAAGAAGCAATATTA

>Sequence 2524

CCGGGCAGGTACAATAAATCTTCTGTCCCTTCCACCAGAATACACATGT
GTGAAGGCATCATTGACTTGCAGCGCCCAACACCTTCATCATGGACTCG
GTATGTTGCTATACATCTCTGCTGGCCAAGGGACCAAGGCGAATTGTCC
CATCAAACTGCCTGACAGGCATTGCGTGCCATCTCTGTTAATAGCAAT
GCCTTCACATTATCCGTGTGCCCTTTAAGCTTCATTAGTTTGCACATGT
TCTTGGATCCCATAACCTGAACACCTTTTCACTGGACCCTGATACAATGA
TTGTTCCAGTTGATTTCAGTGGCCAGGCTATAAATGGAATCTTTGTTCCA
CTTAAAGAAGAAGTTGTGACAGTGTTATTTGAGGCAGTCAA

>Sequence 2525

GGGGGGGGGTAGGATGCAATTAGGTATATCAGGCGAATTTTAGCTTTCAA
CGCCCTGGCGGCCGCCCGGCGAGGTTTCATGGCGAAGCTTGAGACTGTAAC
TCTTAAGATTGGGACAAATTAAGAAAAAATGTGATTAAACACAATTAC
AAAACTGTTACGTTAGGGTCAAACAAGAACCATTTTATGAACTGAATT
ACAACAAATGACATTATATCTAACTCTTCCGGGTCTCCACAGCACTTATA
CTTACTTAAGCAGCTTAAACACTTCCGAGTCTCCACAGCACTCTGATACT
TACTTAAACAGCTCTTTTAACTGCCCTAGTATTCTTAAGTGCAGCATAT
CTAATTTTTTTTTTCCCTCAGTAGTTCGAACACTTGCTGGCTATTTTTTC
TGTCGAAGTTCTCAGTAACTTCGGCCTGTGTAGTCAGTGGTTCA

>Sequence 2526

CCGGGCAGGTACTCATTTTCCCTCATACTTCGGATTGACCACAGTTGTTA
CGGCACTCTTATAAATAGGATTTTACCCTACAACAAAAAAGTGAGAA
AAATTATCAGTTACCTACTAAAATTATGTAGAATAATTTTATAAATCA
AGACTAAAAGTTGCAATCATCTTAAGAAGTCATTTCTATTTTATTTGTCC
AGATATCACAGTTGTTTTAAAGGCATTAATAATGGTTTATATAAAAAATAG
AAAATGGAAGCTTTGCTTTACAAGTCTAATGATGCCCCGTTATCTGGTGC
TATTTTATTCTTGAGTCCTTCCCTCCACTGGAGGCTTGATTAAAGAATGTT
CTCCATGGCACAGAATGTGCTG

>Sequence 2527

AGGTACTTGCCCCCAGGCCAGATAATTTATTTAAAACTTTTTTTGTAG
AGACAGGGTCTCACTATGTTGCCCAGGCTGGTCTCAAACCTCTGGCCTCA
AACAATCCTCTACCTCAACCCCCCTAAGTGCTGGCATTACAGGCATCAGC
TGCCATGCCTGGCTACAAATCTTAATGTTTCCCCATGGCTTCTTTTCT
GGCGTTCTTTTCTCAGGTAATGGAAGTGGGCAGAGAATGATCCTTTCCCT
AGGCTCCAGTGTGTAAGAATTAAGAAAGAGGAAAGAAACACAATGNGCT
TGATGGTCGAGGACAGGTTATTTTAAAGAAAACAAACCCAAGAGTGCCN
TTCTGGCTGAGTTAGATCAGAGGCATG

>Sequence 2528

AGGTACAGAACGCAAGAAGGGAATAGGTGGTCTGAACGTGGTGTCTCACT
CTGAAAAGCAGGAATGTAAGATGATGAAAGAGACAATGTAATACTGTTGG
TCCAAAAGCATTTAAAATCAATAGATCTGGGATTATGTGGCCTTAGGTAG
CTGGTTGTACTGAGGCTGTATACAGCCACAGCCTCCCCCATCCCTCCAG
CCTTATCTGTCATACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAATCTA
ACTTGTAATTCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCCTTCTGCCTGAG
AAGCTCTTCCTTGTCTCTTAAATCTAGAATGATGTAAAGTTTTGAATAAG
TTTGACTATCTTACTTCATGCAAAG

Table 3

469/1077

>Sequence 2529

AGGTACGCGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTT
TCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCCTCACTGC
ATAAAATACAATGGTCCTACATTGGATTTTGTAGAGGGAGAAAGGGAG
CCCTTGATTTGTGAGCCTGTTGCTATTGAGAA

>Sequence 2530

AGGTACCTTCTGCTGTTCCCTGGGTCTTCAATGACTCAATTTCCCACCAG
CAGTATCCTTTAAAGCCATCCTGCATCCTGAGACAAGAGATTGACAATTC
ATTGATAAGTAGTCTTAATTGTCACTATTACAGGGCTGTAGGTCCTTTCG
CAGCCATGCCTTTCAGTCCTAAATGGTCTTCAAGGTTGGGCTGTGTTGTC
CAAGAGCTGAGGACCTTACATTTATTGTTCCAATATTTATTGGCTATAAT
GATTTCTGTGGAGCAGTCAGCTGTCAGAAAATTTTGTCTCCTTTGTAGGT
AACCTGTCATTGGTCTTTGGATTTTTTATAGTCTCCCTTTGTATCTGGT
GTAATTTAGTTCAATCTGTTGTGCCTACGTGTAGACTTCTTGCTTGAAA
AGC

>Sequence 2531

AGGTACTAACAAATGCAGTAGCCAACAAGATTACCATGCAATCATTAAGG
AGAACCAAAGTAAGAGAGCCACTCAAACCAGATTTTGAACGCTACTAAAA
TTAAAGTAGTTCTTTGATGAATATGAATGAGTAGGGAAAGGATTCTTTGT
GATAGTGATACCTCTGTGGTAAGAGAAGGGTGGTATGTGAGTTTGTAGTCT
ACAGATTATGGCAAATTCAGTGACAACAATCAAATGGTCTAAGATTGACA
GTAGCACAGTTTTACTCTGTGAAGGTAATGTTCAAGGACAAATTCCAAGA
AACTAGAAAACCATTTTACAGACTGAAATCTTTCCTAACCATTGTT
ATTTCCACTTTTTAAGTCCTCA

>Sequence 2532

CCGGGCAGGTACGCTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGT
TGGCTCCCCAACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTCTCCGGGGTAATAT
GGGTCACGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCC
TGTTAAAATGGGGGAGTTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTACACCCTAT
TCAGGGCAGTTGGAAGAACANCTGTCCTTGGTTTTCTGAAAAGGGGAAC
GTTTAGATGTTGGAACTATGGGGATC

>Sequence 2533

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAATGTGGTTCC
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGG

>Sequence 2534

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCAGACAGATTGCCTTATTTTCAGCTCAATAAA
ACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTT
GAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCA
GAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTA
AGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAG
GTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCC
TCTTTTTTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGG
CACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACAT
T

Table 3

470/1077

>Sequence 2535

CCGGGCAGGTAATAAGTAGGTTTTAGGCAACCATTGGGGGTCTTGGAAT
GTGTCCCCTGTGGATGAGAGGGGATTACTATATTCCATATTGAAATCTTG
TCAAAGCAAACGATTTGCAACTTGTCTGTGAGAGTAGATCTAGCTTCTGG
ATGGTCCAAAACTTAGACTCTTTAGAAGCTTCTTATAAAAAGAAAAGAT
GCTCACTTGAAGAAGTGAACCTTCAAATTCTTCTGTGAAATGCTTAGGCC
AGTTATACACGGTGTGTTGAAATAACAACCTCCCTCCCTAACTGAACATC
CAAACTGAAATTTTATATTGCACAAGGTCTATCACACTTATTACCTAGA
AACTGCTTTCCTAAAAAT

>Sequence 2536

GGGCATGCTGTAATACATCTATATAGGACGACTTGGAGCTCATCCGCGGT
GGCGGCCCGCCGGGCAGGTACCTCAAGTTGCGTTGTCGTATTTATATACA
TTCCTATGCTTGAACTGCCCAATAAATGGATGAGGACTCACTTTACCCA
TAAATAAGAGAGGTGAACAGCACATGGGGCCTGTAGATGCCTTTTGCAGG
GCCCTCTTTTCTTCTTCTAAAGTTGCAATTTTGAGTAATTTTTTAGAT
GGGGCCCATTAATAGAAACCTGCCGTCCTAAAATCAGAAGCCCTGGGGAG
AAGAGATACAGGGGGTAATGGCTTAACATTTTGCAGAAGTGGGGAAACAA
GCCCCAAAAAAATTAAGAATTGATTATACCAAAAAAGGCTTTCCTATA
CTGGGAAAAAAAACCCAATCTGGGGGTAAAAAAAATCTTGTTGGCACCC
AAAAAAGCAATTGGAACCCATTCTAACATTAACCTGGGTTTTTAAACA
AAAAG

>Sequence 2537

AGGTACATAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTGGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTT
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGGCTGAGG
AAGACTGCTGCGGGCCATTGTAAGAGCCAGGCCGTTGATCTCATTTAACC
TTTCCCTCATCTTCTAGAGTC

>Sequence 2538

AGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAAAG
CAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAACA
GTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGTTT
CCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAATAC
CAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTGGAGGTA
GACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGGCTTGAG
GTAAGACTGTCTGCAGGCCCATTTGTAAGTAACCCAGGCGTTGAATCTTC
ATTCAAACCTTTTCCCTTCAGCCTTTTATTAAAAGACAGGCC

>Sequence 2539

AGGTACCAAGTTGTAATAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAATCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GGATTTGAGTTGGCATTGTCCGGGCTTGAGACTTCTTTCCT

>Sequence 2540

AGGTACTTGCTCCATGCTGGTGCCTGGACAAGCTCCACTGCACAAGCCAA
CGTGCCCCAGGAAGGTGCTGTATGCGAGAGTTTGTAATAAATACAGCGCA
GCATCACTCACGATGAGGCAAAGCTCCTAGTGACTTTAAATTTCCAGATA
GACCAGACAACATCACGAATCTCCTGAGGAATCATTAATCATTACTAGAG
AAACAGAAACGTCATAAACCTGTCCAAAGCTGGACACCGGACATGGAGT
TGCCACCGTTAGAGCTAAATTTTATTCTTGGCTTTCTGATACCTAAAGTA
TANTTCAGAAAGTNTTTTTTTTTTTTACAACAGCCCTGTTTTTGT

Table 3

471/1077

TAAACATCA

>Sequence 2541

CCGGGCAGGTACGCGGGGTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTA
CAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAG
TATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACT
CTAGAAATTTTATTTTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAG
GACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAAC
TGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAA
AGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGCCCTGAAT
GT

>Sequence 2542

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCCTACTTCTAGAAAT
TTTTATCTTCAAACCTTAGTTGGGCCTCTTTTTTCTTGTGTCAGAAGGAC
TCACTTCTTTAGTGTGCACCTTGGGGATATATCTTTGGGCACCCCTAGAA
GTAAATTCAACCTGCCGCCTCTACTTTGCAAAAATTACAAATGGGCTCTA
CCATTTTGGATTTTTGTAGAAGGGAGGAAAAGGGAGGCTCCCTGTTATT
TTGTTGAAGGCTTGTGCTTATTGAAGGAAAATTTCTTTTGCCCCCT
TGAAAATGTTGGGTCCGGATTGTCTCAAAAC

>Sequence 2543

CCGGGCAGGTACGCGGGGACACACACACACAGCACCTGCACGCAGATG
CACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGGGCTTTTT
GATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGACTTCATT
GCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCACTACAGCTCAAAGAA
ATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTTAAATGGAAGAAGCTGG
GGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCTTCA
GCACCACTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTTCTG
CTGGAGTGGAACCACTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTCACCAATGA
CCGCCGATGGGAGTTC

>Sequence 2544

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACTTCTCC
TAATTATCTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATTCTACCCATTCTATTA
GCCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGAT
CTCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGT
CTCACCAGTGTTCCTTAACTGATTTACCGTGCTACACAAAATTATTC
CTTATTGGGGCTTATGNTGGCCTTTTCCCTCCAACCTATTTTCGACCTCTC
ACCTGGGATGGGATGCCTCCT

>Sequence 2545

TTCCCGGGCAGGTACTATTATAATGACATTTCCAAGGAACAGAGATTAAT
CAATGTGCCCAAATTCACATTATTCACAGAGCTGGGATTTAAGCCTAGTC
TGGCTGTGGAATCTGTATTCTTAATGACCATGCTATATTGCTTAAGATTA
ACCTTGAAAATTTACTCCAGTTACAAAGATTGTTTTTATTTCTCTGAAAC
TGCCCCCAATGAGCCATAACAATAAATTAATCAATTATCTTGGTTATCTC
TTTTGCCCAAGTTTATATTTCAAAAAAATTCAAACATACCAGAAAGATG
AAAGAATAGCACAGAATCCAATCAAAGATCAGGCACTGCATGTCATGTCT
TCATTTCTTTAATCTAAAACATGCCTCTACTTCTTTGATCTTCCATGA
CATTGG

>Sequence 2546

CCGGGCAGGTACATCTACCTAAAGGACTATTATGTGGAATAATACATACC
AATGAAGTATTACATGATTTAAAGACTACAATAAAACCAAACATGCTTAT
AACATTAAGAAAAACAATAAAGATACATGATTGAAACCAAGTTGAAAAAT
AGCATATGCCTTGGAGGAAATGTGCTCAAATTAATAATGATTTAGTGTTG
TCCCTACTTTCTCTCTCTTTTTTCTTTCTTTTTTTTATTATGGTTAGCT
GTCACATACAACTTTTTTTTTTTTTGAGATGGGGTCTCGCTCTGTACCA

Table 3

472/1077

GGCTGGAGTGCANGCGGCGGATCTCGGCTCACTGCAACCTCCACATCCC
ATGTT

>Sequence 2547

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCTTTTGTGTTTCCCCA
ATTTTAACATAAGGCCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTAT
AATCTGAATAAATTACCCCAAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGA
CTTGATCTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATAC
CCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCCAGGGAGTAAAAAGACCATT
GGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGC
TGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGGG

>Sequence 2548

CATCTTGGGTCATCGATGAGCCTCGCCCTGTGCCTGGTCCCGCTTGAGAG
GGAAGGACATTAGAAAATGAATTGATGTGTTCCCTTAAAGGATGGGCAGGA
AAACAGATCCTGTTGTGGATATTTATTTGAACGGGATTACAGATTTGAAA
TGAAGTCACAAAGTGAGCATTACCAATGAGAGGAAAACAGACGAGAAAAAT
CTTGATGGCTTCACAAGACATGCAACAAACAAAATGGAATACTGTGATGA
CATGAGGCAGCCAAGCTGGGGAGGAGATAACCACGGGGCAGAGGGTCAAG
AATCTGGCCCTGCTGCCTAAACTGTGCGTTCATAACCAAATCATTTTCATA
TTTCTAACCCCTAAAACAAAGCTGTTGTAAATCTGATCTCTACCGTTCC
TTCTGGGCCCAACATTCG

>Sequence 2549

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCCTTCATCAAGGAAGTTCATCA
AAGAATTCATCAAAGTTCAATGATGACCTCTTTTAAAATTTCTTAGT
ATTCTATGTAACATACCCGATCTTTTCCCCACACACTCCAAGAGCTTTT
TAATATAATTTTCTACATAGCCATCAGCACAGATAACCAATCCTCTTTTT
TTCCCCACTAGAGATGTGCCTTCCGTAACCTCTGTCCTCTTCCTTTAACC
TGGAATATTGCTCTTCAGGCCTGTTGTGCAGCTAAGAGCTTCATTCCCTCA
TCATCCTGGGGTTCCTTTCCCTCTCTCTTGGGCTGGAATCCCTCTTGCT
GGATCTCTCACCTTCATAAATCTAGTTTACTCCTTTGTTTTGGGAGAACA
CATTCTCCAGCAGCTTT

>Sequence 2550

AGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCCAAC
GTGGTTTTCTTTTCCCTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTTGGTAG
GTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTGGCTC
CCCAACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTCTCCGGGGTAACTATGGGTCA
CGCAGAGTCTAAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAAATTCCTGTTAA
AATGGNNGGNNAGTTCGGGTTCCCATGNGAAAATATNNGGTCACCCTATT
TNNCAGGGCAGTNGGAAGAAACCCACTGTCNNCTTGGTTTTCTGAAAA
GGGGGAACGTTTAGNNATTGTGGAA

>Sequence 2551

CCGGGCAGGTACAAAATCCGTAAACACTTCCACTAATCGAATCTAAGTCA
AAGTCCACTTTGGATTGGGGTTTGAGAAAAAATTCATTTGCTGCAACCTC
TGCCTCCCGGGTTCAAGCGATTCTTCTACCTCAGTTTCCCAAGTAGCTGA
GACTACAGGTGCGTGCCACCACGCCATCTAATTTTTTTGTATTTTAAT
AGAGACGGGGTTTCGCCATGTTGGCCAGGATGGTCTCTATCTCCTCCTGA
CCTCGTGATCTGCCCACCTCAGCCTTCCAAAGTGCCTTGGGATTACAGGC
GTGAGCCCACCGTGCCCTGGTTCAATCCAACCCATTGAGCCTTTTTGATA
GGACTACTTCTG

>Sequence 2552

AGGTACGAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTTAAGGCCC
GGGGGAAAAATCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT

Table 3

473/1077

TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GGCTTGTGATGGGA

>Sequence 2553

TGCAAGAATTCGACCAATGTGAAATCGGCAATTTTGCTGAAAGGTCGGCG
GCCGAGGTACACTGTTTTTGCATTAGCATTATGCCTCCTCTCTTACCTCC
TCTGTCCTTCATACTTGCAACCAACAATCTATTAGCAACCTGAATTTTCA
GGTTTCTTTTCAGAGGGAGACACAGACTGGAAAATGTGTATGTAACAACGT
GAAAAGTTGTATTGACACACAGGGCTGGGGTCTGGGCCAGGCCTCTGCAT
TCACCTTTTCTATCTTTAACCCTATCTTACAGATGTCCTTCAGGACGTGT
GTCTGGTGTATGGGACCGGCTCTTCATTTACATTTTTCTGTTGACAAACAG
AGTCCATGAATATTAATTATTCTGAAGTTTATTTGCAGAAAAGGCACTTT
CTAATCCTTATCAATTATTTATTAATAAATCTCCCCACCCTAATAATCTT
ATTAACATTATTATACTAAGG

>Sequence 2554

CCGGGCAGGTACTCGGGGAGGCTCCTGGGGTGGAGTCCAATTTACTCATT
GTTTGTGAAAGCTGAGCTCACGCAAAAACAGCCACCATGAAGCTGTCCG
TGTGTCCTCTGCTGGTCACTGCGCCTCTGCTGCTACCAGGCCAATGCC
GAGTCTGCCCCAGCTCTGTTTCTGAGCTGTTAGACTTCTTCTTCATTAG
TGAACCTCTGTTCAAGTTAAAGTTTGGCAAATTTGATGCCCCCTCCGGA
AGCTGTTGCAGCCAAAGTTAGGAAGTGAAGAAGATGCCACGGATCAGAAT
GTTCCCTTCAGGAAAACGAAAGCCCTCATTTGCGGGAAAGTCCCTGGGT
GAAAAATTATTGAAAAGAAATGGTTAGTGGTGGTGAACCATGTTAAAAA
CCTTTTCATCCCTTGGGTTTCC

>Sequence 2555

AGGTACGCGGGGGCGCATAGCTGCAGCCGCGGAGCCGGACGTGTCCGCGA
AGATGGCGGGCCGGAGCATGCAAGCGGCAAGATGTCCTACAGATGAATTA
TCTTTAACCAATTGTGCAGTTGTGAATGAAAAGGATTTCCAGTCTGGCCA
GTGAGTATCTGACTTTGTTTTCTTTAACCTGCTAAGTGGCATTCCGGAA
ACTTCCAGAGAGTCATTTTTAGGAAACGTTGGAAAATATTTTTAAAAAAT
TCTTGCTGAGTTGGAAAATGGAGAGGATGAGAAAAAGTTATGTATTTGAA
TCATTACTGTGTCAAACCTTTGATAAATACTGTATAATGTTTTAAAAATGT
TTTATGTATAAACTCTAAATTTATCAGTTTCTTAGTAGAGCTTAACA
TACTGGTTTGTATG

>Sequence 2556

GAGTGAACCTTTGACATGCCAATCGGTCTCCGTCAGGTCCCGGCCGAGGTA
CGCGGGGATGCTTTGTACACATACACACCCACACGTTGACCAACCCGCA
GATGCACACATCTCTAGGCAATGATGCTCTCAGCTTTTTGATAGGTGCT
TTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGGCTT
ATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCACTACAGCTCAAA
GAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATGGAAGAAGC
TGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAGCCT
TCAGCACCAGTGAGCAAGACAAAGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAGCTT
CTGCTGGAGTGGAACAGCTGGACTTACCCAATGATGAGATTTTACCAA
TGACCGCCGATGG

>Sequence 2557

ACGGGCTAGGACTTCGGGGCTTTTCTTGAAGGAATCCCTAAAGTGCACGT
GATTTCGCGGTTTCTTTACACATCAGTGCAAAGCCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAAACACCATGAGTTCAGTGCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTTATTTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGACCATATCCAGGCTAACTC
TATAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGG
ACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACT
GCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAA
GGAGCCCTGTATTGGGAAGCTGGCTATGAGAAATTTCTTTGCGCTTGAAT
GTGGGTCTGAAGTCAAAGGG

>Sequence 2558

Table 3

474/1077

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCTGGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGCTGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGGTCAGTCGGCCAT
AAAGCCATTAAGGAAAAAGTTCAGCAGGAGTTTGAT

>Sequence 2559

CCGGGCAGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGAT
TAAATCAACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTT
CATGGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATC
TGGAAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGAT
CATACTGGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAA
AAACAGGAAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATG
GAGGCAGAGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCC
ACC

>Sequence 2560

AGGTACGCGGGGAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTAT
TCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATTCTTAGT
GGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCA
AAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTAT
TGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGATGCCA
AAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAN

>Sequence 2561

CCGGGCAGGTACGGTATTGGAATGGATCTGTCTTTGGTAAAGATCAGCC
TATAATTCTTGTGCTGATGGATATCACCCCATGATGGGTGTCCTGGACG
GTGTCTTAATGGAAGTCAAGACTGTGCCCTTCCCCTCCTGAAAGATGTC
ATCGCAACAGATAAAGAAGACGTTGCCTTCAAAGACCTGGATGTGGCCAT
TCTTGTGGGCTCCATGCCAAGAAGGGAAGGCATGGAGAGAAAAGATTTAC
TGAAAGCAAATGTGAAAATCTTTAAATCCCAGGGTGCAGTCCTTAGATAA
ATACGCCAAGAAAGTTAGTTAAAAGTTATTGTTGTGGGGTAAATCCAGTC
CAATTACCAACTTGCCTGGACTGCTTTCCAAGTCAAGCTTCCATTTTCATT
CCCCCATGGAGAACTTCAGTTG

>Sequence 2562

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGGAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGNGCCTACANTTGGATTTGTANGAGGAGAAAGGGA
GCCCTGTTATTTGTGAAGCTGTGCCTAATGAGAAAATTCTTTGCCCTN
GGAATGTGGTTCGATG

>Sequence 2563

AGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGTAAGTATTTAAT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAAAAAT
TTATTTCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
TTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGA
TGCCAAAGGGAAGATCCTTGGAAAAAGTCATCACTGCCGTTGAAACAAA
CTTG

>Sequence 2564

Table 3

475/1077

CCGGGCAGGTACTTGATGGACTCATCATTACAGAATACTCCTCGTTGGAA
GGGGGTATGCCTTGAAGTAAGAATTGCAAAAGGCAATCCAGCTAGCAAAA
GGGAATAAATGAAAATATCATTAAAAAAGAAATATCAAACTAATTAAT
GGCAATAATTATCCACAGACTCTGTCTAAAAATGCATTTGCCGTGAAAA
TAAATGAGAGCACATGTAAAAAAGGAAATGCAGCAATGCATGCAACAGAA
GTTAGAAAAGATTACAGTTTTAAGATAAAGATGTTTTGTCTACAGCAAACA
AAGTGTTCAAATCCTCTATTAACCAATTTAACAAAGAGTTATCTTTCCTT
TGTTTCTGTCCAAACACACTAAATGGATTTTGAAAAATCTCTTCTCACG
TTG

>Sequence 2565

CCGGGCAGGTACTCTGGTAGCCAAGTTTTGCAAGAGCCGGGGTTTCCAGC
AGGGATGGTAGCCAGCCTGGGCACACTTTTCTGTATTGTATTGAACTC
ATTTCTGATGCTCATCCAGAAGTTCCTGGCTGGGTGAGTAGGTGAACAG
TTCAAGGCTGTGTGGATGAACTCTGGCATCTCTTACAGTGCTGTCCGG
CAGGGCAGTGTGAGGCCACTCTGTCTCCTTTGACCTCTTCTTCTTCAG
CAGCCAAATGGAGGCTCTCTAAAGGTGATGATTAACCTTGGCATAAACATG
CCAAGCTTTCCTGAGCGTTTGCCCTGAATTGGGCTGTCTCTTGCTGCTCT
GAGACAGGGAGACTGGCTGTCTGGCTG

>Sequence 2566

CCGGGCAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCG
CCCAACGTGGTTTTCTTTTCTTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTT
TGGTAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTT
CGGCTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAACTAT
GGGTACGCAGAGTCTAAACATTATGCTCATCTCTGCTATATTAAATTCC
TGTTAAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCCATGGAAAATATGGTCACCCTATT
CAGGGCAGTGGAAGAACACTGTCTTGGTTTCTTGAAAAGGGAACGTTAG
ATGTGGAACATATGGGATCATGTTGGTGCAAAATTCCG

>Sequence 2567

AGGTACAGATCTCATCAGGTATGAGGGCAGTCTCTGACGCGAACGTCTCT
TCCTCGTGGTTTTTATTGTGAGTATTCACACGAAGTTTAAGTCTCCTAGT
GGGCACCCAGACGGGATTGACGATCTCCTGGTAAAACACAAGCATACCCT
CTTCCCCACGTTATAATTGTTCCAGGTTCCAGGTATTGGTTTGGGAGTT
TTTCCATGACACTGGCTTGCCTTCGTTTAGGGAGAATTTTTGCCTGTAT
AATGGCATTAGCTGCAGTCAGAGTAATTGTTTTTAGGAAACATTTAGAA
AAGCTTAAACAATTGCTAAATATAATTGGGAAGTGGGGAAGTTAGTTTAA
ATTTATGCCTTTT

>Sequence 2568

AGGTACTCCAACCCGTTCTTAGGTTTTGGGTTAGTGAGTGGTGTATCAGC
AGCCCTTACTAGCAAAAGTCCTATGTGCACCTACCTACCCTTCTTCATTG
ATGGATTGGAGCTATACTTACCTGGGCAGGCATGACCTCGGCATTAGTCC
CCGCAATCTTGACTCCAGCATACAAGCAGGCCCGGTAATGGGCCTCCACG
ATGTCCCTGCCATAGGCTCTTTGAGCTCCCACACCACAGTAATATGGACC
TACAGAAGCATCAGGACAAAACGCTAAGAGTCAAGAAATCCAGAGAATCC
CAAAGTCAGAGATCAGAAGGCCCTAAGCCTTGCCCTCTTGAATCACTATC
CTTGCCTTCATCTGCAGGTGCGGGGCAGGGGA

>Sequence 2569

AGGTACTCCAGCCTGGGCGACAGACCGAGATTCTGTCTCAAAAAAACATT
AACAAAGAATACTCCAGATCATCCAGAAAGTCAGTATCTGATAGTGTTTA
TATGGAGAACTCCTGCACTGGAATGTAACTCCTAACCTAGATCCATCT
CTTCTCAGGTCTTCTTACCTCAGCCTACAGCAGTCAATCCTTCCCTC
TAACCACTCCCTCCTCCTAAGATTTAGCATTTAATGCCTGTACGCGGGG
ATGTCTCTTGTGAGCTGTCTTTCAGAAGACCTGGTGGGGCAAGTCCGCGG
GCATCATGTTGACCGAGCTGGAGAAAGCCTTGAACCTATCATCGACGTC
TACCACAAGTACTCTTCATACCTCGTTGGATGTGGGAAATGCCTACTGTC
CCAATCAAAAAGTTT

>Sequence 2570

Table 3

476/1077

AGGTA CTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTCTGTAAAATCTAGCATTC
AGATA TTTGCTGAGATTTTTGCTTTTTTATCTAACCTCATTGGTGTCTT
GTAAAGCGCATCTTGAACAGCCCCTAGAGCTAAAGTGTAGTCACTAGACC
AGCAGCATCAACATCAGCTGGGAGCTTTACTGAATTGCAGAATATGAGGC
CCCAGTCCAGATGGACTGAGTCAGAGTCTGGGGGGATGTGACCCACCAAT
CTGTGTTCCAACAAGCCCTCTAGAAGATTCTGAACACGCACGAAAGTTTGA
CAACCATTGCTTTGAATTTTGACACCAGAACTCAGGGAAAGCTACAGAA
TGACGTTTGAATGAAGAAGCAATATTAGCCA

>Sequence 2571

CCGGGCAGGTACCCTGGCAAGGTTTGTCTTGGTAGCAGAAAGAAC
TTCTCAAAGTAAGGGCTTCACTAGGGGAGAGTTCAATGGCCCAACCCA
GCCATGGCCACCCTGACACCATGCCCTGATGCTAGTCCCTGTGGCCTGGC
CCACACTGAAAATACTGTGGGGACAACAGAATGGATTTGCAAGTTACCAC
TATCTCTCACCAGCTGTAAGACCCTGGGCACATTGTTGATCCTAAGCCTC
AGTTTCCTAATCTGTAAAAGGGTGATATTAATTGTTCTTGCTCACAGAAC
TGTTATGAGAATTAACAGAAATAGCATATTAGACTATAGCAGAGTGTCT
GGCATGAAACAGAGACTCAATAAATACA

>Sequence 2572

GTCCGCGTTATACTACTATTGGGCGAATCGTAGCTCCACTGCGGTGGCGG
CCGAGGTACGTTGAAATATTAGGGGCAGGTTCCCCCAATATCTGGCGCCC
ATCGTGGTTTTCTTTTCTTAAGTGCATGTGGGAACCCGATTCCCTTGG
TAGGTGCGGAGAAATGTTTCATCGGTCCAGTCCACAGAAATGCTTGTTCCG
CTCCCCGACGATTGGTGAGTTGTCTGTGTATTGTCCGGGGTAAGTATGGG
TCACGCAGAGTCTAACATTATGCTTATCTCTGCTATATTAATTCCTGT
TAAAATGGGGGAGTTCGGGTTCCTATGGAAAATATGGTCACCCATTTCAG
GGCAGTGGAAGAACACTGTCCTTGGTTTCCTGAAAAGGGAACGTTAGATG
TGGAATATGGGATCACGTTGGTGCAAAATTCGAGAACT

>Sequence 2573

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTTGTGGATA
CTGTATCTTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGT

>Sequence 2574

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCACTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAAT
TTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATT
TtagtggcaactggggaaatcttggcaccagaaagattcaactgCGCTCA
CTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCC
TGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTGC
ATGCCAAAGGAAGATCCTTGAGAAAGTCATCAATGCG

>Sequence 2575

CCGGGCAGGTACCAGTGAAGGACAAGAACTTCTGGAGGTCAAACCTGGGG
GAGCTGCCAAGCTGGATCTTGATGCGGGACTTCAGTCTAGTGGCATT
CGGAGCGTTTCAAAGAGGTGAGAGCCTTGTGGGATGTCTGTAAATGAAAG
CAAATCTCTGGGTCTTCAATCTCTTTTTTGGCCATGAATTAATTTGGGCA
ATGAAGGCCTTGTGTCTGAAAGCAGTAAGTTATGTAGAGGATGACAGGG
AGGGATGCTAGGCCTTGGACTTCTGTGGTTGATTGGCCCTTTCAAAGGCT
GGCTCTGAGATATTACAGCCAAGAACATGCTTCCTGTTGCTTGAATCAG
TATGTCTGCCTCTGTCTTAGAGAAA

>Sequence 2576

AGGTACAGTAACATGCTGCACAGTTTTGTAGGCTATGAGCAATAGGCCAT

Table 3

478/1077

TGCTAGTTGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAGGGGTTTG
CAACTGCGTTTTATTGAAAGAAAGAGTGGAGGGGTAAACATGGGGCCCAC
CTTACAACCCACTTTTCACCCCCAAAATCACCCAGGGATGGGACTCAGGA
AAGGGAAGCATGTGTGTGTGAATAGGAGCCCTAACTGTAGTTACTTCTT
TTACAGCAGGGAAGGAAGAGGGAAGAGGCACCTTTGGAAAGGATGAGG

>Sequence 2583

AGGTACTTTGCTTGGATTGCTGTGATTCTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTT
TTTTTATTTTCTGAAGGCGACAGTCTGTCTTTTGGCGAGTCCAATTAGT
GATCGTTTCCATTTATCCTTAACCCTCTGTTTGTGATCTTCCTGATTCCA
CCTACAAGTTCATTAGTTCTAAATAAAAGCCTGTTGGCAAGTGTTGGTAG
ATTACAACCTCTTTTTATTTGAAGTTGCTCGAGAAGTTAGACATGCTTTAG
AATTATGAGTGTGGGGAATAATTTGATGTTTCCTTAGNGATTATTATAAA
CTGAGGAGGGGAACATTGCCAAATAGGGTTCTGAGGGGCTTTGTTTCTCT
TCTTGGCTCTGAAAACATTTTCTGAAAAGGCAAGGGAAGGTAGGGGGTA
GTT

>Sequence 2584

CCGGGCAGGTACCCAACAGCCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTG
TGTTGGCTGCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTGAACAGCAT
CAGCGTGGCCCGCGTTCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCC
AACAATGTTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGG
AAGGTAATAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCA
ACAGCATCGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTAGAAG
AAAGAATTACAGGACTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTAGAAAGAT
AAATCTGGAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGA

>Sequence 2585

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAACTAATCCCACCTTCTCC
TAATTATCTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGATC
TCACCTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCTTAAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA
TTGGGCTTATGTGCCTTTTCTCCTCACTTATTCGACCTCTCACCTGGATGG
ATGCTCCTGCAGAAATCTATACTAACGATAGTG

>Sequence 2586

AGGTACTTTGCCCACTCGTCATGTCAGGAGCATGAAACTCACGAGGCCTT
CATTTACTTTTATCCTGTAACACCTTCAATTTTCCCACATCCTCCCTTG
ATTCGTGGATGGACAACATATGGAGGCCAATCTTGCTGAGGTGAGGACTGC
TTGAGTCTAAATTCCTCTCCTCAAACCAATTCAAACCTGCCTGAGCA
AAATGAATGTATTGATCCATAACTGAAAAGTCCAGAATGATCAGGCATCA
GGCATGGTTGCATCCAGGGGCCATGTATTAGAACCATCTCCTTCCAGTT
CTGGGCTCTGCTTGCTCCAGTTGGTTTTACTGCACAGAGGCTTATTCA
AGTCCAGAGAGATCTTATCT

>Sequence 2587

AGGTACCGAGACAACAAGTGACTTATCCCAAGTCACACAGGAGTTAGAGG
CAGGGCCAGGACCCAAACCCAAGTTTCCCTTTTATGAGTCAGCTCATTTT
CTGTGACTCCATATTAAAGATGCCACTCTGAATTTTGCCTTGGAAGCTGG
CGCTTCAGTTTATAACACAAATTGACACTTTAGGAAGACAAGAGAGCTTT
GTATTCTCCCTGCAATCATTTACTCAGTCAGGAAAATACTAAACACTGTC
TTTGCGTAGAATATAATGCTACTGATGTGAGGAAAAGAAATCCAGTGCCT
GGCACATAGAAAAGGATAGATACACTTTTGTGGGAGGAAAACAGTGGA
AAAACATGGACTGGAGTCTCAGCT

>Sequence 2588

AGGTACGCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCA
ACACCCATGAGTTCAGTCCCTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATT
GGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATT
TTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGACCATTCT

Table 3

479/1077

TAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCAC
TGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCT
GTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTCGAT
GCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGT

>Sequence 2589

CCGGGCAGGTACAGAGAAGCAGGTTGAGTGGATGGCAAAGTGACCGGTTG
AGGGGCCAAAATGATAGGAGGGTGAGGGGCTGTGGTGGATGGGGGAGGGC
CTGCAGAATTACAGGTAATTTGTAGTTTGGATGGCTCCGGAGGCAAAGAC
TGTAAGGTTTGGAGAGGGAAGAGTTAGCATAGATATGGTCCTGGGCTGT
CTGAGTTGGGGCCGCAGGAGCTACAAGTGTGCGCTCTTCGTGAAAAGAAA
TAAAATCATCAGGGGGTGATGTTAAGCCAAAGTCACTGGAGTTAGATATT
GAATCCTCAGTATCGTCAGGTGGGGGAGGAGTAGGCCAAAGGGAGGGGCTG
AGCAAATAATGAAGGCCGAGTGGGAGAGGAA

>Sequence 2590

CCGGGCAGGTACTTAGTGGACACTCCGAGGCAGGCAGGGGAGTGGGAAGC
TTTACGGTGGAAGGGGAAGGCTGCAGCAGTGCTCTGATTGGAGGCTTC
TGGCCTGGAGAAGTTGGAAGCAGCTGATAGAGGTAGGTGTCTTCAGTGAT
TGGTTTGAGGAGCCTATTTGTTTTCTGTGGTTGATTCTGAGTTGCAAGA
GTCCTGACCATTGGGGCTGATTGCTGCTGAGGTTGTGGTTTTCTTGCA
GACAGGCAAGCCCCAAATTGGGCCCTAGCCCATGAGGGTTCCTGGCTTA
CCCAGGAAAGAATTCAAGGGTGAGCCAGTGGTAAGGTGGAAGAAAACAAC
TTCATTAAAGAGGCAGTGTGACAGCTCCGTGACTTTTCCTGCAAAGTAA

>Sequence 2591

CCGGGCAGGTACAGTGGCGTGATCATAGCTCACTGCAGCCTCAAACCTCT
GGGCTCAAGTGATCCTCCTGCCCCAGTTTCTTGAGTAGTTGGGACTACAG
GCGTGTGCCACATCTGGCTATTTTTTTTTTTTAAATAGAGAAGGGGTCTT
GTTATGTTGCCCAGGCTCGTCTTGAAATTCTGGGCTCAAGCAATCCTTTC
ACCTCAGCCCCCAAGCAATGGTTTCACAGGTTACAGGTATGAACTACC
ATGCCTAGCCTAGCTATTTACTCTTAAAGGAAAAATAATTTTTTATTTT
AGTTTTCAAGGCCTTTCATGCTATTTACACTTGAAGTTTGGCCTTATTAT
TTTTTGCTTAGAAATCTTTAATGGTTTTAGGTCACGTTGGG

>Sequence 2592

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGTAGAGATT
TCCCCATGTTGCCCAAGTTGGTCTCAAACCTCCTGGGGCTCAAGAGATCTG
CCCACCTCTGCCTCCCAAGGTGCTGGGATTTTACAGGTGTGAGCCACCA
CAACCAACCTAATCTGGTTTTAAAAATAATAGAGAGATAGAAAAGACCAG
ATTCTTTCATGGGAAGGAGGAGGAGGTGGCAAAAGTCAAGCCATTTTCCG
TTATGAGGTTGCAGAGGGCAGCTCTCACCAAGGAGCGAGCATGCAGGAA
AGCAGATGAGTCGTATTAAGGGAAAGGAACTGGCGGTCATTAACCCAGGT
CAAACACGGGCAGGTGGCCTCCCAAGGCTGAAAA

>Sequence 2593

AGGTACAGGCCAGACTCATTTCATGTTACAGGCCCATCCATCTGGCCCA
TTAATCCAGCCTATGACGGTGATGTAAGTGAAGGCTGGACCAGGTTTAT
AGAAGGTTAGAATCACTCTGTCCAAGGAAAATGGGGTGAAAAGGGAATTT
CATCACCTTGACCAAAGTTAGTCCTGTTACTGGTCCTGAACATCCAGAAT
TAGGAAGCTTACTGTGGCCTCACACCACATTAGAATTTGTTCTGGAAATC
AAGCTATAGGAACAAGAGATCGTAAGTCATATTATACTATCAACCTAAAT
TCCAGTCTGACAATTCCTTTGCAAAATTGTGTAAAACCTCCCTTATTGC
TAGTTGTAGGAAAAACATAGTTATTAAACCTGAT

>Sequence 2594

AGGTACCTGTGGATGGGAAGAATAGAAATCAGGAGTGGGCAGAGGGAAAA
GTTAAGCTGTGATGTAGGCCAGTGACAAGCCACTGACACTTCTATGGGG
AGCTGTAAATAGACCTTTGGCATTGTCCCAAGTTGGGCCAATATGGCCAG
GGCCCTTACAGGCTCACACATCATTTATTGCTTGTGGGCCACTCCAGGAA
GGTGCATGACTTTGGGTAAGGAGGCTCTCTGGAGCTGAGGTAATCCCTGA
AAGGACTAACAGCTGAAGATTGTCTGCTGAGAATACTGCCGAAGACTAAG

Table 3

480/1077

GCAACAAATTCTTTCCACATACAGGATCTGGATGGCACATCACAGTGCCC
AAAATAAAGGCTGAACTTTATTTAGTTATAATCTGATCAGTTTGGAAT

>Sequence 2595

AGGTACTTCAAATGGGTCACTGAATATCTTCAAATTGTATGTAAATTTTG
GAGGGGAAGTGGTATATGCAGATTTTTTTTTTCTGGAAAGAAGACCAAT
CACTTTTGCCAAATTCTCAAACAGGCCCATATTTTTCTAACACACATGC
GTGCGCATGCGCACACGCGCGCGCACACACACACACACACGTTAAGAT
GCGAAGAATCACTGTCATAAAATGTCATATTTCTAATTTCTGTAAATGGG
GAGAATTCCTCAAGCTTATATAAAAGTGATGTAAATAATTCAGTTACAAT
TATAAAAGAAATGGTATCACAGCAAATCCCTTTGGCACCCCACTGAAAAT
TTCTCTCTGATGTTTAAACACCATTTC

>Sequence 2596

CCGGGCAGGTACCTCTGCTCAGTTTTGCTGTGAATCTAAAACTACTCTAT
ATAAAGTCTATAAAAAACTAAAACAAAACTAAACCCCTGAAGATTGGAA
TTTTGCAAGACGGAGTAGCTGTTCCCTCAAAGAAGAGCTTATGTNCCCCC
TCTTGCCAGCAGCTTGGCTTGANGACTTACNAGGGTGCAACATNNGAAAT
TTCTTGTTTCGTAGCAAGGTGCATTTGTCTCACAGTNNTGTCAGTCTGCC
ACTTTCGAGTTTATTNNGGGTGTNNTTGTTCCTTTTGAGAATCCANNT
GCATTTNNCTGGTTGAATNCNNTCCTGGAACCTCCCTCANTTAGGNNT
ATGAAATAGCATGATGCCATTGCAATTAAGTACGGAAGGTTGGCAA
AGAATCACCCAACGCTGA

>Sequence 2597

CTGGGCAGGTACAGGTTGCTGTAGGAGCCCTTAATCTATGAGATCTTGAC
AGATTGCTTGCTTTCTTCTTCCACCATGGGAGAATGCAACAAGGTCTTC
ACCAGATGGCCGAACAGATCCAAGTGTCATGACCTTGGACTGTCCATCCT
CCAGAACCATAGGCCAAATAAATTTCTTTCTTCATAAATTTCCAGTCT
GTGGTATCTGGCTTACCTTGAAATCAACTGAAATCAGTCACTAAGGAACA
AAATTCTCCAGAGAACTGTTTCTTCTTGAATCTGAATGCCCCAAGT
TCAAATCATTTAGCCACTGAAAACAAGGAAGAGCCTTCTCTTGAATGTT
GAGCCAGCCAAGAAGAGCTTGCCCCACACTTGACATTCAAATCAGCCAG
CAG

>Sequence 2598

AGGTACGCGGGGCTTTCTCGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTT
TTCTTTTTCACATCAATGCATAGTCCCTGTGTGAATTTACAACACCCAACA
CCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAACCAAGTTTTTATTTGG
TTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAATTCTAGAAATTTT
ATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGTCAGAGGACCATTCTTA
GTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTG
CAATAATAACAATGGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGT
ATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCT

>Sequence 2599

AGGTACAACTCTGTTTAGATAAAGAATTAACAAAACTTCCATTTTTAT
TAATAATTCAAGTATAATCCATAATATGATTATTAGGTGTTATACTAAT
AAGTTGTTATTTTATATCTTAATGTAGGTAAAGAGAACTGGTCTTGTGGT
GGTGAAAAACATGAAAATTGTTGGTCTCCACTGTTCTAGTGAAGATTAC
ATGCCGGGCAGATTGCTCTTATTAACATGGGTCAAGGCTGAAAACTGT
GATCTTTATTTTCCAGAAAACCATGTTCTGCTTGTGTTGAAAATGATTGT
AAATGGTAAGTGCAGAAAAGGGTTTGTGGGGATTAAAGAGTATTTATCTG
GGATGGGCGTGGGGTTTATGCCTGTATCCAGCACTTT

>Sequence 2600

AGGTACCTTTCATTGGATTGTCCATGGTGCATCGCTTTAGCAAGCGGCGT
GACTCTCCGCTGCCCGTCATCTTGGCCAATATCTATCTGCTGGTTCCTCC
TGTGCTCAACCAATTGTCTATGGAGTGAAGACAAGGGAGATTCGACAGC
GCATCCTTCGACTTTCCATGTGGCCACACACGCTTCAGAGCCCTAGGTG
TCAGTGATCAAACCTTCTTTCCATTCAGAGTCCTCTGATTCAGATTTTAA
TGTTAACATTTTGAAGACAGTATTCAGAAAAAAAATTTCTTAATAAA

Table 3

481/1077

AATACAACCTCAGATCCTTCAAATATGAAACTGGTTGGGGAATCTCCATTT
TTTCAATATTATTTTCTTCTTTGTTTTCTTGCTAC

>Sequence 2601

AGGTACGCGGGGAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAA
AAGGGTGGGGAGTGTCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCC
CGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTTCTGGGGAATTTACAACAC
CCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTA
ATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAA
ATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATACAATGGCCTACATT

>Sequence 2602

AGGTACGCGGGGATCCTCATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATT
GCCTCATTTTCACTCAATAAAACATCACCAAATTCCTTAGGCAGAAAAA
GGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCG
TTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAA
CACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTG
GTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTT
TATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTTTCTGTCAGAGGACCATTTCTT
AGTGGCACTGGGGAATCTTGGCA

>Sequence 2603

CCGGGCAGGTACTGATGCCATTAATAGGAATCATGGGAACATGGGAATGA
GAAATGAGCTCCAAAAGAAAAGATGCATTCTCTTTTGGACATATTGAGTT
GGCTATCTCTAAAAGATATTCATGTGCAGATGTCTGGCAGACTATTAGAA
ATGCTGGTTTGGAACTCAAGGAAAAAGTTACAAAAAATTGGACTAGGTGA
ATGGATGGACTATTTTGAAGTTAAATCCTATGCTTCAGTATAAATGAAGA
CATATTTTTTTTTTCTATAACCACTANTTGAAGTTCCCTCCCCCTCCAA
ATTATAAGTATTGGTCTTTGGGAGTGTTTTGGATCCACATTTGGCAGGGG
ACTGGGATATGNGAGAAAAGGAGGTGAAA

>Sequence 2604

CCGGGCAGGACTATAGATTATTTGTCTTGAAGAAGAGCTTTGATATGTTT
CAAAATTCGACGTTGGCTTTGGAAGGAACTGTAAATTTACAGATCTTTG
TCCTTCCCCACAAAGAGCCTTAATCTCACAGGTTGGATTATGTGGAACCTC
ACTGCTATTTTTTCAGTTCTCCTTTAAGTGACTAAGGAACATCCAGATACT
TCCAAAAAAGAAAGTCTAAGTTTTTCACTTTGTCCATTGCCATTTAAT
TATCTTCTGCATATTTTAAAGCATTTCCCTGTGAACATAAGTATTGCCCAT
CCAGAAAATTTGCGTCTACATTGATTTTATGTTTAAATGAAACCTGTTCTT
CTCAAGTTCTTTATTTAATCACATAACATAGTATCTTCAAAGGTGA

>Sequence 2605

CCGGGCAGGTACATTATTTCTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAAAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGCACATCATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACACGCTAGGCATTAGGGG
TCTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCTAGAACAC
ATGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAGAGGGGTA
GAGGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCGGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCG
AGGCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAATAGAAGGATGAGTGAGTA
GGGCACTACCAGCAGCTCAGTAATGCCAGAGAAG

>Sequence 2606

AGGTACCAGTTGTAAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGC
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCCGGATAGAGACTTTGTCCCTTT

Table 3

482/1077

>Sequence 2607

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCA
GGGCCTGGGGA AAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTG

>Sequence 2608

CCGGGCAGGTACCCAACAGCCATGGCTCTTGCGACTCACCTGGGCAGCTG
TGTGGCTGCGCACCTGACTCACTCTTTCTAGAGGGTGCCTTGAACAGCAT
CAGCGTGGCCCGGCGTTCCCTACAAATAGCCCTTGCAATTGCTGACCCCA
AACAATGTTGGGAATAACAGAAGGGACAAGGGAACAAAGAAAAGGCCAGG
AAGGTAATAATTAACCACTTACTGAGTTCAAAGCCATCTTGCTGTTATCA
ACAGCATCGAGTAATGATAGGTATCTGGAATGTTCAATATGACCTATAAG
AAAGAATTACAGGGCTGTAATATTTCCATACCAGTTAGTTTTTGAAGAT
AAATCTGGAAAGAACTAGAAGAATCTCTAGATGAAGGTTA

>Sequence 2609

CCGGGCAGGTACGCGGGGAGGCTTTGTGACACACACACACACAGCACC
TGCACGCAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGA
TAGGGGCTTTTTGATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTC
AAGGACTCATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAAGTCCACTAC
AGCTCAAAGAAATTCCTGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTA AAATG
GAAGAAGCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATA
CAAAGCCTTCAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGC
TGAAGCTTCTGCTGGAGTGGAACC

>Sequence 2610

GCCAGGTCCCCGGGGATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTTTTTCTGTCAGAGGACCAT
TCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCT
CACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAAGCTGTGCTATGAAGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGG
TTCGATGCCAAAGGGAAGATCCTTGAGG

>Sequence 2611

AGGTACTTTTCTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTCTGGGCTGTTAGAATTTG
ACATTGTTCAACTTTAACTTTGTCTCATTGAACTTTATCCTGCTAAGGA
GCTAAAAGGTCCATATGATCAAAAAGGCAGCTCTCAACCCAGCACGAAAT
TCCAAGGCTCATTCAATTTCTGTTTACCTACTGCCAAATAAGTCAGACAAC
TGCATACTTGCTTTACAGACGAATAGAGGACAGCATGTTGTTCAATAATT
GTAGTTTTAAAAGTATATGTAAGATACATCCACAAGAAGAAAGATAGAGG
GAGCATACCGTTTGTCTTCTAGTATAGGCTCCCTGCCCATGGAGATCACA
GAGTAGAATTATGATGGGTGCCTTAGAGACCAGCCTCCCTAG

>Sequence 2612

CCGGGCAGGTACTCTGGTAGCCAAGTTTTGCAAGAGCCGGGGTTTCCAGC
AGGGATGGTAGCCAGCCTGGGCACACTTTTCTGTATTGTATTTGAACCTC
ATTTCCTGATGCTCATCCAGAAGTTCCTGGCTGGGTGAGTAGGTGAACAG
TTCAAGGCTGTGTGGATGAAACTCTGGCATCTCTTTACAGTGCTGTCCGG
CAGGGCAGTGTGAGGCCACTCTGTCTCCTTTGACCTCTTTCTTCTTCAG
CAGCCAAATGGAGGCTCTCTAAAGGTGATGATTAAGTTGGCATAAACATG
CCAAGCTTTCCTGAGCGTTTGGCCTGAATTGGGCTGTCTCTTGCTGCTCT
GAGACAGGGAGACTGGCTGTCTGGCTGACCAGCCCTTGGGGCTGAGGT

>Sequence 2613

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCGTTTTGTTTTCCCA

Table 3

483/1077

ATTTTAACATAAGGCCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGACACTAACTGAATTCCCCCTTTATA
ATCTGAATAAATTACCCAGTATGAATTGAGCTCCCTTCAAATTTAGAC
TTGATCTCCCTAAAATAAGGCCTACCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATAT
ACCCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTCCAGGGAGTAAAGAGACCAT
TTGGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACA
GCTGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTGTCT
GAGGG

>Sequence 2614

AGGTACAGAGTGATGCCAGGCGTTCATCTCCCCACTGAGCTCCTGCTGAG
TGTTTGCCTGGGGCCAGGTCTCTCTCCGGGAAGTCATTTTAGCTGGAAA
GAACAGGGTGGGGGCGGGTGGCAAGGGATCAGAGCATGAGCGTTTGAGGG
CTTCGTCAGGGGCAGTGAGGAGCCTCTAAAGGACTCTACATTTAGGAATG
ACAGAGTCAAACAATTTAACAAAGCCCTAAAGGTCCCTGCCAGGAAAGAA
TGAGCCCCATGTATCACCATAAGCAACTTCTTAGAAACATAACCCACCCC
TGTCATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGAGGGAGGATTGCTTGAAGCCA
GGAGCTCGAGATCAACCTGGT

>Sequence 2615

AGGTACTTTACTGAAAACCAGGTTATATTCTAAAGAAGAAAGAAGGCAGG
ATAGTGCTTTTGAACAAGCCTATTTCCATTTTGAAAGTAGATTTAGGCT
AGGTGCGGTGGCTCACACCTGTAATCTCAGCACTTTGGGAGGCCAAGGCA
GGCAGATCACTTGAGGTCAGGAGTTCGAGACCAGCCTGACCAACATGGTG
AGACCCTGTCTCTACTAAAAATACAAAAATTAGCTGGGTGTGGTGGCGGC
GCCTGTAATCCCAGCTACTTGGGAGGCTAAGGCATGAGAATTGCTTGAAC
CCAGGAGGTGGAGGCTGCAGTGAGCCGAGATCACGACACTGCACTCCAGC
TGTGTGACAGAATGAGACCATCTCCAAA

>Sequence 2616

AGGTACAAGTATGATCAGCAAAAATATTATGATTAATATGTTAACTGAGGAA
GTATATCCTACAATTTAGAAAGATTAATATTTAAAATAGTTAAAATTATT
GAAAGTTTAACTTGCCCGAAACAGTCCCTAACCATAAGGGACAATTAAT
GATGCTATAAAATTCTATCTAACATTCCTAGTCTACTTGTGTTTTGGAG
GGCAGGCTGCCATTCTGCCTATTTTAATCTTTCGAAAGTGGGCTCTGGT
CCCATTTAAAGGTGTTAGCCATTTTAGAGATACACAACCCTCAGAACTAC
CTTCTATAACATTACCTAATTTTCTAAGACTTAAAAATGTAATACTATAG
CTGGGCCATGGGTGGGATCACCCCCAGGTGCACGAGTTTTGAAGACCATT
TCTGTGCCAACCATGGGAGAAAACCCC

>Sequence 2617

CCGGCCAGGTACGCGGGGGTGACACACACACACACACAGCACCTGCAC
GCAGATGCACACATCTCTAGTCAAATGAGGCTCTCAGCTTTTTGATAGGG
GCTTTTGTATACGTGTATAACCAATACTTTATTCTCACTGTAGTCAAGGA
CTCATTGCAATTCAGAAATGAGAAGCTGATCCGGAACCTCCACAACAGCTC
AAAGAAATTCTCGAATGTTCTCACCTATTAACAGTTATTAATGGAAGA
AGCTGGGGATGAAATTGTGAGCAATGCCATCTCCTACGCTCTATACAAAG
CCTTCAGCACCAGTGAGCAAGACAAGGATAACTGGAATGGGCAGCTGAAG
CTTCTGCTGGAGTGGAACCAGCTGGACTTAGCCAATGATGAGATTTTAC
CA

>Sequence 2618

AGGTACGCGGGGAGAAAGGAAAGCATGAGGAATAGGAAACCTTGTGGGAG
TATAATAACAAGAGTATTGGTTGAGTAGTCTTTGAAAAATATAAATTAT
ATTTTCGAAATAGAACTCCTTGAGTCCCCTTATGGCAGTCAAGCTGAAG
CAGCATGAGCGTCATATCATAGTGATGATTTTAAAGGTCACAACGGCGGA
AAGACATAGAAAGTATCTGACCTCTTAGAAACAAGCAGCTGCTGCCTGGT
GGTAACAGCAAAGGGTGAAGTCAATAGAGTCTCTGTGAGACTGTTTCAC
AGAAGGATGTGTGTTTACCCAAGGCTGCGCATCAAAAAGAAATAGATAAA
ATAAATGGAAAATTAGAAGGGTCTCCTGTAAAGATGGTCTTCTGAAGGC

>Sequence 2619

Table 3

484/1077

AGGTACCCTCAGTCTTTCAACGTTAGTCAAACGTTACATTTTCTTTCACT
CTTACCCTTTTTTGAGCTTCATTTCCCTCTCTTTATGTTCTCGAGTATAGC
TTCGAGGTGTAGGGTATTCATTCCCAAGATCCACAACAATTACCTCCCTA
GAAAATGTCACCTCTTTTAAAGGTCTTTTTTGGCTTTCACAACCTGAAGG
AGTTCTAGTGACAGATGTGTGATTTTTCTGCAACCATCATCCTCTTCTT
GACCAGTTTCTCCAGCATTTCTCAGGCTCTTGCTTCTCATTTATTTGGTTC
TCCTCTTCTGCCTCCATGCTCCCTTTCTGTTTTCTAAGGGGTGTTGGCCA
ACACTTCCTTACTTCTGTCTCTGGAAA

>Sequence 2620

CCGGGCAGGTACATACATTCTAATGGTGTAGGAATGTATAATGAAAGATG
GTCTTCAATGGCTACTGAAACACCTGATATAAGGGATGCTGTGTGCACTA
CTACATAGAGATTGGGTCTTAAAAATATTTAGGGAAAAAAGCTATAATTT
TCTTTCTGAAAAATTTAATCTTAAGTGATATTTACTAAGAAATATATACT
GCAACCCACAATAACAATGATCTTCTCAAAATTTGCCTAATTGCTTCACA
AATGAGTCAACTTACAAAGAAGAAAACACAGAAAATTGCTTTTAAATATA
TAACTCCTTCATTTTGCTGATAATCAAATGAAAATTTAATTCATCCCAT
TAATACAAATTAACCTCATGCTCAATGTAAGATATCATTATATATTTTAT
AACAACATAAAAGTTCAAG

>Sequence 2621

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATT
AACTACCAGCGGGTTGGGGCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGGGGGAT
ACCGGATTTGAATTGGGAATTGCCGGGATAAAAAACTTT

>Sequence 2622

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCCTTGCCCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATTCTTGGAGAACTCATCAATGCGTTGAAACA
AACTTGGCATGTTCCCTG

>Sequence 2623

CCGGCCAGGTACTATATGCCATGGATGTGAATTTCCCATAGAAGCTGGTG
ACATGTTCCCTGGAAGCTCTGGGCTACACCTGGCATGACACTTGCTTTGTA
TGCTCAGTGTGTTGTGAAAGTTTGGAAGGTCAGACCTTTTTCTCCAAGAA
GGACAAGCCCCCTGTGTAAGAAACATGCTCATTCTGTGAATTTTGAAG
TCAACAGTTTCAGGAAGAAGAGAAGGATATTTGAAGAGAAAAAGGAAAAT
TAAAATTACTAATTAATTTTATAGGATTCAATATTTTATATTGGAGTTTG
AAAAATAATAGGTGGGCCCTTGAAGGAAATTAATTTCCAGCTTTTTAAA
AACCCAAAGTCTGAAGGAAAATATTTTGGGGCTTTCATAAAAGGTAAAAG
AGAACCGGGTTTGGGCATTTAATTTATTAACCTTTTTT

>Sequence 2624

CCGGGCAGGTACCACCCCCTTGCCGAAAGCACTGGTTCCCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTTACATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAATAATAGAGAA

Table 3

485/1077

>Sequence 2625

GTTGCGCGTATCACTACTATAGGGCAATTGAGCTCCCCGCGGTGGCGGC
CGAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAGGAAA
AGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAATAAA
CAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAGAGGT
TCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAAAAAA
TACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTGGAG
GTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGGCTG
AGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATTCAA
CCTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCACAAA
TACAGCCTTN

>Sequence 2626

CCGGGCAGGTACGCGGGCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTC
CCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACC
CAACACCCATGAGTTCAGTCCCTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAA
TTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAA
TTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTGAGAGGACCATT
CTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTC
ACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTTGTAGAGGAGAAAGGAGC
CCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGA

>Sequence 2627

CCGGGCAGGTACAGTATTGAGAAGTAGGGAAAGAATAGAAGGAGGAGTTG
AATCTGTAATTGACTGAGCAATCAGTTGAGATAACTCACTGCCTCCACAT
AACCTTGGGCTGTCCTATGAGTCAGTGGAGAGCAACCCCTCTCATGTAGG
TTCAGTCTGAGGTAGCTCACTGGCACTGGGAAAGTTGATCAGGGTAGTCC
CATCTCATGCACAGCCCCATTTCCCATGAGCCGCTAGAGTGGCTCGTAT
CAGAAAGATGCCATACCAAATGCTGGCAAGGACCTGGAGCAACTAGAAATG
CATGTGCATTTACCTTGTCTTGACAGCCACTTTGGAGAACTCTTTGGCTG
TTTCTTATAAAGCTAAACATAATCTTCCCAAATAACATGGCAATCCCACT
TCN

>Sequence 2628

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTGACAACAAAATTT
TTTAGAGGGGCTTCAACTTAACTGAATAGGATTAAAGGTGGATTCTTTGG
TCAGTGTTCAAGAAGAGACCCTATAGCTACTTACAAAGGAGTCCACACCT
CAAAGTAAGCCACTCAGTAAAGCTTATCTATTTTCACTGGAACGAAAAGG
AGCTAAACAAATGACAAATTCTACTAACTACAAGGAAGGCAATCAGCAT
CAGTTGTGCAACTTTGGTTAAAATGTCCCAGCCAAAAAACATTCTCTATC
ATTTTCATCATTTTAAATCAGGTAGCTTCTCATTCCTATTTGCTCTGGGGT
TCTCTGCTAAAATGTCCACATGTTGATTAAATAGCAAACCTGAGACAAGCC
CTAC

>Sequence 2629

AGGTACTTCCACCTTCTAAGGACATCCATAAGTCAGGTTTGATTTCTTCA
CTGTCAAAGCGTTCCTTCAGGAAAGTCTGGAAATAAAATAAGCCAGATGT
GGTTAAAAAACAATTTCAAGATAACTATGGAATATTTAAGAAAATACAGA
GTGATGTCTTGGACTTTAAAAAAATAGAGCTGATTTCAAATGCTTTTCAA
AGATGTTTAAAAAAGGCTATTTCCACAATCTTTTTTCTGTCGTATATTG
AAAATCATTTAACTGCTCAAATAATGTTTAATAATTGAAATTTAAAATA
ATTGTAAAGTTGACTATATCAATTTTTTTTTTTTGGAGACGAAGCTTGCTC
TGCACTTGGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAATCTCAACTAACTGCAGCCTC
TG

>Sequence 2630

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTAGTTTCTACATTTCTTTAAT
GTTGTTATACCACTGTTACCTAACTAGGAAAAAATAAATTTTTTTAAATG
ACCAAGCTCATTTTGAAGCTGCTCGGTGTCCATAAACACTGAGGCCTGC
CTGCCTCAACTAAAGCAGCCACTTGAAATGCAGCTCCAGCTGCTCATTCT
TCTGTTTATCAAAACAGGGCAAAGCCGCCAGGAACTCGCCTCAGCAAG

Table 3

487/1077

>Sequence 2636

GCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTCTATGAAAGTTTTT
GCGTGACCTATTTTTCCTCTCTCCATGCAAAGGTAAGCCTGGAAATAATA
CATTTTATTTTTTAGTTAAAAACAAGAATAGAAAAGAGCCTCATTAGT
AATGAAGGGAACGTAACCTTTATTCAATGCAAAGGGCAATGGATTCTATA
TTCATCTATGTGCCAAGCAGCCCTCTGAGCTTTAAAACTAATTATAGGG
GGAGATTGTGACTTTTCAGTCTTTTTGGCTCATGCCATATTCTATGGTAC
TGGTCTCCTGAGTTCACCTGTTTAAATAATTTCCCCTCACCTTCCCATGC
AAGGCATTAAAGAGCACAAACAGGCAGCTGCCACTTTGGGGACCTTTTAG
TATTGCTGC

>Sequence 2637

CCGGGCAGGTACCACCCCTTGCTGAAAGCACTGGTTCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTTCATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAATAATAGAGAAATGTTAAGAAAAGAAGGAAAAGCAAGAAAAATG

>Sequence 2638

CCGGGCAGGTACGGTGAATAGAAAATTCCTCATATGATGTCAACTACCAG
GTGCTTGTAAGTTTGAGGGCTCTGAAGGCCATCCTAGGGATACCCACATG
ATTTACGCGGTGTCTGTTGGGCAGTGCCAGTCTTGGAAGGTGGGCCAAGC
ATAAATTCACAACCTTATACTAATATTAGATGAAGTTTCTCAAACATT
CCTTTGAGACATGGCAGGACAGCGCCAGGGATCCTCCTTCAGGAAGAAAC
TAGATTTTACATTGGTACGCGGGGGTTCCGGGCGTCACCATCGTCCGTGC
GCACCGCCCGGCGTCCAGATTTGGCAATTCTTCGCTGAAGTCATCATGAG
CTTTTCCAACCTCCTGATGAAAAGGAAGGAACTCATTCCCTTGGTGGTGT
TCAT

>Sequence 2639

AGGTACGTAACAGGACATCAATAAATATTAGTTGAATGGAAGATTAAATC
AACAAAATGGGTGATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCATGGC
CCCCAAGGTTATATCCATCTAGAATTCAGCACGTAATTTTCATCTGGA
TAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCATACT
GGATTAGGATGGGATCTAAATCCAATGAAAATGTCTTCATAAAAAACAGG
AAAGAACCCATAGAAACACAAGGAAGAAGGTCATGTGAAGATGGAGGCAG
AGATTGGAGGGATGCAGCCACCGGCCAGGAATGCCAGCAGCCACCCAGA
AGCTGGAAGGAAATGAGGGATTCTCTCCTAGAACCTTTAGAGAGAACATG

>Sequence 2640

AGGTACCTAATATAAAGTTAAGTGGTTTTATTTAATACTTTTTTCCTGAC
CATGATTATGTTATAAATAAGAGGATTTATAGTTTGCATGCCTGATATAA
TCTATTTAATTTCTTTACAAAATTTTTGCACATGAAAGATAAATGTCTT
CATTTTACCAGCTACCTCCTTCCAGATTGAATGCTTCAGTGCACCTTTGAT
TTTCAAATTGGCTATTATTTTTTAATGTAATTAACCTTCACAATTAAAT
TGAAGGATATTCTGATCCTTAGGTTATAAATATGTGACTTGATGGTTTAT
GTAACATTCAAGTAGCATGTTTTCTATAACAATATGATAAAAGTTTTGAT
ACATACCTTGTATGTTGCTTGACAGATCTGTTTTAGAAAACATTCTCTG
CCTTT

>Sequence 2641

CCGGGCAGGTACATTATTTCTCCATATGTCTGTCCCCTCTGCTCCAAAAC
TGCAGGGGAGAGTCTTGACATGATCTTTGTAAAAACAGTCTTTGTTTTA
CTCAGAAAATTTGTATTGAGTCCTGCTACATACATGCTAGGCATTAGGGT
CTAAAAAGAATGAAAATAAAGCATCTCAGGGATGGCTTTTCTAGAACACA
TGCCCAAGCAGAGACTTAAATATTGAGGCTGGCCAGATTAAAAGGGGTAG
AGGGCAGGAAAGGGTGACAGCATGCCCCGCAGCAGCAAGAGCGGGAGCGA
GGCCTGAAAGAATGAAAGTATTTGCCTACAACAGAAGGATGAGTGAGTAG

Table 3

488/1077

GGCACTACCAGCAGCTCAATAATGCCAGAGAAAGGGCACACAGGGAAAAG
GGCTAT

>Sequence 2642

GGCATTCTCCAGGGATCTCTGTGCTTCCTTTTGTGCTTCCTGTGTGTG
TGGATATTTAAAGGGGCTGGAAATGTGCAAAAACATGTCACTACTTAGAC
ATTATATTGTCATCTTGCTGTTTCTAGTGATGTTAATTATCTCCATTTCA
GCAGAATGTGTGGGCCTCAAAATGGTAAAAGTTAAGCAAGCCCTTTCTTA
ATTTCTCAACCCTCTGTAATTCATTACAGGGTCCTTTCCCCACCAATGCAA
GAATCNTGTCCTGGTTCTTCCCTTCGGGCTGGCAGCCCACAACAAAATTCT
TCCCCCTCCCCATCTTCTCTACCCCTCGCCCTACCCTCGCGCCCGGGT
CTGCGACACTTATTAGAAAACCTACGCTGGGATCCCCCACGGAACATTG
CAAGGATATTACGACTTTATAAAAACCTTAATTCCAATACCCTGTTTCA
ACCCTGGGAACGGGGGGGAGCCCCACGGTACCCGAGTCTTC

>Sequence 2643

AGGTACGCGGGGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACG
TCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAA
CACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTAT
TTAATTGGTTGGGCCTTGCTTNNANAGGGCCATATCCAGGCTAACTCTT
GAAANNNAANNCTCAAACCTTAATTGGCCACTTTTCTTCTGTGAGAGGAC
CATTCTTAGTGGCACTGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGC
GCTCACTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAGG
AGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCTGAA

>Sequence 2644

AGGTACTCCAGGGAAACTGACAGTGATCGTAACTTGTTGATAAAGAAGA
TATCGACACTAGCAGCAAAGGAGGCTGTGTCCAACAGGCTACTGGCTGGA
GGAAAGGGACAGGCCTGGGATATGGCCATCCTGGATTGGCTTCATCAGAG
GAGGCTGAAGGCCGGATGAGGGGCCCCAGTGTTGGAGCCTCAGGAAAGAA
CCAGCATAAAGACAGTTCCAACGGAGACTTATCGAAGATGCTGTTTCGAA
AGAGTCATGGTTTGCTTCGATTTATAAGAACTTCGATTTAAGTAAAGGGA
GGACAAGTTTCCATTGGGTATTACATACCTTCCCTTCTTGTATTGGTTT
TGTAATCTTCTTTTCTTTTGTAACTAGTATCTTGGCTGCTTAGAAC
CTTTTTTTAATATAAAAACTTTTTTTTTCTCTGGCAATAATTATAAAA
TATAAATAATAAAAAAAAAGTCTG

>Sequence 2645

AGGTACATCTCTAGATGATCACGAATGTCAAATATCACACTACACTGTGA
TATGGGGATTCCCTTGGGGGTTTTATGTGTATAGGGTGCCTGCAGCTA
CACTAAACATCTTAAAGCTACCACAATGTTCACTTCATATTTTGTCTTT
TATAGGCTTTCCTGGTCTCCTCCTATGTTCCCATCATTTTCTTGCTTGA
ATCTGTAAGAATCGAGTTGAATCTTCCATTTTAAATTTCCATAGGCT
GAGAACTGTTTAGCCAAGTTTGGATAAAATTGTATCCAAAGTAAGAGTA
TACAAGCTATGGGCAAGTCCAAAATCAAGCTGTTACAGGACCATGTTCT
CTCTAAAGGTTCTAGGAGAGAATCCCTCATTTCTTCCAGCTTCTGGGTG
GCTGCTGG

>Sequence 2646

AGGTACAGCAGTCGAAGTGAGCTGCCATCTCTGATTCTGTATCCCTGATG
GCTCTGCACAGCCTAGTCTTCCCTGGTGGAAGAGTGTCCCTGTCCACA
GAGGTGGTGGGGACCCACATTGCTTGTAGTCCCGTGAGCATGCAAAGAA
GGCCATTACCAGGAGGAACCGCCTCTCAGGATCTGATCTTTTCTTCCCTC
TTTCTTGACTTCCTTCTATTCTAATGGCAGTGCTTATCTTCTTCTTT
GCAGGTTGTAACCTCCATTTCTGACATCCCCACTGGTATTCCAGTTCACC
TAGAGCTGGCCAGTATGACTAACAGGGAGCTCATGAGCAGCATTGTCCAT
CAGCAGGTCTTTCCCGCGGTGACTTCCCTTGGGCTGAATGAACAGGAGCT
GTTAT

>Sequence 2647

AGGTACGCGGGGAAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCC
TTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTACATCAATGCAGAGTCCCTCTG

Table 3

489/1077

TGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAAT
TGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCA
GGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACCTTAGTTGGCCTCTTTTCTTC
TGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAG
AATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTA
GAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATCTTTGC
CCCTGA

>Sequence 2648

AGGTACCTGTCTCATATGTGGCAACTACGTGGGGCAGCACACTCAAGGAA
TGAAGGAAGTTTCAGTGAATGACAACCTTATAAAGACAGTGTTGAGGCAG
CCCAGTGCAGCGGTTTGGGAGCCAGGAACAGCGTGTGGGCCGGAGTGTGG
CTGCAGGACAGGAGGTCAAAAATAAGGGTTGAGGGTGAATAGGAAGACC
CCGGAACGTCATCCTGGGAGCTTGAGATTTTATTCTACATTTCTCTTGT
CTTAAGTATTTAGGGTGTATGGATCTCTGCAGTAAGTGGAAGAGTTCTTCA
TGGCCCCCAAGGTTATATCCATCTAGAACTTCAGCACGTAATTTTCATCTG
GAAATAGTGCCTTTGCGGATATAAGTTAGGTAAACTGAAGATGAGATCA
TACTG

>Sequence 2649

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCTTAGAGCCTTTCATTA
CAATTCAGCCATTCTGCAATTAATTGTCAAAATTTCTGGCCAATACATT
CATTTCTATCATATTCAAAGAAAATTATTTGAATTTAAAATTCTTACTC
TAAATGAGGTATATTGAACATTTTGAATCTTGACAGTTTAATTCTATATT
TGTGTATGAAATCAGTTCTTTTCTTTTACCTGTCTTATTTCTTTAAGT
TAGTTATAGGTAAAATTGTAACCCTGACTGTTATCTCATGTTAACGCAAG
ACAAGAAAATATGTATGAATGTCGGGAAGAGATTTGACCTGGAACTTTT
CATTTATTGAAAAGGCTGCTTTTGAATTTTGCCACATGAATTATTACT

>Sequence 2650

AGGTACTGAGGCTGTATACAGCCACAGCCTCTCCCCATCCCTCCAGCCTT
ATCTGTCACTACCATCAACCCCTCCCATGCACCTAAACAAAATCTAACTT
GTAATTCCTTGAACATGTCAGGCATACATTATTCCATCTGCCTGAGAAGC
TCTTCCTTGGTTCTTAAATCTAGAATGATGTAAAGTTTTGAATTAAGTTG
ACTATCTTACTTCATGCAAAGAAGGGACACATATGAGTATTCATCATCAC
ATGAAGACAGCTAAATACTAAAAGTTGTAATTTGATTATAAGAAGTTTAG
ATATAATATATGAAATGCAAAGAGCCACAAAGGGAATGTTTATGGGGCAC
GTTTTGTAAGCCCTGGGATGTGAAGCAAAGGCAGGGAAACCTCATAGTAT
CTTATATAATATACTTCATTTCTTTATCTCTATCACAATT

>Sequence 2651

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCAACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGCGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGA
TTTTCTCTTG

>Sequence 2652

AGGTACCTAATAAATATTTTGGCATATGTGAATGAATGAATGAGTGAAT
AAATAATCAGATTAGTTGATGAAAGATTCTAAGGGAAGATTAGGTAATGT
GATTATAAGAGAAAGATCCTGAAGAATGCTTGAAATGGATCCTTACCC
ATACATGATTTTGTTCATCAGCTTATATGTAGGATCACAGTCATTTGGAA
AATATTGGTCCATTGAAATTTATACATTTTCCAAATGGTGACACACTTCA
TTATACAGTGTCAAAGTTAGCCTTCATGACTATCACCACTGATCTCATC
AGGAAGTTTAAAGTATTGGATAGCTATAAGCTCACAATGGCAGTCCTAGA
TAGTGCAGCCGTGGATTGAAAAAGTGTCTAGTTTCCTCTTTTAAAGCCA
AGAATCCATCCTTAAATATAAGA

Table 3

490/1077

>Sequence 2653

CCGGGCAGGTACGCGGGGGGCATCGTAAATCTCAACATCCACATGAACTT
CACCCATATCTGCAGAAGCCACAATTCTATCAACCAGTCCTTGGATGAGT
CTGTGATTTATGGACCAGGAAACCTGTCAACCAACAACAATACTCTCAGA
GACCACTTCAAAGGGATTTCTTCCCATAGCAGAAGCTCACTCATGCCCCCT
GAGAAATGATGTGGATAAGAGAGGGGAGACGACCTCAGCATCCTTGCTAA
ATGCTGGATTAAGCCACACTGAATACCAGATAGTCACAGACCCTGGGGAC
GTCCCAGCTTTTTTGAATGGCTGTCTTAGCCAGCTTGCTTGTATTATGT
TGCTGCTTTTTCAATTGGTCTAGGACCAATGCCCTGNCTGGTG

>Sequence 2654

AGGTACCAATCCTTATCATTTTTATTACCAAGAGTTACTGAAGGAAAACA
CCAACCTTTGTGTTGGCTGCAATCCAATTGGAGGTTTCACTGTCATCATC
ACACTTTTAAATCCATTTCTTTAACCAGTGTGAAAATAACAACGGTTA
GGATACAACANAAGACTTTTAAAAATAGCAAATTACTTTAGCACTTAACT
ATGGTCAAGCTTAAATGTAAAAGCCAATGAATAAGATTATCACTAGGCTC
ACATCCTCTTAAGCCAGGGAAGTCCCATAGCTACAATGTCCAGTATATAT
AAAATCAACCAAAGCAGGATTTCTTTGGCAGAAGCTGAGTGGGGAACCT
AGAGCTTGAAGAGAAGCCCAACTGCAAGGTGTGTATTCCCCTAATTACAA
AGCCTGACAAAGAGGTGCCTTAGCCATGG

>Sequence 2655

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAGGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AA

>Sequence 2656

AGGTACAACACCATCTGGCTTCTCTATTTTGAAACTCCACACCAGGTAA
TCTTGTCATGGCTGTGGCTTAAATCTAAAGTCAGGTTCTGGTGTCTTCT
GGAATCCATGCCTAGCTCTTTGATTCTGAAACCAAATCTGGATTCTGGAC
TCTTCTGTATTGATTGCTAAAGCAAGTTTTTGTGTTGGTAGCATAACCTGG
GTAAGGTTTTTGAGTGAAGGTATTGGTGAGGATTTTCAATTGATCTTCTG
TGAATTTGGTGCAATTGCACCTATGATTTGTTGCTACCATCTTGTGTGAA
GAGGGGTCTTCAACTATGCAGAAAGAGAGTTCTGGAGGCTGAGCTACTGT
CTGGGAGACTGCTTACAGCTCATTTTTTAAAAAGAAAGGTCACA

>Sequence 2657

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCT
AGAAATTTTATTCTCAAACCTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGGA
CCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTG
CGCTCACTGCAAAAATAACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAAG
GAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTTGCCCCTGAATGT
GGTCGATGCCAAAGGAAGATCTTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAA

>Sequence 2658

CCGGGCAGGTACCTCAAGGTGTGTTGTCGTAGTCATATAATTCCCTTGCT
TGTAACCTGCCCAATAAATGGATGAGGACTCACTTCACCCATAAATAAGAA
AGGTGAACAGCACATGGGGCCTGTAGATGCCTTTTGCAGGGCCCTCTTTT
TCTCTTCCTAAAGTTGCAATTTGAGTATTTCTCTAGATGGGCACATCATA
GAAACTGTCGTCCTAGATCAGAGCCTGGGGAGAGAGATACAGGTGTCATG
CTTACATCTGCAGAGTGGGAACAAGCCCAGAAAAATCAAGATGATTAAGC
AGAGAGCTTCCATACTGGAGATAAACCAGCTGTGTAAAAAATCATTGCAC
CAAAAAAGCATTGCACCATCGACATAACTGCTTTAACTAAGAAGTAAAGG

Table 3

491/1077

AACTGATGCCCCAGCAGAGCAT

>Sequence 2659

CCGGGCAGGTACAAATATTACTATACCAAGGTGTAGAGGAGTATGTCTAA
GCCTGTAATGATAGCAGGTGGCAAGGTGGAGGTAGATGGCCTTCTGTGGT
AGTTCACGGGGAGGAAGACAGTGGATCCAAGCAAATAAGAAAGGCCACAT
TTTTTTTTTTAATTTTGCATCTCAAGGTATTTTAGTCAAAATTTTTTTT
TTAGTTTTCCACAGCAAACGATTACGTAAAATATAAACCTAATGTATTCT
TTAGGACTAAGTGTGCCTTTTCTCTATATGCTAAGAGGTGTAAGTAGAGA
ATAGACGTTATAGTATCCTAGCAAATGAATATTCACAAGAAAGGCTACAA
AACTTCATTATCTTGGCTTATTCTAAATCTACCTAAAGTCATCTTGCTCT
CCTAACA

>Sequence 2660

CCGGGCAGGTACTTCCAAACCCTCCTGTTCTTTCCTTTTTGTTTTCCCA
A'TTTTAACATAAGGCAAAAGCAGTAATTGAGCAATTCTATCACCTGGATT
GGCACTCCGGGGAACAGTGGAGCTGATCACTAACTGAATTCCCCCTTTAT
AATCTGAATAAATTACCCCAAGTATGAATTTGGACTCCCTTCAAATTTAGA
CTTGATCTCCCTCAAAGGCCTACCCTCCCTTCTGGCAGCGGGCCATATAC
CCCTCTAGGAATCTTTTGTGGGGGCTTTCAGGGAGTAAAAAGACCATT
GGGTGGAACATAAATCTACTGCGGTGCTGCCTGCTGTGGCGCGGGACAGC
TGTTGGATTGTTGTAATTGGCTGACTCCCTGAAGTGGTGGTATTTTCTGT
AGG

>Sequence 2661

CCGGGCAGGTACAGGTTGCTGTAGGAGCCCTTAATCTATGAGATCTTGAC
AGATTGCTTGCTTTCTTCTTTCCACCATGGGAGAATGCAACAAGGTCTTC
ACCAGATGGCCGAACAGATCCAAGTGTATGACCTTGGACTGTCCATCCT
CCAGAACCATAAGCCAAATAAATTTCTTTCTTCATAAATTTCCAGTCT
GTGGTATCTTGAAATCAACTGAAATCAGTCACTAAGGAACAAAATTCTCC
AGAGAACTGTTTCTTCTTGAATCTGAATGCCTGACTGTCAATCATTTA
GCACTGAAACAAGGAGAGCCTCTCTGAATGTTGAGCAGCCAAGAGAGCTG
CCCACACTGGACATCAATCAGCAGCAGGGCCTGTCTCAGGGTGACTCCG
TTTACC

>Sequence 2662

CCGGGCAGGTACATTGGATGTGAACTCTTTTAAACTATAACATGGACACT
TTATTGGAACCAAACCTTTAGTTTTCTACATTAATGAGAAACACTGGTAAC
TTTGCTTCATTGAAAAAATAATTGCTTGTCTCTGTCAGATGCACTTCGT
CTTAGTAACATGGCCATGGGGAAGACAACCACAGGCCAGATAGTCAATCT
GCTGTCCAATGATGTGAACAAGTTTGATCAGGTGACAGTGTCTTACACT
TCCTGTGGGCAGGACCACTGCAGACGATCGCAGTGAAGTGCCTACTTGG
ATGGAGATAGGAATATCTTGCCTTGTCTGGGATGGCAGATTTTATCATTTT
TTCTGCCCTTGCAAAGCTGTTTTGGGAAGTTGTTCTCATCACTGAAGGAT
AAT

>Sequence 2663

CCGGGCAGGTGCATGGCGAAGCTAGAGACTGTAACCTGAAGATTGGGACA
AATTAAGAAAAAATGTGATTTAACACAATTACAAAAACTGTTACGTTA
GGGTCAAACAAGAACCATTTTATGAACTGAATTACAACAAATGACATTA
TATCTAACTCTTCCGGGTCTCCACAGCACTTATACTTACTTAAGCAGCTT
AAACACTTCCGAGTCTCCACAGCACTCTGATACTTACTTAAACAGCTCTT
TTAACCTGCCCTAGTATTCTTAAGTGCAGCATATCTAATTTTTTTTTTTT
CTCAGTAGTTTGAACACTTGTGGCTATTTTTTCTGTCCAAGTTCTCAGT
AACTTCGGCCTGTGTAGTCAGTGGTTCTACACAGCCGACACTACTTTTT

>Sequence 2664

AGGTACTTTGGGAGGCTGAGGCAGGTGAATCATCTGAGGGCAGGACTTCG
AGACCAGCCTGCCTAACACGGTGAAACCTCATCTCCACTAAAAATACAAA
AAAATTAGCCAGGCGTGCTGGCAAGCACCTATAATCCCAGCTAATTTCTT
CTAGTTTTAATAGTCCAAGCTTCGGGAGAAAAGATAGTTTTAGCATAGGT
AGATGAAAGGAAAAATTATTTTCTTAAAGATGTTGACACTCACTGGGAAG

Table 3

492/1077

CTGATTTTCCTTTAGACAAATTCAACTGAAGAGATGTTGAAGAGTACGCG
GGGGTCAGAAGCTGGAGGAGTTGAAGGCAGAGGAGCCAGATAAAGTCAGC
AGCAAAGTAGTGAGAGGGGCGGAGAGTTCTTTGACAGCAACGGGAAGT
CCTGTACCTGCCCGGGCGGCA

>Sequence 2665

AGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGAC
CAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACAATCAGT
GATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTGCCTCAGGGCCT
GGGGAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTCCCTATTAATTCAATTAGA
CAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAAGATGC
TGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGTAGAAT
TAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAAAGCCA
TTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATATGTGAA
GG

>Sequence 2666

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AA

>Sequence 2667

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTATTTTATAGTAGAGACAGGGT
TTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCC
CGTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCATACCT
GGCCCTTATTTATTCTCTTTAAAGAGAAGAGAAAAGTTATGAGAGGGCC
AAAATTTTATTTAATTAAATCTTTTACCATTAGCTGCAAGGGGAAAAAA
ATGGAATTTTGCTTAATATAAGGTGATGTAACGCATTACACAATGTAAC
AGGAAACAATTACAAATTTTATTAAGAGTGCAAAAAATTTTGTAGAACT
TAATAAGCCTATAATGGGTAAAGCTTTATTTTGGGGTGGGGGAAAGAAT
ATGAGAAAAAGGAATATTAACATTCTTTTTTACTGGCCATGAACCCATT
TTGATAAAAAAATCTTTATTTGTCCCTTC

>Sequence 2668

CCGGGCAGGTACGCGGGGGCTTCCTTCCAGTAAGGAGTCGGGGTCTTCCT
CAGTTTTCTCAGCCAGGCGGCGGCGGCAATGTTTGGCCTCAAA
AGAAACCCGCCAAGGGTGGGTGGAAACCGAAACGAGTCAGTGTTGAAAC
GTGTCTCATCTATTCTTAAATCTTTTACCATTAGCTGCAAGGGGAAAAAA
TTCCGCCCATCTTGATTCTTTTGGAAATGGCAGCTCTTGTTCAAAGACCG
GAAAGGGTGGGATGTCAATTTCAAGTGGGGTCAACCTGAGTTCTGTAAAT
CCCAGTAGCGATTTTCCCGCCGCGGGTGGGTAGGCGAATCTTGCGCCGGT
TTATACAAAGGAGGCCGTGAGGACCTGCATGCTTTTCTTCTTAGGCATG

>Sequence 2669

CCGGGCAGGTACTCCAAGCCAAAGATGATGGAGAGTGAATTAAGTTAGTG
CAATGGGACCAAGTCTAGAGCTATTTAGAAGTGAGAAGTGACACGGAAAA
AAAAAAGATTGATTGGATGTAGAACAAGTTGGATAAGAATCCAGGACAA
CCCCAGGTGTCAGGCTGGGGCAGCTAGGTAGGTGCTATTGCCATATAAAG
TGTTAAAAAAGAAATAGAGAAGGGGCTAGTTGTGCGGGGAAGGAGTTCAGT
TTTAGACATGTTGAACTGCAAGGAGATTTGATACTATAATTAAGGAATGT
GTTTAAATAAATTTAATAAACAATGAACACACATTATTCGCATTTCCCAA
ACAATTTGGATGGTAGATCAAAAAGAATGAGAGTGAAAATAAGGGGTCTG
TGACCACTCAATTAAGATTGA

>Sequence 2670

AGGTACAGATGTCCAGTAGACCTACTGGATATGCAGGCCTGCAGCTCAGG

Table 3

493/1077

GGAGAGCTGGGTAAAGAACCGCCAAGGCAGTAATCATCTGCATTTAGATG
GCGAGTGAAGCCATGACAGGGGCTGAAATGGCCCAGCAAGAATAAATCAA
ACCATGAGAAACACATACATTTAAGAATAAGGAGATGTGGTCAGGCGCGG
TGGCTCACACCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCGGGTGGATC
ACTTGAGGTCAGTAGTTTGAGACCAGCCTGGACAACCTAGTGAAATCCCCG
TCTCTGCTAAAAATACAGAACTTAGCTGGGTGTGGTGGTGCCTGCTATA
GTCCCAGCTGCTTGGGAGGCTGAGGCACAAGAATCGGTTGAACCCGGGAG
GTG

>Sequence 2671

AGGTACTTTCCCGTGTGGAGGCGCGCCAGTCACCTTGTGCGGTAGCCT
CAAGGTGAGGAATCGAGACCCACCAAGTATGATGAATAAACCCAGACTCT
CAGCAATGCAGGAAAGGAACAAACGGGCAGCTTGGGAAAAGGGGGCTCAC
ATACCACAGCGACTAGGTAACTCTACACAGACCAAGATTTTGATAGTTT
ACCTGTGCAAATTACAGTTCGGGAGAAAATACGGTCAATAATAAAGGAAG
GAATTGAATCGCAGGCATCCTACAAAATTGTAATTGAAGGGAAACCATAT
ACTGTGAATTTAATGCAAAAGTAGGTAATCATCATTATTTTATCAATTCT
CTTGTTCTACTATAATTTTGCTTGAAATTGTCCAGAATGGAATTATT
TTGTATTG

>Sequence 2672

CCGGGCAGGTACCACCCTCTTGCTGAAAGCACTGGTCCCCTGTTGAAGC
TTGCTAGGGATTACAGTGGGTTTGACTCAATTCAAGTAAGTAAGCAAACA
TTTAAATATTTTTCAGGCATAAATGTTAGCGTTCTTATCCTGTAATATGC
GAAGTAAATAAATTTATATACTTACTGCCTTTGTTACAATGCATGCAAAAC
ACGTGGTAAGGTGTTACATACCTTAGGAAGAGATCTGATTCTCAAGAACAG
CAGAAAATAGGAAGCAGAGAATGAGTTAGGATGAAATTCAAATGGGAGAA
AGAAATGAAGAAGCCAGATACTTCCAGTAGTTAATTTCTTAACATGGCTA
CTTATAAATAGAGAAATGGTTAGAAAAGAAGGAAAAGCAAGAAAAATG
TCGTTAC

>Sequence 2673

CCGGGCAGGTACGCGGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACA
ACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTA
TTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTTACTCT
AGAAAATTTTATTCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTTTCTTCTGTCAGAGG
ACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACT
GCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGATTTGTAGAGGAGAAA
GGAGCCCTGTATTGTGAGCTGTGCTATGAGAAATTCTTGCCCTGAATG
TGGTCGATGCCAAAGGAAGATCCTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAAC
AAACTTGGCATG

>Sequence 2674

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCAATAATTACTTTTAT
TGTATACTGCACAATATAAACAGCATGTTGCAAAGAAATATATATATTG
TGTGCTTTGTGTATGATATAAATCCATTTCTGCAAAATAAAATACAAACC
CGATTTATCTAACAAATATGAACTCAATGAAAAACAAATCCCAAAATA
ATACTATTTATGTAATAATAGAAAGCTAAACAATAAATTAATAATACATA
CATAAATAGCAAAAGAGTAAAGCATAGTAAAAAATAATAAGCACCCAAGT
AAAGAAAAGAAATAACGTAAAATTTGGGATGGAGTGATTCTATGACGGG
GAATAGAAAAGAGATGTGGCCACGCATGAGAATATTCAGGCTCATTGGTA
ATGTTCTGG

>Sequence 2675

AGGTACGAGTTGAATCATTGTTCAAATAAGGTGTAATTGAAAAGTGATCC
TCTCTTCAGAGATGTCAAAAACAAACAAATCCAAGTCTGGATCTCGCTCT
TCTCGCTCAAGATCTGCATCAAGATCTCGTTCTCGTTCAATTTTCGAAAGT
CTTCTGTTCCCAAAACCCGAATCTCTTCTCTCGTTTCAAGGAAAGCGCAG
GCTGTAGTTCCTAAGGTCTCGGTTCTCAAATCATTATTTCTTCCAGCCT
TCATAACCAGTAGAAAATGAAAACCAACCCCAAGGAAGTATATTCCAGAA
TTCCGGGGATTTTCCGAAGGTTCAAAAACAGAGGGCTTATAGGAAAGG

Table 3

494/1077

CCCTTAATTATTTTCCGTTGTGGTCGTTAAACAAGCAGTGGCTTTTTTA
TTCCCAATTGGGGGCCCCAAATATTAACCCCGTAGGTAAGGGCCTATTGG
AAAAACCTAACTCGGCTTCAAAAATTTGGGCAAGGAATTTAACCCGGGCC
AAAGGCA

>Sequence 2676

CCGGGCAGGTACAAAGTCCCTGAGGCAAAAGCATGCTTGCTGTGTTCTAG
GAAAAGCAAGGAAGACAGCATGTCTATAGCAGTGGGAGGTGGAAGGATAA
TAAACAGTAGGTGAGGTTAGAGGGGACCAAATCATGTATTTCCATCCAG
AGGTTCCCAACCTTGGCTGCACATTAGATTTATTCTAAGGAGCTTTTAAA
AAATACCAATGACTGGGTCCCAGCCTAGAGTGATTAATCAGAATCTCTG
GAGGTAGACTTGAGAATCTGATGTTTGCAAGTTTCCTAGGCAAGTCAAGG
CTGAGGAAGACTGCTGCAGGCCATTGTAAGAGCCAGGCGTTGATCTCATT
CAACCTTTCCCTCAGCTCTTCTAGAGACAGCCAGCATTCTCTTATGGCAC
AAAT

>Sequence 2677

CCGGGCAGGTACAGTAGTATTTAACCTGGATGTGAGGACTAAGGAGGAAA
TTTTCTGGTGAATACCGAAGAGCAAAGAGCAGCAGGTGAGCAGGAATGAC
TAATGTTTTTCTATGCACGTTTAAATGGAAAATTCATGTAGGATATTTTGA
GTAGGTAATTGGATAACCAGCATTTATAACTCGCATCCTACTAGTTTGAC
TCTACTAATAAGACTTGTCAAAGATCCAAGAATCTGAAAGTTGATGATA
AATGTCCATGTGTATCACCATCAATGATCAAAAAGTTAGCATCCACAACAT
AGAATGGGACAGATGAACTTAATGGATAAAGATGAATATCGGAGTTGTTT
CTTTAGGGAATGATACTCTCCATGACCTGTGTGAGTCACAGCCCCCGA
T

>Sequence 2678

AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTACTTTTTAAGCA
CATGACCTTTCCTCCAAATATGGCCCAAGCTTCTACTTTGGGGAGATTAAG
ATTTATCTAGAAGAAATGCATATGCAAAGACCAAGAAAGATGAAATATTC
AACTTTTTGACTTTCGGAAAATAAGATACTGCATCAAAACAAGAGCTCTG
CAAATCAAATTATGTTGAGAACAGATTGCATAAACTTTTACCCCTTTAT
CCTCTCTTCCCATCTCTGCCGAGCTAAATTTTATTAGTTATACATAAAG
ACGACCTAGGAGAAAGAAGAAGAGCATTCTGCCCATTTTTGATATTAGAA
TAGTTGTGCGGAAAATTAAAGAGAAGAAAAGAAAAGAAACCTAAGTTT

>Sequence 2679

AGGTACTTTTTTTTTTCAAATTTTCTTTTTTCTCAAGCCCTTTGANTCTC
TTTGTCTCATACTTCATTCAGAATGATTTACAGAGAAAATAGAGGATATC
AGATGGAACCTTTACTCAAACCTCCTCTGCCACATTTGCACACCTTCCCTT
CTTTTAGTTCCCTTCCCTTCTGCAGATGTCTCACCTCTGCCCAAGGCTCTT
CCCCTTCCATGTCTGATCCCACCTGCTTCCAGTTCCCTCTTTAACTTT
CTACTATATCCTCTCTTCTCTTCCAACACTACCACCTCCTTGCCACAA
GGTTTCTTCCCACCAGCATTTATAATACATGCTCATCCTCTACTGTTTTA
TTAACAACCAGCCAACCTTTCTCCCATCTGTCTTTCCCAACTACCATC
TTTCTCTTTTAA

>Sequence 2680

AGGTACCAGGCACTGGAAACGCCAGACAAACAAGGTCTCTAACCTTGCCA
TCTTTCAACAGGAAACACTCCCCTCGCCCCACCCAGGGGAATGTAGTAG
TGTAATGGTAAAAACATAAAGAGAATACGGACTTCACCGAACTGACA
TGAGGTTTAAATGCGATATGGCAGACAAAGCATATAACGGTAGAAAAAGT
GAACACTTAAGAAATGTTTAATTCCCATCGCCTTCCCAGTGTGATCGCT
CAGCAGCTAAATTACTGTAAACACTGGCTATCTCATGCTATATAAATCT
AAGACACGATAATAAGCAAAAAAACAAATAATAACAACAAACATTTTAA
CTACTTATCCTCTCTAGACTCTTATTAGAATATCCCTGGGCAGTTGATT
G

>Sequence 2681

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA

Table 3

496/1077

AGCTATCTATTTGGAAAAAGTAAAGTGAAAGTCTTACCTCAATCCACAC
TCAAAAATAGTTTACTATATGACAGATCTATGGCAGGCAGATTTGATGGC
TCAATGAACTCCACCCTCCCAGTGTTTCACACCTTTATGTAGTTCCCACTT
ACAGGGAGCCAAAGGTCCGTGGGACGTGACCAACTCAGCATTCCACTGGA
GGCTATATGATCAAACAGCAAACTGTTTATCATGAATGCAGGATGTGAGC
AAACTCACCATTGCTCCTGCCGACAGAAGGTTTTCTGGAGGCAATCACTC
CCTGGTGCTGAGGTTATCTACTGCAACATTTAGAGAATGTGGTCTTGCAA
GCCTCA

>Sequence 2688

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGAATCAGAACAGGCTTA
ATAGGAACCTTTGAATTTTAATCCTTCTATTCATCTGTTATAGATTATTT
CCCTAGTGATTTCTGTATTAATAAACTTAACATGGCAAGTTTTTTCTA
ATAAGCAAAATAACCAACAGCTTAATATATTTGTATTAACTCTAACAGT
GCACTAACTTTAAATGTTGAAATAGATTACACATTTTAGGGCATAATGGC
AGAATATTTGGCTACAATAGACCATAGGATTTTGTGGAAGCAAATAACAA
AATGATGATTTATCATTTTAATGCAAACTCAATTTTATTGTTAATGGGA
ATTTAATTTTGTCTTTGGGAAATCTTTTGAGTAGCTGATTTTGTCCTT
T

>Sequence 2689

AGGTACGCGGGGAGGAAAGAAGGGCACATGAGCAAACATGATGGCCCCTT
TATGAGAGGTAATTTACTGAAATGCACAGCGATTACCTGCTCACCCAGCC
CTGATGTAATTAATAATGGCAGGCTAGGGGCTCTGTTTCCCCCGGCTCTG
GCAGAGAAACCTGGGTTTCGACTTGTGAAGCTTGAGGTTGGATGTGGGAA
TTGGCTTGGAGTCATAGGCGATGAGAGGGGCATTAGGATATTATGAAGCC
CGTGAACCTCAACTCCTGAGAAGGACACAGCAGAGCGAGAGAAAAGATGGA
ATAAAAAGGCCTACCTCATTAGGCTCGTGTGGGTGAGGAGAACTGAAGAG
TCTGAGAGCGCGGCACGAGCCAGAGGCTACGGAAAACACTGCCCTCCTAC
ACTCCACCTTG

>Sequence 2690

AGGTACAAAAGGATCCGCTACTGTGTGCCTTTCTCTAGCTAGCTCATTTT
ATTCTTGTTATGCATTTCCAGACAATGCATGCTGAGGGCCTACTATGCA
TGAGACACTGTCCTAGGAACAGAGGTGGTTCCTGGTGGCCCTACTACGT
CATTATCATTGTGGATTTTGGATTGCAGAAATATTGAACTGACACATTTT
TGATGGCACATGTCTTGAGGGAGAGACTGCAGTAGGGCAGGTGAATCTT
GCCACCTGTGCAGACCCTAATGTTTGCCACAATGTTTGATCTGGTTGAC
AGCTGAGCGTGAGATTGTCCGGGACATCAAGGAGAACTGTGTTATGTAG
CTCTGGACTTTGAAAATGAGATGGCCACTGCCGCATCCTCATCCTCCCTT
GA

>Sequence 2691

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGGATACAGCGC
CGGGTCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGT
ATGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGA
ACCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATA
AACTACCAGCGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACT
GTATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTT

>Sequence 2692

CCGGGCAGGTACAAGGGAGGCCCTCAAGAAGGTCTGTCATCTCCTTACAC
TGAATCAGGACTGGCGTAGTGTGACCTGTGGAATACAGTAGAAGTAAAGA
TGTGTGACTCCCAAAGCTTGGTCATATAAGGCATTGCAGCTTCAGCCTTG
CTCTCTTGGATCACTTACCCTGGAGAAAGTCATCTCCCATGCTCTGAGGA
TACTCAAGCAACTCTGTGGAGTGTCCACATGGAGAGGAAGTGCCGAAGA
CCCGCACCAACTGGCCAAAAAGTTTGCAAAATTGACAAATGGGATCTA
ATTAAGTCAAGAGCTTCTGCACAGCAAAAGAACTACCATCAGAGTGAA
CAGGCAACCTACAAAATGGGAGAAAATTTTCGCAACCTACTCATCTGACA

Table 3

497/1077

AAGGGCTAA

>Sequence 2693

AGGTACGCGGAGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCC
AACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCATGTATTTAAT
TGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGACAA
TTTTATATCTCAATACTTAGTTCGGCCCTCTTTATTCACTTCTGTCAAGAG
GACGCATTCTGTAGTGGCATCTGGGGAAGATCTCTGGCACTCCAGATAGA
ATTCACACTGCGCTCATCTGCACAAATACAAGTGGCCTACNATTGGATTT
GTAGAAGGAGAAAAGGAGCCCTGTATATGTGAGCATGTGCTATGAGACAA
TTCTGTGCCCCTGAATGATGGTCGATGCCAAAGGGAAGAATCCTTGGA
GAAGTCATCATATGCGTATGAAACAAACATTGGCATTGGATCACTGTTTT
TGTGGTGTGTAAGCCTTGTGCGAAAAGCCCAATTCCGGAACAAATGGTTT
TTCAACTTTGGAAGGATGGGTGAGACTCTAACTGTGAGGACTTGATTTAT
TATGGCCCTCGTTTGAGTACTCTGCCCCAGGGCCGGTCGGGTCTAAGAA
ACTAGTAGGATCCCCCGGGGCTTGCATGAATTTTCGATATTCAAAGCTT
AATCGGATACCCCGGTTCGACCCTCGAAGGGTGGGGCCCCCGGTCACCCCA
GCCTTTTTGGTTCCCATTTTAAGTGAAAGGGTTAATTTGCCCGCCTTGG
GCGTAATCCATTGGGCCATAACTGGACTCCCCTGTGTGGAAAATTGGTAT
TCCCTTTACCAAATTCACAACATATTACTAAACCGGGAGCCATTAAAGGG
TAAAACGCTCGTGGGGGCTAAATGAGTGAACCTAACCCACATTTATTT
GTGGTTCGCGCACATTGCTCCGTTTTACATACGGAACCTTGTCGTGCC
ATGATGTCTATAG

>Sequence 2694

CCGGGCAGGTACCTTGAATTGATTTTCTGACTTTCTTTTATTGGTTTTCA
GATTTCTTCTGCATCTCACTAAGCTTCTTTAAAATTAATGTTTTGTATTT
TTTAGGGGATGATGAATATGTTTATTATCATGATAGTGNGTGTGGTTTT
AATGGGTATACCATATGTNNCAAATCTTAACCAAATTTTATACTATAAAC
ATGTGCAGTTTATTGTATGGCAATTATACATCAAGATGTTAAAATAGGGC
CACAAACTCTTTTCTGTTTCTCTCAGTAAGAGATGCATTATAATTCTCTT
CCCCTGAGTCTGGGGTGGCCTTGGTGTATCGTTTGACCATTAGGATATA
GCACATACTGGGACTTCTGAACATAAGTCTTAGGCATTGCATCTGGCCAG
ACGAGGTGGCTTATGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGCGGG
CGGATCATGAGGTCAGGAGATGGAGACCATCCTGGTTAACATGGTGAAC
CCCGTCTCTACTAAAAATACAAAACANAAAAAATTAAGTGGCGTGGTG
GTGGGTGCCTGTAGTCCCAACTTCTTGGGAAGCTGAGGCAAGAGAATAGT
GTGAAACCTGGGAGGAAGCTTGGAGTTAGCCCAAATTGCACCACTGCAC
TTCAGCCTGGGTGACAGAGCCAAGACTCCTTTTAAAAAAGAAAGAGAT
TAAAAAGAAGGTCCTTCGCCGCTCTAAAACCAATGGATCCCCCGGCCTGA
GGAATTCAATTTAAGCCTATTGTTCCGTCAACCTAGAGGGGGGGCCCGCC
CCAATTTTGTCCCTTTTGTGAGGGTAATTTGGCCCTTGGT

>Sequence 2695

AGGTACGTTTCATCTACCTACTTTGCACTTGGATGGAAGTCCTAGATTGGG
TCTTAAAAGGAGGGAACATTCTAGAACCCACCAACCCTCCTGATACTGT
CACAAGATTTTTTCCCTTAATTCTTTAAAATAGGGCACATTTCAACTC
CTGCCCCGCTGCCATTTGATGATATTTTGTCTCTTTAGGTATCGTCC
TATTTTCTTTTCTTTACCCTGACAGCGGCTTATTTTCATATGAATAATA
TATTAATACATATGCATTTAAAATATTGTTTTGATTTGTTGCGAATTG
TTTCTCTTAAAGGGTCTATCTGGGGAAATGAGTAATTTTTCATATCCTGT
TCTTGCAAGGAAGAATTTTAAATCGTTGCTCCAAGACATTGGACACTTGG
ATGATTTGCTGCCGCTGACGTTTTTAGATTTTCATCCAGGTAACGTTGAGA
GTAATGTCAGGATCTCAAATGGAAAACGGAAGTTCCTATTTTTTCAAGCC
CTTTTCATGGNGTCTGGGGGTGGGACTCTCGGCCTGGCTGTGTGTAATGT
TAAACTAATAAAAAGGCCATGTTTGTAAGAAAAGTGCAGTTATAACTCA
AAAGCTAAATTGGCATGAAGTATACCTTGTGTGGTGGAGTGGCTATTTCAG
TCCCGTTAAGGGTGTGGAGCAGCTTTCTGCTTGTAAAGTGGCTCTCCG
GCTGGCTTAGGTATTTGGCGTGGATTTTGCCTTACTGGGAACCCATTTTA

Table 3

498/1077

TTATTCAGAAACATTCCCCCTACGGAAGGAAAGCCCAAATTAACATAAT
TTCCATGGGATTACCCCAAGGGCAAATACTTAGGCT

>Sequence 2696

AGGTACCAGTTGTAAAATTACCAGGAACCGCCATGCCTCAAGATCGCCCT
GTTTTCTGGCTTCATCAATGACTGCATGCAGTGCACCACCCTGTCCACTA
CGTGATGCTGTAGGATTAAGTCTCACAGTGGGCGGCTGAGATACAGCGCC
GCGTCCTGTGTTGCTGGTGAATTAGACGCCATCGCTGTGGGTTGCTGGTA
TGGTGCCGTGCTATTTGGCACAGGACACACCGCTTGAGGTCTGTATTGAA
CCTCTGAAGGAGGCCGATACTGAAGCTCGGTTGGCAGCCGGTATTGATAA
ACTACCAGCGGTTGGGTCTTATTTTCTACCGGCTGATATTGTGGATACTG
TATCTGAGTTGGCATTGCCGGGATAGAGACTCTGTCCCTTTCTACTTGAT
TTTCTCTTGGGGTTTGTGCTTGTCTAACCTGCGTTTGAGGTTGTAATGTT
ACAGGCATCTGAACCGCGGGAGGAGGAGTTGATGGCGATCGTGGTTTAAG
CTTTGATGGCCCAATGATTGTGGGACCTTCTTTCCCAATTTTGGAGGA
TTCAAGGGTATTTTATCCTTCCTGTAATTGACTGTAGTCAACATTTTGGC
TTGGACTGAACCATTTCAAACCTTTGCTTCATTTTACAATGTGAACCTTA
CGTTCATTGGTGGGATTCTGTCCCGCCTCTTTTTTAACAATATGTTACA
CAGCTTTTAAGGGCAGTTGAGAACTTGAAAACAATATTTTTCCTGGTAGG
AAAGGATAAAAAAGTTGCTTTAATATTGCGCCAGACAATCCCAACCTTAAG
TGGGGATAATGTTACCTTGCCATTACGCTGTCTAAAATCTTTAGCAATG
CG

>Sequence 2697

CCGGGCAGGTACGCGGGGAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGT
GCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTCTTTTCA
CATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCACACCCATGAGTT
CAGTCCTTAAGAAGGAAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGC
ATAAAAGAGGTCCATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAAC
TAGTTGGCCTCTTTTTTCTGTACAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGG
AAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAAT
GGCCTACATTGGATTGTAGAGGAGAAAGGAGCCCTGTATTGTGAGCTGT
GCTATGGGAAATTCTTTGCCCTGAATGTGGTTCGATGCCAAAGGAAGATC
CTTGGAGAAGTCATCAATGCGTTGAAACAACTTGGCATGTTTCCTGTTT
TGTGTGTGTAGCCTGTGGAAAGCCATTTCGGAACAATGTTTTTCACTTGG
AGGATGGGGAACCCTACTGTGAGACTGATTATTATGCCCTCTTTGGTACC
T

>Sequence 2698

CCGCCAGGTACCACTGCACTACCAGGTTCTAGCAAGAGGAGAAGAAAGGA
GGAAACCACAGGGAAAAATGTTAAGAAGACACAGCATGAATTAGATCACA
ATGGTCTCGTTCCCTTACCCGTCAAAGTCTGCTTACGTGTAACAGGAGT
TGCCGTGTGGCTCCTCTCATCCAGTGTGACTATTGCCCTCTCCTGTTCCA
CATGGATTGCCTCGAGCCGCCGCTCACTGCCATGCCCTGGGCAGATGGA
TGTGTCCGAATCACATCGAACATGTGGTGTGAACCAGAAGAATATGACA
CTGAGCAATCGGTGCCAGGTGTTTGATCGTTTCAGGACACCGTTTCGCA
GCATGTCGTCAAAGTGGACTTCCTGAACCGAATCCACAAGAAGCACCCCC
CTAACCGGCGTGTGCTCCAGTCCGGTCAAAGAAGAAGCTTGAAGGTTCT
GATGCTATAAAATCTCAGTACCT

>Sequence 2699

CCGGGCAGGTACTTATTTTATGTGTTTTTTTTTTGTTTGGCGACCTCAATA
ACCATTATTTCTGGCACAGCTTTCCCTCTCTCTCCAGGTGAAGTTTG
TGCAAGCGTGAGTTAAGAGATTGGATGAAATATTCACCCAAATGTAAGTG
TCGGTATGTTATTAATACTTTCTCCAAGAACATGCACATCTTCACCTGGG
CTTGCTGCTGCCCCATGTAGTAAGGATGCAACAGTTTGTGGTTCTCTAGA
GAGCTTTGCCACCATTTTTCAGGGAGAGGGCTTTTAGTGTCTTAACCAT
AGTGACATGTGAACAATCGATATGAGAGTTTTTCTTGAGAATGAATTTT
ATCCAACGAAAAGGGAGAGGAACAGAACATTGCTGGCCTTGGAATCTCA
AATAAAAGGCTACGCATGGGCTCAATATATCATCTCAATGAAATGGAGGT

Table 3

499/1077

GACAGAGGATGGAATCCGGGACCTTGAGGATAGCTCAATGGAATTTGGCC
ATTTTATACAGCGGGCGCCGCACATGGATGGGGCAGTTCTTGATTACTTT
ATTACACCATCTGAGTATGACTGCATACAGTCTGGGATGGCAAACCTCCG
GGTGAAAGAATATTAAGGGCCAAGAAATTTCTTGACCAACGGTGTTAC
CAACCTTTTTTGGTTGGACGCATTGAATCCCGGTACCTTGGGCCTTGTA
GAACAGGGGGATCCCCGGGTGGGCGGAATTGGTGATCAGCTTATTTACC
CGGCGGCCCGAGGGGGGCCCGGCCCCAGGTTTGGTCCCTTTAAGGGGGT
AATGGACCCCT

>Sequence 2700

CCGGCAGGTACGCGGGGACTCGCGTCGGTTGGCGACTCCCGGACGTAGGT
AGTTTGTGGGCGGGTTCTGAGGCCTTGCTTCTCTTACTTTTCCACTC
TAGGCCACGATGCCGAGTACCCCAACATGAGCATTTTCTATTAATAATTT
CTCATCTTCTGTGCCATCTTCCATGTTGCTTTGAACATGTGGAAATTCAT
TTCCTATGCACTCATATACAGACCAAAAATTTGGGAGAAACAATATTGGC
GATGGAACAGCAACACTGTTGCATGTCTTCTTATTCTTCTGTGCATATAA
TTATGATTGAACAGTCTGTAACCTTCATTAGGCTTCTTCAGGCAGATATG
GCTTTAACTCATAAAAGCTCAAGGAATTCGTCAGCTGGAAGGAATACCA
ATGCAGACACATGATGCATGTTTAACTGAAGTTGTCATCTTTGCCGTAT
CACATGGCCAATTCACCTCATTTGAATTGTCTGTCAAATGCATTGGGCTGA
ATGGAAAAAACAATTATTATTGGTAACAGCATGAATTCACCTTCAGAAG
CCTNGACTGTATATAATTCTAAATCGGNCATTGGTGCTTGAGAATCAATT
AGACATTACGGATTTTAGACTGTAAGGAATTAGACTTTAAGGAATTTGGC
CTTTGGGAATTCAACATTCAGAATATGGCGTTCCGGGATTGCCCTCTCTGG
GAATCATAATCCAACCCCATGGGAGAATCCTTTGGCCGGTCTAAACTA
ATGGAATCCCCCGGCTGGAAGAAATACGAGTTAAGCTTAATCGTACCGTT
GAACCTTGAGGGGGGCCCG

>Sequence 2701

CCGGGCAGGTACTATAGATTATTTGTCTTGAAGAAGAGCTTTGATATGTT
TCAAAATTCGACGTTGGCTTTGGAAGGAACTGTAAATTTACAGATCTTT
GTCCTTCCCCACAAAGAGCCTTAATCTCACAGGTTGGATTATGTGGAAC
CACTGCTATTTTTCAGTTCTCCTTTAAGTGACTAAGGAACATCCAGATAC
TTCCAAAAAAGTCTAAGTTTTTCACTTTGTCCATTGCCATTT
AATTATCTTCTGCATATTTTAAAGCATTTCTGTGAACATAAGTATTGCC
CATCCAGAAAATTTGCGTCTACATTGATTTTATGTTTAAAGAACTGTT
CTTCTCAAGTTCTTTATTTAATCACATAACATAGTATCTTCAAAGGTGAG
ATAAAAAATCACTGGAGAAATGTTAAACTTCATTTATTTAAGATGACT
AGTGATGCAGACTGCAAAACCAAGAAGCCAACTGGAATGGAATGCTCAG
TGGTGCTCAGCCATTACCCAGGACCAGAGATTCTTTGTAAACAGTTCAA
TTTGTGAGGCACAAGTGAAGATAAATNNGGCCATGACAAAATATGAGA
ATGAATGATNATCATAGTAACATCTGACATATATTAATAATTTGTGTTATG
CCATTTCTCAGTTCCACCAAATGTACCCTC

>Sequence 2702

GGTACTTTTTTTTTTTTTGTGACAGGGTCTTGCTCTGTCACAAAAAAA
AAAAAAAAAAGGAAAGGAAAAAGAAGAAGAAAATATGTATATTGGATAT
ACTATGTGCCAGGCACGATTCCAAGCCCCTGATACATCTTACATTTTACA
GATGGGGGAAGGAGGTCCAGAGATGTTAAATACTTGCCCAAGGTCACACA
GAAAGTGGAACACTGGGATTTGAACAAGGTTTTGGTTGGGCATCTTCTCC
TATGGGAGCTCAGAAATATCTGTTGTCTAGCCCTTTCTCAGCCTCCCAAC
CTTGTCGGTTCCCTTACCTATGTACAGCTGACTTTGAGCTAAAGTCATCT
CGGGGCAACTAGGTGCCTATGTGAGCTGGCGTTCATTTCTCACTGATTCT
CCTTCCAAATACCTCCAGGAAGAAAAGCAAGTCCTTTTTTGGTCCAAGACA
TTAAAAAAGCCAAGCTCAATGGCTCATGCCTATAATCCCAACACTTGGGG
AGGCTGAAGCAGGAAGATCGCTTGAGCCCGGGAAGTGGAGACCAGCCTGG
ACATGTTAACAATAGCAGACCCCTCTACAAAAATGTTCAAAGAGCTGGG
GTGGTGGGGCACACCTGTAGTCCCCTTACTTGGAAGCTGAGGCACGGGG
GTCTTTAGGCCCGGAAGTGTAGGTGCCATAAGCTATGGGGGGCAATTTT

Table 3

500/1077

ACTCCAGGTGGCAGGCAAGAAACAAGACCTTAATGGGAGATTGGAAAAAT
GGTGAAGCCGACCGTGACATTTAGGAAGGGAAAAACCCGAGATTATGGG
CACAGCT

>Sequence 2703

CCGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGACG
CAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
TCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGGCTATTTGCCTCAG
GGCCTGGGGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCAA
TTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACAA
GATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTGT
AGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATAA
AGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATAT
GTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAGGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAAT
GGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAAGACAAGTTAGAACATTTG
GGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAAGTGC
CCAAGCTTAAATAAACCGAATATATAAATCANGCTATTAACAGCATAAAA
ATAAAAGGCCATCTGGCCTGTGTGCCAAATGTGGAAAGGCAAACATTGGG
CCCATCAATGTCAATTCTAAATTGATAAGAAGGGCCACCATGGTCTGGAAC
AGGAAAGGGGCCAGCCTTAGGCCCCCAACAAACGGGGCATTCCAAATAAA
CTGTTGTTCTCAGGTTTCAGGCCACCACCCCTACAAAAAATACACACTT
TAGGGATCGCCT

>Sequence 2704

CCGGGCAGGTACGAAAAAATCAGGCTACTAAGCCCACTGTTAATATAGAC
GCAGACCAATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAAACCAACA
ATCAGTGATGCAGAATGAGGCTATTGAACAAGTAAGGCTATTTGCCTCAG
GGCCTGNNGAAAAAATTCAGGACCCAGGAACAGCTTTCCTATTAATTCA
ATTAGACAAGGCTCTAAAGAGCCATATCCTGACTTTGTGGCAAGATTACA
AGATGCTGCTCAAAAGTCTATTACAGATGACAATGCCCCGAAAAGTTATTG
TAGAATTAATGGCCTATGAAAATGCAAATCCAGAATGTCAGTCGGCCATA
AAGCCATTAAAAGGAAAAGTTCCAGCAGGAGTTGATGTAATTACAGAATA
TGTGAAGGCTTGTGATGGGATTGGAAGAGCTATGCATAAGGCAATGCTAA
TGGCTCAAGCAATGAGGGGGCTCACTCTAGGAGGACAAGTTAGAACATTT
GGGAAAAAATGTTATAATTGTGGTCAAATCGGTCATCTGAAAAGGAGTNG
CCCAGGCTTANATAAACCGAATATATAAATCAAGCTATTACAAGCAAAAA
TAAAAAGCATCTGGCCTGTGTCCAANATGTGGAAAAGCAAAACATTGGGC
CAATCCATGTCAATCTAAAATTGATAAAAAATGGCAACCATTGCTTGAAAC
AAGGAAGAGGGGCCAGCCTAAGCCCCCAACAAACTGGGCATTTCAGTT
AAACTGTTGTTCTCAGGTTTAAGGACCACCACCCCTACGAAAAACCACC
ATTCAGGG

>Sequence 2705

CCGGGCAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGAACTGTAAAAATG
TGAAGATACTAGAATGTTAATTTGACTGCTCTAAGAAGTAATTTTTTTAA
CTTTGCACAAAACATAGTATGAATGTCATATATTCAATTAAAAATGTGCT
TATGCATCTAGTAAGCAAAGCTGAACTACCCTTGCGGAAATGTGTTACCT
GTTCAATGGCCTAAGGGATAATAGGTAATTTTAAAGAGGGTGATACGAGC
ATTTGTAGAGCTCTATATACTGTATAACATCATGTAAATTTGTATGATT
TTGTTTTGTGAATATAGTTTCAACTTGCTAAGTAAAGCAGTAAGGGGCAA
ACACTAACTTACCAGTTAAAAAGCATTAAACAGTTAGACTTTGTAATGA
TAGTCTTTCAAGGTTTACCCTTGCTGCCATTA

>Sequence 2706

AGGTACCGACTCCTCAGAACTGGCATGCCAAATCAAAATGGGTCTGGTT
CAATCCTCCCTAATGGCAATGTAAACCCCTCTAATAATCCCCTTCTCC
TAATTATCTTTTTCTCCTTACGAACCTAAAAATCTCACCATTCTATTAG
CCTGAAAATAACATCCCTCTGTTCTTCTCTCCTCCTCAGCACTGGATC
TCACTTACAATAGGTTTTATTTAATAATTATCTTCTTACACTTTCTGTC
TCACCAGTTTCCCCTTAACTGATTTACCTGCTACACAAAATTATTCTTA